

XLI TÜRK MİKROBİYOLOJİ KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



KONGRE KİTABI

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

"Doç. Dr. Aylin Üsküdar Güçlü ve
Öğr. Mete Yarkin Yetişir'in eseridir."

Tasarım: www.design-insitu.com



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



İÇİNDEKİLER

Önsz	3
Kurullar	4 – 7
Program	8 – 35
Konuřma zetleri	36 – 211
Szl Bildiri Listesi	212 – 236
Szl Bildiriler	237 – 677
Sesli Olgu Listesi	678 – 680
Sesli Olgular	681 – 699
Sesli E-Poster Listesi	700 – 704
Sesli E-Posterler	705 – 766
E-Poster Listesi	767 – 786
E-Posterler	787 – 1102

**13-17 Kasım
2024**

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



DAVET

Sevgili Meslektaşlarımız, Değerli Üyelerimiz,

Sizlere, 13-17 Kasım 2024 tarihinde Antalya’da yapılacak olan XLI. Türk Mikrobiyoloji Kongresini duyurmanın heyecanı içindeyiz. Bu yıl yapılacak olan TMC Kongresinde hedefimiz, Türkiye’nin dört bir yanından gelen 1000’den fazla üyemizi, araştırmaların paylaşıldığı ve tartışıldığı heyecan verici bilimsel bir ortamda buluşturmak. Kongremiz mikrobiyoloji alanındaki gelişmeleri ve gelecekteki perspektifleri, kendi alanında bugüne kadar yaptığı çalışmalarla bilimsel platforma destek vermiş deneyimli Ulusal ve Uluslararası konuşmacılarla tartışmak için bizlere eşsiz bir fırsat sağlayacaktır.

Bu yıl kongremizde hep birlikte yeni deneyimleyeceğiz; olgu tartışmaları, uzmanı ile çözümleme, açık oturumlar, eğitim oturumları gibi farklı oturum tipleri ile katılımcıları interaktif olarak daha fazla dahil edeceğimiz toplantılar düzenlemeyi planlamaktayız. Kongre sırasında farklı konularda kurslar (Bakteriyofaj, Antibiyotik Direnci, Parazitoloji, Biyoinformatik, İmmünoloji, Tüberküloz, Yapay Zeka, Kariyer Fırsatları) düzenlenecek ve önceden bu kurslara 20 kişilik kayıtlar alınacaktır. Kurslarla ilgili ayrıntılar e-posta aracılığı ile sürekli siz üyelerimize duyurulacaktır. Ayrıca, kongre sırasında “5 Dakikada Tezini Anlat” etkinliğimiz de devam edecektir. Türk Mikrobiyoloji Kongresinin çatısı altında, bir gün boyunca, ayrı bir salonda Ankara Mikrobiyoloji Derneği tarafından yapılacak “12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi” kongremizi zenginleştirecektir.

Bu yılki kongremizin ana teması “gençlik ve yenilikler” olacaktır. En büyük isteğimiz ve beklentimiz, genç meslektaşlarımızın kongreye aktif olarak katılımlarıdır. Kongreye gönderilen bildirilerin; değerli bilim insanlarından oluşan bir jüri ile objektif olarak geniş bir zaman aralığında değerlendirilebilmesi için bildiri kabullerini 1 Temmuz 2024 tarihinde sonlandırmayı planlıyoruz. Ayrıca, bildirisi sözlü sunulmak üzere kabul edilen çok sayıda genç meslektaşımıza kongre konaklama bursu vermeyi planlıyoruz.

Bu yıl hem çalışma gruplarımızın hem de katılımcıların öneri ve destekleriyle “Yaşayan Kongre Programı” oluşturmayı arzuluyoruz. İlk yayınladığımız taslak bilimsel program sizlerin geri bildirimleriyle gelişecek ve şekillenecektir. Ayrıca, endüstri ortaklarının uydu sempozyumları da belirlendikçe programın sponsorlara ayrılmış bölümünde yayınlanacaktır. Kongre web sayfamız 15 şubat 2024 tarihinde yayınlanmaya başlayacak ve program sürekli güncellenecektir. Bu süreçte, tüm üyelerimizden tartışılmasını istedikleri konu başlığı önerilerini bekliyoruz. Bilimsel programımızı haziran ayı sonunda tamamlamayı planlamaktayız.

Zengin bilimsel program, farklı tiplerde oturum modelleri, kurslar, interaktif açık oturumların yanında sizlere doyurucu, iyi zaman geçireceğiniz ve gündüz oturumlarının yorgunluğunu gidereceğiniz sosyal programlar da hazırlıyoruz. Kongremizde hep birlikte öğrenecek ve eğleneceğiz. Bizler şimdiden heyecanla çalışmalara başladık. Sizlerle kongremizde buluşmak için sabırsızlanıyoruz. Kasım ayında buluşmak dileğiyle!

Türk Mikrobiyoloji Cemiyeti Yönetim Kurulu adına;

Prof. Dr. Candan ÇİÇEK

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



DZENLEME KURULU

Kongre Bařkanı

Candan İEK

Kongre Bařkan Yardımcısı

Gnl ASLAN

Kongre Genel Sekreteri

Pınar SAĖİROĖLU

yeler

Ahmet ARSLANTRK

Ayře KALKANCI

Banu SANCAK

Dilek Yeřim METİN

Dolunay Glmez KIVAN

Ebru Evren YURTCU

Glřen HASELİK

Hasan Cenk MİRZA

Nuran ESEN

Nurver LGER

Osman Sezer CİRİT

zgen ESER

znur GRPINAR

Pervin zlem BALCI

Sebahat AKSARAY

TuĖba KULA ATİK

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



BİLİMSEL KOMİTE

Başkan

Barış OTLU

Üyeler

Ali ÖZTÜRK	Bülent BOZDOĞAN
Altay ATALAY	Can BİÇMEN
Asuman BİRİNCİ	Cenk MİRZA
Aycan GÜNDOĞDU	Cevayir ÇOBAN
Aydan ÖZKÜTÜK	Çağrı ERGİN
Aylin ÜSKÜDAR GÜÇLÜ	Deniz GÜR
Ayşegül ATA K YÜCEL	Dilek ÇOLAK
Ayşegül TAYLAN ÖZKAN	Dilek YEŞİM METİN
Banu KAŞKATEPE	Dolunay GÜLMEZ
Banu SANCAK	Doruk ENGİN
Barbaros ORAL	Duygu FINDIK
Bedia DİNÇ	Duygu PERÇİN RENDERS
Bekir ÇELEBİ	Ebru EVREN
Beyza ENER	Elif AKTAŞ
Buket BADDAL	Emrah RUH
Buket CİCİOĞLU ARIDOĞAN	Esin AKTAŞ
Burcu DALYAN CİLO	Fadile YILDIZ ZEYREK
Burçin ÖZER	Fatma MUTLU SARIGÜZEL

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Ferah BUDAK

Fulya İLHAN

Fügen YARKIN

Füsun CAN

Görkem YAMAN

Gülay ARAL AKARSU

Gülçin BAYRAMOĞLU

Gülden ÇELİK

Gülendam BOZDAYI

Gülşen HAŞÇELİK

Güner SÖYLETİR

Güneş ÖZÇOLPAN

Hakan YARDIMCI

Hüseyin GÜDÜCÜOĞLU

İlknur KALELİ

İpek KURTBÖKE

İştar DOLAPÇI

Mehmet ALİ ÖKTEM

Mehmet SOYLU

Metin KORKMAZ

Mustafa ÖZYURT

Nedret KOÇ

Nevgün ÖZEN

Nisel YILMAZ

Nuran ESEN

Nuri ÖZKÜTÜK

Nursen TOPÇUOĞLU

Nurver ÜLGER TOPRAK

Onur KARATUNA

Osman SEZER CİRİT

Ömür MUSTAFA PARKAN

Özgür APPAK

Pervin ÖZLEM BALCI

Seda TEZCAN ÜLGER

Selçuk KILIÇ

Selda ERENŞOY

Selma GÖKAHMETOĞLU

Sema KEÇELİ

Serap SÜZÜK YILDIZ

Sesin KOCAGÖZ

Sinem AKÇALI

Süheyla SÜRÜCÜOĞLU

Süleyha HİLMİOĞLU POLAT

Şöhret AYDEMİR

Tanıl KOCAĞÖZ

Taylan BOZOK

Tekin KARSLIĞİL

Tuğba KULA ATİK

Tuğrul HOŞBUL

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tülin DEMİR
Ufuk HASDEMİR
Ufuk NALBANTOĞLU
Umut BERBEROĞLU
Yasemin ÖZ
Yeliz ÇETİNKOL

Yeliz TANRIVERDİ ÇAYCI
Yeşim BEŞLİ
Yeşim SOYER
Zehra ÖKSÜZ
Zekiye BAKKALOĞLU
Zeynep CEREN KARAHAN
Zeynep GÜLAY

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



KONGRE PROGRAMI

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



13 Kasım 2024, ÇARŞAMBA

SALON A

14:00 - 15:00 Açılış Treni
Konuşmacılar:
Candan ÇİÇEK
Gnl ASLAN
Dilek Yeşim METİN
Pınar SAĞIROĞLU

15:00 - 16:00 Açılış Konferansı
Antik Bakteriler ve Antimikrobiyal Direnç
Oturum Başkanları: Candan ÇİÇEK, Sebahat AKSARAY
Konuşmacı: Barış OTLU

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri Gezisi



16:30 - 17:15 TMC ve Mikrobiyoloji Tarihi
Oturum Başkanı: Dilek Yeşim METİN
Konuşmacı: Ahmet Celal BAŞUSTAOĞLU

17:15 - 18:30 Sosyal Program
Kurtuluşun ve Kuruluşun Hekimleri
Sunan: Ayşe KALKANCI
Konuşmacı: Serra MENEKAY

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON A

08:30 - 09:00 Konferans

Klinik Virolojide Tanı Yönetimi: Nereye Gidiyoruz?

Oturum Başkanı: Gülden ÇELİK

Konuřmacı: Dilek ÇOLAK

09:00 - 10:30 Antimikrobiyal Direnç Savaşları

Oturum Başkanı: Fsun CAN

Antimikrobiyal Dirençte Yeni Stratejiler: Fajların Klinik Dıřı Kullanımı

Banu KAŞKATEPE

Bakteriyofaj Terapinin Klinik Kullanımı

Aylin skdar GÇL

Antivirlans Tedavi Yaklařımları

Fsun CAN

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



11:00 - 11:30 Bir Başarı Öyks

Yeni Antibiyotik Duyarlılık Testiyle Tedavide Paradigma Deęiřimi

Oturum Başkanı: řhret AYDEMİR

Konuřmacı: zden BALTEKİN

11:30 - 12:30 Uydu Sempoyumu

biyosense

**Hızlı ve Kapsamlı İdrar Yolu Enfeksiyonu Tanısı iin Yenil Nesil
Molekler Çzmler**

Oturum Başkanı: Osman AKTAŞ

Konuřmacılar: Bedia DİNÇ, Rukiye BERKEM, Mustafa KOLUKIRIK

12:30 - 13:30 ğle Yemeęi, Endstri ve Poster Gezileri



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON A

13:30 - 15:00 TMC Mikobakteri ÇG

TB Tanı, Tedavi ve Epidemiyolojisinde Yenilikler

Oturum Başkanı: Nuran ESEN, Ali ALBAY

Hızlı Tanısal Testler ve Umut Vadeden Çalışmalar

Can BİÇMEN

***M. tuberculosis*'te İlaç Direnci, Yeni ve Deneysel İlaçlar**

Ali ALBAY

Tberkloz Dışı Mikobakterilerde Molekler Epidemiyoloji

Begm KAYAR

15:00 - 16:00 Olguyu Birlikte Çzelim: Tanıdıklardan mı? Yeni Bir Etken mi?

Kolaylaştırıcılar: Selda ERENŞOY, Alper TOGAY

Sunan: Alper ZARSLAN

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:00 Mini Uydu Sempozyumu

(Gazi Group - Orienter Biotechnology)

Dışı Parazitolojik İncelemelerinde Otomasyon ve Yapay Zeka

Oturum Başkanı: Glay ARAL AKARŞU

Konuřmacı: Orçun ZORBOZAN



17:00 - 18:00 Sosyal Program

Sanat Saati

Cumhuriyet ncesi Saėlık Yapılarına Sanatsal Bir Bakıř

(Darřřifaheler/Hastahaneler)

Oturum Başkanı: Pervin zlem BALCI

Konuřmacılar: Aslı SAėIROėLU, Mert KIRIK

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON A

20:00 - 21:30 Sosyal Program

Mikrop Avcıları

Dzenleyen: Pınar SAĐIROĐLU

21:30 - 23:00 Sosyal Program

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON B

08:30 - 09:00 Uzmanıyla Tartışalım

Gıda ve Su Kaynaklı Patojenler ÇG

Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında *Campylobacter* Tanısı

Konuşmacılar: Cüneyt ÖZAKIN, Yusuf GÖRGÜLÜ

09:00 - 10:30 TMC Moleküler Epidemiyoloji ÇG

Güncel Yöntemler Eşliğinde Hastane ve Toplum Kaynaklı
Enfeksiyonların İzlenmesi

Oturum Başkanı: Rıza DURMAZ

Moleküler Epidemiyolojik Araştırmaların Tasarlanması ve Uygulanması

Konuşmacı: Rıza DURMAZ

Hangi Mikroorganizma için, Hangi Durumda, Hangi Yöntem Altın Standart?

Konuşmacı: İftar DOLAPÇI

Moleküler Epidemiyolojik Araştırmalarda OMİK Analizler

Konuşmacı: Dilek GÜLDEMİR

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



11:00 - 12:30 KLİMUD PANEL

Polimiksin Direncinin Saptanmasında Karşılaşılan Zorluklar:
Bugünden Geleceğe

Oturum Başkanı: Gülçin BAYRAMOĞLU, Osman Sezer CİRİT

Fenotipik Yöntemler

Konuşmacı: Gülçin BAYRAMOĞLU

Genotipik Yöntemler; MALDI TOF, Raman Spektroskopisi

Konuşmacı: Tuğrul HOŞBUL

Olgu Sunumları

Konuşmacı: Şeyma Aybüke ÖZYAR KURTÇU

12:30 - 13:30 Öğle Yemeği, Endüstri ve Poster Gezileri



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON B

13:30 - 14:30 TMC Mikoloji ÇG (Mini Panel)
Mantarlarda Kriptik Kkenler
Oturum Başkanı: Beyza ENER
Kflerde Kriptik Kkenler ve Direnç
Konuşmacı: Beyza ENER
Mayalarda Kriptik Kkenler ve Direnç
Konuşmacı: Burcu Dalyan CİLO

14:30 - 15:00 Yine Yeniden Boğmaca
Kolaylaştırıcı: Şhret AYDEMİR
Konuşmacı: Melike Yaşar DUMAN

15:00 - 16:00 Uydu Sempozyumu
Otoantikör Testlerinin Vasklit ve
Miyozit Cephesinde Yaratıldığı Farklar
Oturum Başkanı: Burçin ŞENER
Konuşmacılar: Erdal SAĞ, Nilgn KAŞİFOĞLU

EUROIMMUN



16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:00 Viral Enfeksiyonlarda Hcresel İmmniteyi
Nasıl Değerlendirelim?
Oturum Başkanı: Gnl ASLAN
Konuşmacı: Salih Haldun BAL

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON C

08:30-09:00 Uzmanıyla Tartışalım
Bakteriyofaj ÇG
Bakteriyofajlar ve Biyofilm
Kolaylaştırıcı: Blent BOZDOĖAN

09:00-10:30 TMC Tek SaĖlık ÇG ve Tularemi ÇG
Zoonotik Enfeksiyonlar
Oturum Başkanı: Hakan YARDIMCI
Gıda Kaynaklı Zoonotik Hastalıklar ve Mcadele
Konuşmacı: Hakan YARDIMCI
Zoonotik Koronavirsler
Konuşmacı: Seda TEZCAN LGER
İhmal Edilen Bir Hastalık: Bartonellozis
Konuşmacı: İlknur KALELİ
Tularemi: Yeniden Gndemde mi?
Konuşmacı: Hlya ŞİMŞEK

10:30-11:00 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



11:30 - 12:30 DAS Paneli
Endoskopların Dekontaminasyonu ve Mikrobiyoloji
Oturum Başkanı: Duygu PERÇİN RENDERS
Endoskop Dekontaminasyonunda Merkezileşme
Konuşmacı: Duygu PERÇİN RENDERS
Endoskopların Mikrobiyolojik Kontrol
Konuşmacı: Mustafa Altay ATALAY

12:30-13:30 Ėle YemeĖi, Endstri ve Poster Gezileri



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON C

13:30 - 14:30 Tek Saęlık G (Mini Panel)

Gıda ve Su Kaynaklı Enfeksiyonlar

Oturum Başkanı: Banu KAŞKATEPE

Gıda ve Su Kaynaklı Enfeksiyonlar

Konuřmacı: Yeřim SOYER

Environmental Water as a Source of Infections

Konuřmacı: João BRANDAO

14:30 - 16:00 Olgular Eřlięinde İnteraktif Panel: Saęlık Bakımı İliřkili

Enfeksiyonların Önleneğinde Mikrobiyoloji

Laboratuvarının Stratejik Rol

Kolaylařtırıcı: Özgn ESER

Enfeksiyon Kontrolnde evre Kltrleri: Nasıl ve Ne Zaman?

Olgu 1: Neblizatr Kaynaklı K.pneumoniae Salgınını İncelenmesi

Konuřmacı: Meryem GVENİR

Yoęun Bakımlarda Direnli Mikroorganizmaların Hızlı Tanısı ve

Diren Tespiti Mmkn m?

Olgu 2: Bir Yoęun Bakım nitesinde Karbapenem Direnli

K.pneumoniae İzolatlarının Analizi

Konuřmacı: Yeliz ETİNKOL

Patojenlerin Sessiz Yayılımı: Önemli mi? Önlenebilir mi?

Olgu 3: nc Basamak Bir Hastanede Bir Haftalık Molekler

Epidemiyolojik alıřma

Konuřmacı: Elif Seren TANRIVERDİ

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:30 Trkiye’de Hantavirsler bir Tehdit mi? Son Durum...

Oturum Başkanı: Barıř OTLU

Konuřmacı: Mehmet Ali KTEM

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON D

08:30 - 09:00 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Sema KEÇELİ
SS-001, SS-002, SS-03

09:00 - 10:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Selda ERENSOY, Selma GÖKAHMETOĞLU
SS-004, SS-005, SS-006, SS-007, SS-008, SS-009, SS-011, SS-012

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



11:00 - 11:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Sinem AKÇALI
SS-013, SS-014, SS-015

11:30 - 12:50 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Zeynep GÜLAY, Deniz GÜR
SS-016, SS-017, SS-018, SS-019, - SS-020, SS-021, SS-022, SS-023

12:30 - 13:30 Öğle Yemeği, Endüstri ve Poster Gezileri



13:20 - 14:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Güner SÖYLETİR, Zeynep Ceren KARAHAN
SS-024, SS-025, SS-026, SS-027, SS-028, SS-029, SS-030

14:30 - 15:00 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Bedia DİNÇ
SS-031, SS-032, SS-033

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON D

15:00 - 16:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Banu SANCAK, Aycan GNDOĖDU
SS-035, SS-036, SS-037, SS-038, SS-039

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: zgr APPAK
SS-040, SS-041, SS-042, SS-010

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



14 Kasım 2024, PERŞEMBE

SALON E

08:30 - 09:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Barbaros ORAL

SS-043, SS-044, SS-045

09:00 - 10:30 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: řhret AYDEMİR, Betigl NGEN

SS-046, SS-047, SS-048, SS-049, SS-050, SS-051, SS-052, SS-053, SS-054

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



11:00 - 12:30 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Fsun CAN, Buket CİCİOđLU ARIDOđAN

SS-055, SS-056, SS-057, SS-058, SS-059, SS-060, SS-061, SS-062, SS-063

12:30 - 13:30 đle Yemeđi, Endstri ve Poster Gezileri



13:20 - 15:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Mustafa ZYURT, Hasan Cenk MİRZA

SS-064, SS-065, SS-066, SS-067, SS-068, SS-069, SS-070,
SS-071, SS-072 SS-073

15:00 - 16:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Onur KARATUNA, Ufuk HASDEMİR

SS-074, SS-075, SS-076, SS-077, SS-078, SS-079

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:00 Szl Bildiri Oturumu

Oturum Bařkanı: Glçin BAYRAMOđLU

SS-080, SS-081, SS-082

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON A

- 09:00-10:30 TMC Viroloji ÇG**
HBV, HDV, HCV ve HIV Enfeksiyonlarında Değişen Epidemiyoloji ve Eliminasyon Hedefleri
Oturum Başkanı: Selda ERENŞOY
HBV-HDV
Konuşmacı: Sinem AKÇALI
HCV
Konuşmacı: Bedia DİNÇ
HIV
Konuşmacı: Selma GÖKAHMETOĞLU

10:30-11:00 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



- 11:00-11:30 Düşünceden Üretime**
Start-Up Şirketler Kendini Tanıtıyor
Oturum Başkanı: Ayşe KALKANCI, Pınar SAĞIROĞLU
Konuşmacı: Suna TİMUR - Ege Science PRO & ERAS
Konuşmacı: Emre KESKİN - AgriGX

- 11:30-12:30 Uydu Sempozyumu**
Oxford Nanopore Teknolojileri ile Mikrobiyolojide Yenilikçi Uygulamalar
Oturum Başkanı: Selçuk KILIÇ
Konuşmacı: İbrahim Halil MİRALOĞLU



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON A

12:30-13:30 le Yemeęi, Endstri ve Poster Gezileri



- 13:30 - 15:00 TMC İmmnoloji G**
Konak Patojen Etkileşimleri
Oturum Başkanı: Ayşegl ATAK YCEL
Eęitilmiş Baęışıklık ve Enfeksiyonlardan apraz Korunma
Konuşmacı: Mehmet SOYLU
Mikrobiyal Enfeksiyonlarda Kompleman Sisteminin Rollerı
Konuşmacı: Ayşegl ATAK YCEL
**Th17 Hcrelerin Bakteriyel Enfeksiyonlarındaki Efektr ve Baęışıklık
Dzenleyici Rollerı**
Konuşmacı: Fulya İLHAN

- 15:00 - 16:00 TMC Anaerop G (Mini Panel)**
Anaerop Enfeksiyonlar
Oturum Başkanı: Mustafa ZYURT
Bulaşıcı Olmayan Kronik Enflamatuvar Hastalıklarda Anaeroplار:
Yeni Gelişmeler
Konuşmacı: Nursen TOPUOęLU
Anaeroplار ve Bakteriyofajlar
Konuşmacı: Nurver LGER TOPRAK

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



- 16:30 - 17:30 İnteraktif Oturum**
Yapay Zekanın Akademik Makale Yazımında Kullanımı
Oturum Başkanı: Candan İEK
Konuşmacılar: Seyfi DURMAZ, zcan SARBAT
- 20:00 Trk Mikrobiyoloji Cemiyeti Derneęi Olaęan Genel Kurulu**

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON B

08:30 - 09:00 XII. Ulusal Molekler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi Aılış

Oturum Başkanı: Glşen HASELİK

**09:00 - 10:30 Olgularla Tanısal Molekler Testlerde Sorunlar, Teknik Hatalar ve
Kalite Kontrol**

Oturum Başkanları: Glşen HASELİK, Hasan Cenk MİRZA

Konuşmacılar: İřtar DOLAPI, Zeynep Ceren KARAHAN

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



11:00 - 11:45 NGS: Gnmz Uygulamaları ve Gelecekteki Olası Aılımları

Oturum Başkanı: Tanıl KOCAGZ

Konuşmacı: Gltekin NAL

11:45 - 12:30 Yapay Zeka Dnyayı Nasıl Tanıyor?

Oturum Başkanı: Dolunay GLMEZ

Konuşmacılar: Doruk ENGİN, Barıř OTLU

12:30 - 13:30 ğle Yemeęi, Endstri ve Poster Gezileri



13:30 - 14:00 Mini Uydu Sempozyumu
Ankara niversitesi Tıp Fakltesi
Hastanesi BD MAX deneyimi



Oturum Başkanı: Zeynep Ceren KARAHAN

Konuşmacı: Duygu CAL

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON B

14:00 - 15:30 Salgın Yönetiminde Moleküler Tanı

Oturum Başkanları: Candan ÇİÇEK, Özgen ESER

İnfluenza

Konuşmacı: Özgür APPAK

COVID-19

Konuşmacı: Sevim MEŞE

Hastalık X

Konuşmacı: Özlem AZAP

15:30 - 16:00 Yeni Nesil Random Access Gerçek Zamanlı PCR Sistemlerinin

Laboratuvarda Test Sonuç Sürelerine Etkisi

Oturum Başkanı: Selda ERENŞOY

Konuşmacı: Harun AĞCA

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:30 Sendromik Paneller

Oturum Başkanı: Ebru EVREN

Sendromik Testlerde Tanısal Yönetim

Konuşmacı: Banu SANCAK

Sendromik Testlerde Klinik Yaklaşım

Konuşmacı: Alpay AZAP

17:30 - 18:30 Mini Panel

Tüberküloz Tanısı ve Kontrolünde Yenilikler

Oturum Başkanı: Gönül ASLAN

Yıllar İçinde Ülkemizde TB Moleküler Epidemiyolojisi

Konuşmacı: Kaya KÖKSALAN

Aktif ve Latent TB Tanısında miRNA, Oda Sıcaklığında Aygıt

Kullanmadan miRNA'ların Saptanması

Konuşmacı: Tanıl KOCAGÖZ

18:30 - 19:00 XII. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi Kapanış Oturumu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON C

08.30 - 09.00 Mini Konferans

**Kk Kanal Enfeksiyonlarının Dinamik Doęasının Açıęa
Çıkarılması: Tanıdan Tedaviye**

Oturum Başkanı: Nurver LGER TOPRAK

Konuřmacı: Bertan KESİM

09.00 - 10.00 KLİMUD Mini Panel

Geçmiřten Geleceęe İmmnolojideki Geliřmeler

Oturum Başkanı: Alper TOGAY

IFA

Konuřmacı: Alev ÇETİN DURAN

Akım Sitometri

Konuřmacı: Alper TOGAY



10.00 - 10.30 Mini Konferans

Paleomikrobiyoloji, İklim Modelleri ve Donmuř Toprak

Konuřmacılar: Hseyin GDCOęLU, Çaęrı ERGİN

10.30 - 11.00 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



11.00 - 12.30 TMC Parazitoloji ÇG

Yeniden nem Kazanan Artropodlar

Oturum Başkanı: Ayřegl TAYLAN ZKAN

Nozokomiyal Artropod Enfestasyonları

Konuřmacı: Ayřegl TAYLAN ZKAN

Dnyada ve lkemizde Uyuz ve Tahtakurusu Enfestasyonları: Salgın mı?

Konuřmacı: Kosta Y. MUMCUOęLU

Uyuz ve Tahtakurusu Enfestasyonlarına Klinik Yaklařım

Konuřmacı: Aslan YREKLİ

12.30 - 13.30 ęle Yemeęi, Endstri ve Poster Gezileri



13.30 - 14.00 Biyosit Aktivite Testleri

Oturum Başkanı: Ahmet Celal BAřUSTAOęLU

Konuřmacı: Ali ZTRK

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON C

14.00 - 15.00 Uydu Sempozyumu

Gebelikte TORCH Tarama Testleri;

Akılclı Uygulama Pratięi iin Uzman Grş

Oturum Bařkanları: Dilek OLAK, Mert KAZANDI

Konuřmacılar: Metin KORKMAZ, Aşşın ZEYTİNOęLU,

Pınar ZARAKOLU, Glden ELİK



15.00 - 15.30 TMC Sepsis G

Sepsiste Makine ęrenmesi

Oturum Bařkanı: Sebahat AKSARAY

Konuřmacı: Buket TOKSOY



15.30 - 16.00 Mini Konferans

Dr. İbrahim Refik Saydam'ın Anısına: Yeni Bir Bartonella Tr

Olan Bartonella Refiksaydami'nin Keřif yks

Oturum Bařkanı: Ahmet ARSLANTRK

Konuřmacı: Bekir ELEBİ

16.00 - 16.30 Kahve Molası, Endstri ve Poster Gezileri



16.30 - 17.30 TMC Viroloji G

İnsan Viromu: Analizden Yoruma

Oturum Bařkanı: Fgen YARKIN

İnsan Viromu

Konuřmacı: Gneř ZOLPAN

Virom Analizleri

Konuřmacı: Aycan GNDOęDU



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON D

08:30 - 09:00 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Burcu DALYAN CİLO

SS-083, SS-084, SS-085

09:00 - 10:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Duygu FINDIK, Nedret KOÇ

SS-086, SS-087, SS-088, SS-090, SS-091, SS-092, SS-093, SS-094

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



11:00 - 12:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Süleyha HİLMİOĞLU-POLAT, Aydan ÖZKÜTÜK

SS-095, SS-097, SS-098, SS-099, SS-100, SS-101, SS-102, SS-103

12:30 - 13:30 Öğle Yemeği, Endüstri ve Poster Gezileri



13:30 - 15:00 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Fügen YARKIN, Elçin KAL ÇAKMAKLIOĞULLARI

SS-104, SS-105, SS-106, SS-107, SS-108, SS-109, SS-110, SS-111, SS-112

15:00 - 16:00 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Seda TEZCAN ÜLGER, Mehmet Ali ÖKTEM

SS-113, SS-114, SS-115, SS-116, SS-117, SS-118

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: İştah DOLAPÇI, Hüseyin GÜDÜCÜOĞLU

SS-119, SS-120, SS-121, SS-122, SS-123, SS-124

17:30 - 18:30 Sözlü Bildiri Oturumu

Oturum Başkanı: Elif AKTAŞ SEPETÇİ

SS-125, SS-126, SS-127

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, CUMA

SALON E

08:30 - 09:00 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Fulya İLHAN
SS-129, SS-130

09:00 - 10:30 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Nuran ESEN, Görkem YAMAN
SS-131, SS-132, SS-133, SS-134, SS-135, SS-136, SS-137, SS-138, SS-139

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



11:00 - 12:30 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Banu KAŞKATEPE, Hakan YARDIMCI
SS-140, SS-141, SS-142, SS-143, SS-144, SS-145, SS-146, SS-147, SS-148

12:30 - 13:30 Öğle Yemeği, Endüstri ve Poster Gezileri



13:30 - 15:00 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Rıza DURMAZ, Tanıl KOCAGÖZ
SS-149, SS-150, SS-151, SS-152, SS-154, SS-155, SS-156, SS-157

15:00 - 16:00 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Süheyla SÜRÜCÜOĞLU, Selçuk KILIÇ
SS-158, SS-159, SS-160, SS-161, SS-162, SS-163

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endüstri ve Poster Gezileri



16:30 - 17:30 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: Hakan USLU, Fadile YILDIZ ZEYREK
SS-164, SS-165, SS-166, SS-167, SS-168, SS-169

17:30 - 18:30 Sözlü Bildiri Oturumu
Oturum Başkanı: İmran SAĞLIK
SS-170, SS-171, SS-172

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON A

09:00 - 10:30 TMC ADTS ÇG

Karmaşık Olgularda Yorumlu ve Kısıtlı Antibiyotik Duyarlılık Testleri

Konuşmacılar: Güner SÖYLETİR, Ufuk HASDEMİR, Onur KARATUNA,

Yeşim BEŞLİ, Gülşen HAZIROLAN, Sesin KOCAGÖZ

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri Gezisi



11:00 - 12:00 Uydu Sempozyumu

Transplant Hastalarda QuantiFERON CMV

Oturum Başkanı: Glden ÇELİK

Konuşmacı: Ayşe Hande ARSLAN



12:00 - 12:30 TMC Mikoloji ÇG

DSÖ Öncelikli Mantar Etkenlerine Antifungal Direnç Açısından Bakış

Oturum Başkanı: Nedret KOÇ

Konuşmacı: Yasemin ÖZ

12:30 - 13:30 Öğle Yemeđi, Endstri Gezisi



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON A

13:30 - 15:00 Aşılardaki Yenilikler

Oturum Başkanı: Selim BADUR

Viral Aşılar (Covid-19, Zona ve RSV)

Konuşmacı: Selim BADUR

BCG ve Bakteriyel aşılar

Konuşmacı: Barbaros ORAL

Sıtma Aşıları

Konuşmacı: Cevayir ÇOBAN

15:00 - 16:00 Uydu Sempozyumu

**Catching the ESKAPEs: Can Rapid
Surveillance Impact Our Control Efforts?**

Oturum Başkanı: Gülşen HAZIROLAN

Konuşmacı: Valeria CENTO



16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri Gezisi



16:30 - 18:00 Akan Hcre lerin Mikrobiyolojik Tanıda Kullanımı

Oturum Başkanı: Barbaros Oral

Antimikrobiyal Direncin Saptanmasında Akan Hcre lerin Kullanılması

Konuşmacı: İpek KOÇER

Hcre İi Sitokinlerin Tespitinde Akan Hcre lerin Kullanılması

Konuşmacı: Buket CİCİOĞLU ARIDOĞAN

Aktif ve Latent TB Ayrımında Akan Hcre lerin Kullanımı

Konuşmacı: Selim Merdan

21:00 - 00:00 Kapanış Kokteyli ve dl Treni

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON B

08:30 - 09:00 Uzmanıyla Tartışalım: **MOTAKK**

Oturum Başkanı: Selma GÖKAHMETOĞLU

Konuřmacı: Mithat BOZDAYI

09:00 - 10:30 **TMC GençBil**

Mikrobiyolojide 2023-24 Yılında Öne Çıkan Enfeksiyon Etkenlerine Bakış

Kolaylařtırıcılar: Banu SANCAK, Taylan BOZOK

Konuřmacılar: Yağmur EKENOĞLU, Ekin KIRBAŞ, Gzde AKKUŞ KAYALI,

Şinasi KARVAR

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri Gezisi



11:00 - 12:30 **TMC Tek Saėlık ÇG-Afet ve Salgınlar ÇG-KKTC Platformu**

Mikroorganizmalar ve İklim Deėişiklikleri

Oturum Başkanı: Selçuk Kılıç

İklim Deėişikliklerinin Mikrobiyal Çeşitlilik Üzerine Etkisi

Konuřmacı: Selçuk KILIÇ

Aıklim Deėişikliklerinin Artropodlarla Bulařan Hastalıklar Üzerine Etkisi

Konuřmacı: Emrah RUH

**Importance of Microbiology for Timely Delivery of UN's Sustainable
Development Goals**

Konuřmacı: İpek KURTBÖKE

12:30 - 13:30 Öėle Yemeėi, Endstri Gezisi



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON B

13:30 - 15:00 KLİMUD PANEL

Mikrobiyolojide Deęişen Koşullar Deęişmeyen Sorunlar

Oturum Başkanı: Glden Çelik

Deęişen Fungal Etkenler-Deęişmeyen Tanımlama Gçlkleri

Konuřmacı: İlvana ÇAKLOVİCA KÇKKAYA

**Trkiye’de HIV Tanı Algoritma Tarihçesi ve HIV Gizli Pandemisi-
Deęişmeyen Sorumluluklarımız**

Konuřmacı: Glden ÇELİK

Kan merkezlerinde Mikrobiyoloji Tanı Algoritmaları ve Deęişmeyen

Bilmece: Mikrobiyoloji Uzmanlarının Sorumlulukları

Konuřmacı: Meltem IRMAK

15:00 - 16:00 TMC Parazitoloji ÇG (Mini Panel)

Tek Saęlık Yaklaşımı ile Paraziter Enfeksiyonlar

Oturum Başkanı: Metin KORKMAZ

Alveolar Ekinokokkoz Srveyansında Tek Saęlık Yaklaşımı

Konuřmacı: Hakan USLU

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri Gezisi



16:30 - 18:00 TMC Gç ve Seyahat Enfeksiyonları ÇG-KKTC Platformu

Gç ve Seyahat Enfeksiyonları

Oturum Başkanı: Tuęba Kula Atik

Gç ve Paraziter Enfeksiyonlar

Konuřmacı: İbrahim ÇAVUŞ

Uluslararası Gçler ve Tberkloz Kontrol

Konuřmacı: Tuęba KULA ATİK

**Gç ve Seyahat İliřkili Enfeksiyonlarının Matematiksel
Modelle İncelenmesi**

Konuřmacı: Nazife SULTANOęLU

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON C

08.30 - 09.00 TMC Viroloji ÇG İnteraktif Oturum
HPV ve HPV Aşıları Hakkında Doğru Bilinen Yanlıřlar
Oturum Başkanı: Selim BADUR
Konuşmacı: Bedia DİNÇ



09.00 - 10.30 TMC Viroloji ÇG
Yeniden Artış Gösteren Viral Enfeksiyonlar
Oturum Başkanı: Fügen YARKIN
Artanlar:
Kızamık
Konuşmacı: Fügen YARKIN
Tehditler:
Hepatit A, Polio
Konuşmacı: Elçin KAL ÇAKMAKLIOĞULLARI



10.30 - 11.00 Kahve Molası, Endstri Gezisi



11.00 - 12.00 Mikrobiyal Biyoteknoloji
Oturum Başkanı: Aycan GNDOĞDU
Yapay Zeka ile Sentetik İlaç ve Biyoteraptik Tasarımı
Konuşmacı: Ufuk NALBANTOĞLU
Nano Teknoloji ve Mikrobiyolojik Uygulamaları
Konuşmacı: Ömer AYDIN

12.00 - 13.30 Öğle yemeđi, Endstri gezisi



13.30 - 15.00 TMC Afetler ve Salgınlar ÇG
Açık Oturum
Afet Mikrobiyolojisi
Konuşmacılar: Yce AYHAN, Metin KORKMAZ
řubat Depremi Sonrası Salgınlar ve Tıbbi Mikrobiyoloji
Laboratuvarı: Gaziantep Deneyimi
Konuşmacı: Tekin KARSLIĞİL

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON C

6 Şubat Depremi'nin Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvar

Hizmetlerine Erken Dnem Etkileri: Hatay Deneyimi

Konuřmacı: Burçin ZER

6 Şubat Depremi Sonrası Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvar

Hizmetlerinin Toparlanma Sreci: Adana Deneyimi

Konuřmacı: Toęrul NAĖIYEV

Çevresel Afetler ve Mikrobiyoloji - Msilaj Deneyimi

Konuřmacı: İpek KURTBKE

Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında Afete Hazırlık: AB Projesi

Konuřmacı: Nevęn ZEN

15.00 - 16.00 Tberkloz Mini Panel

Tberkloz Kontrolnde Gncel Molekler Teknolojiler:

İlaç Direnci ve Epidemiyoloji

Oturum Başkanları: Nuri ZKTK, Can BİÇMEN

**Emerging Molecular Technologies Testing for Comprehensive
Tuberculosis and Drug Resistance**

Konuřmacı: Harald HOFFMANN

Tberklozla Savařta Genomik Devrim: İleri Dizileme

Yntemleri ve Uygulamaları

Konuřmacı: Taylan BOZOK

bioEksen

16.00 - 16.30 Kahve Molası, Endstri Gezisi



**16.30 - 18.00 Trkiye Kan Merkezleri ve
Transfzyon Derneęi Paneli**

Oturum Başkanı: Ramazan ULUHAN

Neden İmmnohematoloji Bilmeliyiz?

Konuřmacılar: Nil Banu PELİT, Grol EMEKDAř, L.Tufan KUMAř



**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, CUMARTESİ

SALON D

09:00 - 12:00 Tıbbi laboratuvar ynetmelięi ve Tıbbi Mikrobiyoloji
Laboratuvarlarının Sorunları ve zm nerileri
Oturum Bařkanı: Dilek Yeřim METİN
Konuřmacı: İbrahim KARAKUř

10:30 - 11:00 Kahve Molası, Endstri Gezisi



12:30 - 13:30 ęle Yemeęi, Endstri Gezisi



13:30 - 14:30 Ktle Spektrometresi: Buluřun İlk Halinden Yapay Zeka Destekli
Tanı Devrimine
Oturum Bařkanı: Ufuk HASDEMİR
Konuřmacı: Barıř OTLU

14:30 - 16:00 Bilgi Kulesi: JENGA
AMR karřı Duvar rme: AMS Mural
Konuřmacı: Bihter YAVUZ

16:00 - 16:30 Kahve Molası, Endstri Gezisi



16:30 - 17:15 Sendromik Paneller: Diagnostik ve Antimikrobiyal
Ynetimin Temel Tařı
Oturum Bařkanı: Doruk ENGİN
Konuřmacı: Barıř OTLU

17:15 - 18:00 AMS Metro Durakları: Dnyayı daha saęlıklı bir hale getiriyoruz!
zmlerimize Dokunalım - BIOFIRE Demo
Konuřmacı: Bihter YAVUZ

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



17 Kasım 2024, PAZAR

SALON A

09:00 - 10:30 TTMYPK

Uzmanlık Eğitimimizde Güncel Konular

Oturum Başkanı: Aydan ÖZKTK

2023-2027 TTMYPK Stratejik Plan Çalıřtayında Öne Çıkan Başlıklar

Konuřmacı: Aydan ÖZKTK

Tıbbi Mikrobiyoloji Eğitim Akreditasyonu Neden Gereklidir?

Konuřmacı: Duygu FINDIK

Dnyada Mikrobiyoloji Uzmanlıęı Nerede, Biz Neredeyiz?

Konuřmacı: Elif AKTAř

**Meslek Eğitimi Ne Zaman Başlar, Ne Zaman Biter? Mikrobiyolojide
Yaşam Boyu Öğrenme Yaklaşımları**

Konuřmacı: İmran SAęLIK

**10:30 - 12:00 Trkiye’de Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitimi ve Standardizasyon
Saęlanması için Politikalar Oluřturulması**

Oturum Başkanları: Mustafa ÖZYURT, Tekin KARSLIGİL

lkemizde ve Dnyada Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitimi

Konuřmacı: Sema KEÇELİ

Trkiye’de Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitimi SWOT Analizi

Konuřmacı: Didem ÖZGR

Doktora Eğitiminde Ulusal Mfredat Oluřturulması

Konuřmacı: Mustafa ÖZYURT

12:00 - 12:30 Kapanıř Oturumu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



KONUŞMA ZETLERİ

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



13 Kasım 2024, Çarşamba

Salon A / 14:00 – 15:00

Açılış Treni

Dr. Candan ÇİÇEK

Dr. Gnl ASLAN

Dr. Dilek Yeşim METİN

Dr. Pınar SAĞIROĞLU

Salon A / 15:00 – 16:00

Antik Bakteriler ve Antimikrobiyal Direnç

Dr. Barış OTLU

Salon A / 16:30 – 17:15

TMC ve Mikrobiyoloji Tarihi

Dr. Ahmet Celal BAŞUSTAOĞLU

Salon A / 17:15 – 18:30

Kurtuluşun ve Kuruluşun Hekimleri

Dr. Serra MENEKAY

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



14 Kasım 2024, Perşembe

Salon A / 08:30 – 09:00

Klinik Virolojide Tanı Yönetimi: Nereye Gidiyoruz?

Dr. Dilek ÇOLAK

Salon A / 09:00 – 10:30

Antimikrobiyal Dirençte Yeni Stratejiler: Fajların Klinik Dışı Kullanımı

Dr. Banu KAŞKATEPE

1896 yılında keşfedildiği kabul edilen ancak adı konmayan bakteriyofajlar, yaklaşık 20 yıl sonra Felix d'Herelle tarafından izole edilerek isimlendirilmiştir. D'Herelle bakteriyofajları izole ve karakterize etmesinin yanı sıra tavuklarda Salmonella gallinarum'un neden olduğu tifoya karşı ilk faj tedavisini geliştirmiş ve daha sonra Hindistan, Gürcistan, ABD ve Fransa'da faj terapi ve araştırma merkezlerinin kurulmasına öncülük etmiştir. 1928 yılında penisilin keşfi ile antibiyotik çağı başlamış ve bakteriyofajlara olan ilgi azalmıştır. Ancak artan antibiyotik direnci bakteriyofajların yeniden gündeme gelmesine, belki de hakettiği değeri yeniden kazanmasına neden olmuştur. Ana akım bakteriyofaj uygulaması özellikle dirençli bakteriyel enfeksiyonları tedavi etmek için faj terapisi olsa da, Antibiyotik direnç sorununun ancak tek sağlık yaklaşımı ile yönetilebileceğinin farkedildiği günümüzde, antibiyotik direncinin artmasını önlemek adına sadece klinik alanda değil diğer bir çok alanda da kullanım potansiyeli üzerinde çalışmalar yapılmaktadır.

Fajların insan klinik uygulamalarına ek olarak diğer yaygın kullanım alanları, Gıda ve içecek kaynaklı patojenlere karşı biyolojik kontrol ajanları, Gıda üretiminde biyofilmleri ortadan kaldırmak için ekipman yüzeylerinde; hastanelerdeki plastik, cam ve seramik yüzeylerde iosanitizer, Kısa raf ömrüne sahip, yüksek oranda işlenmiş ürünler için biyokoruyucu olarak kullanımı, Bitkilerde ise patates ve domates hastalıkları; soğan uyuz hastalığı; marul ve pırasa hastalıkları; meyve ağacı hastalıkları; kültür mantarları gibi bitki patojenlerinin biyokontrolü ve ticari balık yetiştiriciliğinde balık patojenlerinin biyolojik kontrolü sayılabilir. Ancak kullanım potansiyelleri bunlarla sınırlı olmayıp, bakteriyel virülansı ve antibiyotik direncini azaltmak ve hatta küresel ısınmayla mücadele etmek için de kullanılabileceği bildirilmektedir. Klinikte olduğu kadar gıda işletmelerinde de sorun teşkil eden biyofilmler genellikle kimyasal dezenfektanlara dirençli olduğundan, biyofilmler içindeki bakterileri öldürmede önemli adaylardır. Sodyum hipoklorit ve benzalkonyum klorür gibi kimyasal dezenfektanların, bazı fajlarla sinerjik etkilere sahip olduğu ve kontamine yüzeylerde biyofilm eliminasyonunu artırdığı gösterilmiştir. Çiğ gıda

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



rnleri, bunların iřlenmesi ve retimi sırasında yzeylerdeki biyofilm kontrolne odaklanmasına ilave olarak, son ařamada retilen atık suların biyoremediasyonunda da etkilidir. Son dnemde kltr balıkçılıęında da antibiyotik direncinin ortaya çıkması nedeniyle balıklarda bakteriyel hastalıkların tedavisinde kullanım potansiyelini ortaya koyan alıřmalar bulunmaktadır.

Yaygın gıda patojenlerini elimine etmek iin gıdalarda koruyucu olarak kullanımı ile ilgili hazır et ve kmes hayvanları rnleri, peynir yzeyleri, sebze ve meyveler iin pskrtme ve daldırma sspansiyonu řeklinde gıda katkı maddesi olarak FDA tarafından onaylanmış 20'den fazla ticari rn bulunmaktadır. Grnen o ki fajlar nmzdeki yıllarda da farklı alanlarda kullanımı ile adından sz ettirmeye devam eden, zerinde yaygın olarak alıřılan ve yeni rn geliřtirilme potansiyeli olan ajanlar arasında yerini koruyacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bakteriyofaj Terapinin Klinik Kullanımı

Dr. Aylin ÜSKÜDAR GÜÇLÜ

Kısaca “faj” olarak da adlandırılan bakteriyofajların keşfi 20. yüzyılın başlarına (1915, Frederick W. Twort ve 1917, Félix d'Hérelle) dayanır ve “bakteri yiyen” anlamına gelen “**bakteriyofaj**” terimi de ilk kez d'Hérelle tarafından bu dönemde kullanılmıştır. d'Hérelle, fajların keşfiyle eş zamanlı olarak, bakteriyel enfeksiyonların tedavisinde bakteriyofajların terapötik amaçlı kullanılabileceğini de öngörmüş ve literatüre daha geç yansısı da 1919 yılında Paris’te çocuk hastanesinde ciddi dizanteri tablosu olan 12 yaşındaki hastayı bakteriyofaj kokteyli kullanarak tedavi edebilmiştir. Faj biyolojisi moleküler biyolojinin de önemli bir dalı olmayı sürdürmüştür ancak 1930 ve 1940’lı yıllarda antibiyotiklerin keşfi ve kullanıma girmesiyle bakteriyofajlara olan ilginin azalmış olduğu görülmektedir. Ancak günümüzde antimikrobiyal direnç, yılda yaklaşık 1,27 milyon ölüme neden olan önemli bir küresel sağlık sorununu haline gelmiştir. Tedavi seçenekleri önemli ölçüde azalmış, antimikrobiyal direnç sorunu ciddi morbidite ve mortalitenin yanı sıra sağlık hizmetleri üzerinde büyük bir ekonomik yük de oluşturmuştur. Bu nedenle alternatif tedavi stratejilerinin araştırılmasını zorunlu hale gelmiştir. Böylece, spesifik olarak bakterileri hedef alan ve öldüren virüslerin kullanıldığı bakteriyofaj terapi umut verici bir yaklaşım olarak yeniden değerlendirilmekte ve özellikle standart tedavilere yanıt vermeyen enfeksiyonların tedavisinde kişiselleştirilmiş terapi seçeneği olarak başvurulmaktadır.

Son dönemde yapılan sistematik incelemelerle artan sayıda faj terapi başarısını yansıtan bilimsel veri olduğu görülmekte; faj terapinin genel olarak güvenli olarak kabul edilebileceği, yan etki görülme oranının düşük olduğu ve antimikrobiyal dirençle mücadelede umut verici bir strateji olabileceği vurgulanmaktadır. Öyle ki bir dizi şirket iyi üretim uygulamaları sertifikasyonu, klinik öncesi araştırma (toksikite ve farmakoloji) ve randomize kontrollü klinik çalışmaların yürütülmesini içeren, çağdaş gereksinimlere uygun olarak tanımlanmış geniş spektrumlu faj terapi ürünlerini geliştirmeye ve pazarlamaya çalışmaktadır.

Bu konuşma başlığı altında, literatüre de yansıyan bazı klinik uygulama verileri özetlenmiş ve bakteriyofaj terapinin klinik kullanımında ortaya çıkan, çıkabilecek sorunlar ve çözüm yolları tartışılmıştır. Olumlu sonuç veren yayın yanlılığından bağımsız olarak, klinik uygulamalarda vakaların çoğunda özel bakteriyofaj ürünlerinin kullanıldığı görülmektedir. Klinik uygulamalardan önce enfeksiyona neden olan bakterileri hedeflediği in vitro olarak gösterilen kişiselleştirilmiş bakteriyofaj preparatları sıklıkla antibiyotiklerle kombinasyon halinde de uygulanmaktadır. Bazı durumlarda, bakteriyofaj preparatlarının, terapi sırasında uygulanan bakteriyofajlara karşı ortaya çıkan bakteriyel direnç karşı koymak üzere tasarlanabildikleri de görülmektedir. Ortaya çıkan sorunlar preparatların daha iyi yönde geliştirilmelerine katkı sağlamaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Ek olarak, bakteriyofaj sspansiyonunun klinik uygulamada kullanılabilmesi iin bakteriyofaj preparatlarının hazırlanmasında; her bakteriyofaj rnnn, bakteriyofajın ve bakteriyel konağının genomik analizi, litik aktivitesi, pH, evresel kořullardaki stabiliteleri, uygulanacak preparatların bakteriyel endotoksin seviyesi gibi parametreleri ieren kalite kontrol ve gvenliğı ařamalarından bahsedilmiřtir.

Bakteriyofaj terapi, yasal dzenlemelerdeki engeller, bakteriyofaj direnci, standardizasyon eksikliğı, bağıřıklık tepkisi ve ntralizasyon, retim ve muhafaza zorlukları gibi hala ařılması gereken zorluklarla karřı karřıya gibi grnse de mevcut durumda, zellikle kiřiselleřtirilmiř bakteriyofaj terapinin, oğunlukla antibiyotiklerle kombinasyon halinde kullanıldığında, tedavisi zor enfeksiyonlar iin etkili bir tedavi seeneğı olabileceğine dair ikna edici kanıtları mevcuttur.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Antivirlans Tedavi Yaklaşımları

Dr. Fsun CAN

Salon A / 11:00 – 11:30

Yeni Antibiyotik Duyarlılık Testiyle Tedavide Paradigma Deęiřimi

Dr. zden BALTEKİN

Salon A / 11:30 – 12:30

Hızlı ve Kapsamlı İdrar Yolu Enfeksiyonu Tanısı iin Yeni Nesil Molekler zmler

Dr. Bedia DİN, Dr. Rukiye BERKEM, Dr. Mustafa KOLUKIRIK

İdrar yolu enfeksiyonu (İYE), her yıl dnya apında 150 milyon kiřiye etkileyen en yaygın enfeksiyonlardan biridir. zellikle 65 yař st kadınlarda yaygındır, her iki kadından biri yařamı boyunca bir kez İYE geirmektedir. İYE'nin en yaygın nedeni, idrar yolu boyunca yukarı doęru ıkan ve mesaneyi enfekte eden bařta *Escherichia coli* olmak zere gaitadaki patojenlerdir. İdrar kltr, İYE tanısı iin altın standarttır. İYE semptomları olan hastaların yaklaşık %20'sinde kltr sonuları yanlış negatif olarak sonulanmaktadır. Kltr zaman alıcıdır, zellikle antibiyotik kullanan hastalarda dřk tespit oranları ve sınırlı tanısal doęruluk saęlar. Kltrle ilgili temel sorun, semptomatik idrar yolu enfeksiyonlarına neden olan birok mikroorganizmanın standart kltr ortamında retilmemesi ve "karıřık rogenital flora" remesi sonucu enfeksiyona neden olan patojenin tanımlanmasının zor veya imkansız hale gelmesidir. İYE'nin tanısı ve tedavisi kolay deęildir. İYE'nin tedavisinde yanlış tanılar ve yanlış antibiyotik kullanımları sık grlmektedir; bu aynı zamanda patojenler arasında antibiyotik direncinin artmasına da neden olmaktadır. Klinik laboratuvarlardaki mevcut tanı uygulamaları ile patojen tanımlaması ve antibiyotik duyarlılık testi 48-72 saat srmektedir. İdrar yolu enfeksiyonlarının zamanında tanısı, uygunsuz antibiyotik tedavilerini nlemek ve dolayısıyla antibiyotik ynetimini saęlamak iin nemlidir. Patojen tanımı ve antibiyotik duyarlılıęı, numunenin toplanmasından sonra birkaç saat iinde belirlenmeli, bylece hasta doktora gittięi gn iinde doęru tedavi bařlatılabilmelidir. Yeni tanı teknolojileri, hızlı sonular sunarak hem hasta bakımını ve ynetimini hem de antibiyotik ynetimini saęlama potansiyeline sahiptir. İdrar kltr, mevcut laboratuvar tanısında en ok zaman alan adımdır; bu nedenle, yeni teknolojilerin zenginleřtirme veya mikroorganizma izolasyonuna gerek kalmadan doęrudan idrar numuneleri zerinde alıřabilmesi gerekmektedir. Yeni yntemlerin, İYE'nin olası polimikrobiyal doęasını gz nnde bulundurması ve idrar numunesinde bulunan her baskın patojen iin antibiyotik duyarlılıęını tespit edebilmesi gerekir. Herhangi bir teknolojinin klinik bir laboratuvar da uygulanabilmesi iin, aynı zamanda kullanımı kolay ve uygun maliyetli olması da gerekir. İyileřtirilmiř hasta bakımı/ynetimi ve antibiyotik ynetimi iin acilen yeni teknolojilere ihtiya duyulmaktadır. İdeal bir yeni tanı teknolojisi, klinik idrar rneklerini doęrudan test edebilmeli ve patojeni tanımlayıp birkaç saat iinde antibiyotik duyarlılıklarını belirleyebilmeli, hastaya aynı gn uygun antibiyotik tedavisi bařlanmasını saęlayabilmelidir. Doęrudan klinik idrar rneklerini test ederek

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



hem patojenleri tanımlamayı hem de antibiyotik duyarlılıklarını çok hızlı bir şekilde belirlemeyi amaçlayan birçok yeni teknoloji ve yöntem geliştirilmektedir. Akış sitometreleri gibi tarama araçları klinik laboratuvarlarda hali hazırda kullanılmaktadır ve negatif örnekleri hızla tanımlamaya, iş akışını iyileştirmeye ve maliyetleri düşürmeye yardımcı olmaktadır. Günümüzde, proteomik ve genomik gibi gelişmiş yöntemler, İYE'na neden olan patojenleri tanımlamak için kullanılır, ancak hala esas olarak bilimsel amaçlar için ve nadiren klinik uygulamalarda kullanılır. Genomik yöntemlerden PCR, 16S rRNA gen dizilimi ve metagenom dizilimi araştırılmaktadır. Multipleks PCR panelleri ticari olarak mevcuttur ve ümit verici sonuçlar göstermektedir. MALDI-TOF kütle spektrometreleri de klinik laboratuvarlarda rutin olarak kullanılmaktadır, ayrıca idrar ön işlemedeki yeni gelişmelerle birlikte, idrar örneklerinden doğrudan MALDI- TOF MS ile patojen tanımlamaları yapılabilmektedir. Klinisyenler ve sağlık hizmeti sağlayıcılarının, çok hızlı geri dönüş süreleri gösteren mikroakışkanlar, biyosensörler ve gerçek zamanlı mikroskopi platformlarının farkında olmaları gerekmektedir. Bu teknolojilerin daha fazla sayıda örnek üzerinde ve daha fazla sayıda patojen-antibiyotik kombinasyonu ile doğrulanmasıyla daha da geliştirilmesi, klinik laboratuvarlarda uygulanmaya hazır araçların önünü açacaktır.

Klinik laboratuvarlar yeni teknolojileri kullanarak hastalara zamanında tanı ve kişiye özel antibiyotik tedavileri sağlayarak, yalnızca hasta bakımını iyileştirmekle kalmaz, aynı zamanda antibiyotik yönetimine ve toplum sağlığına da katkıda bulunurlar.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon A / 13:30 – 15:00

Hızlı Tanısal Testler ve Umut Vadeden Çalışmalar

Dr. Can BİÇMEN

Tüberküloz (TB) günümüzde önemli bir halk sağlığı sorunu olmaya devam etmekte, TB olgularının erken dönemde tanı, tedavi ve izlemi TB kontrolü ve epidemiyolojisi yönünden önem taşımaktadır. Dünya Sağlık Örgütü (DSÖ) raporuna göre 2022 yılında tahmini 10.6 milyon kişide TB enfeksiyonu gelişimi ve 7.5 milyon kişide yeni tanı raporlanmıştır (1). DSÖ tarafından 2022 yılında göreceli olarak diğer yıllara oranla tanı ve tedavi uygulanabilen olguların sayısının beşte iki gibi düşük bir oranda olduğu bildirilmiştir (1). Tahmini ve rapor edilen sayılar arasında büyük bir açık bulunmaktadır ve bu coronavirus (COVID-19) pandemisi sırasında daha da kötüleşmiştir (2). Ayrıca, tahmini 1.1 milyon izoniyazid (INH) dirençli, RIF duyarlı TB (Hr-TB) olgusu tanısı daha zor ve bu nedenle tanısı konulamamış olarak karşımıza çıkmaktadır (3). Çoğu TB olgusu için kullanılan birincil seçenek ilaçlar etkin olmasına karşın, çok ilaca dirençli (ÇİD) veya rifampisin (RIF) dirençli TB (ÇİD/RR-TB) olgulara yaklaşım ve bu olguların tedavisi günümüzde önemli bir sorun oluşturmaktadır. ÇİD/RR-TB olgularının kısa sürede belirlenerek uygun ilaçlarla tedavi edilmesi, bulaş zincirinin kırılması ve etkin TB kontrolü yönünden önem taşımaktadır (1-8). Tüberküloz tanısı, klinik ve radyolojik bulgulara ek olarak histopatolojik ve/veya mikrobiyolojik inceleme ile konulmaktadır. Yayma ve kültür (sıvı ve katı ortamlar, otomatize ve yarı-otomatize sistemler) mikrobiyolojik tanı amacıyla kullanılan geleneksel yöntemlerdir (9-12). Moleküler yöntemler, klinik örneklerden etken mikrobakterilerin daha erken dönemde saptanabilmesi ve ayrıca tüberküloz kuşkulu olgularda klinik ve radyolojik tanıya destek amacıyla kullanılmaktadır. Tüberkülozun etkin kontrolü hızlı tanı, ilaç direncinin hızlı saptanması ve etkin tedavi rejiminin kısa sürede başlanmasına dayanmaktadır. Bu nedenle, hızlı, doğru tanı ve ilaç duyarlılık testlerine gereksinim bulunmaktadır.

Günümüzde, TB bulgu ve belirtileri gösteren hastaların en az bir solunum yolu örneğine nükleik asit amplifikasyon testi (NAAT) yapılması önerilmektedir. Akciğer TB'sinin oldukça bulaşıcı yapısı nedeniyle, hastalığı çok erken teşhis etmek ve tedavi etmek önemlidir. Çoğu nükleik asit amplifikasyon testi (NAAT), çok kopyalı insersiyon dizilerinin (IS'ler) araştırılmasına dayanmaktadır ve bu da testlerdeki duyarlılığın artırılmasını sağlamıştır. IS6110 ve IS1081, uzun zamandır *Mycobacterium tuberculosis kompleks* (MTBK) tanısı için NAAT hedefleri olarak kullanılmaktadır (13-19). Dünya Sağlık Örgütü, TB tanılı tüm bireylerde RIF direncinin saptanmasına yönelik hızlı tanı testinin ilk olarak uygulanmasını, ayrıca INH ve FK (florokinolon)lar için de yine hızlı direnç testlerinin gerektiğinde yapılmasını ve bunu takiben de tedavi rejimlerinde bulunabilecek tüm diğer ilaçlar için de tercihen ilaç tedavisine başlamadan önce hızlı testlerin yapılmasını önermektedir (4, 7, 8). Fenotipik ilaç duyarlılık testi (İDT) sonuçları beklenirken tedavinin başlaması geciktirilmemelidir. Dünya Sağlık Örgütü'nün, 2015-2035 yıllarında TB önleme, yönetim ve kontrolündeki global stratejisi ("End TB" Stratejisi) (5), hedeflerini karşılayabilmek için TB belirti veya semptomlarını gösteren tüm bireyler için

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



DSÖ'nün önerdiği hızlı moleküler tanı testlerinin (molecular WHO-recommended rapid diagnostic tests; mWRDs) uygulanabilir olması gerekmektedir. Bakteriyolojik olarak doğrulanmış TB olguları için RIF direnci, RR-TB olgular için FK direnci ve yaygın ilaç direnci öncesi (pre-YİD-TB) olguları için bedakulin ve linezolid direnç testleri çalışılmalıdır (6). [“End TB” stratejisinde tüm RR-TB olgularında ikincil sıra enjektabl ajanlar (kanamisin, kapreomisin ve amikasin) için İDT yapılması önerilmiştir. Ancak, DSÖ artık enjektabl ajanları tüm tedavi rejimlerinde öncelik sırasından çıkararak yerine bedakulini yerleştirmiş, bu nedenle amikasin için hızlı duyarlılık testlerine gereksinim bulunmadığı sonucuna varılmıştır.] Son yıllarda, DSÖ kılavuzları tedavi öncesi elde bulunan hızlı direnç testlerinin (örn; FKlar, INH ve RIF) önemine dikkat çekmektedir ve tedavinin başlanmasının geciktirilmemesi gerektiği vurgulanmaktadır (7).

Son yıllarda, hedefe yönelik yeni nesil dizileme (YND) teknikleri DSÖ tarafından ilaç direncinin saptanması için ileri test olarak kabul edilmektedir (7). Hedefe yönelik YND testleri seçilmiş genlerin çoğaltılmasıyla oluşan ürünlerin sekans analizinin yapılması YND teknolojisinin kullanılmasıyla tek bir test içerisinde birçok ilaca karşı direncin saptanmasını mümkün kılmaktadır. Yeni nesil dizileme testleri tüm genom içerisindeki direnç ile ilişkili spesifik mutasyonları araştırabilmesi nedeniyle DSÖ tarafından önerilen diğer moleküler testlere göre daha iyi bir doğruluk sağlayabilmektedir.

Dünya Sağlık Örgütü tarafından birinci sıra ve ileri aşamalarda kullanılması önerilen hızlı testler yeni teknolojilerin geliştirilmesiyle kullanıma girmekte ve DSÖ rehberlerinde yerini almaktadır. Halihazırda önerilen hızlı testlerin yanısıra umut vadeden birçok yeni teknoloji bazlı moleküler test deneme aşamasındadır ve DSÖ tarafından belirli bir prosedür içerisinde rehberlere alınmaktadır. DSÖ, bununla ilgili olarak son yıllarda 2021 (7) ve 2024'de (8) iki ayrı kılavuz yayınlamış, 2021'deki kılavuzda genel olarak bu testlerin teknolojileri ve ticari olarak piyasada bulunan ürünlerin kullanımı ile ilgili yol gösterici bilgi verilmiştir, daha sonra 2024 yılında bu rehber yeni nesil dizileme (YND) teknolojilerini de içerecek şekilde güncellenmiştir (Tablo 1 ve 2).

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. DSÖ rehberlerinde en son gncellenen teknolojiler ve ilgili rnler (1^a, 7 ve 8 no.lu kaynaklardan uyarlanmıřtır.)

Tanısal Algoritma	Teknoloji sınıfı	Deęerlendirmeye alınan rnler
Birincil sıra molekler tanı ve direnç testleri (RIF / INH)	Dřk dzeyde komplike otomatize testler (NAAT)	Xpert MTB/RIF ve Xpert MTB/RIF Ultra (Cepheid) ^b
		Truenat (Molbio) ^b
	Orta dzeyde komplike otomatize testler (NAAT) *TB tanı ve RIF / INH direnç testleri	Abbott Real Time MTB ve Abbott Real Time MTB RIF/INH (Abbott) BD MAX MDR-TB (Becton Dickinson) cobas MTB ve cobas MTB-RIF/INH (Roche) FluoroType MTBDR ve FluoroType MTB (Hain Lifescience/Bruker)
Birincil sıra molekler tanı testleri	Manuel molekler test (NAAT)	TB-LAMP (Eiken) ^a
	Lateral flow formatında antijen testi; idrar lateral flow-lipoarabinomannan (LF-LAM) (biyobelirteç bazlı tanı testi)	AlereDetermine TB LAM Ag (Alere)
İkincil sıra molekler tanı ve direnç testleri (Ek ardışık testler)	Dřk dzeyde komplike otomatize testler (NAAT) *INH ve ikincil seęenek ilaç direnç testleri	Xpert MTB/XDR (Cepheid)
	Line probe assay (LPA) testleri	GenoTypeMTBDRplus v1 ve v2, ve GenoTypeMTBDRsl (Hain Lifescience/Bruker)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



		Genoscholar NTM+MDRTB II
	Yüksek düzeyde komplike ters hibridizasyon bazlı NAAT *PZA direnç testi	Genoscholar PZA-TB II (Nipro)
	Hedefe yönelik YND	DeeplexMyc-TB test (Genoscreen) AmPORE TB test (Oxford Nanopore Diagnostics) TBseq test (Hangzhou ShengTing Medical Technology Co)
DSÖ tarafından değerlendirilmede olan İkincil sıra moleküler tanı ve direnç testleri	Orta düzeyde komplike testler (NAAT)	LiquidArray MTB-XDR, Hain Lifescience, Almanya (TB, XDR (FQ, LZD, EMB, SLIDs)
	Hedefe yönelik YND	DeepChek DST, ABL, Fransa

^a Global Tuberculosis Report 2023, Section 6. TB research and innovation, Geneva: World Health Organization; 2023.

^bBu öneriler şu anda ürün özelindedir ancak diğer önerilerle uyumlu hale getirilmesi için sınıf bazlı olarak değiştirilecektir.

Tablo 2. TB tanısında DSÖ onaylı ve geliştirilmekte olan hızlı tanı ve direnç testleri (20 no.lu kaynaktan uyarlanmıştır.)

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



**Geliştirilmekte olan
teknolojiler**

**Molekler tanı ve direnç
testleri
(NAAT)**

- Gendrive MTB/RIF ID, Epistem, İngiltere
- TruDiagnosis Akonni, ABD
- INFINITI MTB Assay, AutoGenomics, ABD
- FluoroType XDR-TB assay, Hain Lifescience, Almanya
- MeltPro TB assay, Zeesan Biotech, Çin
- Q-POC, QuantuM Dx, İngiltere
- Truenat MTB-INH/MTB-FQ/MTB-BDQ, Molbio, Hindistan
- IRON qPCR Q-RFIA (preXDR-TB RT PCR), Bioneer, Kore
- STANDARD M MDR-TB; MTB / NTM; XDR-TB, SD Biosensor, Kore
- Mycobacterium Tuberculosis Rapid NAT Test Kit, BaoRuiyuan Biotech (Beijing) Co.Ltd. Çin
- MTB qSTAR test, LumiraDx, İngiltere
- Genedrive system, Genedrive, İngiltere

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Biyobelirteç bazlı tanı testleri

- PATHFAST-LAM, LSI Medience, Japonya
- Salus FLOW TB Urine LAM Assay, Salus Discovery LLC, ABD
- gLAM express, Mologic, İngiltere
- SDB LAM assay, SD Biosensor, Kore
- TB Triage multiplex LFA, LUMC, Hollanda & the TB Triage consortium
- TB Molecular Bacterial Load Assay, University of St Andrews, İngiltere
- T cell activation marker (TAM-TB) assay, Ludwig-Maximilians-University, Munich,Almanya
- Xpert MTB Host response assay, Cepheid, ABD
- RISK6 host response assay, QuantuM Dx, İngiltere
- BioMerieux ISIT-TBon BioFire FilmArray, Fransa
- MARTI TB diagnostic test, MARTI TB diagnostics, Güney Afrika

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



		• Predict END TB signature model, Research Center Borstel, Almanya • IRISA-TB, Antrum Biotech, Gney Afrika • Simoa SR-X, Quanterix, ABD
DS tarafından henz deęerlendirilmeyenler	Molekler tanı ve/veya diren testleri (NAAT)	• iCubate System, iCubate, ABD • Genechip MDR test, Capital Bio, in • EasyNAT TB Diagnostic kit, Ustar Biotechnologies, in • AccuPower TB & MDR Real Time PCR Kit, Bioneer, Kore • AccuPower XDR-TB Real-Time PCR Kit A, Bioneer, Kore • AccuPower XDR-TB Real-Time PCR Kit B, Bioneer, Kore • MDR/MTB ELITE MGB Kit / ELITE InGenius platform, ELITech Group, İtalya • mfloDx MDR-TB, EMPE Diagnostics, İsve • Erythra-TB-KIT, Erythra, ABD

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



DSÖ tarafından değerlendirmede	Hedefe yönelik dizileme	• DeeplexMyc-TB, GenoScreen Innovative Genomic, Fransa • DeepChek TB, Advanced Biological Laboratories, Fransa • NanoTB, Oxford Nanopore Technologies, İngiltere
	Biyobelirteç bazlı TB tanı testleri	• Fujifilm SILVAMP TBLAM Assay, Fujifilm, Japonya (point of care)
DSÖ tarafından onaylanmış	Molekler tanı ve/veya direnç testleri (NAAT)	• Xpert MTB/RIF, MTB/RIF Ultra ve MTB/XDR, Cepheid, ABD • GenoType MTBDRplus, Hain Lifescience / Bruker, Almanya • Genoscholar NTM+MDRTB II; Nipro, Japonya • GenoType MTBDRsl, Hain Lifescience / Bruker, Almanya • TB LAMP, Eiken, Japonya • Truenat MTB, MTBPlus ve MTB-RIFDx testleri, Molbio Diagnostics, Hindistan • FluoroType MTB ve MTBDR testleri, Hain Lifescience, Almanya

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



		- Abbott Real Time MTB ve MTBRIF/INH onm2000sp ve m2000rt sistemleri, Abbott, ABD - BD Max MDR-TB, BectonDickinson, ABD - Roche cobas® MTB ve MTB-RIF/INH Cobas6800/880 sistemleri, Roche Diagnostics, İsviçre - Genoscholar PZATB II, Nipro, Japonya
	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> antijen bazlı deri testleri	- Dia skintest, JSC Generium, Rusya Federasyonu - Cy-Tb skin test, Serum Institute of India, Hindistan - C-TST, Anhui Zhifei Longcom Biopharmaceutical Co. Ltd, Çin
	Mikroskopi	Işık ve LED mikroskopi (tanı ve tedavi izlemi)
	Biyobelirteç bazlı tanı testleri	Determine TB-LAM Ag, Abbott, ABD (point of care)

Tüberküloz moleküler direnç testleri, MTBK türlerinde antibiyotik direnci ile ilişkili gen bölge mutasyonlarını saptamak için kullanılmaktadır. Yeni nesil dizileme teknolojilerinde, MTBK kökenlerinin ayrıca CRISPR/DR (direct repeat) bölgesi hedef alınarak spoligotiplendirme ile genotiplendirmesi ve hsp65 geni hedef alınarak tüberküloz dışı (atipik) mikobakterilerin (TDM) tür düzeyinde tanımlanması yapılabilmektedir. Hızlı moleküler NAAT ve YND ile mutasyon analizi yapılan gen bölgeleri ve bunlarla ilişkili birincil ve ikincil seçenek hedef anti-TB ilaçlar Tablo 3’de gösterilmektedir.



Tablo 3. Direnç gen bölgeleri ve ilişkili hedef anti-TB ilaçlar (4 no.lu kaynaktan uyarlanmıştır.)

Hedef ilaç	Birincil direnç gen bölgesi	İkincil direnç gen bölgesi
INH	ahpC, inhA, katG	mshA, ndh, Rv1258c, Rv2752c
RIF	rpoB	rpoA, rpoC, Rv2752c
EMB	embA, embB, embC	embR, ubiA
PZA	pncA, clpC1, panD	Rv1258c, PPE35, Rv3236c
FK	gyrA, gyrB	yok
BDK	pepQ, Rv0678, mmpL5, mmpS5, atpE	Rv1979c
LZD	rplC, rr	yok
KFZ	pepQ, Rv0678, mmpL5, mmpS5	Rv1979c
DLM	fgd1, ddn, fbiA, fbiB, fbiC, Rv2983	yok
AMK	rrs, eis, whiB7	whiB6, ccsA, fprA, aftB
STM	rrs, rpsL, gid, whiB7, Rv1258c	whiB6
ETO	inhA, ethA	ethR, mshA, Rv3083, ndh
KAN	rrs, eis, whiB7	yok
KAP	rrs, tlyA	whiB6, ccsA, fprA, aftB

Kısaltmalar; AMK: amikasin, BDK: bedakulin, KAP: kapreomisin, KFZ: klofazimin, DLM: delamanid, EMB: etambutol, ETO: etiyonamid, FK: florokinolon, INH: izoniyazid, KAN: kanamisin, LZD: linezolid, PZA: pirazinamid, RIF: rifampisin, STM: streptomisin

Yeni teknolojilerin geliştirilmesine yönelik çalışmalar TB'un özellikle periferde daha ulaşılabilir olması yönünde yeni tanı testlerinin kullanıma girmesi için devam etmektedir. Solunum yolu örneklerinde veya solunum yolu dışı örneklerde, NAAT ve NAAT dışında (örn; biyobelirteç bazlı lateral akım idrar lipoarabinomannan [LF-LAM] testi) çok çeşitli teknolojiler umut vaat etmektedir. Anti-tüberküloz ilaçlarda yeni öncelik FKlar ve bedakulin gibi diğer A grubu ajanlara karşı direncin saptanmasına yöneliktir. Her yaş grubunda, değişik örnek türlerini ve tedavi kararları ile ilişkili sonuç alma süreçlerini kapsayan çalışmalar devam etmektedir. Son yıllarda, TB'un hızlı tanısında yapılan çalışmalarda, kimyasal problemler, hücre zarfı problemler, BlaC spesifik florojenik problemler, enzim (sülfataz, esteraz, proteaz, nitroredüktaz) problemleri,

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



CRISPR-Cas, kütle spektrometresi (MALDI-TOF), immunosensörler, yeni nesil dizileme teknolojileri kullanılarak gelecekte yeni tanısal testlerin geliştirilmesi beklenmektedir (21). Mevcut testlerin yerini, gelecekte hasta yanında daha kolay örnek alımı ile uygulanabilen (örn; sürüntü, idrar, v.b.) hızlı moleküler platformlar, basitleştirilmiş, cihaz gerektirmeyen hasta başı (point of care) testler, okuyucu veya idrar yoğunlaştıran cihazlarla lateral flow testlerinin birleştirildiği yeni nesil antijen testleri, dijital teknolojiler ve kapasitesi arttırılmış ve uygulaması pratik YND teknolojilerinin alacağı düşünülmektedir (22). Birçok yeni araçlar ve kılavuzlar ÇİD/RR-TB ve Hr-TB tanı ve tedavisine yönelik olarak geliştirilmekte, dirençli TB ile savaşmak için ikincil seçenek eski ve yeni ilaçlara karşı direncin saptanması için hızlı testler, tanı algoritmaları ve laboratuvar altyapısının iyileştirilmesi için çalışmalar yapılmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



***M. tuberculosis*'te İlaç Direnci, Yeni ve Deneysel İlaçlar**

Dr. Ali ALBAY

Tüberküloz (TB) önlenabilir ve genellikle tedavi edilebilir bir hastalıktır. Yine de 2022 yılında TB, COVID-19 hastalığından sonra tek bir enfeksiyöz ajandan kaynaklanan ölümlerde dünyada ikinci sırada yer almış ve HIV/AIDS'ten neredeyse iki kat daha fazla ölüme neden olmuştur. İlaça dirençli TB bir halk sağlığı tehdidi olmaya devam etmektedir. En etkili birinci basamak ilaç olan rifampisine karşı gelişen direnç (RR) en büyük endişe kaynağıdır. TB kontrol çabaları, mevcut TB ilaçlarına karşı ortaya çıkan direncin artan küresel prevalansı nedeniyle zayıflamaktadır. WHO 2023 küresel TB raporuna göre, 2022 yılında tahmini 410.000 kişide çok ilaca dirençli veya rifampisine dirençli TB (ÇİD/RR-TB) gelişmiştir. Tanı konulan ve tedaviye başlanan kişi sayısı düşük olup, 2022'de 175 650 kişi dirençli TB tedavisi almıştır. 2022'de küresel olarak, bakteriyolojik olarak doğrulanmış akciğer TB tanısı konan kişilerin %73'ü rifampisin direnci açısından test edilmiştir. Test edilenler arasında ÇİD/RR-TB'li 149 511 kişi ve pre-XDR-TB veya YİD-TB'li 27 075 kişi tespit edilmiş olup toplamda 176 586 kişidir. WHO 2023 raporunda Türkiye'de 2022 yılında saptanan tahmini yeni ÇİD-TB vaka oranı %2,6 civarındadır. Daha önce tedavi olanlarda bu oran %8,9'dur. Laboratuvarca kanıtlanmış ÇİD/RR-TB sayısı 155, Pre-XDR/YİD-TB sayısı 12 olarak bildirilmiştir.

Yeni Anti-tüberküloz İlaçlar

Bedakulin, son 40 yılda uzun çalışma ve araştırmalar sonrası dirençli TB tedavisinde kullanılmak üzere FDA tarafından onaylanan ilk yeni ilaçtır. Bedakulin, diarilkinolin yapısındaki bir bileşiktir. Çoğalan ve latent evrede olan *M. tuberculosis*'in ATP sentazını inhibe ederek etki göstermektedir.

Delamanid ve Pretomanid, nitroimidazol ilaç grubuna aittir ve her ikisi de nitro-redüktif aktivasyon gerektiren ön ilaçlardır. İlaç aktivasyonu, mikolik asit biyosentezini ve hücresel solunumu inhibe eden toksik azot türevleri üretir.

Bedakulin, delamanid ve pretomanid, ÇİD- ve YİD-TB tedavisi için onaylanan ve anti-TB ilaç cephaneliğine en son eklenen ilaçlardır ve bu nedenle dirençli vakalar için alternatif teşkil etmektedirler.

Linezolid, protein sentezi sırasında 50S ribozomal alt ünitesini inhibe ederek etki gösteren bir oksazolidinondur. *M. tuberculosis*'e karşı yüksek aktivite göstermiştir ve şu anda A grubu bir anti-TB ilacı olarak sınıflandırılmaktadır.

Deneysel Anti-tüberküloz İlaçlar

Bu amaçla klinik öncesi ve klinik çalışmaları devam eden birçok ilaç adayı mevcuttur.

Sudapyridine, bedakulinin yeni bir analogu olup potansiyel yeni bir antitüberküloz ilaç adayı olarak denenmeye başlanmıştır. Faz 3 çalışmaları devam etmektedir.

Telacebec, bir amiloride türevi olup, *Mycobacterium tuberculosis*'in ATP- sentaz ve sitokrom oksidazını inhibe eder. Faz 2 çalışmaları devam ediyor.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Alpibectir, bir amido piperidin türevidir. Akciğer tüberkülozunun tedavisinde etiyonamid/prothionamid ile kombinasyon halinde oral yolla kullanılmak üzere geliştirmiştir. Faz 2 çalışmaları devam ediyor.

Sutezolid, bir oksazolidinon türevidir. Protein sentezini inhibe ederek etki etmektedir. Faz 2 çalışmaları devam ediyor.

Bunlara ilaveten **TBAJ-876**, **Sanfetrinem**, **Tedizolid**, **Ganfeborole** gibi ilaç adaylarının faz 2 çalışmaları devam etmektedir. Ayrıca **TBD09**, **GSK-286**, **TBAJ-587**, **TBI-223**, **Macozinone** gibi yeni ilaç adaylarının da faz-1 çalışmaları devam etmektedir.

ÇİD ve YİD-TB'de bedaquiline-pretomanid-linezolid'in başarısı bu yönde çok önemli bir adımdır ve keşfedilebilecek sınırsız varyasyonlar için bir omurga sağlamıştır. Şimdilik devam eden büyük zorluklara rağmen bu alanda görülen gelişmeler ve çalışmalar tüberkülozun eradikasyonu için umut vericidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tberkloz Dıřı Mikobakterilerde Molekler Epidemiyoloji

Dr. Begm KAYAR

Salon A / 15:00 – 16:00

Olguyu Birlikte zelim: Tanıdıklardan mı? Yeni Bir Etken mi?

Dr. Alper ZARSLAN

Bir buuk aydır halsizlik řikayeti olan 29 yařında kadın hasta karın ađrısı nedeniyle acil servise bařvuruyor. Gemiř tıbbi yks olmayan hasta, bařka bir merkezde pansitopeni ve CRP artıřı nedeniyle  hafta tetkik edilmiř, ancak herhangi bir etiyoloji bulunamamıř ve sadece antibiyotik tedavisi uygulanabilmiř. Geliřinde subfebril ateři olan hastanın karaciđer enzimleri yksek (AST: 555 U/L, ALT: 942 U/L) ve pansitopenik. Hepatobiliyer ultrasonografi normal, kemik iliđi hiposeller ve PET-CT’de patolojik bir bulgu yok. Yatıřının 7. gnnde acil karaciđer nakli olan hastanın, nakilden 4 gn sonra yapılan “spesifik bir test” ile tanısı konuluyor...

Bu olgu bize, pansitopeni ve karaciđer fonksiyon testlerinde ykseklik grlen vakalarda etiyolojiyi arařtırırken hangi bakteriyel, viral, paraziter ve fungal etkenlerin akılda bulundurulması gerektiđini gstermektedir. Ayrıca, tanısal srete hangi testlerin acilen akla gelmesi gerektiđi, testlerin metodolojisi, sonuların yorumlanması ve alternatif tanı yntemleri zerinde durulmaktadır.

Kritik durumlarda, zellikle etiyolojisi bulunamayan hastalarda sahadaki klinisyenler mikrobiyoloji uzmanlarıyla nasıl iř birliđi yapmalı? Bu iř birliđinin, dođru tanıya ulařma srecindeki nemi nedir? Hep beraber bu olgu zerinden hem bu sorulara cevap arayalım hem de hastaya zg uygulanan bu “kritik tanı testini” ve tm sreci detaylı řekilde tartıřalım.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 08:30 – 09:00

Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında Campylobacter Tanısı

Dr. Cüneyt ÖZAKIN, Dr. Yusuf GÖRGÜLÜ

Campylobacter

Campylobacter türleri, dünya çapında bakteriyel ishalin en yaygın nedenlerinden biridir. CDC (Centers for Disease Control)'ye göre, yalnızca Amerika Birleşik Devletleri'nde her yıl yaklaşık 1,3 milyon Campylobacter enfeksiyonu vakası görülmektedir. Bu, Amerika Birleşik Devletleri'nde yıllık 1,3 ila 6,8 milyar dolar arasında bir ekonomik maliyete yol açmaktadır¹.

Campylobacter enfeksiyonu çiğ süt, az pişmiş kümes hayvanı ve kirli su tüketimiyle ilişkilidir. Hastalar genellikle 5 ila 7 gün süren kendiliğinden sınırlı bir ishal hastalığı yaşarlar. Bağışıklık sistemi zayıflamış ve yaşlı hastalar morbidite, mortalite ve uzun süreli hastalık açısından en yüksek risk altındadır. Hayvan rezervuarlarında etkili tedavi ve eradikasyon yöntemleri olmasına rağmen dünyanın gelişmiş ve gelişmekte olan bölgelerinde vakalarda dramatik bir artış olmuştur¹.

İnsan patojenleri olarak kabul edilen başlıca Campylobacter türleri arasında *C. jejuni*, *C. coli*, *C. fetus* ve *C. lari* bulunur. Bu türler ve diğerleri bakteriyemi ve sistemik hastalığa neden olabilir. *C. jejuni* enfeksiyonu edinilmiş bağışıklık yetersizliği sendromu (AIDS) olan hastalarda ciddi bakteriyemi durumlarına neden olur².

Tanı

Dışkı kültürü, enzim immünolojik testi (EIA) ve polimeraz zincir reaksiyonu (PCR) Campylobacter enfeksiyonu tanısında kullanılabilecek yöntemlerdendir. Dışkı kültürü için, özellikle *C. jejuni* ve *C. coli*'nin izolasyonunu için tasarlanmış seçici kültür besiyerleri kullanılır. Hem *C. jejuni* hem de *C. coli*, termofiliktir ve 42 °C'de üremesi optimaldir. Campylobacter türlerinin, tür düzeyinde tanımlanmasında; PCR, 16S rRNA dizilemesi veya tüm genom dizilemesi gibi moleküler yöntemler sıklıkla gereklidir. Matriks destekli lazer (MALDI-TOF) kütle spektroskopisi de, Campylobacter türlerini tanımlamak için hızlı ve hassas bir yöntemdir.

Campylobacter tanısında, kültür yöntemi hâlâ altın standart olarak kabul edilmekle birlikte son yıllarda daha hızlı sonuç vermeleri nedeniyle kültür bağımsız testlerin [antijen testleri ve multipleks polimeraz zincir reaksiyonu (mPCR) temelli paneller] kullanımı da giderek artmaktadır. Sendromik gastrointestinal panellerin de dahil olduğu mPCR testlerinin duyarlılıkları genel olarak kültür yöntemine göre daha yüksektir. Ancak, tür düzeyinde identifikasyon ve saptanan bakterilerde canlı/cansız ayrımı yapamamaları nedeniyle bu testler tanıda henüz kültür yöntemine bir alternatif olarak kabul edilmemektedir³.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



KAYNAKLAR

1. Kaakoush NO, Castaño-Rodríguez N, Mitchell HM, Man SM. Global Epidemiology of Campylobacter Infection. Clin Microbiol Rev. 2015 Jul;28(3):687-720.
2. Fitzgerald C, Nachamkin I. Campylobacter and Arcobacter. In: Versalovic J, Carroll K, Funke G, Jorgensen J, Landry ML, Warnock DW, editors. Manual of Clinical Microbiology. Washington DC: ASM Press; 2011. pp. 885–899.
3. <https://wwwnc.cdc.gov/travel/yellowbook/2024/infections-diseases/campylobacteriosis#diagnosis>

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 09:00 – 10:30

Moleküler Epidemiyolojik Araştırmaların Tasarlanması ve Uygulanması

Dr. Rıza DURMAZ

Moleküler epidemiyoloji, hastalıkların nedenlerini belirlemek ve müdahaleyi kolaylaştırmak için moleküler tiplendirme yöntemlerini epidemiyolojik incelemelerde kullanan disiplinler arası bir araştırma alanıdır. Moleküler epidemiyoloji hastalıkların ortaya çıkmasında etkili olabilen çevresel temas ile genetik ve diğer risk faktörleri arasındaki etkileşimleri anlamak, risk altındaki birey ve popülasyonları belirlemek için giderek daha fazla kullanılmakta olan bir yaklaşım haline gelmiştir. Moleküler epidemiyoloji, enfeksiyonun ortaya çıkması, yayılması ve önlenmesini etkileyen konak ve patojenler içindeki varyantlar da dahil olmak üzere hastalıkların genetik temelini inceler. Enfeksiyonların kontrolü ve epidemiyolojik araştırmaları desteklemek amacıyla enfeksiyonların kaynaklarını belirleme, bulaşma yollarını izleme, etkilediği popülasyonundaki yaygınlık ve kalış süresini öğrenmek ve patojenin virülans ve ilaç direncinden sorumlu genlerini belirleme moleküler epidemiyolojinin başlıca kullanım alanlarını oluşturmaktadır.

Moleküler epidemiyolojik incelemelerle salgınların kaynakları, yayılma yolları, hastane, kurum, ülke, bölge veya küresel seviyede yayılımları hakkında yararlı bilgiler elde edilmektedir. Bu amaçla yapılacak olan çalışmalarda başta yöntem seçimi, epidemiyolojik veri toplama, çalışma popülasyonu ve zamanının iyi tanımlanması olmak üzere dikkat edilmesi gereken önemli hususlar bulunmaktadır. 1980'lerden itibaren bakterilerin tiplendirilmesinde kullanılmış farklı amaç, prensip, ayırım gücü, tekrarlanabilirlik ve kapsayıcılık özelliklerine sahip çok sayıda moleküler yöntem bulunmaktadır. Moleküler epidemiyolojik amaçla kullanılan yöntemlerin çeşitliliği beraberinde hangi yöntemi kullanmak en iyisidir sorusunu gündeme getirmektedir. Teknolojik gelişmelere rağmen güncel durumda her koşul ve mikroorganizmalar için ortak olarak kullanılabilecek mükemmel bir yöntem bulunmamaktadır. Bir koşul ve mikroorganizma için altın standart olarak kabul gören yöntem, başka bir mikroorganizma için yeterli ayırım gücüne sahip olmamakta veya uygulama zorlukları nedeniyle tercih edilmemektedir. Örneğin hastane enfeksiyonlarına yol açan çoğu bakteri için altın standart olarak kabul gören PFGE yöntemi toplum kaynaklı enfeksiyona yol açan *Mycobacterium tuberculosis*, suşlarının tiplendirilmesinde yetersiz kalmaktadır. Diğer taraftan oldukça pahalı olan moleküler tiplendirme yöntemleriyle çalışmalar başlamadan önce üzerinde çalışılacak olan örnek sayısı dikkate alınması gereken önemli parametrelerden birisidir. İdeal olan tam örneklemdir. Ancak, bu çoğu defa mümkün olmamaktadır. Temsili örnekleme kullanılarak olan örnek sayısı araştırmanın hipotezini doğrulamak veya reddetmek için yeterli düzeyde olmalı, bölgeler, gruplar veya süreler arası karşılaştırmalarda örneklem oranlarının karşılaştırılabilir olmasına dikkat edilmelidir. Çalışmanın yapılacağı zaman aralığı oldukça önemlidir. Çalışmanın yapıldığı zaman aralığının seçilme nedeni açık olarak belirtilmelidir. Moleküler tiplendirme çalışmaları epidemiyolojik verileri doğrulamak amacıyla yapılmakta, en sofistike yöntemin sonucu bile tek

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



başına bir salgını doęrulamak veya reddetmede yetersiz kalabilmektedir. Molekler tiplendirme yöntemlerinin sonuçları klasik epidemiyolojik veriler eşliğinde anlamlıdır. Bu nedenle molekler çalışmalara başlamadan önce incelenecek olan örneklerle ilgili epidemiyolojik veriler mutlaka toplanmalıdır. Molekler çalışmalar amacı belirlenmiş, zaman ve evreni iyi tanımlanmış, gerekli suş tanımlama çalışmaları yapılmış ve epidemiyolojik verileri toplanmış koşulda, mikroorganizma için güncel ve geçerli olan yöntemler kullanılarak uygulandığında beklenen amaca hizmet edecektir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Hangi Mikroorganizma için, Hangi Durumda, Hangi Yöntem Altın Standart?

Dr. İftar DOLAPÇI

Moleküler Epidemiyolojik Araştırmalarda OMİK Analizler

Dr. Dilek GÜLDEMİR

Moleküler epidemiyolojik araştırmalar; enfeksiyon hastalıklarının kaynağını, bulaş yollarını ve dinamiklerini anlamada kritik bir role sahiptir. Son yıllarda gelişen OMİK teknolojileri, bu çalışmalara yeni bir perspektif kazandırmıştır. Halk sağlığını tehditlerine yol açabilecek patojenlerin moleküler düzeyde ve kanıta dayalı olarak incelenmesine/izlenmesine olanak sağlamıştır. Genomik, transkriptomik, proteomik ve metabolomik gibi OMİK analizler, patojenlerin genetik çeşitliliği, bulaş dinamikleri ve antibiyotik direnci gibi mekanizmaları anlamada güçlü araçlar haline gelmiştir. Özellikle biyoinformatik yaklaşımlar ile bu verilerin entegrasyonu, enfeksiyon kontrolü ve halk sağlığı stratejilerine daha hedefe yönelik çözümler sunma imkânı sağlamıştır.

Geçmişte daha çok suş tiplere odaklanan moleküler epidemiyoloji, günümüzde gelişen filogenetik yöntemlerle genetik verileri kullanarak salgın süreçleri ve patojen evrimi arasında anlamlı bağlar kurabilmektedir. Özellikle aşı ile önlenabilir bulaşıcı hastalıklara neden olan patojenlerde mutasyon/varyant izlemesi salgın potansiyeli, salgınların yayılma hızı ve bulaş dinamiklerinin belirlenmesinde önemli bir rehberdir, bilim insanlarına prospektif bir yaklaşım olanağı tanır. Diğer yandan “Multilocus sequence typing (MLST)” gibi analizler, genotipleme, taksonomi güncelleme çalışmaları, atasal DNA araştırmaları gibi alanlarda standart yöntemler olarak öne çıkmakta olup, daha çok retrospektif bir yaklaşım sunmaktadır.

Sonuç olarak, günümüzün hızla gelişen OMİK teknolojileri, moleküler epidemiyolojiye sunduğu geniş olanaklarla enfeksiyon kontrolü ve halk sağlığı politikalarında köklü bir dönüşüm sağlamış; bu sayede enfeksiyon hastalıklarıyla mücadelede gelecekte daha yenilikçi ve etkili yaklaşımların kapısını aralamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 11:00 – 12:30

Fenotipik Yöntemler

Dr. Gülçin BAYRAMOĞLU

Polimiksinler, gram-negatif patojenlerde lipopolisakkarit yapının bozulmasında rol oynayan, bakterisidal etkili, katyonik polipeptit antibiyotik sınıfıdır. Beş tip (A-E) polimiksinde sadece polimiksin B ve polimiksin E (kolistin) klinik olarak kullanılmaktadır. Çoklu ilaca dirençli gram-negatif bakterilerin neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde, son çare antibiyotikler olarak kabul edilmektedir. Polimiksinlere karşı direnç, kromozomal mutasyonlar ve özellikle mcr genleri olmak üzere plazmidler tarafından taşınan direnç genlerinin edinilmesi nedeniyle giderek daha da artmaktadır. İlk kez 2016'da, Çin'de *Escherichia coli* izolatlarında mobil kolistin direnç geni (mcr-1)'in rapor edilmesinden sonra, dünyanın çeşitli yerlerinden mcr-1'den mcr-10'a kadar değişen farklı mcr varyantları bildirilmiştir. Bu durum halk sağlığı açısından büyük bir endişe kaynağı haline gelmiştir. Hızla yayılan kolistin direncini kolayca tanımlamak ve kontrol altına almak için, daha ucuz, daha hızlı, daha basit, daha duyarlı ve daha özgül yöntemler gereklidir.

Polimiksinlerin in vitro duyarlılığının değerlendirilmesi, katyonik özellikleri, agarda difüzyonlarının zayıf olması, birçok türde heterodirenç görülmesi ve mikrotiter plaklara adsorpsiyonu nedeniyle sorunludur. Kromozomal mutasyonlar sıklıkla yüksek minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerlerine (≥ 16 mg/L) yol açsa da, mcr-1 geninin ekspresyonu "European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST)" sınır değerlerine (> 2 mg/L) yakın olan daha düşük kolistin MİK değerlerine (2–8 mg/L) yol açar. Bu düşük MİK değerleri, direncin tespitini daha da zorlaştırarak, yanlış duyarlı sonuç riskini artırabilir. EUCAST (<https://www.eucastrg.org/>) ve "Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI)" (<https://clsi.org/>) tarafından önerilen referans yöntem sıvı mikrodilüsyondur. CLSI tarafından sıvı mikrodilüsyona ilaveten, Enterobacterales ve *Pseudomonas aeruginosa* için kolistin sıvı disk elüsyon (KSDE) ve kolistin agar test (KAT) de önerilmektedir. KSDE yöntemi, kolay olması, maliyetinin düşük olması, özel ayaraçlar veya besiyerleri gerektirmemesi, referans yöntemle benzer sonuçlar elde edilmesi nedeniyle, laboratuvar pratiğine dahil edilme potansiyeli olan yararlı bir yöntemdir. Ülkemizde de kullanılmakta olup Türkçe çevirisine, Türk Mikrobiyoloji Cemiyeti'nin web sayfasından (<https://www.tmc-online.org/>) ulaşılabilir.

Sıvı mikrodilüsyon zahmetli, zaman alıcı ve rutin mikrobiyoloji laboratuvarlarında bulunması zor olabilen malzemeler gerektirdiğinden, alternatif olarak kullanılmak üzere çok fazla sayıda yöntem değerlendirilmiştir. Çeşitli yöntemlerin duyarlılığı, özgüllüğü, sonuç verme süresi ve maliyetleri değişmektedir. Sıvı mikrodilüsyon bazlı ticari testler, hızlı polimiksin NP testi, polimiksin elüsyon testi, polimiksinli besiyerleri ve kolistin damlatma testi; rutin direnç tespitinde umut vadettiği bildirilen yöntemler arasında yer almaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şelatör bazlı testlerin de kullanışlı, güvenilir olduğu ve mcr genlerinin varlığını tespit etmek için kullanılabileceği bildirilmiştir. Mevcut kolistin direncini saptamanın başlıca sınırlamalarının temelinde, mcr-kaynaklı direnci belirlemenin doğruluğu ve maliyet etkinliği yatmaktadır.

Kaynaklar

Shahzad S, Willcox MDP, Rayamajhee B. A Review of Resistance to Polymyxins and Evolving Mobile Colistin Resistance Gene (mcr) among Pathogens of Clinical Significance. *Antibiotics* (Basel). 2023;12(11):1597. doi: 10.3390/antibiotics12111597.

Mondal AH, Khare K, Saxena P, Debnath P, Mukhopadhyay K, Yadav D. A Review on Colistin Resistance: An Antibiotic of Last Resort. *Microorganisms*. 2024;12(4):772. doi: 10.3390/microorganisms12040772.

Osei Sekyere J. Mcr colistin resistance gene: a systematic review of current diagnostics and detection methods. *Microbiologyopen*. 2019;8(4):e00682. doi: 10.1002/mbo3.682.

Rubens RS, Arruda ISA, Almeida RM, Nóbrega YKM, Carneiro MDS, Dalmolin TV. Challenges in the Detection of Polymyxin Resistance: From Today to the Future. *Microorganisms*. 2024;12(1):101. doi: 10.3390/microorganisms12010101.

Smelikova E, Tkadlec J, Krutova M. How to: screening for mcr-mediated resistance to colistin. *Clin Microbiol Infect*. 2022;28(1):43-50. doi: 10.1016/j.cmi.2021.09.009.

Lakshmanan D, Ramasamy D, Subramanyam V, Saravanan SK. Mobile colistin resistance (mcr) genes and recent developments in colistin resistance detection. *Lett Appl Microbiol*. 2023;76(9):ovad102. doi: 10.1093/lambio/ovad102.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Genotipik Yntemler; MALDI TOF, Raman Spektroskopisi

Dr. Tuğrul HOŞBUL

Enfeksiyon hastalıklarının tedavisinde uygunsuz ve aşırı kullanımlarının da bir sonucu olarak, özellikle 21. yüzyılda çok ilaca dirençli bakterilerin gelişimi ve artan antimikrobiyal direnç (AMR) ciddi bir toplum sağlığı tehdidi oluşturmaktadır (1). Artan direnç oranları, yeni antibiyotiklerin keşfini zorunlu kılmış ve dirençli gram negatif bakterilere karşı son çare seçeneklerden biri olarak polimiksin gibi ajanların yeniden kullanımını gerekli hale getirmiştir. Kimyasal yapılarına göre beş gruba ayrılan polimiksinlerden sadece polimiksin B ve polimiksin E (kolistin) klinik kullanımı mevcuttur. Polimiksin direnci; LPS yapıda değişiklik, lpxA, lpxC ve lpxD'deki mutasyonlara bağlı lipid A kaybı, dış membran protein yapısının değişimi, pmrA ve pmrB genlerindeki mutasyonlar, pmrA ve phoP'nin düzenleyici lokuslarındaki değişiklikler ve plazmid aracılı taşınabilir kolistin direnç genleri (mcr; plasmid-mediated mobile colistin resistance) ile gelişebilmektedir (2). Polimiksin duyarlılığın saptanmasında referans yöntem olan sıvı mikrodilüsyon (SMD) yöntemi zaman alıcı ve kolay uygulanabilir özellikte olmaması nedeniyle yeni yöntemlerin geliştirilmesi ihtiyacı doğmuştur. Molekler temelli yöntemler, matriks destekli lazer dezorpsiyon iyonizasyon-uçuş zamanı kütle spektrometresi (MALDI-TOF MS) ve raman spektroskopisi bu amaçla geliştirilmiş yöntemlerdendir.

Genotipik Yntemler

Genotipik yöntemler, antibiyotik direncinin molekler tanısında hızlı ve yüksek duyarlılık sağlarken, yöntemlere göre değişmekle birlikte; özel cihaz ve kullanıcı gereksinimi, maliyet dezavantajı gibi nedenlerle yaygın laboratuvar kullanımına uygun olmayabilir. Üstelik genetik mekanizmaların saptanması her zaman fenotipik direncin bir göstergesi olmayabilir (3). Kantitatif gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (qRT-PCR), mutipleks PCR, "loop-mediated isothermal amplification (LAMP)" gibi hedef DNA çoğaltılmasına dayalı yöntemler laboratuvarlar tarafından sıklıkla kullanılan yöntemlerdir. Rebelo ve ark.ları, plazmid aracılı kolistin direncinin tanısı için, özellikle genomik dizileme gibi yöntemlerin bulunmadığı durumlarda mcr₁₋₅ direnç genlerinin varlığını saptamaya olanak tanıyan bir mutipleks PCR protokolü geliştirmişlerdir (4). Chabou ve ark.ları mcr₁ direnç geninin saptanması için Taqman® prob temelli qRT-PCR yöntemini çalışmalarında kullanmışlardır. Yine LAMP yöntemi temelinde geliştirilmiş çeşitli platformlar (lateral flow, biosensör, vb.) plazmid aracılı kolistin direnç genlerinin varlığının belirlenmesi amacıyla literatürde yer almaktadır (5). Sanger ve ark.ları tarafından 1977'de geliştirilen ve Hood ve ark.larınca da 1986'da floresan temelli tanımlama ile otomatize hale getirilen Sanger dizileme yöntemi, AMR'in genomik tespiti amacıyla oldukça yaygın kullanım alanı bulmuştur. DNA sentezi esnasında dideoksi nükleotidlerin kullanılmasıyla zincir sonlandırma şeklinde gelişen bu yöntem ile yaklaşık 800-1000 baz çifti gibi kısa genom büyüklüğündeki diziler yüksek standartta dizilenebilmektedir (6).

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tek bir alıřmada, tm genoma varan ok byk miktarda sekans fragmanlarının dizisinin elde edilebildiđi, ok daha hızlı yeni nesil dizileme (NGS; next-generation sequencing) sistemleri ile antimikrobiyal direncin genotipik tespiti, genetik varyasyonlar ve mutasyonların (pmrA, pmrB, pmrC, pmrK, phoP, phoQ, vb.) tanımlanması, metagenomik datanın analizi ile yaygın epidemiyolojik bilginin edinilmesi mmkn hale gelmiřtir. PCR ve/veya hibridizasyon tekniklerinin kullanıldıđı film array, ip array gibi yntemler ile birden fazla zgl diren genlerinin varlıđının eř zamanlı saptanması sz konusudur (3,7).

MALDI-TOF MS

MALDI-TOF MS; bakteri, fungus gibi mikroorganizmaların tanımlanması, antimikrobiyal duyarlılık tespiti, RNA ve DNA analizleri, bilinmeyen proteinlerin tespiti ve karakterizasyonu, proteomik alıřmalarında bařarıyla kullanılmaktadır. Kolay uygulanabilir, maliyet etkin ve ok hızlı bir yntem olması, halihazırda birden fazla platformda sistem olması gibi stnlklerinin yanı sıra yakın iliřkili trler veya genomik yapı benzerliđi nedeniyle uyumsuz sonular alınabilir (8).

Geliřen AMR sorunu nedeniyle bu yntemin polimiksin dahil olmak zere eřitli antibiyotik direncin saptanmasına ynelik bilimsel arařtırmalar ile ticari sistem geliřtirme alıřmaları hız kazanmıřtır. Bu sistemlerden birisi antibiyotik varlıđı ve yokluđuında inkbe edilen bakterinin protein spektralarındaki farklılıđa gre izolatin bymesinin semikantitatif yorumlandıđı Bruker MALDI Biotyper antibiyotik duyarlılık test hızlı yntemidir (MBT-ASTRA) (3,9). MALDI-TOF MS ynteminde esasen polimiksin direncinin saptanması membran LPS'lerine katyonik grupların eklenmesiyle grlen lipidA deđiřikliklerine dayalıdır. Larrouy-Maumus ve ark.ları, dođrudan bakteriler zerinden lipid A'yı tanımlamak iin ilave ekstraksiyon ařamaları gerekmeksizin MALDI-TOF MS platformunda (4800 MALDI TOF/TOF™ Analyzer, Applied Biosystems) hızlı bir yntem geliřtirmiřlerdir (10). Bu alıřmayı izleyen yıllardan gnmze fosfoetanolamin, 4-amino-l-arabinose eklenmesi gibi lipid A'nın modifikasyonu yoluyla ortaya ıkan polimiksin direncinin saptanmasına ynelik farklı MALDI-TOF MS platformlarında alıřmalar yrtlmektedir. Dortet ve ark.ları, MALDİxin testi adı verilen negatif-iyon mod MALDI-TOF MS platformunda polimiksin direncine bađlı lipid A deđiřikliklerinin ok kısa bir srede tespit edilmesini sađlayan bir yntem geliřtirmiřlerdir (11). Jeannot ve ark.ları, benzer řekilde negatif-iyon mod MALDI Biotyper Sirius platformunda (Bruker Daltonics) MALDİxin testi ile P. aeruginosa suřlarında kolistin direncini hızlı ve etkili bir řekilde saptamıřlardır (12). Yakın zamanda Foglietta ve ark.ları rutin mikrobiyoloji tanı labortuvarlarında daha sık kullanılan pozitif-iyon mod MALDI-TOF MS platformlarından birinde (Autof MS 1000 MS, Autobio) yeni bir yntem (CORE assay) tanımlamıřlardır (13). MALDI-TOF MS yntemi, 16-24 saat sren SMD yntemine kıyasla ok daha kısa srede uyumlu polimiksin duyarlılık sonuları elde etmeye olanak sađlayan, geliřtirilebilir ve yaygın kullanım potansiyeline sahip bir yntem olarak ne ıkmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Raman Spektroskopisi

Kimyasal analitik bir teknik olan Raman spektroskopisi (RS), sıklıkla ışık kaynağı olarak lazer ışığının kullanıldığı, uyarılan maddenin yüzeyinden saçılan ışığın analiz edildiği bir vibrasyonel spektroskop çeşididir. Temelde Raman saçılması olarak bilinen, fotonların enerji seviyelerinin örnekte bulunan fotonların titreşim biçimleriyle etkileşime girerek değiştiği bir işlemin ölçümüdür. Özellikle örneğin kimyasal/biyokimyasal yapısı, tanımlanması, bileşenlerin miktarının tayin edilmesi amacıyla oldukça hızlı bir yöntemdir. Lipitler, proteinler ve nükleik asitler gibi biyolojik makromoleküller için bilgi sağlamanın yanı sıra, bakteriyel çalışmalar ile antimikrobiyal direncin tespiti, numunenin parmak izinin oluşturulmasında son derece başarılı bir yöntem olduğu düşünülmektedir (14,15). Antibiyotiğe bağlı bakteriyel fizyolojik değişiklikler Raman spektralarında belirgin değişiklikler olarak saptanarak antibiyotik duyarlılık ile ilişkilendirilebilir. Yöntemi daha etkili ve çok yönlü hale getirmek için döteryumla (ağır su - döteryum oksit, D₂O) izotropik etiketleme ilave edilmiştir (3). Surface-enhanced RS (SERS), örneği karakterize etmek ve ayırt etmek için nanopartikülleri substrat olarak kullanan bir teknik olarak geliştirilmiştir. SERS'in keşfi klasik RS uygulamalarının çok daha yaygın bir halde kullanılmasına olanak sağlamıştır (16). Xiao ve ark.ları yakın zamanda tigesiklin, polimiksin B ve vankomisin için, *E. coli*, *K. pneumoniae*, *P. aeruginosa* ve *E. faecium*'a karşı etkinliğini değerlendirmek için döteryum ilaveli-RS temelli ve yaklaşık beş saat içerisinde sonuç alınabilir bir duyarlılık testi geliştirmişlerdir (14). Mushtaq ve ark.ları SERS yöntemi ile kolistin duyarlı ve dirençli *E. coli* izolatlarında yöntemin etkinliğini değerlendirmişlerdir (17). RS temelli antimikrobiyal duyarlılık testleri kısa sürede ve uyumlu test sonuçları alınabilir özellikte olması nedeniyle gelecek vaat eden bir yöntem olarak dikkat çekmektedir.

Kaynaklar

1. Asghar A, Khalid A, Baqar Z, et al. An insights into emerging trends to control the threats of antimicrobial resistance (AMR): an address to public health risks. Archives of Microbiology 2024; 206:72
2. Biswas S, Brunel JM, Dubus JC, Gaubert MR, Rolain JM. Colistin: An update on the antibiotic of the 21st century. Expert Rev Anti Infect Ther 2012; 10(8): 917-34. <https://doi.org/10.1586/eri.12.78>
3. Rubens RS, Arruda ISA, Almeida RM, et al. Challenges in the Detection of Polymyxin Resistance: From Today to the Future. Microorganisms 2024;12. doi:10.3390/microorganisms12010101

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



4. Rebelo AR, Bortolaia V, Kjeldgaard JS, et al. Multiplex PCR for detection of plasmid-mediated colistin resistance determinants, mcr-1, mcr-2, mcr-3, mcr-4 and mcr-5 for surveillance purposes. *Euro Surveill.* 2018;23(6):pii=17-00672
5. Chabou S, Leangapichart T, Okdah L, et al. Real-time quantitative PCR assay with Taqman® probe for rapid detection of MCR-1 plasmid-mediated colistin resistance. *New Microbe and New Infect* 2016; 13: 71–74
6. Crossley BM, Bai J, Glaser A, et al. Guidelines for Sanger sequencing and molecular assay monitoring. *Journal of Veterinary Diagnostic Investigation* 2020,32(6): 767-775
7. Carvajal-Lopez P, Von Borstel FD, Torres A, et al. Microarray-Based Quality Assessment as a Supporting Criterion for de novo Transcriptome Assembly Selection. *IEEE/ACM Trans Comput Biol Bioinform* 2020;7(1):198-206
8. Duriez, E., Armengaud, J., Fenaille, F., ve Ezan, E. 2015. "Mass spectrometry for the detection of bioterrorism agents: from environmental to clinical applications", *J. Mass Spectrom*, 51, 183–199.
9. Inamine E, Carneiro MS, Wilhelm CM, Barth AL. Evaluation of an adapted method of relative growth to determine the susceptibility of Enterobacterales to polymyxin B by MALDI-TOF MS. *Brazilian Journal of Microbiology* 2023;54:1841–1846
10. Larrouy-Maumus G, Clements A, Filloux A, et al. Direct detection of lipid A on intact Gram-negative bacteria by MALDI-TOF mass spectrometry. *Journal of Microbiological Methods* 2016;120:68–71
11. Dortet L, Bonnin RA, Pennisi I, et al. Rapid detection and discrimination of chromosome- and MCR-plasmidmediated resistance to polymyxins by MALDI-TOF MS in *Escherichia coli*: the MALDIxin test. *Antimicrob Chemother* 2018; 73: 3359–3367
12. Jeannot K, Hagart K, Dortet L, et al. Detection of Colistin Resistance in *Pseudomonas aeruginosa* Using the MALDIxin Test on the Routine MALDI Biotyper Sirius Mass Spectrometer. *Front Microbiol* 2021;12:725383
13. Foglietta G, De Carolis E, Mattana G, et al. "CORE" a new assay for rapid identification of *Klebsiella pneumoniae* COListin RESistant strains by MALDI-TOF MS in positive-ion mode. *Front Microbiol* 2023;14:1045289

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Olgu Sunumları

Dr. Şeyma Aybüke ÖZYAR KURTÇU

Salon B / 13:30 – 14:30

Küflerde Kriptik Kökenler ve Direnç

Dr. Beyza ENER

Mantar alemi, doğada yaygın ve çok çeşitli türlere sahip zengin bir biyolojik grup olup değişik tahminlere göre tür sayısı 1-10 milyon civarındadır. Geleneksel olarak, mantar türleri çeşitli morfolojik özelliklere göre tanımlanır. Ancak, bu morfolojik yapılar mantar yaşam döngüsünde yalnızca kısa bir evreyi temsil eder. Hayvanlar ve bitkiler alemi ile karşılaştırıldığında birçok morfolojik yapı basit olup sınırlı sayıda karakter içerir. Bu durum kriptik türlerin yaygınlığını açıklayan önemli bir durumdur. Kriptik kelimesi, gizli anlamına gelen Yunanca “kruptós” sıfatından türemiştir. Moleküler filogenetik yöntemlerle ortaya çıkarılan ve yalnızca DNA dizileriyle tanınan morfolojik olarak ayırt edilemeyen türlere kriptik türler denir.

Kriptik türler ilk olarak 1990’lı yıllarda istiridye mantarında (*Pleurotus ostreatus*) gösterilmiştir. Daha sonra çok çeşitli mantarlarda da kriptik türlerin bulunduğu anlaşılmış ve konu ile ilgili araştırmalar hızla artmaya başlamıştır. Mantar alanında, tür zenginliğinin daha iyi anlaşılması ve uygun koruma ve hasta yönetimi için kriptik türlerin tanımlanması esastır.

Filogenetik tür tanıma, birden fazla bağlantısız DNA gen bölgelerinin analizine dayanır. Ancak kaç adet DNA bölgesinin doğru tanımlama için gerekli olduğu net değildir. Bu konu mantarın evrimsel yaşı, doğadaki yoğunluğu ve yaygınlığı gibi faktörlere bağlıdır ve dolayısıyla türden türe değişir. Yaygın olarak tanımlamada kullanılan Internal transcribed spacer (ITS) gen bölgesinin analizi genellikle kriptik türleri göstermede yetersiz kalmaktadır. Yapılan çalışmalarda en az beş genetik lokusun analiz edilemesiyle %100’e yakın kriptik türün tanımlanabileceği gösterilmiştir. TUB (bipartite transcription factor), RPB2 (RNA polymerase II gen), HSP (heat shock protein), TEF (Transcription Factor) genleri kriptik türleri ortaya koymada daha başarılıdır. Küfler doğada yaygın olarak bulunan çoğu saprofitik mantarlardır. Gıda bozulmalarına veya iç mekan hasarlarına yol açabildikleri gibi bitkiler, hayvanlar ve insanlarda enfeksiyonlara sebep olurlar. Çeşitli patojenler hektarlarca tarım ürününü yok edebilir veya hayvan sürülerindeki mantar enfeksiyonları birçok hayvanın kaybına neden olabilir. İnsanlardaki küf enfeksiyonları, deri ve tırnak enfeksiyonlarından bağışıklık sistemi zayıflamış hastalarda görülen invaziv ve yayılmış formlara kadar çeşitlilik gösterir. Mantar türlerinin hepsi insanlarda ve hayvanlarda aynı antifungal duyarlılığa veya aynı patojeniteye sahip değildir. Sonuç olarak, bunların kesin olarak tanımlanması, neden oldukları enfeksiyonları teşhis etmek ve yönetmek için önemlidir. Bu oturumda küflerdeki kriptik türler tartışılacak ve özellikle insanlarda hastalık oluşturan *Aspergillus*, *Fusarium*, *Scedosporium*, *Trichopyton* tür komplekslerinden bahsedilecektir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mayalarda Kriptik Kökenler ve Direnç

Dr. Burcu Dalyan CİLO

Son yıllarda, *Candida albicans*, *Candida parapsilosis* ve *Candida glabrata* gibi önemli patojenik *Candida* türlerinin taksonomisi, yakın ilişkili yeni türlerin tanımlanması nedeniyle köklü değişikliklere uğramıştır (1). Virülans ve antifungal direnç açısından farklılık göstermeleri mümkün olan bu yeni *Candida* türlerinin tanımlanması klinik açıdan önemli görünmektedir (2). Tanımlamada kullanılan fenotipik yöntemler, yakın ilişkili türleri doğru bir şekilde ayırt etmek için yeterli değildir ve moleküler yöntemler gerektirmektedir. Klinik laboratuvarlarda tanınması zor bu türler "kriptik tür kompleksleri" olarak tanımlanmıştır (3).

C. albicans *Candida* cinsi içerisinde klinik örneklerden en sık izole edilen türdür ve günümüzde *C. albicans*, *C. africana* ve *C. dubliniensis*'i içeren bir tür kompleksi olarak kabul edilmektedir (4,5). *C. dubliniensis* en sık orofaringeal enfeksiyonlardan izole edilmektedir. Bunun dışında vajinal enfeksiyonlar ve invazif kandidoza yol açabildiği gösterilmiştir. *C. africana* dünya çapında çoğunlukla vajinal sürüntü örneklerinden izole edilse de, bazı çalışmalarda farklı klinik örneklerden izole edildiği bildirilmiştir, bu durum etkenin daha geniş bir klinik spektrumla ilişkili olabileceğini düşündürmektedir (6,7). *C. africana* ve *C. dubliniensis* suşlarının farklı antifungal ilaçlara duyarlılığı ile ilgili çalışmalar bu türlerin yaygın olarak kullanılan antifungal ilaçlara genellikle duyarlı olduğunu göstermiştir. Bununla birlikte, bazı *C. africana* suşlarında itrakonazol, flukonazol, vorikonazol, 5- flusitozin ve terbinafine direnç saptanmıştır (8-10). Filogenetik çalışmalar, *C. parapsilosis*' in *C. parapsilosis sensu stricto*, *C. orthopsilosis* ve *C. metapsilosis*' ten oluşan bir tür kompleksi olduğunu göstermiştir (11). *C. orthopsilosis* ve *C. metapsilosis*, *C. parapsilosis*'ten daha az virülan türler olarak bilinmekle birlikte, yüzeysel enfeksiyonlardan invazif kan dolaşımı enfeksiyonlarına kadar geniş bir yelpazede klinik oluşturabilirler (12). *C. parapsilosis* tür kompleksinde yer alan türlerde azol direnci ve ekinokandinlere karşı azalmış duyarlılık saptanmaktadır (13-15).

C. glabrata klinik izolatlarının moleküler analizi, fenotipik olarak *C. glabrata*' dan ayırt edilemeyen ancak genetik olarak farklı iki türün, *Candida nivariensis* ve *Candida bracarensis*' in varlığını ortaya çıkarmıştır (16-18). Bu türler *C. glabrata* tür kompleksini oluşturmaktadır ve kan dolaşımı enfeksiyonları, oral kandidoz, idrar yolu enfeksiyonu ve vulvovajinit gibi enfeksiyonlara yol açtıkları raporlanmıştır (19). *C. glabrata sensu stricto*' nun kompleks içerisindeki en virülan tür olduğu, ardından *C. nivariensis* ve *C. bracarensis*' in geldiği düşünülmektedir (20,21). Türlerin antifungal dirençlerinde de farklılıklar vardır. *C. glabrata sensu stricto*'nun *C. nivariensis*' e göre flukonazole, itrakonazole ve vorikonazole daha duyarlı olduğu gösterilmiştir (20-22). *C. bracarensis* suşlarında ise in vitro olarak, çeşitli azollere (flukonazol, itrakonazol ve posakonazol), amfoterisin B ve flusitozine karşı ilaç direnci saptanmıştır (23).

Güncel epidemiyolojik veriler *Candida* enfeksiyonlarının büyük çoğunluğuna *C. albicans*, *C. glabrata* ve *C. parapsilosis* gibi yaygın türlerin ve çok daha az ölçüde filogenetik olarak yakın

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



ilişkili türlerin neden olduğunu göstermektedir. Ancak, bu kriptik türlerin klinik örneklerdeki sıklığı, dağılımı ve insan hastalıklarındaki klinik rolleri hakkında kesin sonuçlar çıkarmak için mevcut verilerin çok kısıtlı olduğu belirtilmektedir (3).

Kaynaklar

1. Brandt ME, Lockhart SR. Recent taxonomic developments with *Candida* and other opportunistic yeasts. *Curr Fungal Infect Rep* 2012; 6: 170–177.
2. Borman AM, Petch R, Linton CJ, Palmer MD, Bridge PD, Johnson EM. *Candida nivariensis*, an emerging pathogenic fungus with multidrug resistance to antifungal agents. *J Clin Microbiol* 2008; 46: 933–938.
3. Criseo G, Scordino F, Romeo O. Current methods for identifying clinically important cryptic *Candida* species. *J Microbiol Methods* 2015; 111: 50–56.
4. Pappas PG, Lionakis MS, Arendrup MC, Ostrosky-Zeichner L, Kullberg BJ. Invasive candidiasis. *Nat Rev Dis Primers* 2018; 4: 18026.
5. Asadzadeh M, Ahmad S, Al-Sweih N, Khan Z. Rapid and accurate identification of *Candida albicans* and *Candida dubliniensis* by real-time PCR and melting curve analysis. *Med Princ Pract* 2018; 27: 543–548.
6. Gharehbolagh SA, Fallah B, Izadi A, Ardestani ZS, Malekifar P, Borman A, et al. Distribution, antifungal susceptibility pattern and intra-*Candida albicans* species complex prevalence of *Candida africana*: A systematic review and meta-analysis. *PLoS One* 2020; 15(8): e0237046.
7. Nikmanesh B, Ahmadikia K, Getso MI, Gharehbolagh SA, Aboutalebian S, Mirhendi H, et al. *Candida africana* and *Candida dubliniensis* as causes of pediatric candiduria: A study using HWP1 gene size polymorphism. *AIMS Microbiol* 2020; 6: 272–279.
8. Romeo O, Criseo G. *Candida africana* and its closest relatives. *Mycoses*. 2011;54(6):475–486.
9. Farahyar S, Izadi S, Razmjou E, et al. Low prevalence of antifungal resistant *Candida africana*, in the *C. albicans* complex causing vulvo vaginal candidiasis. *Heliyon* 2020; 6(3): e03619.
10. Lotfali E, Mardani M, Abolghasemi S, et al. Isolation of *Candida africana* in oral candidiasis: first report among cancer patients in Iran. *Curr Med Mycol* 2020; 6(2): 58–62.
11. Tavanti A, Davidson AD, Gow NA, Maiden MC Odds FC. *Candida orthopsilosis* and *Candida metapsilosis* spp. nov. to replace *Candida parapsilosis* groups II and III. *J Clin Microbiol* 2005; 43: 284–292.
12. Feng X, Ling B, Yang G, Yu X, Ren D, Yao Z. Prevalence and distribution profiles of *Candida parapsilosis*, *Candida orthopsilosis* and *Candida metapsilosis* responsible for superficial candidiasis in a Chinese university hospital. *Mycopathologia* 2012; 173: 229–234.
13. Brilhante RSN, Sales JA, da Silva MLQ, de Oliveira JS, Pereira LA, Pereira-Neto WA, et al. Antifungal susceptibility and virulence of *Candida parapsilosis* species complex: An overview of their pathogenic potential. *J Med Microbiol* 2018; 67: 903–914.
14. Garcia-Effron G, Katiyar SK, Park S, Edlind TD, Perlin DS. A naturally occurring proline-to-alanine amino acid change in Fks1p in *Candida parapsilosis*, *Candida orthopsilosis*, and *Candida*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



metapsilosis accounts for reduced echinocandin susceptibility. *Antimicrob Agents Chemother* 2008; 52: 2305–2312.

15. Goncalves SS, Souza ACR, Chowdhary A, Meis JF, Colombo AL. Epidemiology and molecular mechanisms of antifungal resistance in *Candida* and *Aspergillus*. *Mycoses* 2016; 59: 198–219.

16. Turner SA, Butler G. The *Candida* Pathogenic Species Complex. *Cold Spring Harb Perspect Med* 2014; 4: a019778.

17. Swoboda-Kope E, Sikora M, Golas M, Piskorska K, Gozdowski D, Netsvyetayeva I. *Candida nivariensis* in Comparison to Different Phenotypes of *Candida glabrata*. *Mycoses* 2014; 57: 747–753.

18. Sikora M, Kuthan R, Piskorska-Malolepsza K, Golas-Pradzynska M, Domański D, Augustynowicz-Kopeć E, et al. Prevalence and Antifungal Susceptibility of the Emerging Fungal Species, *Candida nivariensis*, Isolated in a Teaching Hospital in Poland. *Pol J Microbiol* 2019; 68: 303–308.

19. Angoulvant A, Guitard J, Hennequin C. Old and new pathogenic *Nakaseomyces* species: epidemiology, biology, identification, pathogenicity and antifungal resistance. *FEMS Yeast Res* 2016; 16(2): 114.

20. Hernando-Ortiz, Mateo E, Ortega-Riveros M, De-la-Pinta I, Quindós G, Eraso E. *Caenorhabditis elegans* as a Model System To Assess *Candida glabrata*, *Candida nivariensis*, and *Candida bracarensis* Virulence and Antifungal Efficacy. *Antimicrob Agents Chemother* 2020; 64: e00824-20.

21. Treviño-Rangel RD, Espinosa-Pérez JF, Villanueva-Lozano H, Montoya AM, Andrade A, Bonifaz A, et al. First Report of *Candida bracarensis* in Mexico: Hydrolytic Enzymes and Antifungal Susceptibility Pattern *Folia Microbiol* 2018; 63: 517–523.

22. Cai S, Xu J, Shao Y, Gong J, Zhao F, He L, et al. Rapid Identification of the *Candida glabrata* Species Complex by High-Resolution Melting Curve Analysis. *J Clin Lab Anal* 2020; 34: e23226.

23. Małek M, Mrowiec P, Klesiewicz K, Skiba-Kurek I, Szczepański A, Białecka J, et al. Prevalence of Human Pathogens of the Clade *Nakaseomyces* in a Culture Collection—The First Report on *Candida bracarensis* in Poland. *Folia Microbiol* 2019; 64: 307–312.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 14:30 – 15:00

Yine Yeniden Boğmaca

Dr. Melike Yaşar DUMAN

Boğmaca, *Bordetella pertussis*'in neden olduğu bakteriyel bir solunum yolu enfeksiyonudur. Özellikle bebekler ve küçük çocuklar için tehlikeli olan bu ciddi solunum yolu hastalığı, küresel olarak yaygın aşılama rağmen vakaların yeniden artmasıyla dikkat çekmektedir. Boğmaca, Avrupa Birliği/Avrupa Ekonomik Alanı (AB/AEA) ve dünya genelinde endemik bir hastalıktır. Her üç ila beş yılda bir, yüksek aşılama oranlarına rağmen daha büyük salgınların görülmesi beklenmektedir. COVID-19 pandemisi sırasında AB/AEA'da birkaç yıl sınırlı dolaşımdan sonra, 2023 yılında 25.000'den fazla boğmaca vakası bildirilmiştir ve 2024'ün Ocak-Mart ayları arasında 32.000'den fazla vaka görülmüştür. Benzer rakamlar 2016 (41.026) ve 2019 (34.468) yıllarında da gözlemlenmiştir. 2023-2024 döneminde, 17 AB/AEA ülkesinde en yüksek vaka insidansı bir yaştan altındaki bebeklerde raporlanırken, altı ülkede 10-19 yaş arası ergenlerde en yüksek insidans bildirilmiştir. Ölümün çoğunluğu bebekler arasında olmuştur. Semptomlar genellikle enfeksiyondan 7 ila 10 gün sonra ortaya çıkar, ancak 21 gün kadar sonra da görülebilir. Başlangıçta belirtiler, hapsirme, burun akıntısı, hafif ateş ve hafif öksürük gibi sıradan bir soğuk algınlığı belirtilerine benzer. Ancak iki hafta içinde öksürük daha şiddetli hale gelir ve çok sayıda hızlı öksürük ile ardından gelen "boğuk" sesle karakterize edilir ve sonrasında kusma gözlemlenebilir. Küçük bebeklerde tipik "boğuk" ses görülmeyebilir ve öksürük nöbetlerini kısa süreli nefes durmaları izleyebilir. Boğmaca, üç aydan küçük, aşılanmamış bebeklerde ciddi komplikasyonlara ve hatta ölüme neden olabilmektedir. Hastaneye yatışlarda destekleyici tedavi, özellikle çok küçük bebekler veya ağır hastalık geçiren daha büyük çocuklar için son derece önemlidir. Tedavisinde makrolid grubu antibiyotikler, özellikle erken dönemde eritromisin kullanılmaktadır. Ancak, son zamanlarda makrolidlere dirençli *B. pertussis* suşlarının ortaya çıkması, halk sağlığı açısından önemli sorunlar yaratmakta, tedavi başarısızlıklarına ve hastalığın daha fazla yayılmasına neden olmaktadır. Boğmacanın tanısı, klinik sunumu diğer solunum yolu enfeksiyonlarını taklit edebilmesi nedeniyle zordur. Geleneksel olarak kültür yöntemi altın standart kabul edilir ancak *B. pertussis*'in zor üremesi nedeniyle, duyarlılık ve hızlı sonuçlar sunması göz önüne alındığında moleküler testlerin kullanımı ön plana çıkmaktadır. Serolojik testler, özellikle pertussis toksine karşı antikorların saptanması, boğmaca tanısında önemli rol oynar. Sonuç olarak, *Bordetella pertussis*, özellikle savunmasız popülasyonlarda ciddi solunum yolu hastalığına neden olmaktadır. Yirminci yüzyılın ortalarında aşılama yaygın kullanıma girmesiyle büyük ölçüde kontrol altına alınmış bir hastalık olsa da son yıllarda dünya genelinde vakaların yeniden artış göstermesi, bu eski hastalığın aslında halen ciddi bir tehdit oluşturduğunu gözler önüne sermektedir. Virülans faktörlerinin etkileşimi, antibiyotik direncinin ortaya çıkışı, tanı ve tedavinin karmaşıklığı, boğmaca yönetiminde sürekli araştırma ve dikkat gerektirmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Aşılama, en etkili önleyici tedbir olmaya devam etse de hastalığın yeniden artışı, toplumda yüksek bağışıklık seviyelerini korumak için stratejilerin düzenlenmesini gerektirmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 16:30 – 17:00

Viral Enfeksiyonlarda Hücresel İmmüniteyi Nasıl Değerlendirelim?

Dr. Salih Haldun BAL

Virüslerle immün sistemin kavgası neredeyse yaşamın başlangıcından beri süregelmektedir. Bu mücadelenin uzun dönemde net bir kazananı olmadığı gibi, iki tarafın birbirini güçlendirdiğini söylemek yanlış olmaz. Günümüze değin birlikte evrilerek gelen bu iki yapının insandaki savaşında immün sistem bazı silahlar kullanmaktadır ve çok genel bir yaklaşımla doğal ve edinsel immünitenin humoral ve hücresel mekanizmalarının bu savaşın araçları olduğunu söylemek mümkündür. Doğal immünitenin interferonlar gibi humoral, doğal öldürücü hücreler (natural killer; NK) gibi hücresel elemanlarının oluşturduğu tepkiye, edinsel immünitenin antikorlar gibi humoral ve T lenfositler gibi hücresel elemanlarının oluşturduğu tepkinin eklenmesiyle anti-viral immün yanıt şekillenmiş olur. İmmün sistemin humoral ve hücresel parametrelerin değerlendirilmesi viral bir enfeksiyon hastalığının izleminde, aşılama sonrası aşı etkinliğinin değerlendirilmesinde önemlidir. Bu bölümde virüslere karşı gelişen hücresel immün yanıtın incelendirilmesinde yararlanılacak yöntemler özetleneceği için hedef parametreler olarak NK ve T hücreler ile onlara ait IFN- γ gibi sitokinler ve diğer moleküller seçilmiştir. Hücresel immün yanıtın değerlendirilmesinde öncelikle CD8⁺ T hücreler (sitotoksik T hücreler; Tc) hedef alınmaktadır. Çünkü virüsle enfekte hücreleri yok etmekle görevli hücreler başlıca Tc hücrelerdir. Bazen virüsler Tc'lerden kurtulabilmektedirler. O zaman karşılına NK hücreler çıkmaktadır. Tc ve NK hücreler virüsle enfekte hücrelerin parçalanmasına ve apoptozuna neden olarak anti viral etki gösterirler. Bu etkiyi de hedef hücre üzerine salgıladıkları sitoplazmik granülleri (perforin ve granzim B) sayesinde hedef hücrelerde açtıkları porlar aracılığıyla yaparlar. CD4⁺ T hücreler (Th) ise kendileri virüsle enfekte hücreye saldırarak etki göstermezler. Çünkü böyle bir fonksiyonları bulunmaz. İmmün sistemin organizatör hücreleri olan bu hücreler asıl etkilerini çeşitli mekanizmalarla diğer hücrelerin sitotoksik etkilerini güçlendirerek ve başlıca IFN- γ olmak üzere diğer sitokinleri üreterek yaparlar. Hücresel immün yanıtı değerlendirmek için Tc, Th ve NK hücrelerin miktarları ve dağılımları, canlılıkları, aktivasyon durumları, degranülasyon durumları, proliferatif kapasiteleri, fonksiyonel becerileri incelenir. Ayrıca bu hücrelerin salgıladığı veya ortama bıraktığı sitokinler gibi mediyatörler, perforin, granzim B gibi moleküller de değerlendirilir. Bu değerlendirmeleri yapabilmek için Flow-Cytometer (FC), Real-Time PCR, Microarray, Lateral Flow Assay, ELISA, ELISPOT, Cytokine Bead Array ve Multiplex Bead-Based Assays gibi çeşitli yöntemlerden faydalanılabilmektedir. En yaygın olarak FC ve ELISA yöntemlerinden yararlanılsa da burada bahsedilen yöntemler sadece araştırma amacıyla kullanılmaktadır. Rutin kullanım için ekonomik engeller, yetkinlik sorunları, zaman ve ekipman yetersizliği gibi nedenlerden dolayı uygun değildirler. Bu yüzden kolay uygulanabilen, hızlı sonuç veren, yüksek maliyetli ekipman gerektirmeyen yöntemlerin geliştirilmesine ihtiyaç vardır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Kaynaklar

- Abbas AK, Litchman AH, Pillai S. Cellular and Molecular Immunology. 10th ed. 2022.
- Male D, Peebles SR, Male V. Immunology. 9th ed. 2021.
- Kumari D, et al. Flow Cytometry Profiling of Cellular Immune Response in COVID-19 Infected, Recovered and Vaccinated Individuals. Immunobiology 2023, 228, 152392.
- Chu C, et al. TCell proliferation assay for the detection of sars-cov-2-specific t-cells. Clin Chim Acta (2022) 532:130–36.
- Vandamme, C. et al. Tetramer-Based Enrichment of Preexisting Anti-AAV8 CD8+ T Cells in Human Donors Allows the Detection of a TEMRA Subpopulation. Front Immunol. 2020, 10, 3110.
- El Haddad L, et al. The ability of a Cytomegalovirus ELISPOT Assay to predict outcome of low-level CMV reactivation in hematopoietic cell transplant recipients. J Infect Dis (2019) 219:898–907.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 08:30 – 09:00

Bakteriyofajlar ve Biyofilm

Dr. Blent BOZDOĖAN

Salon C / 09:00 – 10:30

Gıda Kaynaklı Zoonotik Hastalıklar ve Mcadele

Dr. Hakan YARDIMCI

Zoonotik hastalıklar, hayvanlardan insanlara bulaşabilen patojenlerin neden olduėu enfeksiyonlardır. Bu hastalıklar, genellikle gıda yoluyla insanlara bulaşmakta ve bu nedenle "gıda kaynaklı zoonotik hastalıklar" olarak adlandırılmaktadır. Dnya Saėlık rgt (DS), her yıl dnya genelinde milyonlarca insanın bu tr hastalıklara yakalandıėını ve bu durumun ciddi saėlık sorunlarına yol aėtıėını rapor etmektedir. Gıda kaynaklı zoonotik patojenler arasında *Salmonella*, *Escherichia coli* (*E. coli*), *Campylobacter* ve *Listeria* gibi bakteriler, çeşitli virsler ve parazitler bulunmaktadır.

Gıda kaynaklı zoonotik hastalıkların etiyolojisi karmaşıktır ve çeşitli faktrlere baėlıdır.

Patojenlerin kaynakları arasında çiftlik hayvanları, yaban hayatı, su kaynakları ve çevresel kontaminasyon yer alır. Gıda kaynaklı zoonotik hastalıklar, genellikle kontamine gıdaların tketimi yoluyla insanlara bulaşır. Gıda retim zincirinin herhangi bir aşamasında (çiftlikten sofraya kadar) patojenlerle kontaminasyon gerekleşebilir. rneėin, gıda retiminde kullanılan suyun kontamine olması, sebzeler zerinde patojenlerin birikmesine neden olabilir. Benzer şekilde, et ve st rnlerinin uygun olmayan sıcaklıklarda depolanması veya pişirilmesi, bu gıdalarda patojenik mikroorganizmaların remesine yol aabilir.

Bu hastalıklar, halk saėlıėı zerinde ciddi etkiler yaratır. Akut gastrointestinal enfeksiyonlar, gıda kaynaklı zoonotik hastalıkların en yaygın semptomları arasında yer alır). Bununla birlikte, bazı patojenler, zellikle immn sistemi zayıf bireylerde, sepsis, bbrek yetmezliėi ve nrolojik bozukluklar gibi daha ciddi komplikasyonlara yol aabilir). Ayrıca, bu hastalıkların ekonomik maliyeti de olduka yksektir; saėlık hizmetleri zerindeki yk, iřėc kaybı ve gıda ticaretindeki kayıplar, ekonomiler zerinde olumsuz etkilere yol aar.

Gıda kaynaklı zoonotik hastalıklarla mcadelede, entegre bir yaklaşımla benimsenmesi gereklidir.

Bu baėlamda, nleme ve kontrol stratejileri, hayvan saėlıėının korunmasından gıda hijyenine ve tketici bilincinin artırılmasına kadar geniř bir yelpazede ele alınmalıdır. Buna gre ařaėıda aıklanan nlemler nem tařımaktadır.

1. Hayvan Saėlıėının Korunması: Gıda kaynaklı zoonotik patojenlerin oėu, hayvanlardan insanlara bulaştıėı iin, çiftlik hayvanlarının saėlıėının korunması byk nem tařır. Hayvanların aşılanması, hastalık taramaları ve uygun beslenme gibi veterinerlik uygulamaları, patojenlerin yayılmasını azaltmak iin kritik nlemler arasındadır.

**13-17 Kasım
2024**

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Et ve st rnleri gibi gıdaların iřlenmesi sırasında apraz kontaminasyonun nlenmesi, bu srelerin gvenliėini artırır. Ayrıca, Hazard Analysis and Critical Control Points (HACCP) gibi risk ynetimi sistemleri, gıda retim zincirindeki kritik noktaları izleyerek olası tehlikelerin nne geebilir.

3. Tketiciler Bilinlendirilmesi: Tketicilerin, gıdaların gvenli bir řekilde saklanması, hazırlanması ve piřirilmesi konusunda bilinlendirilmesi de gıda kaynaklı zoonotik hastalıkların nlenmesinde hayati bir rol oynar. Bu baėlamda, gıda gvenliėi eėitimi ve farkındalık kampanyaları, zellikle evde gıda hazırlama srelerinde hijyenin nemini vurgulamalıdır.

4. Kresel iřbirliėi ve Dzenleyici erevesel: Gıda kaynaklı zoonotik hastalıklarla etkili bir řekilde mcadele edebilmek iin ulusal ve uluslararası dzeyde iřbirliėi ve koordinasyon saėlanmalıdır. Bu, gıda gvenliėi standartlarının uyumlařtırılması, bilgi paylařımı ve acil durum mdahale mekanizmalarının geliřtirilmesini ierir

Etkili bir mcadele iin bilimsel arařtırmaların artırılması ve elde edilen bulguların politika yapıcılara rehberlik etmesi gerekmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Zoonotik Coronavirus'lar

Dr. Seda TEZCAN ÜLGER

Coronavirus (CoV)'lar insanlar, domuzlar, kümes hayvanları, fareler, kediler, köpekler, develer, yarasalar, pangolinler ve diğer hayvan türleri (tavşanlar, vizonlar, beluga balinaları, ördekler, Kanada kazları ve beç tavuğu) dahil olmak üzere çok çeşitli konakçıları enfekte edebilir. Bu kadar geniş bir konak yelpazesi, büyük ölçüde virusların doğadaki yüksek mutasyon oranlarına ve genom rekombinasyon olaylarına bağlıdır. CoV'ların S genindeki genetik rekombinasyon CoV virulansının, doku tropizminin değişmesine ve hatta yeni CoV'ların ortaya çıkmasına önemli ölçüde katkıda bulunur. CoV'lar arasındaki rekombinasyonun SARS-CoV, HCoV NL63, HCoV HKU1, infectious bronchitis virus (IBV), canin respiratory CoV (CRCoV), bulaşıcı gastroenterit virusu (TGEV) ve feline CoV (FCoV) gibi yeni patotiplerin ortaya çıkmasına katkıda bulunduğu düşünülmektedir. Ayrıca, S proteinindeki değişiklikler neticesinde, CoV'ların türler arası bulaşmasının en çarpıcı örnekleri SARS-CoV, MERS-CoV ve SARS-CoV-2'dir.

Alphacoronavirus 1 içinde yer alan CCoV'ların farklı genotipleri (I, II) köpeklerde orta veya şiddetli enterik hastalığa neden olmaktadır. TGEV, CCoV-II ve FCoV-II'nin, gen kaybı ve rekombinasyon yoluyla CCoV-I ve FCoV-I'den kaynaklandığı bildirilmiştir. Bu, CCoV'ların/Alphacoronavirus 1 türlerinin karmaşık evrimini ve bunların farklı konakçıları enfekte ederek değişken klinik hastalığa neden olma yeteneklerini göstermektedir.

Malezya'da 2017-2018 yıllarında pnömonili hastalara ait nazofaringeal sürüntü örneklerinin %2.5'inde CCoV RNA'sının saptandığı ilk defa bildirilmiştir. Bu hastaların çoğunun evcil veya yaban hayatı ile sürekli temas halinde olan kırsal alanda yaşayan çocuklar olduğu belirtilmiştir. Hücre kültüründe üretilen bir izolatın tüm genom analizi, "CCoV-insan pnömonisi (HuPn)-2018" olarak adlandırılan yeni bir köpek-kedi rekombinant Alphacoronavirus (genotip II) olarak tanımlanmıştır. CCoV-HuPn-2018 genomunun çoğu, CCoV TN-449 ile daha yakından ilişkiliyken, S geni, CCoV-UCD-1 (S1 alanı) ve bir kedi CoV WSU 79-1683 (S2 alanı) [CCoV UCD-1/FCoV WSU 79-1683 S protein] ile önemli ölçüde sekans benzerliği paylaştığı belirtilmiştir.

Bu veriler, Alphacoronavirus 1 türünün "canine-feline-porcine-benzeri" (CFPL) CoV'larının insanları enfekte edebileceği ve insanlarda akut solunum yolu hastalığı (hCFPL-CoV'ler) ilişkili olabileceğine dair ilk önemli kanıtı sağlamıştır. Eğer bu izolatın patojen olduğu doğrulanırsa, insanlarda hastalığa neden olduğu bilinen sekizinci türü olabilir. Bu sebeple, hayvan CoV'larının halk sağlığı tehdidi oluşturma yönünden surveyans yapılması gerektiği vurgulanmıştır.

Diğer yandan Haiti'ye giden ve dönüşte halsizlik ve ateş gibi belirtiler gösteren bir sağlık ekibinin idrar örneğinden de yeni bir CoV saptandığı ve yakın zamanda Malezya'da pnömonili bir hastada tanımlanan rekombinant CCoV ile %99.4 benzetlik gösterdiği ortaya konulmuştur. Aslında bu çalışmaların bir ilk olmadığı, akut solunum yolu hastalığı olan hastalarda hCFPL-CoV'larının daha önce bildirildiği fark edilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bunlardan biri 2002-2003'te Tayland'da (Bangkok) akut alt solunum yolu enfeksiyonu olan sekiz pediatrik hastada (ayakta veya hastanede yatan) hCFPL-CoV saptandığı bildirilmiştir. Yine 2010 yılında ABD'de (Arkansas) akut influenza benzeri hastalığı olan üç influenza negatif hastada hCFPL-CoV'ların tanımlandığı bildirilmiştir.

Özetle, önceki ve güncel veriler, genetik olarak heterojen hCFPL-CoV'ların, farklı kıtalarda insanlarda sirküle olduğunu ve solunum yolu hastalığı ile ilişkili olduğunu göstermektedir. Tanımlanan farklı hCFPL-CoV grupları içinde ve arasındaki yüksek genetik heterojenlik, hCFPL-CoV'lar ile küme enfeksiyonlarının bireysel zoonotik "spillover" olayları olarak ortaya çıkabileceği belirtilmektedir. İnsanlarda hCFPL-CoV'ların potansiyel olarak ciddi solunum yolu hastalığı ile ilişkisine yönelik mevcut kanıtlar göz önüne alındığında; hCFPL-CoV prevalansı, insandan insana bulaşma, patojenik potansiyeli ve genetik kompozisyon ile ilgili ileri çalışmalara öncelik verilmelidir. Dolayısıyla bu analiz, insan-hayvan ara yüzünde bu zoonotik CoV'ları tanımlanması için sürekli surveyanın önemi vurgulamaktadır.

Ek olarak, Betacoronavirus'lar arasındaki ortak replikasyon sinyal elementleri, grup üyeleri içinde yüksek bir rekombinasyon potansiyeli olduğunu göstermektedir. BetaCoV 1, oldukça farklı konakçı türlerde tespit edilen suşları içermesi bakımından diğer birçok CoV türünden farklıdır. Sığır CoV'u (BCoV) en iyi çalışılan temsilcisidir. BCoV'lar, süt sığırlarında yaygın olarak kış dizanterisi ve yeni doğan buzağı ishali ile ilişkilidir. BCoV, 6 yaşındaki bir çocukta BCoV benzeri enterik virus CoV-44/US/94 (BetaCoV1) izole edildikten sonra, halk sağlığıyla ilgili endişe oluşturmaya başlamıştı. Bu da sığır benzeri CoV'ların zoonotik kaynaklarla temas halinde insanlara bulaşma ve enfeksiyonlara neden olma potansiyelini ortaya koymuştur. Ayrıca, BCoV'lar solunum yolu etkeni HCoV-OC43 ile yakından ilişkilidir, bu durum OC43'ün BCoV kaynaklı olabileceğini düşündürmektedir.

Bu patojenlerin kökeni ve evrimi günümüzde önemli ölçüde incelenmiştir ve hayvan kökenlerinin ve rekombinasyon olaylarının bugün içinde bulunduğumuz salgının sorumlusu CoV'lara yol açmada etkili olduğuna inanmak için oldukça yeterli bir sebeptir.

Kaynaklar

1. Alekseev, K.P., Vlasova, A.N., Jung, K., Hasoksuz, M., Zhang, X., Halpin, R., Wang, S., Ghedin, E., Spiro, D., Saif, L.J. 2008. "Bovine-like coronaviruses isolated from four species of captive wild ruminants are homologous to bovine coronaviruses, based on complete genomic sequences", Journal of Virology, 82(24), 12422-12431.
2. Cimolai, N. 2020. "Features of enteric disease from human coronaviruses: Implications for COVID-19", Journal of Medical Virology, 92(10), 1834-1844.
3. Clark, M.A. 1993. "Bovine coronavirus", British Veterinary Journal, 149(1), 51-70.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



4. Corman, V.M., Muth. D., Niemeyer. D., Drosten, C. 2018. "Hosts and Sources of Endemic Human Coronaviruses", *Adv Virus Res*, 100, 163-188.
5. Haake, C., Cook, S., Pusterla, N., Murphy, B. 2020. "Coronavirus Infections in Companion Animals: Virology, Epidemiology, Clinical and Pathologic Features" *Viruses*, 12(9), 1023.
6. Lednicky, J.A., Tagliamonte, M.S., White, S.K., Blohm, G.M., Alam, M.M., Iovine, N.M., Salemi, M., Mavian, C., Morris, J.G. 2022. "Isolation of a Novel Recombinant Canine Coronavirus From a Visitor to Haiti: Further Evidence of Transmission of Coronaviruses of Zoonotic Origin to Humans", *Clin Infect Dis*, 75(1), e1184-e1187.
7. Lin, C.N., Chan, K.R., Ooi, E.E., Chiou, M.T., Hoang, M., Hsueh, P.R., Ooi, P.T. 2021. "Animal Coronavirus Diseases: Parallels with COVID-19 in Humans", *Viruses*, 13(8), 1507.
8. Silva, C.S., Mullis, L.B., Pereira, O. Jr., Saif, L.J., Vlasova, A., Zhang, X., Owens, R.J., Paulson, D., Taylor, D., Haynes, L.M., Azevedo, M.P. 2014. "Human Respiratory Coronaviruses Detected In Patients with Influenza-Like Illness in Arkansas, USA", *Virol Mycol*, 2014(Suppl 2), 004.
9. Theamboonlers, A., Samransamruajkit, R., Thongme, C., Amonsin, A., Chongsrisawat, V., Poovorawan, Y. 2007. "Human coronavirus infection among children with acute lower respiratory tract infection in Thailand" *Intervirology*, 50(2), 71-7.
10. Vlasova, A.N., Toh, T.H., Lee, J.S., Poovorawand, Y., Davise, P, Azevedof M.S.P., Lednicky, J.A., Saif, L.J, Gray, G.C. 2021. Animal alphacoronaviruses found in human patients with acute respiratory illness in different countries. *Emerging Microbes & Infections*, VOL. 11
11. Vlasova, A.N., Diaz, A., Damtie, D., Xiu, L., Toh, T.H., Lee, J.S., Saif, L.J., Gray, G.C. 2022. "Novel Canine Coronavirus Isolated from a Hospitalized Patient With Pneumonia in East Malaysia", *Clin Infect Dis*, 74(3), 446-454
12. Zhang, X., Herbst, W., Kousoulas, K.G., Storz, J. 1994. "Comparison of the S genes and the biological properties of respiratory and enteropathogenic bovine coronaviruses", *Archives of virology*, 134(3-4), 421-426.
13. Zhang, G., Li, B., Yoo, D., Qin, T., Zhang, X., Jia, Y., Cui, S. 2021. "Animal coronaviruses and SARS-CoV-2.", *Transbound Emerg Dis*, 68(3), 1097-1110.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tularemi: Yeniden Gündemde mi?

Dr. Hülya ŞİMŞEK

Tularemi, *Francisella tularensis* bakterisinin neden olduğu vektör kaynaklı bulaşıcı bir hastalıktır. Dünyada 30-71° kuzey enlemleri arasında genellikle sporadik, zaman zaman da epidemiler şeklinde görülürler ve özellikle kırsal bölgelerde yaşayan insanlar için büyük risk oluştururlar. Doğada yaygın olmasına rağmen, bulaştan genelde tavşan, sincap, su ve tarla faresi, kunduz, geyik ve rakun gibi kemirici vahşi hayvanlar sorumludur. Ama keneler ve nadiren sinekler (özellikle hayvanlar-arası bakteri dolaşımında önemli) insanlara bulaşmada rol oynayabilirler. İnsandan insana bulaş söz konusu değildir.

Ülkemizde tularemi endemik seyir sergilemektedir ve en sık bulaşma yolu bakteri ile kirlenmiş su ve gıdaların tüketilmesiyle olmaktadır. Oral yolla enfeksiyon gelişimi için (Enfektif Doz) $\geq 10^8$ bakteri gereklidir. Deri ve mukozal yol ile enfeksiyon gelişimi için 10-50 bakteri yeterlidir. Avcılar, tarımla uğraşanlar, ormanda çalışanlar, doğa tutkunları, veteriner hekimler ve laboratuvar çalışanları riskli gruplardır. Tulareminin 3 glandüler (ülseroglandüler, oküloglandüler ve orofaringeal) ve 2 sistemik formu (tifoidal ve pnömonik) vardır. Dünya’da en sık ülseroglandüler form (%50-85) gözlenirken, ülkemizde orofaringeal form izlenmektedir. Tulareminin yıllara göre dağılımını incelemek, hastalığın yayılma dinamiklerini anlamak ve halk sağlığı önlemlerini şekillendirmek açısından önemlidir. Ülkemizde 1936-1953 yılları arasında 374 olgu, 1988-2004 yılları arasında 1080 olgu, 2005-2009 yılları arasında 1091 olgu varken 2009’dan sonra artarak 2011’de 5000’in üzerine çıkıp sonra inişe geçmiştir. 2016-2017’de tekrar yükselmiş ve 2022 yılına kadar endemik seyirde ilerlemiştir. 2024 yılında ise karasal iklimin hakim olduğu kışın kar yağışlı geçtiği Sivas ve çevresinde tekrar epidemi izlenmiştir. Bu salgının da rodent kaynaklı suyun kirlenmesi ile ortaya çıktığı ifade edilmektedir.

Tulareminin epidemiyolojik dağılımı, genellikle çevresel faktörler, vektörlerin dağılımı, insan davranışları ve sağlık hizmetlerinin erişilebilirliği ile doğrudan ilişkilidir. Önümüzdeki yıllarda, iklim değişikliği ve küresel hareketlilik gibi faktörler, tulareminin yayılma paternlerini etkileyebilir. Halk sağlığı yetkililerinin, tularemi riskini minimize etmek için sürekli izleme ve etkili enfeksiyon kontrol stratejileri geliştirmesi önemlidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 11:30 – 12:30

Endoskop Dekontaminasyonunda Merkezileşme

Dr. Duygu PERÇİN RENDERS

Endoskopların Mikrobiyolojik Kontrolü

Dr. Mustafa Altay ATALAY

Duodenoskopi ile ilişkili karbapenem dirençli Enterobacterales bulaşmasına dair 2013 yılında bildirilen ilk olgular kümesinin ardından Hastalık Kontrol ve Önleme Merkezi (CDC), endoskoplar ile çoklu ilaca dirençli bakterilerin bulaşması arasında bir ilişki olduğunu Gıda ve İlaç Dairesine (FDA) bildirmiştir. O zamandan bu yana, literatürde düşük insidanslarına rağmen ciddiyetleri göz önüne alındığında klinik öneme sahip olan birkaç benzer salgın bildirilmiştir. Endoskopların iç kısımlarında soyulma, çatlama, bükülme, bağlantı hasarı veya kırılma gibi sebepler enfeksiyon kaynağı olabilir ve bu durumu rutin kaçak-sızıntı testleri ile anlamak çoğunlukla mümkün olmaz. Kan, protein ve organik atıkların endoskop kanallarının içinde veya üzerinde kuruması, yıkama aşamalarının usulüne uygun olmadan yapılması, uygun olmayan dezenfektan kullanılması, dezenfeksiyon süresinin yetersiz olması ve dezenfektörün kontamine olması dezenfeksiyon işleminde başarısızlığa neden olur. Endoskopların mikrobiyolojik kontrolü bu durumların saptanması için şimdilik en iyi yöntemdir. Testler; endoskopların, dezenfektör ve otomatik yıkama cihazlarının, endoskopide kullanılan aksesuarların ve su kaynaklarının mikrobiyolojik takibini kapsamalıdır. Bakteriyel kontaminasyonun olduğu yerde viral kontaminasyonun da olabileceği unutulmamalıdır. Ancak mikrobiyolojik incelemeler virüsleri kapsamamaktadır. Mikrobiyolojik kontrol olarak; hasta florasından kaynaklanan ve/veya ortam, cihaz, personel kaynaklı mikrobiyolojik kontaminasyonların varlığı değerlendirilir. Bu amaçla genel üretim besiyerlerinde üreyen aerobik bakteriler aranır. Mikrobiyolojik kontrol sıklığı; kontrollerin ne sıklıkla yapılacağı konusu hala tartışmalıdır. Ancak dezenfektörlerin, bronkoskopların ve duodenoskopların düzenli aralıklarla kontrolden geçirilmesi önemlidir. Rutin testler arasında 3-4 aydan fazla süre olmaması önerilmektedir. Üreyen bakteri türü olası kaynak konusunda ipuçları verebilir. Stafilokok türlerinin üremesi endoskop re-kontaminasyonuna, Enterobacterales takımı üyelerinin üremesi temizlik ve/veya dezenfeksiyonun yetersiz olduğuna, *P. aeruginosa* üremesi depolama sürecinden önceki son durulamanın ve/veya kurutmanın yetersiz olduğuna, Atipik mikobakteri veya Legionella cinsi bakterilerin üremesi de su sistemlerinin ve/veya yıkayıcı dezenfektör kontaminasyonuna işaret edebilir. Çok sayıda enterik mikroorganizmanın tekrarlayan üremeleri, endoskopta mekanik bir kusuru (kaçak gibi) gösterir. Mikrobiyolojik kontrollerde cilt flora bakterilerinin üremesi, dezenfeksiyon veya temizleme işlemiyle ilgili önemli bir sorundan ziyade taşıma işlemi sırasındaki kontaminasyona işaret edebilir. Mikrobiyolojik kontrolde üreme saptanması durumunda; derhal enfeksiyon kontrol komitesine haber verilmelidir ve önlemler alınmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon C / 13:30 – 14:30

Gıda ve Su Kaynaklı Enfeksiyonlar

Dr. Yeşim SOYER

Gıdaların üretiminde de tarladan/çiftlikten çatala gıda üretim zincirindeki pek çok farklı tehlike mevcuttur ve halk sağlığına karşı önemli tehditler yaratmaktadır. Bu tehditler içme suyu ve kullanıma uygun sular için de geçerlidir. Genel olarak gıda ve su güvenliğini tehdit eden unsurlar 3 grup altında toplanabilir: kimyasal, fiziksel ve biyolojik. Özellikle, değişen seviyelerdeki hastalık yapabilme kabiliyeti ve antimikrobiyal dirençlilik potansiyelleri ile gıda kaynaklı biyolojik tehditler bu gruplar içinde önem kazanmaktadır. Bu bağlamda, tüketici güvenliğinin sağlanabilmesi için gıda üretiminde çiftlikten/tarladan çatala giden zincirin takip edilmesi ve kayıt altına alınması gerekmektedir. Gıdalarda varlığına izin verilmeyen patojen mikroorganizmaların (örneğin *Salmonella*, , *Listeria monocytogenes*, patojenik *E. coli*) tüketici güvenliğinin sağlanabilmesi için çiftlikten/tarladan çatala giden zincirden uzaklaştırılması bir zorunluluktur. Son yıllarda patojenik mikroorganizmaların ilaç dirençlilik kapasitesinin artışı insan ve hayvan sağlığı açısından endişe vericidir. Çokluilaç-dirençli (ÇİD) izolatlarının yol açtığı enfeksiyonların tedavisi son yıllarda daha da güçleşmektedir. Bu nedenle, çiftlikten/tarladan çatala kadar zincirde patojenlerin antimikrobiyal duyarlılığının tek sağlık yaklaşımı ile takip edilmesi ve de önlenmesinde ciddi adımların ivedilikle atılması gerekmektedir. Bu konuda toplumun bilgilendirilmesi önem teşkil etmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Environmental Water as a Source of Infections

Dr. João BRANDAO

Salon C / 14:30 – 16:00

Enfeksiyon Kontrolünde Çevre Kültürleri: Nasıl ve Ne Zaman?

Olgu 1: Nebülizatör Kaynaklı *K.pneumoniae* Salgının İncelenmesi

Dr. Meryem GÜVENİR

Çevre ve Yüzey kültürleri ile ilgili henüz daha standardize edemediğimiz şu sorular ile ilgili hala daha araştırmalar devam etmektedir. Örneğin; “Çevre ve yüzey kontaminasyonu bulaşta önemli mi?”, “Temizliğin denetimini yapmak için kültür alınmalı mı?” ya da “ Hangi yöntem kullanılmalı?”2 gibi cevaplanması gereken çokça sorular bulunmaktadır. Ancak; yapılan çalışmalar bizlere şunu göstermiştir ki hastane infeksiyonları kompleks bir süreçtir ancak sistematik iyi denetlenmiş ve organize edilmiş araştırmalar ile nedenler ortaya konulabilir. Literatür taramalarında cansız yüzeylerde kontaminasyonun yoğunluğu ve hastane infeksiyonlarının rolünü araştıran yayınlarda ölçüm tekniklerinin farklı olması, temizlik protokollerindeki farklılıklar konunun standardize olmasını zorlaştırmaktadır. Olgu sunumunda, yoğun bakım ünitesinde (YBÜ) *S. maltophilia* enfeksiyonlarının tanımlanmasını ve bu enfeksiyonlara karşı nasıl önlem aldığımız anlatılacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yoğun Bakımlarda Dirençli Mikroorganizmaların Hızlı Tanısı ve Direnç Tespiti Mümkün mü?

Olgu 2: Bir Yoğun Bakım Ünitesinde Karbapenem Dirençli *K.pneumoniae* İzolatlarının Analizi

Dr. Yeliz ÇETİNKOL

Patojenlerin Sessiz Yayılımı: Önemli mi? Önlenebilir mi?

Olgu 3: Üçüncü Basamak Bir Hastanede Bir Haftalık Moleküler Epidemiyolojik Çalışma

Dr. Elif Seren TANRIVERDİ

Sağlık hizmeti ilişkili enfeksiyonlar (SHİE), tüm dünyada önemli bir sağlık yükü oluşturarak hasta mortalitesini ve morbiditesini artırmakta, hastane kalış süresini uzatmaktadır. Bu enfeksiyonlar geniş cerrahi operasyon geçiren hastalar, kanser hastaları, organ yetmezliği hastaları, transplant hastaları, yaşlılar ve engelliler gibi risk altındaki gruplarda tedavi başarısını tehdit etmektedir. Sağlık hizmeti ilişkili enfeksiyonlara neden olan patojenlerde hızla artan antimikrobiyal direnç, hizmet yükünü daha da artırmaktadır. Bu sebeplerle SHİE'lerin önlenmesinde enfeksiyon kontrol önlemlerinin uygulanmasının günümüzde en mantıklı strateji olduğu düşünülmektedir. Hastanede yatan hastalar; koruyucu anatomik bariyerlerin bozulması, stres faktörleri, organ yetmezliği ve bağışıklık sistemini olumsuz etkileyen bazı tedaviler nedeniyle enfeksiyon geliştirme riski taşırlar. Patojenler hastaların kendi vücut florasından (endojen) veya diğer hastalar, fiziksel çevre veya sağlık çalışanları gibi dış kaynaklardan (ekzojen) yayılabilir. Ancak SHİE gelişim dinamikleri genellikle daha karmaşık yollar ve mekanizmalara sahiptir. Hastanede yatan hastalarda enfeksiyon gelişim ve patojen yayılım modellerini anlamak SHİE'lerin azaltılmasında yol gösterici olacaktır.

Enfeksiyon kontrol önlemlerinin etkinliğinin önemli göstergelerinden biri SHİE atak hızlarıdır. Bazı patojenlerin SHİE oranlarının artması hasta bakımında ve/veya enfeksiyon kontrol önlemlerine uyumda sorunlar olduğunu gösterir. Belirli bir patojen türünün artış göstermeye başlaması genellikle enfeksiyon kontrol önlemlerine uyumda sorunlar olduğunun erken göstergelerinden biri olarak kabul edilir. Öte yandan enfeksiyon kontrol önlemlerine uyum ile ilgili bir sorun olmadığında ve SHİE oranı hastanede önceden belirlenen optimal seviyenin altında olduğunda tespit edilen enfeksiyonlar adeta sessiz yayılımlar olup üzerinde tartışılması gereken bir konu olmaya devam etmektedir.

Sağlık hizmeti ilişkili enfeksiyonların daha etkin şekilde önlenmesi için halihazırda enfeksiyon kontrol önlemlerinin uygulandığı bir hastanede kaç tane daha SHİE'un önlenabilir olduğunu bilmek önemlidir. Bu enfeksiyonların geniş bir perspektiften detaylı şekilde incelenmesiyle hedefe uygun enfeksiyon kontrol önlemleri geliştirilebilir ve hastanelerde enfeksiyon oranlarının azaltılmasına katkı sağlanabilir. Ancak bu konudaki bilgi oldukça sınırlıdır. Stabil SHİE atak hızına sahip hastanelerde patojen izlemenin yanında patojenlerin klonal ilişkilerinin araştırılması, sonuçların ayrıntılı hasta verileriyle birlikte düzenli aralıklarla incelenmesi büyük önem taşıyacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Bu arařtırmalar bize hangi personel, ekipman veya aracın enfeksiyon kontrol nlemlerinde aksaklıklara neden olduėunu veya hangi uygulamadaki yetersizliėin SHİE yayılımıyla en sık iliřkili olduėunu ve sorunu zmek iin ncelikle nereye odaklanmamız gerektiėini gsterecektir. Bu nedenle kullanımı kolay, hızlı uygulanabilen ve yorumlanabilen yksek kapasiteli yntemlerin geliřtirilmesi nemlidir. Her bir SHİE'un geliřim dinamiklerinin molekler epidemiyolojik aralarla analiz edilmesi, zayıf noktaların tespitine ynelik etkin alıřmaların bařlatılması ve her bir SHİE patojeninin yayılım zelliklerinin anlařılması kresel bir acil durum krizi haline gelen antimikrobiyal diren sorununun zmne de katkı saėlayacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 16:30 – 17:30

Trkiye'de Hantavirsler bir Tehdit mi? Son Durum...

Dr. Mehmet Ali KTEM

Orthohantavirsler hantaviridae ailesinin yesi olup, zarflı, negatif polariteli, tek iplikli ve  segmentten oluřan RNA genomuna sahiptir. Doęadaki temel konakları kemiriciler ve kk memeliler olan Orthohantavirsler iim insan tesadfi konaktır. Enfeksiyon insanda sıklıkla virs taşıyan ve saan hayvanların idrar, dıřkı, salya gibi salgıları ile kontamine toz ve havada bulunan viral partikllerin solunması ile bařlamaktadır daha nadiren ise taşıyıcı konak ile direk temas sonucunda ortaya ıkabilmektedir (1).

Gemiřte ve hlen bazı belgeler ile yayınlarda alışkanlık veya yaygın kullanım nedeniyle Hantavirs olarak adlandırılan virslerin isimlendirilerek sınıflandırılması, Uluslararası Viral Taksonomi Komitesi'nin 2018 yılında aldıęı kararla deęiřtirilmiřtir. Bu karar sonucunda, daha nce Hantavirus genusu olarak bilinen virslere verilen yeni ad Orthohantavirus olarak gncellenmiřtir. Genel taksonomik sınıflandırma kapsamında, daha nce Hantavirus genusu altında deęerlendirilen yeler, Bunyavirales takımı ierisinde yer alan bir aile olarak kabul edilerek Hantaviridae ailesi oluřturulmuřtur. Bu doęrultuda, insanlarda hem renal sendromlu kanamalı ateře (RSKA) hem de Hantavirs pulmoner sendromuna (HPS) neden olan bu grup virs trleri, Bunyavirales takımına baęlı olarak Hantaviridae ailesinde bulunmakta ve Orthohantavirus genusunda sınıflanmaktadır (2).

Orthohantaviruslerin coęrafi yayılımı, taşıyıcı konaklarının daęılımına gre deęiřiklik gstermektedir. Bu nedenle Orthohantavirusler, temel olarak iki kategoriye ayrılır: Yeni Dnya Orthohantavirsleri ve Eski Dnya Orthohantavirsleri. Yeni Dnya Orthohantavirsleri, Kuzey ve Gney Amerika kıtalarında bulunur ve bu virsler insanlarda Hantavirus Pulmoner Sendromu'na (HPS) yol aar (3). Eski Dnya Orthohantavirusleri ise Avrupa, Asya ve Afrika kıtalarında yaygındır ve insanlarda Renal Sendromlu Kanamalı Ateře (RSKA) neden olur. Ayrıca, Eski Dnya Orthohantavirusleri grubuna dahil olan Puumala orthohantavirus (PUUV), insanlarda grece hafif bir klinik tablo olarak bilinen epidemik nefropatiye (EN) yol aan bir enfeksiyona sebep olmaktadır (3). Bununla birlikte PUUVn Trkiye'de mortalite ile seyreden salgınlara neden olduęu bildirilmiřtir (4,5).

2004 yılında Trkiye'de gerekleřtirilen bir saha arařtırması, kemirgenlerdeki orthohantavirus enfeksiyonlarının varlıęını ilk kez ortaya koymuřtur (6). Trkiye'de insanlar arasında bildirilen ilk orthohantavirus enfeksiyonu salgını ise 2009 yılında Zonguldak ve Bartın blgelerinden rapor edilmiřtir (4,5). Bu salgının ardından yapılan saha alıřmaları sonucunda, aynı blgede kemirgenlerden PUUV ve DOBV izole edilmiřtir (7). İlerleyen yıllarda, farklı blgelerde yapılan arařtırmalar, hem insanlarda hem de kemirgenlerde orthohantavirus enfeksiyonlarını doęrulamıřtır. (8-11).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Günümüzde, RSKA ile ilişkili olduğu bilinen yedi orthohantavirus türü tanımlanmıştır. Asya kıtasında, RSKA'nın %15'lik ölüm oranıyla daha ciddi formuna yol açan virüs Hantaan virüs (HTNV)tür. Ayrıca, Asya'da %1-2'lik ölüm oranıyla RSKA'nın daha hafif bir versiyonuna neden olan Seoul virüs (SEOV) enfeksiyonları da görülmektedir. Yıllık olarak Asya'dan 40.000-60.000 yeni RSKA vakası bildirilirken, bu vakaların %99'u Çin kaynaklıdır (12,13). Asya'da sık bildirilen RSKA etkenlerinden HTNV ve SEOV'un en yaygın taşıyıcıları sırasıyla Apodemus agrarius ve Rattus norvegicus türü memelilerdir (12). Avrupa'da ise, her yıl yaklaşık 9.000 RSKA vakası, çoğunlukla PUUV kaynaklı olmak üzere rapor edilmektedir. PUUV enfeksiyonları genellikle Myodes glareolus aracılığıyla insanlara geçmekte ve bulaştığı kişilerde RSKA'nın nispeten hafif bir formu olan EN'ye sebep olmaktadır. PUUV enfeksiyonları çoğunlukla Rusya'nın Avrupa bölgesi, Finlandiya ve İsveç'ten bildirilmekle beraber, sonraki yıllarda Belçika, Almanya, Fransa, Norveç, Macaristan, Avusturya, Slovenya ve Türkiye'den de bildirilmiştir (5,14-16).

Özellikle Doğu Avrupa'da ve Asya'nın Avrupa'ya yakın bölgelerinde RSKA'nın ağır formuna sebep olan DOBV bulunmaktadır. DOBV'nin ana taşıyıcısı olan Apodemus flavicollis türü farelerin coğrafik dağılımı oldukça yaygın olmasına rağmen, DOBV enfeksiyonları genellikle Balkan ülkelerinden bildirilmektedir (17,18). Ayrıca Türkiye'nin Balkan yarımadasında kalan topraklarından Kırklareli'nde ve İstanbul'da Anadolu'da ise Bartın ve Giresun'da DOBV ile enfekte kemirgen ve insan enfeksiyonları bildirilmiştir (7,8). Bu çalışmalardan birinde yine ilk defa A. flavicollis türü yanı sıra Apodemus uralensis türü kemirgenlerde de DOBV bulunduğu saptanmıştır (7). Bunlara ek olarak, DOBV'nin bir alt soyu olan Saaremaa virüs (SAAV veya DOBV-Aa) RSKA'nın daha ılımlı bir formuna sebep olmaktadır. SAAV'nin taşıyıcısı olan hayvan Apodemus agrarius adındaki çizgili orman faresinin Avrupa tipidir. Oysa aynı farenin Uzakdoğu varyantı yüksek ağır ve yüksek mortalite ile seyreden RSKA etkeni olan HTNV taşımaktadır. Rusya, Almanya ve Slovakya'dan bildirilmektedir (19-21).

İnsanlarda enfeksiyon yapabilen ve görece hafif seyrettiği bildirilen Tuula virüs (TUUV) ilk defa Erzurum Palandöken'den toplanan Microtus obscurus türü farede gösterilmiş olup özellikle Orta ve Doğu Anadolu bölgesindeki illerimizde yapılan taramalarda farklı rezervuarlarda 15 yeni TUUV kökeni saptanmıştır. Bu çalışmalar kapsamında Önceden yayınlanan Sivas ilindeki pozitif kemirgenlere ek olarak, Sivas, Bingöl, Elazığ, Kars, Ardahan ve Van'da TUUV pozitiflikleri kemirgenlerde gösterilmiştir (22).

Dünya'da ve ülkemizde farklı Hantavirüs türlerine yönelik olarak farklı aşı çalışmaları yapılmakla birlikte henüz FDA tarafından onaylanmış Hantavirüs aşısı bulunmamaktadır.

Tablo1 de halen yürürlükte olan hantavirüs aşı araştırmalarının hangi virüslere karşı olduğu, ne aşamada oldukları ve kullanıldığı klinik tablolar gösterilmiştir. Ülkemizde Karadeniz kıyılarında salgınlar yapan ve insan ölümlerine neden olan DOBV türüne karşı henüz bir aşı geliştirilmemiştir. Ülkemizde de halen dünyada ilk defa olarak DOBV'e karşı geliştirilen ve OMV teknolojisi ile çalışan aşı çalışması yürütülmekte olup halen aşı geliştirme çalışmaları yürütülmektedir. (TÜBİTAK 1004 Korunma ve Tedavi Ulusal Platformu (Kortup) kapsamında [22AG076](#) nolu proje)

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Klinik Tablo	İçerik	Tıp / Aşama	Yaş	Uygulanan Kişi Sayısı	Durum
RSKA	Hantavax	Olgu- Kontrol Çalışması	20-22	129	Tamamlandı
RSKA	Hantavax	Olgu- Kontrol Çalışması	20-30	100	Tamamlandı
RSKA	İnaktif Hantavirus Aşısı	Faz 4	16-60	143	Tamamlandı
RSKA	RSKA İnaktif aşı [HNTV (tip I) ve SEOV (tip II) karışımı]	Olgu- Kontrol Çalışması	16-60	100	Tamamlandı
RSKA	HNTV/PUUV DNA aşısı/antikor karışımı	Faz 1	18-49	31	Tamamlandı
RSKA	HNTV/PUUV DNA aşısı	Faz 2a	18-49	132	Aktif, uygulamaya başlanmadı
HPS	Andes virus DNA Aşısı	Faz 1	18-49	48	Uygulanmakta
RSKA	HNTV aşısı PUUV aşısı HNTV/PUUV aşısı	Faz 1	18-49	72	Henüz uygulanmaya başlanmadı

Sonuç olarak Hantavirüsler ve bunların neden olduğu enfeksiyonlar Türkiye için zaman zaman riskli bölgelerde salgınlar yapan, endemik bölgelerde sporadik olgulara neden olan bir halk sağlığı sorunudur. Bu nedenle gerek sahada salgın araştırmaları ve izlem çalışmaları gerekse tedavi ve korunma çalışmaları gibi kapsamlı araştırmaları gerektirmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar

1. Sola-Riera C, Gupta S, Ljunggren H, Klingström J. Orthohantaviruses belonging to three phylogroups all inhibit apoptosis in infected target cells. *Sci. Rep.* 2019, 9:834.
2. <https://ictv.global/taxonomy>
3. Vaheiri A, Strandin T, Hepojoki H, Sironen T. ve ark. Uncovering the mysteries of hantavirus infection. *Nature Reviews* 2013, 11:539-550
4. Ertek M. An outbreak caused by hantavirus in the Black Sea Region of Turkey, January-May 2009. *Eurosurveillance* 2009, 14:1-2.
5. Çelebi G, Öztoprak N, Öktem IMA, Heyman P, ve ark. Dynamics of Puumala hantavirus outbreak in Black Sea Region, Turkey. *Zoonoses Public Health*. 2019; 66: 783–797.
6. Laakkonen J, Kallio-Kokko H, Oktem MA et al. Serological survey for viral pathogens in Turkish Rodents. *J Wildl Dis.* 2006;42:672-6. doi: 10.7589/0090-3558-42.3.672.
7. Oktem IMA, Uyar Y, Dincer E, Gozalan A, ve ark. Dobrava-Belgrade virus in Apodemus flavicollis and A. uralensis mice, Turkey. *Emerg. Infect. Dis.* 2014; 20.1:121-125.
8. Kaya S, Yılmaz G, Erensoy S ve ark. Hantavirus ifection: two case reports from a province in the Eastern Black Sea Region, Turkey. *Mikrobiyoloji Bulteni*, 2010, 44(3):479-487.
9. Oncul O, Atalay Y, Onem Y et al. Hantavirus infection in Istanbul, Turkey. *Emerg Infect Dis.* 2011; 17: 303-304.
10. Polat C, Ergunay K, Irmak S, et al. A novel genetic lineage of Tula orthohantavirus in Altai voles (*Microtus obscurus*) from Turkey. 2019; 67:150-158.
11. Erdin M, Polat C, Smura T et al. Phylogenetic Characterization of Orthohantavirus dobravaense (Dobrava Virus). *Emerg Infect Dis.* 2024;30(4):779-782.
12. Bi Z, Formerty PB, Roth CE. Hantavirus Infection: a rewiev and global update. *J Infect Dev Ctries.* 2008;2:23.
13. Lee HW. Hemorrhagic fever with renal syndrome in Korea. *Rev Infect Dis* 1989;11(Suppl. 4):S864-76.
14. Vapalahti O, Mustonen J, Lundkvist A et al. Hantavirus infection in Europe. *Lancet Infect Dis.* 2003;3:653-661.
15. Heyman P, Vaheiri A, Lundkvist A et al. Hantavirus infections in Europe: from virus carriers to a majör public-health problem. *Exp Rev Antiinfect Ther.* 2009;7:205-217.
16. Heyman P, Ceianu CS, Christova I, et al. A five year perspective on the situation ov haemorrhagic fever with renal syndrome and status of the hantavirus reservoirs in Europe. *Euro Surveill.* 2011;16.
17. Antoniadis A, Stylianakis A, Papa A et al. Direct genetic detection of Dobrava virus in Greek and Albanian patients with haemorrhagic fever with renal syndrome. *J Infect Dis.* 1996;174:407-410.
18. Avsic-Zupanc T, Petrovec M, Furlan P et al. Haemorrhagic fever with renal syndrome in Dolenjska region of Slovenia 10-year survey. *Clin Infect Dis.* 1999;28:860-865.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



19. Sibold C, Ulrich R, Labuda M, Lundkvist A, ve ark. Dobrava hantavirus causes hemorrhagic fever with renal syndrome in Central Europe and is carried by two different Apodemus mice species. J Med Virol 2001;63:158-67.
20. Sibold C, Meisel H, Lundkvist A, Schulz A, ve ark. Short report: simultaneous occurrence of Dobrava, Puumala, and Tula hantaviruses in Slovakia. Am J Tropic Med Hygiene 1999; 61:409-11
21. Sironen T, Vaheri A, Plyusnin A. Phylogenetic evidence for the distinction of Saaremaa and Dobrava hantaviruses. Virol J 2005; 2:90.
22. Erdin M, Smura T, Kalkan KK, et.al. Detection of divergent Orthohantavirus tulaense provides insight into wide host range and viral evolutionary patterns. NPJ Viruses 2024; 2:62

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



15 Kasım 2024, Cuma

Salon A / 09:00 – 10:30

HBV-HDV

Dr. Sinem AKÇALI

Dnya genelinde yaklaşık iki milyar kiřinin gemiřte veya řu anda HBV enfeksiyonu geirdiėi ve 296 milyon kiřinin kronik tařıyıcı (yani hepatit B yzey antijeni [HBsAg] pozitif) olduėu tahmin edilmektedir. HBsAg'nin genel prevalansının %3.5 olduėu bildirilmekte olup, bu oran coėrafi blgeye gre deėiřiklik gstermektedir. Prevalans 116 milyon enfeksiyonla en yksek Batı Pasifik Blgesi'nde olup, ardından 81 milyon enfeksiyonla Afrika blgesinde ve ardından her biri 60 milyon enfeksiyonla Doėu Akdeniz Blgesi ve Gneydoėu Asya'da bildirilmektedir. Avrupa ve Amerika kıtaları sırasıyla 14 milyon ve 5 milyon enfeksiyonla temsil edilmektedir. Beř yař altı ocuklar arasında kronik HBV prevalansı %1'den dřktr. Beř yař altı ocuklardaki dřk prevalans, global hepatit B ařı programının etkinliėini yansıtmaktadır; ancak, HBV enfeksiyonunu ocuklar arasında tamamen ortadan kaldırmak iin zellikle doėum dozu HBV ařısının daha yksek bir kapsama ihtiya duyulmaktadır.

Kronik HBV enfeksiyonu olan hastalarda HDV prevalansı alıřmalar arasında deėiřiklik gstermektedir. Bu deėiřkenlikler, kronik HBV enfeksiyonu olan kiřilerde HDV testi eksikliėi nedeniyle yksek kaliteli verilerin olmaması, HDV tarama testlerinin deėiřken doėruluėu ve toplum bazlı alıřmaların eksikliėi gibi eřitli faktrlerden kaynaklanabilir (mevcut verilerin oėu, HDV enfeksiyonu aısından yksek risk tařıyan hastalar veya daha ileri karaciėer hastalıėı olan hastalar zerine odaklanmıřtır). Tarihsel veriler, dnya genelinde yaklaşık 15 ila 20 milyon HBV tařıyıcısının HDV ile enfekte olabileceėini ne srmektedir. Kronik HDV enfeksiyonunun kresel yk zerine yapılan meta-analizler ve sistematik incelemeler, enfekte bireylerin sayısını 12 milyon ile 72 milyon arasında deėiřen tahminlerle rapor etmektedir. 2017 Dnya Saėlık rgt (DS) Kresel Hepatit Raporu, HBV enfeksiyonu olan bireylerin %5'inin HDV ile koenfekte olduėunu (yani, dnya genelinde yaklaşık 15 milyon HDV enfekte birey) tahmin etmiřtir. Bařka bir raporda, HDV prevalansının HBV hastalarında sirozda %25.8 ve hepatoseller karsinomda %19.8 olduėu tahmin edilmiřtir. HDV, genellikle HDV iin bilinen risk faktrlerine sahip gruplarla sınırlıdır (uyuřturucu enjekte eden kiřiler, gemiřte birok kan transfzyonu almıř bireyler, korunmasız cinsel davranıřlar sergileyen erkekler [rneėin, birok partnerle kondomsuz seks yapanlar] ve yksek HDV enfeksiyon prevalansına sahip lkelerden g eden kiřiler). HDV, dnya genelinde homojen bir řekilde daėılmamaktadır ve HDV enfeksiyonunun coėrafi daėılımı HBV'ninkini takip etmemektedir. rneėin, Akdeniz Havzası, Moėolistan, Moldova ve bazı Sahra

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Altı Afrika ülkelerinde prevalans yüksekken, yüksek HBV enfeksiyonu prevalansına sahip olmasına rağmen birçok Asya ülkesi nispeten korunmuştur. HDV'nin epidemiyolojisini tanımlayan verilerin büyük bir kısmının 20 yıldan fazla bir süre önce yapılan çalışmalara dayandığı ve birçok ülkede güncellenmiş bilgilere ulaşamadığı belirtilmelidir.

Bazı hepatit türleri aşı ile önlenabilir. Bir Dünya Sağlık Örgütü (DSÖ) çalışması, 2030 yılına kadar düşük ve orta gelirli ülkelerde tahminen 4,5 milyon erken ölümün aşılar, tanı testleri, ilaçlar ve eğitim kampanyaları aracılığıyla önlenebileceğini bulmuştur. DSÖ'nün tüm Üye Devletler tarafından onaylanan küresel hepatit stratejisi, 2016 ile 2030 yılları arasında yeni hepatit enfeksiyonlarını %90 ve ölümleri %65 oranında azaltmayı hedeflemektedir.

DSÖ'nün bu hedeflerine ulaşmak için küresel bir strateji geliştirmesi, bunu ülkelerin ulusal sağlık planlarına entegre etmeleri ve uluslararası işbirliklerini güçlendirmeleri teşvik edilmektedir. Bu hedeflere ulaşmak, hepatit B'yi küresel sağlık sorunu olarak azaltmayı ve halk sağlığı üzerindeki etkisini önemli ölçüde azaltmayı amaçlamaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



HCV

Dr. Bedia DİNÇ

Hepatit C virusu (HCV) Flaviviridae ailesinin Hepacivirus genusunda yer alan 14 trden birisi olup, tek zincirli RNA virusudur ve siroz ve kronik karaciğer hastalığının önemli bir nedenidir. Enfekte kan ve kan rnleri transfzyonu ile geçiř, enfekte donrden doku veya organ nakli ile geçiř, damar içi uyuşturuıcı kullanımı sırasında enjektr paylařımıyla geçiř, enfekte cihaz ve gvensiz enjeksiyon yolu ile geçiř, dvme, piercing gibi kozmetik amaçlı vcut delici iřlemlerin steril olmayan kořullarda yapılması, mukozadaki ağıklıktan (yara, çizik vs) geçiř, gebelikte anneden bebeęe geçiř (<%5), cinsel yolla geçiř (tartıřmalı olmakla birlikte birçok çalıřmada dřk oranda da olsa geçiř riski olabileceęi gsterilmiřtir) bulař yolları arasındadır. Dnya Saęlık rgt, dnya nfusunun %3,3'nn HCV virs ile enfekte olduęunu belirtmektedir.

Bugn dizi analizi sonuçlarına gre yedi majr HCV genotipi (%30-35 sekans sapması) ve birçok subtip (%15-20 sekans sapması) filogenetik olarak ayırt edilmiřtir. Daha kçk dizi farklılıkları olan viruslar ise HCV trmsleri (quasispecies) olarak adlandırılmakta ve enfekte bir bireyde farklı trmslerin dolařımı sz konusu olabilmektedir. Bu genotipler coęrafı daęılımları, tedaviye yanıtları ve klinik sonuçları ağıısından önemli lçde farklılık gsterir.

Genotip 1: Dnya çapında en yaygın genotip, zellikle Kuzey Amerika ve Avrupa'da yaygındır. Daha sonra 1a ve 1b alt tiplerine ayrılır ve 1b alt tipi Avrupa ve Japonya'da daha yaygındır.

Genotip 2: Dnya çapında daha az yaygındır ancak Batı Afrika, Japonya ve Avrupa ve Kuzey Amerika'nın bazı blgelerinde kmeler halinde bulunur. Genellikle genotip 1'e kıyasla tedaviye daha iyi yanıt verir.

Genotip 3: Gney Asya'da, zellikle Hindistan ve Pakistan'da yaygın olarak bulunur. Karaciğer steatozu ve hepatoseller karsinom (HCC) geliřtirme riskinin daha yksek olmasıyla iliřkilidir.

Genotip 4: Çoęunlukla Orta Doęu ve Kuzey Afrika'da, zellikle de en yaygın genotip olduęu Mısır'da bulunur.

Genotip 5: Çoęunlukla Gney Afrika'da bulunur, dięer yerlerde sınırlı daęılım gsterir.

Genotip 6: Çoęunlukla Gneydoęu Asya'da, zellikle Vietnam ve Tayland'da bulunur.

Genotip 7: En az yaygın olan, 2015'de Orta Afrika'da tanımlanmıřtır.

Son ICTV sınıflandırmasına gre ise HCV 8 genotipi Hindistan'dan bildirilmiřtir.

HCV epidemiyolojisini belirleyen temel faktrler řunlardır;

1. Doğrudan Etkili Antivirallerin (DAA'lar) Etkisi
2. Artan Tarama ve Farkındalık
3. Bulař Yollarında Deęiřiklikler
4. Farklı Blgelerdeki Epidemiyolojik Deęiřimler
5. Kresel Eliminasyon Çabaları
6. Gçn Etkisi
7. COVID-19 Pandemisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar:

<https://www.cdc.gov/hepatitis/hcv/>

Global Hepatitis Report 2024 at: <https://www.who.int/publications/i/item/9789240091672>

https://ictv.global/sg_wiki/flaviviridae/hepacivirus/table1

Borgia SM, Hedskog C, Parhy B et al. Shafran SD. Identification of a Novel Hepatitis C Virus Genotype From Punjab, India: Expanding Classification of Hepatitis C Virus Into 8 Genotypes. J Infect Dis. 2018 Oct 20;218(11):1722-1729. doi: 10.1093/infdis/jiy401. PMID: 29982508.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



HIV

Dr. Selma GÖKAHMETOĞLU

HIV, bugüne kadar tahmini 42,3 milyon can kaybına yol açan önemli bir küresel halk sağlığı sorunudur. Bulaşma küresel olarak tüm ülkelerde devam ediyor. 2023 yılı sonunda tahmini olarak 39,9 milyon HIV ile yaşayan insan var ve bunların %65'i DSÖ Afrika Bölgesi'ndedir. HIV enfeksiyonunun tedavisi yoktur. Ancak fırsatçı enfeksiyonlar da dahil olmak üzere etkili HIV önleme, teşhis, tedavi ve bakımına erişimle birlikte HIV enfeksiyonu yönetilebilir bir kronik sağlık durumu haline geldi ve HIV ile yaşayan insanların uzun ve sağlıklı yaşamlar sürmesini sağladı.

HIV, kan, anne sütü, meni ve vajinal salgılar dahil olmak üzere HIV ile yaşayan kişilerin vücut sıvılarıyla bulaşabilir. HIV, hamilelik ve doğum sırasında da çocuğa bulaşabilir. Antiretroviral tedavi (ART) alan ve tespit edilemeyen bir viral yüke sahip HIV ile yaşayan kişiler, cinsel partnerlerine HIV bulaştırmazlar. Bu nedenle ART'ye erken erişim ve tedaviye devam etmek için destek, yalnızca HIV ile yaşayan kişilerin sağlığını iyileştirmek için değil, aynı zamanda HIV bulaşmasını önlemek için de kritik öneme sahiptir.

Dünyanın pek çok ülkesinde HIV/AIDS açısından görülme sıklığı değişmekle birlikte, riskli cinsel davranış öyküsü olanlar, sık kan ve kan ürünleri kullananlar, madde kullananlar, mahkumlar, göçmenler, evsizler ve sağlık çalışanları yüksek riskli grupları oluşturmaktadır. Özellikle seks çalışanları, erkeklerle ilişkiye giren erkekler, transseksüeller, madde kullananlar başta olmak üzere riskli davranışta bulunan kişiler ile ülkemizde hastalık insidansının diğer yaş gruplarından yüksek olduğu 25-29 yaş arası bireylerin, HIV/AIDS Kontrol Programı kapsamında planlanacak faaliyetlerde mutlaka göz önünde bulundurulması gerektirmektedir.

HIV enfeksiyonunun özelliklerinin araştırıldığı sistematik derleme ve meta-analizde 1982-1999 ve 2000-2018 yılları kıyaslandığında zamanla fuhuş ve erkeklerle seks yapan erkekler (MSM)'lerde artış olduğu; ancak intravenöz ilaç yoluyla bulaşma, alkolizm ve enjektör paylaşımında azalma olduğu tespit edilmiştir.

The Joint United Nations Programme on HIV/AIDS (UNAIDS)'in 2025 itibariyle HIV pandemisinin sonlandırılmasını hedefleyen 95-95-95 stratejisi kapsamında HIV enfeksiyonlarının en az %95'ine tanı konulabilmesi, tanı alan bireylerin en az %95'inde antiretroviral tedavinin başlanması ve tedavi alanların en az %95'inde viral baskılanmanın sağlanması hedeflenmektedir. 2023 yılında, HIV ile yaşayan tüm insanların %86'sı durumlarını biliyordu, %77'si antiretroviral tedavi görüyordu ve %72'sinin viral yükleri baskılanmıştı. Botsvana, Esvatini, Ruanda, Birleşik Tanzania Cumhuriyeti ve Zimbabve halihazırda "95-95-95" hedeflerine ulaştı. Bu kapsamda özellikle yüksek risk taşıyan bireyler (MSM, damar içi ilaç kullananlar, seks işçileri, mahkumlar, transseksüeller, cinsel yolla bulaşan enfeksiyon öyküsü olanlar, cinsel istismara uğrayanlar, HIV ile enfekte olan bireyin cinsel eşleri) olmak üzere 15-65 yaş aralığında tüm bireylerin test edilmesi ve risk grubundaki bireylerde testlerin 3-6 ayda bir tekrarlanması önerilmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



UNAIDS, AIDS'in 2030'a kadar sona erdirilebileceğini belirtilmektedir. UNAIDS tarafından 2023 yılında hazırlanan rapor, AIDS'i sona erdiren net bir yol olduğunu göstermektedir. 'AIDS'i Sonlandıran Yol' adlı rapor, AIDS'i sona erdirmenin politik ve finansal bir seçim olduğunu ve bu yolu halihazırda izleyen ülkelerin ve liderlerin olağanüstü sonuçlar elde ettiğini vurgulayan veriler ve vaka çalışmaları içermektedir. Raporda, güçlü bir siyasi liderliğe dayandığında HIV'e müdahalenin başarılı olduğunu vurguluyor. Bu, verileri bilimi ve kanıtları takip etmek; ilerlemeyi engelleyen eşitsizliklerle mücadele etmek; toplulukları ve sivil toplum örgütlerini müdahaledeki hayati rollerinde etkinleştirmek ve yeterli ve sürdürülebilir fon sağlamak anlamına gelir. İlerleme, en fazla finansal yatırıma sahip olan ülkelerde ve bölgelerde en güçlü olmuştur; örneğin, Doğu ve Güney Afrika'da 2010'dan bu yana yeni HIV enfeksiyonları %57 oranında azalmıştır.

Çocuklarda AIDS'i sona erdirmek için verilen destek ve yatırım sayesinde, dünya çapında HIV ile yaşayan hamile ve emziren kadınların %82'si 2022'de antiretroviral tedaviye erişiyordu; bu oran 2010'daki %46'ydı. Bu, 2010'dan 2022'ye kadar çocuklarda yeni HIV enfeksiyonlarında %58'lik bir azalmaya yol açtı.

Dünya çapında antiretroviral tedavi gören kişi sayısı 2010'da 7,7 milyondan 2022'de 29,8 milyona çıkarak neredeyse dört katına çıktı. Ancak raporda AIDS'in sona ermesinin otomatik olarak gerçekleşmeyeceği de belirtiliyor. AIDS 2022'de her dakika bir can aldı. HIV ile yaşayan 660.000 çocuk da dahil olmak üzere yaklaşık 9,2 milyon kişi hala tedaviden mahrum kalıyor. Kadınlar, özellikle Sahra Altı Afrika'da hala orantısız bir şekilde etkileniyor. Küresel olarak, 2022'de her hafta 4.000 genç kadın ve kız çocuğu HIV'e yakalandı. Sahra Altı Afrika'da HIV insidansının %0,3'ün üzerinde olduğu yerlerin yalnızca %42'si şu anda ergen kızlar ve genç kadınlar için özel HIV önleme programlarına dahil edildi.

Yeni HIV enfeksiyonlarının neredeyse dörtte biri (%23), bazı ülkelerde yeni enfeksiyonların endişe verici şekilde arttığı Asya ve Pasifik'te görüldü. Doğu Avrupa ve Orta Asya'da (2010'dan beri %49'luk bir artış) ve Orta Doğu ve Kuzey Afrika'da (2010'dan beri %61'lik bir artış) yeni enfeksiyonlarda dik artışlar devam ediyor. Bu eğilimler, öncelikle marjinalleştirilmiş ve kilit nüfuslar için HIV önleme hizmetlerinin eksikliğinden ve cezalandırıcı yasalar ve toplumsal ayrımcılığın oluşturduğu engellerden kaynaklanmaktadır.

HIV müdahalesindeki ilerleme, yasal ve politika çerçevelerinin insan haklarını baltalamaması, aksine onları etkinleştirmesi ve koruması sağlanarak güçlendirildi. HIV için finansman da 2022'de hem uluslararası hem de yerel kaynaklardan düşerek 2013'teki seviyeye geriledi. Finansman, 2022'de 20,8 milyar ABD dolarına ulaştı ve 2025'e kadar ihtiyaç duyulan 29,3 milyar ABD dolarının çok altında kaldı.

Kanıtla dayalı HIV önleme ve tedavisi, sağlık sistemleri entegrasyonu, ayrımcılık yapmayan yasalar, cinsiyet eşitliği ve güçlendirilmiş toplum ağlarıyla, HIV'e sürdürülebilir bir müdahale için yatırım yaparak siyasi iradeyi artırarak AIDS'i sona erdirmeye fırsatı artık bulunmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar:

- 1-<https://www.who.int/teams/global-hiv-hepatitis-and-stis-programmes/hiv/strategic-information/hiv-data-and-statistics>
- 2-https://hsgm.saglik.gov.tr/depo/Yayinlarimiz/Programlar/HIV_AIDS_Kontrol_Programi.pdf
- 3- Kabapy AF, Shatat HZ, Abd El-Wahab EW. Attributes of HIV infection over decades (1982–2018): A systematic review and meta-analysis. Transbound Emerg Dis. 2020;67:2372–2388.
- 4-<https://www.unaids.org/en/resources/presscentre/pressreleaseandstatementarchive/2023/july/unaids-global-aids-update>
- 5- https://www.klimik.org.tr/wp-content/uploads/2024/02/HIV-AIDS.El_Kitabi_Surum.3.pdf

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon A / 11:00 – 11:30

Start-Up Şirketler Kendini Tanıtıyor

Suna TİMUR - Ege Science PRO & ERAS

Emre KESKİN – AgriGX

Salon A / 13:30 – 15:00

Eğitilmiş Bağışıklık ve Enfeksiyonlardan Çapraz Korunma

Dr. Mehmet SOYLU

Eğitilmiş bağışıklık, doğal bağışıklık hücrelerinin, özellikle monositer seri hücrelerinin, ilk karşılaşmadan sonra patojenlere yeniden maruz kaldıklarında geliştirdikleri artmış yanıtı ifade eder. Bu durum, bağışıklık hafızasının sadece adaptif bağışıklığa özgü olduğu geleneksel görüşe meydan okumaktadır. Eğitilmiş bağışıklığın altında yatan mekanizmalar, doğal bağışıklık hücrelerinin epigenetik ve metabolik yeniden programlanmasını içerir ve bu da sonraki enfeksiyonlara karşı sürdürülebilir bir duyarlılık durumuna yol açar.

Eğitilmiş bağışıklıkla ilişkili metabolik ve epigenetik değişiklikler, daha önce karşılaşılan patojenlere verilen yanıtları artırmakla kalmaz, aynı zamanda doğal bağışıklık hücrelerini yeni tehditleri çapraz reaktif mekanizmalarla tanıma ve bunlara yanıt verme yeteneğiyle donatır. Ayrıca, epigenetik yeniden programlamaya uğramış hafıza makrofajları, bu gelişmiş bağışıklık yanıtlarında kritik bir rol oynar. Aşılar yoluyla eğitilmiş bağışıklık indüklemek, çeşitli patojenlere karşı korumayı artıran geniş bağışıklık yanıtlarına yol açabilir. Örneğin, kızamık-kabakulak-kızamıkçık (KKK) aşısı ile aşılanmış bireyler, farklı patojenlerin neden olduğu enfeksiyonlara karşı azalmış duyarlılık gösterirler bu durumun eğitilmiş bağışıklık ile ilişkisine yönelik güçlü kanıtlar elde edilmiştir. Bacillus Calmette-Guérin (BCG) aşısı gibi belirli patojenlere veya aşılarla maruz kalmak, monositlerin kromatin yapısında uzun süreli değişikliklere neden olabilir. Bu değişiklikler, çeşitli patojenlerle yeniden karşılaşıldığında IL-1 β ve TNF- α gibi pro-enflamatuar sitokinlerin artmış üretimine yol açar. Temel mekanizmalar arasında, pro-enflamatuar genlerin promotör bölgelerinde histon modifikasyonlarındaki değişiklikler, DNA metilasyon desenleri ve glikolizi artıran metabolik kaymalar yer almaktadır.

Çapraz bağışıklık ise, bir patojenin başka bir patojenle sonraki enfeksiyonlara karşı sağlayabileceği koruyucu etkileri kapsar. Bu, ortak bağışıklık yollarının aktivasyonu veya çapraz reaktif hafıza hücrelerinin üretimi gibi mekanizmalar aracılığıyla gerçekleşebilir. Çapraz reaktivite ve çapraz bağışıklığın önemi, COVID-19 gibi viral enfeksiyonlar bağlamında vurgulanmıştır. Diğer koronavirüslere önceki maruziyetin, SARS-CoV-2'ye karşı bağışıklık yanıtını etkileyebileceği düşünülmektedir. Ayrıca, canlı-attenüe aşıların, bir patojene karşı yapılan aşılama ile ilgisiz patojenlere karşı koruma sağlayan heterolog bağışıklık indüklediği gösterilmiştir. Bu durum, eğitilmiş bağışıklık mekanizmaları aracılığıyla gerçekleşebilir ve aşı tasarımı çapraz koruyucu etkinin önemini ortaya koyar.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



COVID-19 bağlamında, önceki BCG aşılmasına sahip bireylerin daha hafif hastalık sonuçları yaşadığı ve bu durumun eğitilmiş bağışıklık tarafından aracılık edilen koruyucu bir etkiyi gösterdiği öne sürülmüştür. Yakın zamanda yapılan bir çalışmada, BCG'nin bir varyantı olan VPM1002 ile yapılan aşılanmanın, hastaneye ve tüberküloz dışı mikroorganizmalarla enfeksiyona ilişkin yoğun bakıma yatışlarda azalma ve hastalık şiddetinde düşüş eğilimleri gösterdiği bildirilmiştir. Bu bulgular, eğitilmiş bağışıklığı kullanmanın, çeşitli patojenlere karşı doğal bağışıklık yanıtını artırarak mevcut ve gelecekteki pandemilerin yönetiminde değerli bir strateji olabileceğini göstermektedir.

Eğitilmiş bağışıklık ve çapraz reaktivite üzerine yapılan araştırmalar, özellikle ortaya çıkan enfeksiyon hastalıkları ve aşı geliştirme bağlamında ivme kazanmıştır. Güncel çalışmalar, altta yatan mekanizmaları aydınlatmaya, eğitilmiş bağışıklığı indüklemek için en uygun uyarıcıları belirlemeye ve klinik etkilerini anlamaya odaklanmaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Mikrobiyal Enfeksiyonlarda Kompleman Sisteminin Roller

Dr. Ayşegül ATA YÜCEL

Enfeksiyonlar insan sağlığında çok önemli mortalite ve morbidite nedeni olmalarının yanı sıra sağlık sistemi üzerindeki en pahalı yüklerden biridir. Buna ek olarak antimikrobiyal ajanlara karşı hızla gelişen direnç de konakçı-patojen arasındaki etkileşimin, bu nedenle de immün sistemin patojenlere cevabının çok iyi anlaşılmasının, daha etkin yeni tanı ve tedavi yaklaşımları geliştirilmesinin önemini artırmaktadır.

Kompleman Sistemi, enfeksiyon etkeni patojenlere karşı doğal (doğuştan gelen) ve adaptif immün sistem arasında çok önemli bir köprü kuran, doğal humoral immün sistemin bir bileşenidir. Dolaşımdaki çözünür veya hücre membranı ile ilişkili 30'un üzerinde proteinden meydana gelen (ki reseptörleri ve regülatörleri ile bu sayı 50'nin üzerine çıkmaktadır), oldukça karmaşık olan ve çok basamaklı kontrol mekanizması bulunan bu sistemin "kompleman" adını almasının nedeni antikorların antimikrobiyal etkisini artırma ve tamamlama görevidir.

Kompleman sistemindeki birçok protein aslında proteolitik enzimler olup şelale tarzında ardı ardına sistemdeki sonra gelen faktörlerin aktive olmasını sağlarlar. Kompleman sistemi enflamatuvar ve immün yanıtın gelişmesinde görev alırken, zedelenmiş doku ve hücreler atıkların vücuttan temizlenmesinde de görev alır. Kompleman sistemindeki eksiklikler veya fonksiyonlarındaki bozukluklar çeşitli enfeksiyonlara karşı yatkınlığa yol açarken, hiperaktivitesi çeşitli otoimmün hastalıklarda olduğu gibi sağlıklı hücrelerin hasar görmesine neden olur.

Kompleman sistemi cevabı bakteri, mantar, virüs ve protozoan parazit enfeksiyonlarına karşı konakçı bağışıklık cevabının en önemli bileşenlerindendir. Enfeksiyon sırasında kompleman sistemi, nötrofil ve makrofaj gibi immün hücrelerin patojenleri veya enfekte hücreleri fagosite etmesini kolaylaştırmak için hedeflerin işaretlenmesinde (opsonizasyon), sitolize uğratılmalarında, T ve B lenfosit aktivasyonunda anahtar rol oynar.

Patojenlerle ilişkili kalıpların (PAMP), antijen-antikor komplekslerinin (immün kompleks) veya (enfekte ya da zarar görmüş konakçı hücreleri kaynaklı) hasar ilişkili moleküler kalıpların (DAMP) tanınması kompleman sistemini, klasik, alternatif veya lektin yolağı ile aktive eder.

Mikropların, antijen-antikor komplekslerinin veya pentraksinlerin (ör. CRP) üzerindeki bu moleküler kalıpların patojen tanıma molekülü C1q ile tanınması "klasik" kompleman yolağını aktive ederken, patojenlerin karbohidratlarının, IgM veya IgA sınıfı immüno globülinlerin mannoz-bağlayan lektin (MBL), kollektin veya fikolin tarafından tanınması "lektin" yolağını aktive eder. "Alternatif" yolak ise C3 kompleman proteininin hidrolizi ile sürekli ve düşük seviyede aktive olmaktadır. Eğer bağışıklık sistemi tarafından PAMP veya DAMPLar saptanırsa bu aktivasyon ivmelenir. Bu üç yolak da kompleman bileşenlerinden C3 ve C5'in C3/C5 konvertazlar tarafından proteolitik kesilmesine yol açar, böylece daha küçük fragmanlar ve C3a ve C5a anafatoksinleri ile C3b ve C5b adı verilen daha büyük fragmanlar ortaya çıkar. C5b, kompleman proteinleri C6-C9 ile Membran Atak Kompleksi'ni (MAC) oluşturur.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



MAC patojenlerin veya hedef hücrelerin zarlarında “por” adı verilen delikler oluşturarak onları ozmotik lizise uğratar. C3b çok kuvvetli bir opsonindir; patojenlerin, immün komplekslerin, strese gitmiş veya apoptotik hedef hücrelerin yüzeyinde biriktiğinde onların opsonize eder. C3a ve C5a, C5aR1 ve C5aR2 reseptörleri yolu ile sinyalizasyon yaparak immün hücrelerin enfeksiyon sahasına göçü ve hedeflenmesi, immün cevaba yol açmak için proenflamatuvar sitokinlerin ve kemokinlerin salınımının uyarılması gibi çeşitli fonksiyonlar görür.

Kompleman sistemi koagülasyon sistemi ile çapraz konuşma (cross-talk) yaparak da uyarılabilir. Bunun yanı sıra, trombin, faktör 9 (F9) ve F10 gibi koagülasyon faktörleri kompleman sisteminden bağımsız olarak C3 ve C5’i aktive edebilir.

Kısaca, hangi yolakla olursa olsun, aktive olan kompleman sistemi, kanda en yüksek miktarda bulunan kompleman proteini olan C3’te birleşir ve aktivasyon ürünleri oluşur.

Son yıllarda yapılan araştırmalar, kompleman sisteminin immün cevaptan ayrı olarak homeostaz, hücre gelişimi, intraselüler aktiviteler, doku spesifik işlevler gibi fonksiyonları da olduğunu göstermiştir. Asıl üretim yeri karaciğer olan kompleman proteinlerinin, yine son yıllardaki çalışmalarda, ekstrahepatik üretimleri olduğu da saptanmıştır. Tedavi odaklı bakacak olursak, bağışıklıkta ve immün sağ kalımda kompleman sistemi cevapları konakçı savunmasında çok önemlidir. Ancak enfeksiyon sırasında kompleman sistemini aşırı aktive olursa, doku hasarı, kontrolsüz pıhtılaşma ve düzelmeyen enflamatuvar cevap yolu ile patolojiler ortaya çıkabilir. Zaman içinde gelişerek konakçı hücrelerinin daha sofistike koruyucusu haline gelen, ancak aslında çok kadim bir ağ olan kompleman sistemi, zeki işgalciler olan patojenlerin kendisinden kurtulmak için geliştirdiği pek çok kaçış mekanizması nedeni ile, tıpkı Achilles’in topuğu gibi, immün sistemin zayıf noktası haline gelebilir.

Patojenlerin kompleman sisteminin etkilerinden kurtulmak için geliştirebildikleri kaçış (evazyon) mekanizmaları veya yıkıcı taktikler şu şekilde sınıflandırılabilir:

- (i) Kompleman sistemi regülatör proteinlerini taklit etmek veya göçüne neden olmak,
- (ii) Patojen antijenlerinin tanınmasını engellemek,
- (iii) Kompleman konvertazlarının inhibisyonu,
- (iv) Proteolitik degradasyon,
- (v) MAC yolu ile por yapımının inhibisyonu ve opsonizasyonun bozulması.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Patojenlere karşı konakçı immn cevabının anahtar bileşenlerden olan kompleman sisteminin dzgn alışması kompleman proteinleri, reglatrleri ve inhibitrleri arasında iyi alışan iletiřim ve dzenlemeler gerektirmektedir. Son arařtırmaların sonuları, bu sistemin, farklı hcreler zerinde henz tam anlařılmamıř zel etkileri olduėunu ne srmektedir. Omik-tabanlı deneysel yaklařımlarla yapılacak daha ayrıntılı alışmalar immn sistemin farklı patojenlere farklı cevaplar verirken kompleman sistemi ile nasıl etkileřtiėinin daha iyi anlařılmasını saėlayarak enfeksiyon sırasında kompleman proteinlerini uyaran veya inhibe eden daha iyi hedeflenmiř tedavi metotları geliřtirilmesine, kompleman sistemi aracılı immnopatolojilerin azaltılarak doku dayanıklılıėının artırılmasına yardımcı olabilir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Th17 Hücrelerin Bakteriyel Enfeksiyonlarındaki Efektör Ve Bağışıklık Düzenleyici Roller

Dr. Fulya İLHAN

Th17 hücreleri, yardımcı CD4+ T lenfositlerinin nispeten yeni keşfedilen bir alt popülasyonudur. Bu hücrelerin bazı inflamatuvar ve otoimmün hastalıklar sırasında doku hasarına katkıda bulunabileceği ve ayrıca antitümör, antimikrobiyal, özellikle de antibakteriyel bağışıklıkta önemli bir rol oynayabileceği gösterilmiştir. Bakteriler, çeşitli Toll benzeri (TLR), NOD benzeri (NLR) ve C tipi lektin (CLR) reseptörleri aracılığıyla Th17 tepkisini uyarır. Th17 lenfositleri aktive olduğunda, bakterileri yok etmek için fagositlerin kemotaksisini arttıran ve onları aktive eden, başta interlökin (IL)-17 ve kemokinler olmak üzere çeşitli sitokinler üretir. Böylece Th17 hücreleri, özellikle hücre dışı bakteriyel patojenlere karşı konakçının koruyucu bağışıklığının uyarılmasına katkıda bulunur. Th17 hücreler, edinsel bağışıklığın hücresel kolunun kritik üyelerindendir. Son 25 yılda yapılan hücresel çalışmalarda en çok araştırılan konu başlığı, T hücre plastisitesi araştırmaları olmuştur. Fizyolojik olarak polarize Th17 hücreleri, enfeksiyonu önlemede, mukozal epitelin bütünlüğünü korumada ve işlev görür. İnsanlarda ve farelerde bağırsak ve akciğer mukozal yüzeyleri Th17 hücrelerinin bulunduğu ana bölgelerdir ve inflamatuvar yanıtı yönlendirdiklerinden bağırsakta Th17 hücre polarizasyonu da meydana gelir. Bu süreçte kommensal bakteriler, dendritik hücreler ve TGF- β ve IL-6 gibi sitokinler gibi birçok faktör de aracılık edebilir. Ancak Th17 hücreleri plastiktir. Örneğin, IL-23'e maruz kalmaları durumunda pro-inflamatuvar hücrelere dönüşebilir ve inflamatuvar barsak hastalığı veya otoimmün hastalıklarda patojenik olabilirler. Bu rolleri ile bakteriyel disbiyosiste de etkin oldukları bilinmektedir. Mikroorganizmaların bağırsak epitel hücrelerine (EC'ler) yapışması, Th17 indüksiyonu için kritik önem taşır. Kısacası, bağırsak Th17 hücreleri, segmente filamentöz bakteriler (SFB) ve bazı hücre dışı patojenler gibi bağırsak mikroorganizmalarının bir alt grubu ile kolonizasyona yanıt olarak indüklenir ve birikir (1).

Staphylococcus aureus, *Streptococcus pneumoniae* ve *Klebsiella pneumoniae* gibi hücre dışı etkenlerle olan enfeksiyonlarda araştırıldığı gibi; *Francisella tularensis* ve *Chlamydia muridarum* gibi hücre içi bakterilere karşı bağışıklıkta da Th17 lenfositlerinin önemini gösteren çok sayıda çalışma vardır. Koruyucu bağışıklık için asıl, hücre içi enfeksiyöz ajanların kontrol edilmesinde mutlak olan Th1 yanıtı oluşturmak için lokal dendritik hücre (DC) fonksiyonunun uyarılması yoluyla Th17 uyarılması da gerçekleşir. Ancak bakteriyel enfeksiyonlar sırasında Th17/IL17 yanıtının serbestleştirilmesi derin patolojilere de yol açabilir. Sonuçta Th17 hücreleri, kronik inflamatuvar hastalıklara katılarak doku tahribatına yol açar ve tümör gelişimini destekleyebilir (2).

Th17 hücreleri, IL-17A, IL-17F, IL-21 ve IL-22 üretirler. Bu sitokinlere yanıt oluşturan reseptörler, Th17 ile ilişkili sitokinlerin ana hedeflerini oluşturan epitelyal hücreler ve fibroblastlar dahil olmak üzere mukozada bulunan birçok hücre tipinde eksprese edilir. IL-17 ailesi üyelerinin karşılık gelen reseptörlere bağlanması, alveoler epitel hücreleri de dahil olmak üzere hedef hücrelerin antimikrobiyal fonksiyonlarının düzenlenmesine yol açar. Uyarılmış alveoler epitel

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



hücreleri antimikrobiyal peptitler üretir ve granülopöz, nötrofil uyarımı ve doku onarımında rol oynar. Th17 hücrelerinin aracılık ettiği mukozal bağışıklık, hücre dışı bakteriyel ve fungal patojenler de dahil olmak üzere çok sayıda pulmoner patojene karşı koruyucudur. CD4+ $\alpha\beta$ T hücreleri, IL-17'nin ana kaynağıdır. Bununla birlikte, bazı durumlarda $\gamma\delta$ T hücreleri, özellikle mukozal bölgelerdeki immün yanıtın erken evresinde, daha güçlü IL-17 üreticisi olabilirler. $\gamma\delta$ T hücreleri, özellikle *Mycobacterium tuberculosis* ile enfekte olmuş farelerde IL-17 üretir, akciğerdeki *Mycobacterium bovis* BCG ve *Pseudomonas aeruginosa* enfeksiyonlarında da $\gamma\delta$ T hücreleri insan tüberküloz hastalarında IL-17'nin ana kaynağıdır. Antijen sunan hücreler, saf CD4+ T hücresinin Th17 efektör hücrelerine farklılaşması için gereken işlenmiş antijeni ve ortak uyarıcı sinyali sağlar. İnsanlarda IL-6 ve IL-1 dahil olmak üzere interlökinlerin veya farelerde IL-6 ve TGF- β 'nin varlığında saf CD4+ T hücresi, STAT3 transkripsiyon faktörünün aktivasyonu yoluyla Th17 efektör hücrelerine farklılaşır. Tam Th17 farklılaşmasını desteklemek için daha sonraki aşamada IL-23'e de ihtiyaç vardır.

Bakteriler immün sistemden çeşitli kaçış yollarını kullanırlar bu yollardan bazıları türe özel olabilir. Örneğin; *Streptococcus pneumoniae* gibi patojenler serotipe özgü antikorlardan kaçınmak amacıyla kapsüler polisakkaritlerini hızla değiştirebildiklerinden Th17 gibi hızla etkinleşen hücreler antibakteriyel yanıtta yararlı olurlar. Bu sayede fagositik hücre toplanması artarak pnömokokun ortamdan temizlenmesi hızlanabilir. Ayrıca tanımlanamayan kaynaklardan gelen IL-17'nin de akciğerdeki konak savunmasında kritik rol oynadığı gösterilmiştir. Örneğin; IL-17RA eksikliği olan fareler, azalmış G-CSF ile *Klebsiella pneumoniae* pulmoner enfeksiyonuna duyarlıdırlar (3).

P. aeruginosa PAO1 suşu ile geliştirilen pulmoner enfeksiyonda, IL-17 indüksiyonunun arttığını ve akciğerdeki bakteri yükünün azaldığı gösterilmiştir. Aynı şekilde IL-17A antikorlarıyla nötralizasyon yapıldığında, bakteri yükünün arttığı ve akciğerde nötrofillerin azaldığı gösterildi. IL-17RA mutant olan farelerin enfeksiyona daha duyarlı olması ve enfeksiyona karşı akciğerlerinde daha az nötrofil olduğunun gösterilmesi IL-17'nin önemini ortaya koymaktadır (4).

Staphylococcus aureus ile enfekte olmuş IL-17RA eksikliği olan farelerde, normal farelere kıyasla akciğere nötrofil geçişinin ve IL-17 efektör kemokin ve sitokinlerin üretimini azaldığı gösterilmiştir. Ek olarak, IL-17RA, IL-17A, IL-17F ve IL-22 eksikliği olan farelerde akciğerdeki bakteri yükünün normal tipe kıyasla belirgin şekilde arttığı gösterilmiştir (5).

Başka bir çalışmada, IL-17RA eksikliği olan fareler, mikoplazmanın farklı *Mycoplasma pulmonis* türleri ile intranazal olarak enfekte edildiğinde akciğerlerinde yaklaşık on kat daha fazla bakteri yükü olduğu saptanmıştır. Aynı çalışmada, intranazal *Mycoplasma pneumoniae* enfeksiyonu olan farelerde, bronkoalveoler lavaj sıvısında (BALF) önemli ölçüde artmış lökosit sayısı olduğu ve bu artışın, IL-17 protein seviyelerindeki önemli bir artışla ilişkili olduğu bulunmuştur. Ayrıca akciğer dokusunda, IL-23p19 mRNA ekspresyonunun, enfekte olmamış farelere kıyasla en az 100 kat daha yüksek bulunduğu belirtilmiştir (6).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dolayısıyla yukarıda belirtilen çalışmaların tümü Th17 hücrelerinin ve IL-17'nin çok sayıda patojenik bakteriye karşı koruyucu rolünü desteklemektedir. Th17 hücrelerinin akciğerdeki çeşitli patojenlere karşı koruyucu bağışıklığa aracılık edecek şekilde geliştiğini göstermektedir. Efektör sitokinlerin biyolojik fonksiyonları, edinsel bağışıklıkta CD4+ T hücrelerinin IL-17 üreten Th17 ler ile gelişen yanıt mekanizmasının önemini vurgulamaktadır. Bu sitokinlerin, konakçıyı *K. pneumoniae*, *M. tuberculosis*, *B. pertussis*, *Y. pestis*, *B. anthracis*, *M. pneumoniae*, *S. aureus* gibi patojenlere karşı korumak için akciğere nötrofil geçişi yoluyla savunduğu görülmektedir. *C. albicans*, *A. fumigatus*, *Pneumocystis carinii*, *C. posadasii*, *H. capsulatum*, *Blastomyces dermatitidis* ve *C. neoformans* dahil olmak üzere pnömoni ve mantar patojenleri ile enfeksiyonlarda ise Th17 hücreleri patojenlere karşı koruma sağlamakla birlikte doku patolojisine de neden olabilirler, dolayısıyla Th17 hücrelerinin akciğerdeki rolü hem koruyucu hem de patojenik olabilir (7). Gerek beslenme, gerek metabolitler, sitokin sekresyon genlerinin etkileşimi ve gerekse çeşitli bakterilerin Th17 proliferasyonuna nasıl ve ne şekilde etki ettikleri özellikle barsak mikrobiyotası veya inflamatuvar barsak hastalıklarının etiyolojilerini araştıran çok sayıda çalışmaya konu olmuştur. Örneğin; bir safra asidi metaboliti olan 3-oksoitokolik asidin (3-oksoLCA) Th17 hücre farklılaşmasını baskıladığı bilinmektedir. Bakteriyel olarak üretilen safra asitlerinin, inflamatuvar bağırsak hastalığı gibi inflamatuvar bozuklukların patofizyolojisi ile ilgili olabilecek bir aktivite olan Th17 hücre fonksiyonunu inhibe ettiğini göstermektedir. Bir başka deyişle inflamatuvar barsak hastalığı olanlarda bu koruyucu safra asitlerinin az olması da dikkat çekicidir (8).

Th17'lerin keşfi, özellikleri ve çeşitli otoimmün hastalıklarla olan ilişkilerini irdeleyen bir derlemeden elde edilen sonuçlar tablo halinde aşağıda sunulmuştur. Th17 hücrelerinin farklılaşması bağırsaktaki mikroorganizmalardan, metabolik yollardan, sitokinlerden, transkripsiyon faktörlerinden ve sinyal iletim yollarından kolaylıkla etkilenir. Bu tabloda yapılan çeşitli çalışmaların özgün sonuçları derlenmiştir (9).

Tablo 1.

SFB(segmente filamentöz bakteriler): Th17 hücre farklılaşmasına aracılık etmek için DC'leri aktive eder. Epitel hücrelerini SAA proteini salgılaması için uyarır, STAT3'ü aktive eden sitokinlerle işbirliği yapar ve Th17 hücre farklılaşmasına aracılık eder
AIEC adherent invasive Escherichia coli: IL-17 üretmek için Th17 hücrelerini duyarlılaştırır.
ETBF enterotoxigenic <i>Bacteroides fragilis</i> :miR-149-3p aracılığıyla Th17 hücre farklılaşmasını düzenler.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Actinobacterium <i>Eggerthella lenta</i> : Kardiyak glikozit redüktaz 2 (Cgr2) enzimi yoluyla bağırsak Th17 aktivasyonunu indükler.
<i>C. albicans</i> :TLR2 aktivasyonu yoluyla B hücrelerinden IgG1 ve IL-6 salgılanmasını destekler.
<i>S. aureus</i> :Th17 hücrelerini IL-17 üretmek için hassaslaştırır.
ETBF miR-149-3p'yi azaltır ve Th17 hücre farklılaşmasını kolaylaştırır.
LPS Th17 farklılaşmasını uyarır.
Laktat :Th17 proliferasyonunu baskılar ve IL-17A ifadenmesini artırır.
Kısa zincirli yağ asitleri SCFAs IL-17 ifadenmesini baskılar ve Foxp3 gene ifadenmesini artırır.
3-oksoLCA, ROR γ t'ye doğrudan bağlanarak Th17 hücre farklılaşmasını inhibe eder
isoalloLCA mROS üreterek Foxp3 ekspresyonunu artırır, bu da Treg hücre farklılaşmasını teşvik eder
Yağdan zengin diyet Th17'i artırır.

Th17 hücrelerin uyarıldıkları sitokin ile şekillenen iki tipi bilinmektedir. Bunlar patojenik ve patojenik olmayan (npTh17) olarak tanımlanabilir. TGF β 1 ile uyum içinde olan IL-6, doku iltihabını tetiklemede etkili olmayan yani patojenik olmayan Th17 hücrelerini (npTh17) indükleyebilir. Öte yandan, IL-6, IL-1 β ile IL-23, çeşitli dokularda immün patolojileri tetiklemek için patojenik Th17 hücrelerini (pTh17) indükler. Th17 hücreleri, in vivo içeriğe bağlı bir şekilde hem patojenik hem de patojenik olmayabilir. Yani klasik fenotipik Th17 hücreleri koruyucu iken patojenik Th17 hücreleri aşırı inflamatuvar yanıtı neden olarak zararlı yan etkiler oluşturabilirler (10).

Yukarıda belirtilen patojenlerin tümünden Th17 hücrelerine spesifik antijenlerin tanımlanması ve klasik koruyucu Th17 hücre fenotipinin patojenik Th17 hücre fenotipinden daha fazla farklılaştırılması, akciğer enfeksiyonlarına neden olan patojenlere karşı aşının geliştirilmesi için yeni bir yol sağlayabilir (11).

Bütün bu çalışmaların ışığında maalesef Th17 hücrelerinin özellikle akciğer kanserinin ve yanısıra diğer kanser türlerinin seyrinde kötü prognozun bir göstergesi olduğunu vurgulayan yayınlar da vardır. Th17 hücrelerin manipülasyonu immünoterapide bu hücrelerin kanser gerilemesine aracılık etme yeteneği kazanmasına ya da otoimmün hastalıkları olan hastalar için tedavi seçeneği olabilmesine olanak sağlayabilir. İmmün sistem hücrelerinin plastisitesi ve iyi ya da kötü yönde olabilecek çift yönlü etkileri, Th17 hücreleri de fazlasıyla kapsamaktadır. Bu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



konuda yapılmış çok sayıda araştırma ve eklenecek olan yenileri onları nasıl modüle ederek aşı gibi, koruyucu antibakteriyel yanıt, antiotoimmün veya antikanser yanıt gibi faydalı özelliklerini ortaya çıkarabileceğimiz konusunda bize yol gösterici olacaktır.

Referanslar

1-Atarashi K, Tanoue T, Ando M, Kamada N, Nagano Y, et al Th17 Cell Induction by Adhesion of Microbes to Intestinal Epithelial Cells. *Cell* 2015 8;163(2):367-80. doi:

10.1016/j.cell.2015.08.058

2-Szulc-Dąbrowska L, Gieryńska M, Depczyńska D, Schollenberger A, Toka FN. Postepy Th17 lymphocytes in bacterial infections *Hig Med Dosw (Online)*. 2015 Apr 3;69:398-417. doi:

10.5604/17322693.1147868

3-P. Ye, F.H. Rodriguez, S. Kanaly, K.L. Stocking, J. Schurr, P. Schwarzenberger, et al.

Requirement of interleukin 17 receptor signaling for lung CXC chemokine and granulocyte colony-stimulating factor expression, neutrophil recruitment, and host defense *J Exp Med*, 194 (2001), pp. 519-527

4-Liu, Y. Feng, K. Yang, Q. Li, L. Ye, L. Han, et al. Early production of IL-17 protects against acute pulmonary *Pseudomonas aeruginosa* infection in mice *FEMS Immunol Med Microbiol*, 61 (2011), pp. 179-188

5-A. Kudva, E.V. Scheller, K.M. Robinson, C.R. Crowe, S.M. Choi, S.R. Slight, et al. Influenza A inhibits Th17-mediated host defense against bacterial pneumonia in mice *J Immunol*, 186 (2011), pp. 1666-1674

6- Q. Wu, R.J. Martin, J.G. Rino, R. Breed, R.M. Torres, H.W. Chu IL-23-dependent IL-17 production is essential in neutrophil recruitment and activity in mouse lung defense against respiratory *Mycoplasma pneumoniae* infection. *Microbes Infect*, 9 (2007), pp. 78-86

7-Rathore JS, Wang Y. *Vaccine*. 2016 Mar 18;34(13):1504-1514. doi:

10.1016/j.vaccine.2016.02.021

8-Paik D, Yao L, Zhang Y, Bae S, D'Agostino GD, et al Human gut bacteria produce tau(eta)17-modulating bile acid metabolites. *Nature*. 2022 Mar;603(7903):907-912. doi: 10.1038/s41586-022-04480

9- Kimura A, Kishimoto T. Th17 cells in inflammation. *Int Immunopharmacol*. 2011 Mar;11(3):319-22. doi: 10.1016/j.intimp.2010.10.004

10-Wu B, Wan Y. Molecular control of pathogenic Th17 cells in autoimmune diseases. *Int Immunopharmacol*. 2020 Mar;80:106187. doi: 10.1016/j.intimp.2020.106187

11-Rathore JS, Wang Y. *Vaccine*. 2016;18;34(13):1504-1514. doi: 10.1016/j.vaccine.2016.02.021

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon A / 15:00 – 16:00

Bulaşıcı Olmayan Kronik Enflamatuvar Hastalıklarda Anaeroplara: Yeni Gelişmeler

Dr. Nursen TOPÇUOĞLU

Bulaşıcı Olmayan Hastalıklar (BOH), herhangi bir enfeksiyöz ajanla ilişkili olmayan, çeşitli fizyolojik, çevresel ve davranışsal faktörlerin bir araya gelmesinin sonucu oluşan ve genellikle yaşam boyu yavaş ilerleyen bir dizi kronik bulaşıcı olmayan hastalığı ifade eder. BOH kapsamında ele alınan başlıca hastalıklar: koroner/periferik arter hastalıkları ve inme gibi kalp-damar hastalıkları; kronik obstrüktif akciğer hastalığı ve astım gibi kronik solunum yolu hastalıkları; kanser; diyabet; demans, Alzheimer hastalığı ve Parkinson hastalığı gibi nörobilişsel bozukluklar; kaygı, depresyon ve psikozlar gibi zihinsel sorunlar; kronik böbrek hastalığı ve birden fazla sistemi tutan otoimmün hastalıklardır. Ayrıca genetik ve/veya metabolik kaynaklı kronik hastalıklar (nadir hastalıklar) da BOH kategorisinde kabul edilir. Fiziopatolojisine sıklıkla sistemik düşük dereceli inflamasyonun aracılık ettiği bu hastalıkların hipertansiyon, obezite, hiperglisemi ve hiperlipidemi gibi ortak metabolik risk faktörleri bulunmakta ve sigara kullanımı, hareketsizlik, sağlıksız diyet ve alkol kullanımı gibi kötü alışkanlıklarla riskleri artırmaktadır. Dünya Sağlık Örgütü'nün 2016'daki raporuna göre, bu hastalıklar küresel olarak tüm ölümlerin yaklaşık %70'inden sorumludur. Bu nedenle, 2030 yılına kadar bu hastalıklar nedeniyle ölümlerin üçte birinin önlenmesi Birleşmiş Milletler Sürdürülebilir Kalkınma Hedeflerinde yer almıştır.

Mikrobiyomun, bağışıklık sistemindeki dengenin geliştirilmesi ve sürdürülmesinde hayati rolünün olduğu ve birçok hastalığın patogeneğinde yer aldığı bilinmektedir. Mikrobiyom analizlerine izin veren tanı ve araştırma yöntemlerinin ilerlemesiyle birlikte mikrobiyotanın büyük çoğunluğunu oluşturan anaerobik bakteriler ile çeşitli hastalıklar/durumlar arasında çok sayıda ilişki gözlemlenmiş veya öne sürülmüştür. İlk bilinen ilişkilerden biri, periodontal hastalıklarda kilit taşı patojen olarak yer alan *Porphyromonas gingivalis* ile kalp-damar hastalıkları arasındaki bağlantıdır. Kanserli dokularda yüksek miktarda bulunması nedeniyle *Fusobacterium nucleatum*'un kolorektal kanseriyle ilişkili olduğu da bilinmektedir.

Faecalibacterium prausnitzii varlığının da inflamatuvar bağırsak hastalığında önemli bir biyobelirteç olabileceği bildirilmiştir. Alzheimer ve Parkinson hastalığı olan hastaların bağırsaklarında Roseburia bolluğunun azaldığı gözlemlenmişken Roseburia gibi yağ/glikoz metabolizmasını iyileştirdiği bulunan *Akkermansia muciniphila* bolluğunun nörodejeneratif hastalıklarda arttığı gözlemlenmiştir.

Mevcut veriler, anaeroplara insan sağlığı ve hastalıklarıyla olan çok yönlü ilişkilerinin anlaşılacak teşhis ve tedavi araştırmalarını yönlendirebilecek önemli bilgiler verse de, halen hasta sayısının fazla olduğu zaman içinde mikrobiyotadaki olası değişikliklerin hesaba katıldığı uzunlamasına çalışmalara ihtiyaç vardır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Anaeroplara ve Bakteriyofajlar

Dr. Nurver ÜLGER TOPRAK

Salon A / 16:30 – 17:30

Yapay Zekanın Akademik Makale Yazımında Kullanımı

Dr. Seyfi DURMAZ, Dr. Özcan SARBAT

Son yıllarda, dil modeli tabanlı yapay zeka (YZ) teknolojileri, dilbilgisi ve stil düzeltme, literatür tarama, veri analizi ve referans yönetimi gibi yazım süreçlerinde önemli kolaylıklar vadetmektedir. Özellikle GPT ve BERT gibi dil modelleri, akademik metin oluşturma ve düzenleme süreçlerini hızlandırmakta, zaman tasarrufu sağlamaktadır.

Bilimsel makaleler, genellikle Giriş, Yöntem, Bulgular, Tartışma ve Sonuç gibi ana başlıklar altında yapılandırılır. Bu başlıkların altında yer alan Veri Toplama Yöntemleri, İstatistiksel Analiz ve Literatür İncelemesi gibi alt başlıklar, araştırmanın derinlemesine analizine imkan tanır. Spesifik parametrelerle donatılmış promptlar, YZ'nin verilen talimatları daha iyi anlamasını ve bu doğrultuda daha uygun içerik üretmesini sağlar. Literatür taraması, özetleme ve veri analizi gibi süreçlerde Chat GPT, Gemini, Claude AI benzeri araçlar, etkili bir biçimde kullanıldığında, prompt mühendisliği ile üretilen metinlerin orijinallik ve doğruluk düzeylerini önemli ölçüde artırabilir. Bu bağlamda, prompt tasarımında yetkinleşme, elde edilen sonuçların güvenilirliği açısından büyük önem taşımaktadır.

Yapay zeka destekli araçlar, bu süreçlerde araştırmacılara katkılar sunar. Örneğin, EndNote, SciSpace ve Meta gibi programlar, literatür taraması ve veri analizinde kolaylık sağlar. Grammarly ve QuillBot gibi doğal dil işleme araçları, metinlerin gramer ve stilistik özelliklerini iyileştirerek dilde doğruluk ve üslup tutarlılığı sağlamaktadır. Consensus AI, doğal dil işleme ve makine öğrenimi tekniklerini kullanarak, kullanıcı sorgularına en uygun akademik çalışmaları belirleyen, özelleştirilmiş bir literatür taraması hizmeti sunar. Zotero ve Mendeley gibi bibliyografik yönetim yazılımları, akademik araştırmalarda kullanılan kaynakların organize edilmesini, takip edilmesini ve atıf yapımının kolaylaştırmaktadır. Bu araçlar araştırma sürecini kolaylaştırabilir, zamanı verimli kullanmaya yönelik olanakları genişletebilir.

Yapay zeka destekli dil modelleri, bilimsel yazım sürecini kolaylaştırırken, aynı zamanda etik açıdan tartışmaların da konusu olmaktadır. Bu modellerin ürettiği içeriklerin özgünlük ve güvenilirlik düzeyleri hakkında endişeler bulunmaktadır. Bu nedenle, yapay zekanın bilimsel çalışmalarda kullanımı, şeffaflık ve hesap verebilirlik ilkeleri çerçevesinde titizlikle yönetilmelidir. Bu aşamada yapay zeka araçlarının ürettiği çıktıların insan denetimi altında değerlendirilmesi ve kaynakların doğru şekilde belirtilmesi, bu olanağın etik sınırlarda kullanılmasının temelini oluşturmaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Sonuç olarak YZ, etkin kullanım koşullarında, bilimsel yazım süreçlerine otomasyon ve kişiselleştirme getirerek değeri katmaktadır. Gelecekte bu araçların daha geniş kapsamda kullanılması beklenmektedir, bu süreçte sorumlu kullanım ve etik sınırların tanımı konusunda tartışmaların netleşeceğini de öngörebiliriz.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 09:00 – 10:30

Olgularla Tanısal Moleküler Testlerde Sorunlar, Teknik Hatalar ve Kalite Kontrol

Dr.İştar DOLAPÇI, Dr. Zeynep Ceren KARAHAN

Salon B / 11:00 – 11:45

NGS: Günümüz Uygulamaları ve Gelecekteki Olası Açılımları

Dr. Gültekin ÜNAL

Yeni Nesil Dizileme (NGS) teknolojisi, mikrobiyoloji ve insan sağlığı alanında çığır açarak, enfeksiyon hastalıklarının tanı ve yönetiminde devrim yaratmıştır. NGS, patojenlerin genomlarını detaylı, hızlı ve doğru bir şekilde analiz ederek, enfeksiyon zincirlerini kırmak ve doğru tedavi stratejilerini belirlemek için kritik bir araç haline gelmiştir. Bu teknoloji, sadece klasik mikrobiyolojik yöntemlerle tanımlanamayan veya kültürde üretilmeyen mikroorganizmaların saptanmasında değil, aynı zamanda yeni ve yeniden ortaya çıkan patojenlerin hızlı bir şekilde tespit edilmesinde de kullanılmaktadır. NGS, günümüzde klinik mikrobiyolojide bakteriyel, viral, fungal ve paraziter enfeksiyonların tanısında geniş bir uygulama alanı bulmaktadır. Klinik örneklerden enfeksiyon etkenlerinin tanımlanması, antibiyotik, antiviral ve antifungal direnç profillerinin belirlenmesi, virülans özelliklerinin ortaya konması gibi süreçler, NGS sayesinde hızlanarak sağlık sisteminin daha etkin çalışmasına katkıda bulunmaktadır. Mikroorganizmaların epidemiyolojik ilişkilerinin ayrıntılı incelenmesi ile enfeksiyon kaynağının belirlenmesi, salgın yönetimi ve hastane enfeksiyonlarının izlenmesi ve kontrolü süreçlerinde de NGS önemli bir konuma sahiptir. Küresel ölçekte, NGS ile genomik süreveys yardımıyla antimikrobiyal direnç (AMR), yüksek riskli patojenler ve zoonozların kaynakları hakkında ulusal ve uluslararası düzeyde bilgi sağlanmaktadır. COVID-19 pandemisi, NGS'nin gerçek zamanlı süreveys, varyant tespiti ve genomik epidemiyolojideki kritik rolünü net bir şekilde göstermiştir. Pandemi sırasında NGS, hızlı yanıt gerektiren durumlarda genomik verilerin sağlanmasında ve yeni varyantların izlenmesinde etkin bir şekilde kullanılmış, bu teknolojinin farklı patojenler için de devamlı bir araç olduğu kanıtlanmıştır. Elde edilen veriler, özellikle aşı geliştirme süreçlerinde ve aşılardan etkinliğinin ve güvenliğinin artırılmasında büyük katkı sağlamıştır. Gelecekte NGS'nin kişiselleştirilmiş tıp, mikrobiyota, genetik hastalıklar, enfeksiyon hastalıkları ve kronik inflamatuvar hastalıklar gibi geniş bir yelpazede kullanım alanı bulması öngörülmektedir. Bu sayede hastalıkların tanısı hızla konulabilecek, uygun ilaç seçimleri yapılarak tedavi başarı oranları artırılacak ve yan etkiler en aza indirilecektir. Ayrıca, patojenlerin genomik ve epidemiyolojik özelliklerinin kapsamlı araştırılması sayesinde, gelecekte ortaya çıkabilecek pandemi etkenlerinin hızlı bir şekilde tespit edilmesi kolaylaşacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Sonuç olarak, NGS teknolojisi, mikrobiyoloji ve halk saėlıėı alanlarında yenilikçi czmler sunmaya devam edecek; enfeksiyonların ynetiminde, halk saėlıėının korunmasında ve kişiselleştirilmiş tıp uygulamalarının yaygınlaştırılmasında anahtar bir rol oynayacaktır. NGS'nin daha erişilebilir ve rutin kullanımı, toplum saėlıėını tehdit eden mikrobiyal tehlikelere karşı daha dirençli ve hazırlıklı bir yapının oluşturulmasına katkı saėlayacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 11:45 – 12:30

Yapay Zeka Dnyayı Nasıl Tanıyor?

Dr. Doruk ENGİN, Dr. Barış OTLU

Salon B / 14:00 – 15:30

İnfluenza

Dr. zgr APPAK

COVID-19

Dr. Sevim MEŞE

Aralık 2019'un sonunda Çin'in Hubei eyaletinde pnmoni vakaları ile bařlayan COVID-19 pandemisi halen saēlık, ekonomik ve sosyal etkilerini srdren kresel bir krize neden olmuřtur. Ancak pandemiye neden olan SARS-CoV-2'nin kısa sre ierisinde tanımlanması ve tm genom dizilerinin ıkarılması, ařı ve molekler tanı testlerinin geliřtirilmesini saēlayarak pandemi ile mcadelenin temelini oluřturmuřtur. zellikle pandemi kořullarında molekler tanı testleri, yalnızca bireysel hasta ynetimi iin deēil, aynı zamanda izolasyon srelerinin belirlenmesi gibi halk saēlıēı stratejileri iin de nemlidir. COVID-19 tanısında kullanılan bařlıca molekler tanı yntemlerini beř grupta inceleyebiliriz.

Real-Time Revers Transkripsiyon Polimeraz Zincir Reaksiyonu (RT-qPCR): COVID-19'un tanısını doērulamak iin altın standart olarak kabul edilen bu yntem, SARS-CoV-2 RNA'nın revers transkriptaz enzimi ile komplementer DNA'ya dnřtrlmesi ve ardından belirli gen blgelerinin amplifiye edilmesi srecini ierir.

İzotermal Amplifikasyon Bazlı Testler: Bu yntemler, revers transkripsiyon dng aracılı izotermal amplifikasyonu (RT-LAMP), rekombinasyon polimeraz amplifikasyonu (RPA), etik endonkleaz amplifikasyon reaksiyonu (RT-NEAR) ve transkripsiyon aracılı amplifikasyonu (RT-TMA) ierir. Bu metodolojik yaklařımlar, vakaların oēunda yaklařık bir saatlik RT-qPCR'a kıyasla daha kısa dng sreleri avantajı saēlar ve hasta bařı noktasında (POC) ve sınırlı kaynak ortamında kullanılabilir.

Dijital Damlacık PCR (ddPCR): Bu teknik, standart eēriye ihtiya duyulmadan nkleik asitlerin mutlak kantifikasyonuna olanak tanır ve dřk viral yklerin tespitinde duyarlılıēı ve zgllē artırır. Bu yntemin nemli avantajlarından biri, ham lizatları nceden nkleik asit saēlařtırmasına gerek kalmadan analiz edebilmesidir. Ayrıca, klinik rneklerde yaygın olarak bulunan ve klasik PCR analizlerinde yanlış negatif sonulara yol aabilen PCR inhibitrlerine karřı yksek diren gsterir. Bu dayanıklılık, ddPCR'yi idrar ve dıřkı gibi eřitli rnek tipleri iin de gvenilir bir seim haline getirir

CRISPR Tabanlı Yntemler: Gen dzenleme araları olarak da adlandırılan bu sistemler COVID-19 pandemisi baēlamında molekler tanıda devrim yarattı. Molekler gen dzenlemesine izin veren bu sistem ile SARS-CoV-2 RNA'nın yksek duyarlılık ve zgllkte hızlı ve kolay bir řekilde

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



saptanması, salgınların ynetimine nemli katkı sunar. Viral tespit iin en sık olarak DETECTR (Cas12a) ve SHERLOCK (Cas13a) sistemleri kullanılır.

SARS-CoV-2 Genom Sekans Analizi: SARS-CoV-2'nin dolaşımda giderek artan varyantları

nedeniyle sekans analizi, molekler epidemiyolojik izlem bakımından nem kazanmaktadır.

Pandemi srecinde molekler tanı yntemlerinin uygulanması sırasında, yanlış negatif sonular, yetersiz test kapasitesi, ekipman ve eēitimli personel ihtiyaı gibi ciddi sorunlar ile

karşılaşılmaktadır. Ancak molekler tanı yntemlerinin erken tanı, epidemiyolojik izlem gibi kazandırdığı avantajlar nedeniyle pandemilerin ynetimi aısından halen nemini korumaktadır.

Son olarak gelecek pandemilere hazırlık bakımından biosensr teknolojileri kullanılarak doēal immnitenin hızlı transkriptom yanıtını saptayan hasta başı teslerin geliřtirilmesi ynnde alıřmalar devam etmektedir.

Kaynaklar:

1. Rotondo JC, Martini F, Maritati M, et al. Advanced Molecular and Immunological Diagnostic Methods to Detect SARS-CoV-2 Infection. Microorganisms. 2022; 10(6):1193.
2. Ciotti M, Benedetti F, Zella D, et al. SARS-CoV-2 Infection and the COVID-19 Pandemic Emergency: The Importance of Diagnostic Methods. Chemotherapy. 2021;66(1-2):17-23.
3. Wu SY, Yau HS, Yu MY, et al. The diagnostic methods in the COVID-19 pandemic, today and in the future. Expert Rev Mol Diagn. 2020;20(9):985-993.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Hastalık X

Dr. zlem AZAP

Salon B / 16:30 – 17:00

Sendromik Testlerde Tanısal Ynetim

Dr. Banu SANCAK

Sendromik Testlerde Klinik Yaklaşım

Dr. Alpay AZAP

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 17:30 – 18:30

Yıllar İçinde Ülkemizde TB Moleküler Epidemiyolojisi

Dr. Kaya KÖKSALAN

Aktif ve Latent TB Tanısında miRNA, Oda Sıcaklığında Aygıt Kullanmadan miRNA'ların Saptanması

Dr. Tanıl KOCAGÖZ

Mycobacterium tuberculosis'in neden olduğu tüberküloz dünyada en fazla insan hastalandıran ve öldüren enfeksiyon hastalığı olmaya devam etmektedir. Toplumu tüberkülozdan korumanın en önemli aracı hastaların erken saptanması ve etkin tedavi ile iyileştirilerek hastalığın sağlıklı bireylere bulaşmasının engellenmesidir. Tüberküloz basilini alan kişilerin akciğerinde lokal bir enfeksiyon oluşup daha sonra bu iyileşir. Aktif tüberküloz denen klinik durum, bu ilk odaklardaki bakterinin yeniden çoğalarak dokulara zarar vermeye başlaması ile ortaya çıkar. Tüberküloz basilini alan kişilerin sadece %10'unda aktif tüberküloz gelişirken, %90'ında latent olarak kalır. Latent tüberkülozu olan yani sadece vücudunda basili taşıyan hastaların bir enfeksiyon hastalığına ait belirtileri ortaya çıkarsa bunun aktif tüberküloz olup olmadığının ayırt edilmesi gerekir. Akciğer tüberkülozunun kesin tanısı balgamdan *M. tuberculosis* üretilmesi ile konur. Hastalığın erken devresinde balgam çıkmaz. Çocuklardan da balgam örneği almak çok zordur. Akciğer dışı tüberküloz olgularında ise zaten hastaların balgam çıkarması söz konusu değildir. Bakteriyolojik tanı konulamadığı durumlarda aktif ve latent tüberkülozu ayırt edebilecek bir yöntem bulunmamaktadır. Bunu yapabilecek bir yöntem geliştirilmesi bu nedenle çok önemlidir.

Son yıllarda, gen ifadesini düzenleyen, küçük ve protein kodlamayan RNA molekülleri olan mikro RNA'ların (miRNA'ların) çeşitli hastalıkların tanısı için biyobelirteç olarak kullanılabileceği anlaşılmıştır. Aktif tüberküloz hastası bireylerde bazı özgül miRNA'ların, latent tüberküloz veya sağlıklı kontrollere kıyasla fazla üretildiği saptanmıştır. Bu nedenle bu miRNA'lar aktif ve latent tüberküloz enfeksiyonlarını ayırt edebilen duyarlı ve özgül tanı testlerinin geliştirilmesinde umut vadetmektedir.

miRNA'ların saptanmasında kullanılan mikrodizin ("microarray") incelemesi, yüzlerce ya da binlerce miRNA'nın aynı anda saptanmasını sağlayan bir yöntemdir. Yeni nesil dizileme (NGS) ile küçük RNA dizileme gibi teknikler daha yüksek duyarlılık ve yeni miRNA'ların keşfedilebilmesine olanak sağlar. Ek olarak, nicel izlenebilir tersine transkriptaz polimeraz zincirleme tepkimesi (niTT-PZT; qRT-PCR) miRNA ifade düzeylerini doğrulamak için yaygın olarak kullanılan bir yöntemdir. Tüm bu teknikler karmaşık, pahalı ve yoğun emek gerektiren yöntemlerdir. Ayrıca moleküler biyoloji laboratuvar altyapısı ve pahalı aygıtlar gerektirdiği için kaynakları kısıtlı olan ülkelerde bu tür yöntemleri kullanmak olanaklı görünmemektedir.

miRNA'ları hasta başında kolay ama duyarlı bir yöntemle saptayabilmek için hibridizasyon çoğaltma tekniğine dayanan yeni bir yöntem geliştirdik.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu yöntemde kendi üzerine katlanan floresan boya ile işaretli proplar kullandık. miRNA varlığında, bu birinci proba özgül olarak bağlanıp onun açılmasını sağladı. Bu probun açılan kolu ikinci probun açılmasını, bunun açılması da tekrar birinci probun açılması ile sonuçlandı. Böylece zincirleme bir tepkime şeklinde uzayıp giden zincirler oluştu. Proplarda sönmüleyici etkisinde olan floresan madde propların açılması ile ışıma verdi ve miRNA varlığını başarı ile gösterdi. Bu tepkime oda sıcaklığında gerçekleştirildi ve 5 dakika içerisinde yaklaşık %95 oranında tamamlandığı görüldü.

Hastaların hem kanında hem de idrarında bulunabilen miRNA'ların hasta başı kolay bir yöntemle saptanması bir yandan aktif ve latent tüberkülozlu hastaların ayrımını sağlarken bir yandan da aktif tüberkülozlu hastalara erken tanı konması ile tüberküloz kontrolünde önemli bir rol üstlenebilir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 08:30 – 09:00

Kök Kanal Enfeksiyonlarının Dinamik Doğasının Açığa Çıkarılması: Tanıdan Tedaviye

Dr. Bertan KESİM

Apikal periodontitise (AP) neden olan kök kanal enfeksiyonlarının mikrobiyomu, çok çeşitli mikroorganizmalardan oluşan karmaşık bir yapıya sahiptir. Bu enfeksiyonların tanı ve tedavisi sırasında mikrobiyal profillerin açığa çıkarılması, tedavi başarısını doğrudan etkileyebilir. Teşhis edilmemiş bir AP'nin lokal sonucu diş kaybı olabilirken, tedavi edilmeyen AP'ye sahip bir diş, tüm vücudu etkileme potansiyeli olan sistemik enflamasyonun kaynağı olabilir. Son yıllarda AP ile sistemik hastalıklar arasındaki çift yönlü ilişki yoğun biçimde araştırılmaktadır; bilimsel kanıtlar, AP'nin sistemik sağlığa etkisinin yanı sıra, sistemik hastalıkların da AP'nin patogenezi etkilediğini göstermektedir. Bu mini konferansta, kök kanal enfeksiyonlarının etiyolojisi, bu enfeksiyonların tüm vücuda ve genel sağlığa olan etkileri ile tedavi prosedürlerinin kök kanal mikrobiyomunu nasıl dönüştürdüğüne dair en güncel bilimsel kanıtlar paylaşılabilecektir. Amaç, bu bulguların klinik tedavi yaklaşımlarına nasıl yön verebileceğini tartışmaktır.

Özellikle klinikte belli semptom ve örüntülerle kendini gösteren kök kanal enfeksiyonlarına ait mikrobiyal profillerin açığa çıkarılması, bu enfeksiyonlara eşlik eden bakterilerin tedavi sırasında kullanılacak antienfektif ajanlara duyarlılığının belirlenmesi açısından büyük önem taşımaktadır. Bu konuda yayımlanmış çalışmamızda, klinikte en sık karşılaşılan iki klinik senaryo olarak; daha önce hiç KKT uygulanmamış primer endodontik enfeksiyonlar (PEE) ile tedavi sonrası nüks eden veya tamamen ortadan kaldırılamayan sekonder endodontik enfeksiyonların (SEE) mikrobiyal profilleri karşılaştırılmıştır.

Primer endodontik enfeksiyon, nekrotik pulpa enfeksiyonu olup primer AP'nin temel nedenidir. Bu enfeksiyonlar, pulpa iltihabını başlatan öncü bakterilerle birlikte, nekrotik pulpa dokusundan yararlanarak kök kanal sistemine yerleşen ve geç kolonize olan mikroorganizmalar tarafından sürdürülür. Anaerobik kültür ve moleküler mikrobiyoloji tekniklerini kullanan çalışmalar, PEE' de zorunlu anaerobik bakterilerin baskın olduğunu ortaya koymuştur. Literatürdeki bulgulara paralel olarak, bizim çalışmamızda da PEE' de Gram-negatif fakültatif anaerobik bakterilere (bir sınıf, iki takım, iki aile) ait taksonlar anlamlı derecede daha yüksek bollukta tespit edildi.

Tedavi edilen dişlerde aktif enfeksiyonun devam etmesi veya semptomların sürmesi, AP'nin devam ettiği veya tekrarladığı anlamına gelir ve bu durum genellikle inatçı veya SEE' nin neden olduğu tedavi sonrası AP olarak tanımlanır. Literatürdeki öncü çalışmalarda, kemomekanik preparasyon ve kanal içi medikament uygulanmasından sonra bulunan türler/filotipler tanımlanmış ve SEE' li dişlerin kök kanallarında daha yüksek oranda Gram pozitif türlerin varlığı ortaya konmuştur. Bizim çalışmamızda da bu bulgularla uyumlu şekilde, daha önce KKT uygulanmış SEE' li dişlerde Gram-pozitif bakterilere (bir takım, bir cins, bir tür) ait taksonlar anlamlı derecede yüksek bollukta bulunmuştur.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu bulgulara ek olarak, henüz yayın aşamasında olan bir çalışmamızda, tedavi sırasında mikrobiyom modülasyonunu inceleyerek tedavi protokollerinin nasıl şekillendirilebileceğini değerlendirdik. Zorlu bir süreç olmaya devam eden kök kanallarının dezenfeksiyonu için en etkili yaklaşımı belirlemek üzere araştırmalar devam etmektedir. Kemomekanik preparasyon, bakterilerin kök kanallarından uzaklaştırılmasında en önemli rolü oynamaktadır. Bununla birlikte, kök kanal ilaçlarının ek dezenfekte edici etkilerine ihtiyaç duyulan durumlar olabilir. Olumsuz prognostik faktörlere sahip vakalarda tedavi öncesinde yüksek düzeyde dezenfeksiyon gerekebilir ve semptomatik vakalarda klinisyen tedaviyi tamamlamadan önce semptomların ortadan kalkmasını gözlemlemeyi tercih edebilir. Antimikrobiyal özellikleri nedeniyle kalsiyum hidroksit, kök kanal tedavisinde yaygın olarak kullanılır; ancak etkinliği ve tedavi sonuçlarına olan etkisi literatürde tartışmalı bir konudur.

Kök kanal tedavisi prosedürü, farklı protokollerle uygulanabilen bir dizi bağımsız dezenfeksiyon adımını içermektedir. Özellikle, hangi organizmaların bu dezenfeksiyon aşamalarına karşı duyarlı veya dirençli olduğunun belirlenmesi, etkili antimikrobiyal tekniklerin seçilmesine ve geliştirilmesine yardımcı olacaktır.

Yeni nesil dizileme (YND) stratejileri, endodontik enfeksiyonların etiyolojisinin aydınlatılmasında yaygın olarak kullanılmaktadır. Şu anda mikrobiyom analizi çalışmalarında kullanılan çoğu YND platformu, farklı 16S rRNA geni hiperdeğişken bölgelerine dayalı olarak yalnızca kısa okumaları destekler, ancak yüksek kalitededir. Evrimsel çeşitlilik nedeniyle, tüm bakteri taksonlarını tanımlamak için doğru olarak kullanılabilecek tek bir hiperdeğişken bölge yoktur. V4 hiperdeğişken bölgesini temel alan MiSeq Illumina protokolü birçok çalışmada yaygın olarak kullanılmıştır. Literatürde, primer AP'li dişlerde kalsiyum hidroksit pansumanının kök kanalı mikrobiyomu üzerindeki etkisini araştıran herhangi bir çalışma bulunmamaktadır. Henüz yayın aşamasında olan çalışmamızda, kalsiyum hidroksitin kök kanaldaki bakteriyel kompozisyon üzerindeki etkileri yeni nesil dizileme yöntemleri kullanılarak değerlendirilmiştir. Söz konusu çalışmamızda, iki seansta tedavi stratejisi içerisinde farklı dezenfeksiyon prosedürleri karşılaştırılmıştır. Oturum esnasında bu (yayın aşamasında olan) çalışmamızın bulguları dahilinde, kök kanal tedavisinde yer alan kemomekanik preparasyon, kalsiyum hidroksit ile kanal içi medikasyon ve son irrigasyon işlemlerinin her birinin mikrobiyom üzerindeki etkileri mikrobiyal çeşitlilik indeksleri ve biyoinformatik algoritma sonuçlarıyla ayrı ayrı değerlendirilecektir.

Sonuç olarak;

Bu mini konferansta, kök kanal enfeksiyonlarının mikrobiyal profilinin tanınması ve yönetimindeki önemi ile tedavi sürecinde mikrobiyomun modülasyonu konuları ele alınacaktır. Elde edilen bulguların klinik tedavi yaklaşımlarının optimize edilmesinde faydalı olacağı düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar

- 1- Gomes, M.S.; Blattner, T.C.; Sant'Ana Filho, M.; Grecca, F.S.; Hugo, F.N.; Fouad, A.F., et al., Can apical periodontitis modify systemic levels of inflammatory markers? A systematic review and meta-analysis. *Journal of Endodontics* 2013, 39, (10), 1205-1217.
- 2- Aminoshariae, A.; Kulild, J.C.; Mickel, A.; Fouad, A.F., Association between systemic diseases and endodontic outcome: a systematic review. *Journal of Endodontics* 2017, 43, (4), 514-519.
- 3- Siqueira Jr, J.; Rôças, I.N., Diversity of endodontic microbiota revisited. *Journal of Dental Research* 2009, 88, (11), 969-981.
- 4- Sakamoto, M.; Siqueira Jr, J.F.; Rôças, I.N.; Benno, Y., Bacterial reduction and persistence after endodontic treatment procedures. *Oral Microbiology and Immunology* 2007, 22, (1), 19-23.
- 5- Kesim, B., Ülger, S. T., Aslan, G., Cudal, H., Üstün, Y., & Küçük, M. Ö. (2023). Amplicon-based next-generation sequencing for comparative analysis of root canal microbiome of teeth with primary and persistent/secondary endodontic infections. *Clinical Oral Investigations*, 27(3), 995-1004.
- 6- Ordinola-Zapata, R., Noblett, W. C., Perez-Ron, A., Ye, Z., & Vera, J. (2022). Present status and future directions of intracanal medicaments. *International endodontic journal*, 55, 613-636.
- 7- Kim, M., Morrison, M., & Yu, Z. (2011). Evaluation of different partial 16S rRNA gene sequence regions for phylogenetic analysis of microbiomes. *Journal of microbiological methods*, 84(1), 81-87.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 09:00 – 10:00

IFA

Dr. Alev ÇETİN DURAN

Akım Sitometri

Dr. Alper TOGAY

Bilim insanları hcreleri analiz etme yntemlerini yzyıldan fazla sredir geliřtirmektedir. İlk alıřmalar 1904'te Kohler'in semender hcrelerinde floresan mikroskobi kullanımıyla bařlamıř, 1924'te Feulgen tarafından DNA tespiti yapılmıřtır. Casperson 1936'da ultraviyole ıřıkla kromozomları lerken, 1951'de Robert Mellors mikroflorometrik tarayıcı geliřtirmiř ve "florokrom" terimini tanımlamıřtır. 1958'de Mendelsohn, kromozom fotometrisini geliřtirmiř, Moldavan ise hcre sayımı iin fotoelektrik teknikler geliřtirmiřtir. 1950'lerde hcre sayma teknolojileri geliřtirilmiř ve Coulter Sayacı'nın tanıtılması nemli bir adım olmuřtur. Akıřkan tabanlı hcre tespiti alanında, hidrodinamik odaklama kritik bir yenilik olmuřtur. Sıvı akıřı ile kılıf oluřturulması olarak aıklanabilecek bu ilke, ilk olarak Crosland-Taylor'ın 1953 tarihli makalesinde tanımlanmıřtır. Crosland-Taylor'ın alıřması hemen hemen tm akım sitometrelerinin temelini oluřturması nedeniyle, sitometri alanına nclk etmiř ve nemli bir katkı saėlamıřtır.

Gnmzde iki ana floresan tabanlı akım sitometrisi tr vardır: polikromatik ve spektral sitometri. Polikromatik sitometri, her boya iin zel sensrler kullanırken; spektral sitometri, tm spektrumdan floresan sinyallerini toplamak iin byk dedektr bankaları kullanır. Spektral sitometri, veri analizi konusunda daha tutarlıdır ve daha az manuel mdahale gerektirir. Akım sitometrisi, hcre analizi ve hcreleri ayırma gibi biyolojik uygulamalar iin kullanılan nemli bir teknolojidir. Analiz aısından, her bir hcre iin birden fazla rnekten verilerin kaydedilmesini saėlar. Hcrelerin yzey ve/veya hcre ii belirtelerine gre tanımlanmasına, canlılık testlerine ve hcre dng analizlerine olanak tanır. Hcreleri ayırma aısından ise spesifik hcre poplasyonlarının izole edilmesini saėlar. Akım sitometrisi, hcre heterojenliėi zme, nadir hcre alt kmelerini tespit etme, iyon akıřlarını inceleme, sitokin analizi ve protein mhendisliėi gibi eřitli alanlarda kullanılabilir.

Son 50 yılda tek bir hcreye ait 40'tan fazla parametrenin deėerlendirilme kapasitesine ulařılmıřtır. Bu geliřme; gl bilgisayarlar, monoklonal antikorlar, yeni floresan iřaretleyiciler, yeni lazer ve sensr teknolojilerinin birleřimi ile mmkn olmuřtur. Daha hassas ve yksek hızlı sensrlerin geliřtirilmesine yapay zekanın da entegrasyonunun akım sitometrinin kullanım alanlarındaki potansiyelini daha da arttıracadıėını dřndrmektedir. Analitik tekniklerin ilerlemesi ve mikroakıřkan sistemlerin ortaya ıkıřı, bu alanda daha fazla yenilik ve keřif fırsatı saėlayacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon C / 10:00 – 10:30

Paleomikrobiyoloji, İklim Modelleri ve Donmuş Toprak

Dr. Hüseyin GÜDÜCÜOĞLU, Dr. Çağrı ERGİN

Erken ve geç Dünyanın jeolojik tarihinde Prekambriyen, Devoniyen ve Eosen olarak adlandırılan dönemlerde tortul kayalardan gelen prokaryotik mikroorganizmalarla yapılan çalışmalar fotomikrografi yöntemi ile gösterilmiştir. Buna göre septalı filemantöz alglerin varlığı pubmedde ilk yayın olarak yerini almıştır (1). Meromiktik bir tuz gölünün (Mahoney Gölü, Britanya Kolumbiyası, Kanada) Holosen (günümüzden yaklaşık 11.700 yıl önce başlayan jeolojik dönem) çökelti katmanlarında mor kükürt bakterisinin (Chromatiaceae) moleküler kalıntıları tespit edildi. Okenon, şu anda gölün kemoklin bakteri topluluğunda baskın olan *Amoebobacter purpureus* dahil olmak üzere Chromatiaceae'nin yalnızca birkaç türüne özgüdür (2). Metabolik olarak aktif bakterilerin göstergesi olarak hidrolitik ekzoenzimler, Doğu Akdeniz'in batıyal çökelti katmanlarından toplanan ardışık dört sapropel katmanında araştırıldı. Karşılaştırma amacıyla, sapropeller arasındaki organik karbon açısından fakir katmanlar, anoksik Urania havzasındaki çökelti ve Alman Wadden Denizi'nin gelgit arası çamur düzlüklerindeki çökelti de analiz edildi. 124.000 yıllık sapropel tabakasında bile aminopeptidaz ve alkalik fosfat aktivitesinin yüksek olduğu, beta-glukosidaz aktivitesinin ise tüm katmanlarda düşük olduğu görüldü (3). Doğal kükürt döngüsünde mikrobiyal etkileşimler bulunmaktadır. Kükürt bakterilerinin doğal ekosistemlerde zıt beslenme gereksinimleriyle birlikte ortaya çıkmasının ve fototrofik konsorsiyum olarak adlandırılan bakterilerin mekansal olarak çok yakın birliktelikleri (örneğin, *Klorokromatyum aggregatum* veya *Pelokromatyum roseum*) anlaşılmıştır (4). Urania havzası, doğu Akdeniz'in dibinde yer alan aşırı tuzlu bir sülfürlü tuzlu su gölüdür. Bu havza deniz yüzeyinden yaklaşık 3.500 m derinlikte yer aldığından fitoplanktonun çok az miktardaki organik karbonunu içermektedir. Bu çalışmada, hipersalin tuzlu su ile üstteki deniz suyu arasındaki arayüzdeki bakteri toplulukları araştırıldı. Bu kemoklin içerisinde toplam bakteriyel hücre sayısı ve ekzoenzim aktiviteleri yüksek bulundu (5). Yine Doğu Akdenizde de organik açıdan zengin çökelti (sapropeller), 16S ribozomal RNA gen analizleri ile henüz kültürü yapılmamış yeşil kükürt içermeyen bakterilerden ve Crenarchaeota dan oluştuğu gösterildi (6). Çeşitli *Bacillus* türlerinin sporlarının, 250 milyon yıldır (25-40 °C de) hayatta kalma olasılıkları modellendi. Eski spor oluşturan bakteri olduğu varsayılan *Salibacillus marismortui* yeniden canlandırıldı. Antik jeolojik örneklerdeki karasal sporların ve çarpma etkisi kapsamında gezegenler arasında taşınan sporların hayatta kalma olasılıkları incelendi (7). Buraya kadar çevresel izolatlarda antik mikroorganizmalar araştırılmıştır. Bundan sonraki 2010 yılından itibaren yapılan çalışmalar ile insan çalışmaları başlatılmıştır. İlk çalışma; Yeni paleomikrobiyoloji alanı, insan kalıntılarının diş pulpasının PCR ile test edilmesiyle geçmiş salgınların tanımlanmasına olanak tanımasıdır. Fransa'nın Douai kentinde XVIII. yüzyılın başlarından kalma bir toplu mezarda çalışma yapıldı. *R. prowazekii* ve *B. quintana* için kantitatif PCR (qPCR) ile 1192 dişin (Douai'den 40 diş dahil) diş pulpası test edildi. 6/21 kişide (%29) bir *B. quintana* enfeksiyonu ve *R. prowazekii* vakası tespit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



edildi. Bu çalışmaya göre tifüsün Avrupa'ya Amerika'dan İspanyol askerler tarafından getirildiği sonucuna varıldı (8). 1910'da, Sir Marc Armand Ruffer, Hanedanlık döneminden kalma Mısır mumyalarında insan paraziter hastalığı olan idrar şistosomiyazı tanımlayan ilk paleopatologdu. Yeni bir alan olan paleomikrobiyoloji, eski patojen DNA'sını tanımlamak için moleküler teknikler kullanıyor. Bu yaklaşım esas olarak *Mycobacterium tuberculosis* (MTBC), *Mycobacterium leprae*, *Yersinia pestis*, *Rickettsia prowazekii* ve *Bartonella quintana* gibi bakteriyel patojenlere uygulanmıştır. Paleoparazitoloji ve paleopatoloji arasında sinerjik bir bağlantı kurmak birçok hastalığın nedenini tespit etmek adına son derece önemli olacaktır (9). Binlerce yıldır Kuzey ve Güney Amerika farklı insan popülasyonlarına ev sahipliği yapmıştır. 1492'de Avrupalıların temasından önce, bu popülasyonlar Amerika'da dünyanın geri kalanından etkili bir şekilde izole bir şekilde yaşıyordu. Genel olarak insanların ilk olarak yaklaşık 13.000 yıl önce Bering Kara Köprüsü (Beringia) üzerinden deniz seviyelerinin önemli ölçüde düşük olduğu bir dönemde Amerika'ya göç ettiği düşünülmektedir. Kuzey ve Güney Amerika olarak bilinen kara parçalarına ilk gelen insanlar, Asya'dan getirdikleri ve Amerika'da edindikleri bulaşıcı hastalıklarla mücadele ediyorlardı. *H. pylori*'nin antik suşları Amerika'da keşfedilen insan kalıntılarında tanımlanmıştır. Buda insanların ilk olarak Asya'dan Amerika'ya göç ettiği teorisini desteklemektedir. *M. tuberculosis*, *H. pylori* gibi, insanlarla o kadar uzun süredir ilişkilidir ki, çeşitliliği insan göç tarihiyle bağlantılıdır ve bakterinin farklı suşları dünyanın farklı bölgeleriyle ilişkilidir. Tüberküloz ilk olarak sömürge öncesi Amerika'daki insanlarda, Güney Peru'daki Nazca kültüründen yaklaşık MS 700 yılına tarihlenen mumyalanmış bir çocuktaki morfolojik kanıtlar kullanılarak tanımlanmıştır. Tarihsel materyale veya modern genomik çalışmalara dayalı örnekler arasında Bartonellozis veya Carrión hastalığı Mukokutanöz leishmaniasis, Lyme, Borreliosis, Salmonellozis, Toksoplazmoz ve Treponematozis yer almaktadır. *T. cruzi* Chagas hastalığı bugün Güney Kuzey Amerika'dan Güney Arjantin'e kadar Amerika'da mevcuttur. Başlangıçta, insanların ilk olarak And Dağları bölgesinde, kentsel nüfusların, hareketsiz bir yaşam tarzının ve hayvanların evcilleştirilmesinin gelişmesinden sonra triatomin böceklerinin yerleşik hale gelmesiyle *T. cruzi*'nin yaşam döngüsüne girdiğine inanılıyordu. Ancak, insanların Amerika'ya girdikten çok kısa bir süre sonra *T. cruzi*'nin zoonotik döngüsüne girmiş olması daha olasıdır, *T. cruzi*'nin And Dağları kıyısındaki insanları en az 9.000 yıldır ve And Dağları bölgesindeki kentsel merkezlerin gelişmesinden önce enfekte ettiğini ortaya koymuştur. Araştırmacılar; *T. cruzi*'nin hem Amerika'nın eski göçebe hem de kentsel yerli halklarını enfekte ettiğini gösterdiler. Günümüzde *C. immitis*, Kaliforniya'daki San Joaquin Vadisi'nde bulunmaktadır. Coccidioides türlerinin vahşi Amerikan hayvanlarını enfekte ettiği uzun zaman dilimini yansıttığı önerisine yol açmıştır. Avrupalıların Amerika'yla teması, Avrupalıların Amerika'yı keşfetmesinden sonra yaşananlar, insan bulaşıcı hastalıklarının küresel dağılımını tamamen değiştirdi. İnsan bulaşıcı hastalıkları, binlerce yıl boyunca Doğu ve Batı Yarımkürelerde bağımsız olarak evrimleşmişti. Her iki Yarımküre de avcılık ve toplayıcılığın, tarımın ve kentsel merkezlerin gelişiminin mevcut olduğu insan popülasyonlarına ev sahipliği yapıyordu, ancak yarımkürelerdeki coğrafya, iklim ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



yerel organizmalar farklıydı. Bu nedenlerden ve basit bir şans eseri, Doğu ve Batı Yarımkürelerde çok farklı insan bulaşıcı hastalıkları mevcuttu. Avrupalılar, çiçek hastalığı, kızamık ve sıtma dahil olmak üzere daha önce orada bulunmayan birçok ölümcül bulaşıcı hastalığı Amerika'ya getirdiler, bu nedenle Amerika yerlilerinin bunlara karşı genetik direnci yoktu. Buna karşılık, Avrupalılar, maruz kaldıkları yüzyıllar boyunca bu hastalıklara karşı yüksek derecede bağışıklık geliştirmişlerdi. Uzun bir kentsel yerleşim geçmişine sahip popülasyonların tüberküloza karşı daha fazla genetik dirence sahip olduğunu göstermektedir. Bununla birlikte, uzun vadeli kentleşmenin bir diğer sonucu, bulaşmanın daha olası olması ve büyük bir popülasyonun virülen patojenlerin varlığını sürdürmesini sağlaması nedeniyle daha virülen patojen türlerinin gelişmesidir. "Keşif dönemi" boyunca, Avrupa'dan Amerika'ya fazla sayıda insan bulaşıcı hastalığı getirdi. Ayrıca, sömürge sonrası hastalık epidemiyolojisini göz önünde bulundurarak, Amerika yerli halkları saf bir nüfusu temsil ediyordu. Avrupa sömürgeciliğinin Amerika'ya getirdiği bulaşıcı hastalık, yerinden edilme ve savaş kombinasyonu yaygın bir yıkıma neden oldu. Paleomikrobiyoloji, bize çok ilginç ve yararlı biyolojik, antropolojik, tarihsel ve arkeolojik bilgi sağlayabilen hızla gelişen bir araştırma alanıdır. Yukarıda gösterildiği gibi, paleo mikrobiyoloji eski ve tarihsel göçlere dair kanıt sağlayabilir ve geçmiş popülasyonların yaşam koşullarını gösterebilir. Paleogenomik ayrıca patojenler içindeki genetik değişikliklerin gerçek zamanlı kalibrasyonunu sağlayabilir ve bu değişiklikleri insan konakçılarının toplumuyla ilişkilendirebilir (10). MS 16-17. yüzyıl Bacsalmas-Oalmastan (güney Macaristan) tüberküloz ile ilişkilendirilen 481 iskelet, yeniden değerlendirildi. Bu çalışmada MTBC ile enfekte iskeletlerin çok daha yüksek bir yaygınlığı olduğu ortaya çıkarıldı. Ön sonuçlar ayrıca uzun kemiklerin ve dişlerin kompakt tabakasında bakteriyel DNA'nın daha iyi korunduğunu gösterdi (11). Yine Macar mumya koleksiyonundan Vac'taki iki mumya aynı aileye aitti (baba ve oğlu). Paleomikrobiyolojik sonuçlar her iki bireyin de tüberkülozla enfekte olduğunu buldu (12). Tarihin derin sayfalarına ışık tutmak ve gerçekleri anlayabilmek her paleomikrobiyoloğun hayalidir. Bu konudada en büyük destekçisi kanıta dayalı yöntem polimeraz zincir reaksiyonu (PCR) ile mikrobiyal antik DNA'nın (aDNA) analizidir. PCR, parçalanmış mikrobiyal aDNA'nın eser miktarlarının tanımlanmasını ve çoğaltılmasını sağladığı için paleomikrobiyolojik araştırmalarında devrim yaratıp gerçekleri gün ışığına çıkarmaya devam edecektir (10).

Kaynaklar

1. Swain FM. [Paleomicrobiology](#). Annu Rev Microbiol. 1969;23:455-72.
2. Coolen MJ, Overmann J. [Analysis of subfossil molecular remains of purple sulfur bacteria in a lake sediment](#). Appl Environ Microbiol. 1998 Nov;64(11):4513-21.
3. Coolen MJ, Overmann J. [Functional exoenzymes as indicators of metabolically active bacteria in 124,000-year-Old sapropel layers of the eastern Mediterranean Sea](#). Appl Environ Microbiol. 2000 Jun;66(6):2589-98.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



4. Overmann J, van Gernerden H. [Microbial interactions involving sulfur bacteria: implications for the ecology and evolution of bacterial communities](#). FEMS Microbiol Rev. 2000 Dec;24(5):591-9.
5. [Sass AM, Sass H, Coolen MJ, Cypionka H, Overmann J. Microbial communities in the chemocline of a hypersaline deep-sea basin \(Urania basin, Mediterranean Sea\)](#). Appl Environ Microbiol. 2001 Dec;67(12):5392-402.
6. Coolen MJ, Cypionka H, Sass AM, Sass H, Overmann J. [Ongoing modification of Mediterranean Pleistocene sapropels mediated by prokaryotes](#). Science. 2002 Jun 28;296(5577):2407-10.
7. Nicholson WL. [Using thermal inactivation kinetics to calculate the probability of extreme spore longevity: implications for paleomicrobiology and lithopanspermia](#). Orig Life Evol Biosph. 2003 Dec;33(6):621-31.
8. Nguyen-Hieu T, Aboudharam G, Signoli M, Rigeade C, Drancourt M, Raoult D. [Evidence of a louse-borne outbreak involving typhus in Douai, 1710-1712 during the war of Spanish succession](#). PLoS One. 2010 Oct 27;5(10):e15405.
9. Dutour O. [Paleoparasitology and paleopathology. Synergies for reconstructing the past of human infectious diseases and their pathocenosis](#). Int J Paleopathol. 2013 Sep;3(3):145-149.
10. Darling MI, Donoghue HD. [Insights from paleomicrobiology into the indigenous peoples of pre-colonial America - a review](#). Mem Inst Oswaldo Cruz. 2014 Apr;109(2):131-9.
11. Pósa A, Maixner F, Sola C, Bereczki Z, Molnár E, Masson M, Lovász G, Spekker O, Wicker E, Perrin P, Dutour O, Zink A, Pálfi G. [Tuberculosis infection in a late-medieval Hungarian population](#). Tuberculosis (Edinb). 2015 Jun;95 Suppl 1:S60-4.
12. Szikossy I, Pálfi G, Molnár E, Karlinger K, Kovács BK, Korom C, Schultz M, Schmidt-Schultz TH, Spigelman M, Donoghue HD, Kustár Á, Pap I. [Two positive tuberculosis cases in the late Nigrovits family, 18th century, Vác, Hungary](#). Tuberculosis (Edinb). 2015 Jun;95 Suppl 1:S69-72.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Buzullar ve donmuş topraklar antik mikrobiyal yaşamın arşivi niteliğindedir. Yaklaşık 200.000 adet karasal buz kütlesi içeren dünyamız, iklim değişikliği ile 15.000 yıllık bakteri ve fajla ile tekrar karşılaşmak üzeredir (1). Çevresel mikrobiyoloji alanında eski mikrobiyolojik ilke olan “Her şey her yeredir, ancak çevre seçer” şeklindeki alıntılarının sıklığı son yıllarda dikkat çekici şekilde artmaktadır (2). Esasen halen günümüzde var olan iklim değişikliği yeni değildir, milyonlarca yıl içinde farklı dönemsel değişimler hep yaşanmıştır. Bugünün farkı, bu etkinin insan kaynaklı nedenlerle hızlandırılmış olduğunun kabul edilmesidir. İklim değişikliği günümüzün en karmaşık küresel sorunları arasında yer almakta ve bilimsel, ekonomik, sosyal, politik, ahlaki ve etik yönleri kapsamaktadır. Nedeni ne olursa olsun, küresel ısınmanın getirdiği çevresel ekosistem değişikliği, buzulların çözülmesi ve ortamda vejetasyonların oluşmasına, bu durumda toprak ekosistemindeki solunum ve dekompozisyon farklılıklarına neden olur. Sonuç “pozitif feedback” ile küresel ısınmanın hızlanmasıdır. Donmuş topraklarda ve buzullarda henüz tanımlanmamış metan üreten bakterilerin doğal ortama tekrar dönebileceği hipotezi, ekosistemlerin kaderini belirlemede önemli rol oynar (3). Buzullar, kayaçlar ve donmuş topraklar farklı fizikokimyasal parametreler içerirler, mikrobiyal kompozisyonları farklıdır. Bu nedenle aynı ortamda çevresel rolleri farklıdır.

Buzulların içindeki (merkez, çekirdek) mikrobiyal birliktelikler toz ve iyon konsantrasyonu ile korelasyon gösterir. Buzul-buz mikropları, birikme zamanındaki iklim ve çevre koşullarını yansıtır. Bu konudaki yapılan araştırmalarda en büyük sorun yapay kirlenmedir. Diğer bir sorun ise incelenen örneklerin içindeki biyokütlenin çok az olarak bulunmasıdır. Aslında bu durum, Dünya dışı yaşam araştırma çalışmalarında karşılaşılan yapay kirlenmenin eliminasyonu ile aynı amaca yöneliktir (4).

Bugüne kadar elde edilen veriler, güncel virüslerin atalarıyla çok az benzerlik gösterdiğine işaret etmektedir. Kabul edilen yaklaşım, tempere virüslerin çevre koşullarına virülan virüslere göre daha çabuk uyum sağlayacağı yönündedir ve buzul içeriklerinden saptanan faj zenginliği bu görüşü desteklemektedir (1). Küresel ısınmanın getireceği yeniden güncel olan virüslerin, taşıdıkları zengin faj birliktelikleri ile hem küresel çapta uyumlarını kolaylıkla sağlayacağı hem de yardımcı metabolik genleri ile iklim değişikliğine “pozitif feedback” sağlayacağı düşünülmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Kaynaklar

- (1) Petkar T. Frozen microbes: Glaciers as archives of ancient microbial life. 2024.
<https://www.internationalmicroorganismday.org/blogs/frozen-microbes>
- (2) de Wit R, Bouvier T. 'Everything is everywhere, but, the environment selects'; what did Baas Becking and Beijerinck really say? Environ Microbiol. 2006;8(4):755-8.
- (3) Dutta H, Dutta A. The microbial aspect of climate change. Energ Ecol Environ. 2016;1:209-32.
- (4) Zhong ZP, Tian F, Roux S, Gazitúa MC, Solonenko NE, Li YF, Davis ME, Van Etten JL, Mosley-Thompson E, Rich VI, Sullivan MB, Thompson LG. Glacier ice archives nearly 15,000-year-old microbes and phages. Microbiome. 2021;9(1):160.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon C / 11:00 – 12:30

Nozokomiyal Artropod Enfestasyonları

Dr. Ayşegül TAYLAN ÖZKAN

Hastane kaynaklı eklem bacaklı enfestasyonları sağlık ortamlarında önemli ancak genellikle yeterince önemsenmeyen bir sorundur. Uyuz, bit, pire, tahtakurusu gibi eklem bacaklıların neden olduğu enfestasyonlar hastalar ve personel arasında salgınlara ve ikincil enfeksiyonlara yol açabilir. Hastane ortamında sıklıkla karşılaşılan hamamböceği, karınca, sinek ve sivrisinek gibi böcekler de hem mekanik hem de biyolojik olarak vektör görevi taşıyabilirler. Patojenleri yayma ve enfeksiyon bulaştırma potansiyelleri nedeniyle önemli sağlık riskleri oluştururlar. Uyuz, *Sarcoptes scabiei* akarının neden olduğu bulaşıcı bir cilt enfestasyonudur. Doğrudan temasla cilde invazyon sonucu tüneller oluşturur kızarıklık ve yoğun kaşıntıya yol açar. Özellikle Norveç uyuzlu bir indeks vaka olması halinde fomitler aracılığıyla da hastalar ve sağlık çalışanları arasında hızla yayılma potansiyeli bulunur.

Bitlenme hastaneler de dahil olmak üzere her türlü ortamda yaygın bir sorundur. Saç derisini (*Pediculus humanus capitis*), vücudu (*Pediculus humanus corporis*) veya kasık bölgesini (*Phthirus pubis*) istila ederek şiddetli kaşıntıya, ikincil enfeksiyonlara ve sosyal damgalanmaya neden olabilir. Vücut bitleri *Rickettsia prowazekii* (endemik tifüs), *Bartonella quintana* (siper ateşi) ve *Borrelia recurrentis* (bit kaynaklı dönek humma) hastalıklarının vektörü olarak görev yapabilir. Tahtakuruları (*Cimex lectularius*), insan kanıyla beslenir ve kaşıntıya neden olabilir. Bilindiği kadarıyla vektörlük riski bulunmamaktadır. Ancak mücadelesi çok zordur.

Pireler, memeli kanıyla beslenen küçük, kanatsız ektoparazitlerdir. İnsanları etkileyen en yaygın türler kedi piresi (*Ctenocephalides felis*) ve köpek piresi (*Ctenocephalides canis*) olmakla birlikte, diğer türler de söz konusu olabilir. Sıçan piresi, *Xenopsylla cheopis*, veba bakterisi, *Yersinia pestis*'in birincil vektörüdür ve ayrıca *Rickettsia* ve *Bartonella* cinslerine ait bakterilerin vektörü olarak da görev yapar.

Sağlık tesislerindeki hamamböceği, karınca, sinek ve sivrisinek gibi eklem bacaklılar sanitasyon ve enfeksiyon kontrol uygulamalarındaki eksiklikleri gösterebilir ve kurumun itibarını etkileyebilir.

Haşere içermeyen bir ortamın sürdürülmesi hasta güvenliği, personel sağlığı, tesisin genel hijyeni ve enfeksiyon kontrolü için çok önemlidir. Mücadele için etkili bir haşere yönetimine ve entegre bir mücadeleye ihtiyaç bulunmaktadır. Sanitasyon, dışlama, izleme ve hedefli pestisit kullanımını içeren entegre haşere yönetimi (IPM) programlarını uygulayarak hastaneler böcek istilası ve ilişkili sağlık sorunları riskini önemli ölçüde azaltabilir. Personelin haşere tanımlama ve kontrol önlemleri konusunda düzenli olarak eğitilmesi ve bilgilendirilmesi de başarılı bir haşere yönetimi stratejisinin önemli bileşenleridir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dünyada ve Ülkemizde Uyuz ve Tahtakurusu Enfestasyonları: Salgın mı?

Dr. Kosta Y. MUMCUOĞLU

Cimex lectularius (tahtakurusu) insan ve hayvanlardan kan emen, zorunlu, geçici paraziter böceklerdir. Özellikle geceleri aktiftirler ancak aç kaldıklarında gündüz saatlerinde de konak ararlar. Enfeste binalarda tahtakuruları özellikle yatak odasında bulunur ve aktif olmadıklarında yatak başı, karyolası ve şiltesine, masa ve dolapların çekmecelerine, halıların altına, gevşek duvar kağıtları ve boyalarına, çivi ve vida deliklerine, duvarlardaki çatlak ve yarıklara, resim çerçeveleri, duvar aynaları ve perdelerin arkasına saklanırlar. Enfestasyonun en çok görüldüğü alanlar otel, yurt, huzurevi zaman zaman hastane gibi topluca yaşanan yerlerdir. Tahtakurusu kozmopolit bir yayılım gösterir ve *Cimex lectularius* Türkiye'de de görülen bir türdür. Türkiye'nin farklı jeo-iklimsel bölgelerinde bu böceğin dağılımını gösteren kapsamlı çalışmalar olmasa da ülkenin geneline yaygın olduğu düşünülmektedir.

Uyuz etkeni *Sarcoptes scabiei* var. *hominis* insanlara özgü ve bütün evrim dönemlerini insan derisinde geçiren zorunlu ve daimi bir parazittir. Dişi sarcoptesler deri üzerinde döllendikten sonra stratum korneum içinde tünel kazmaya başlar ve günde 3-4 yumurta yaparak, yaşamları süresince ortalama 40-50 yumurta bırakırlar. 2-3 günde yumurtadan çıkan larvalar deri yüzeyine ulaşırlar ve sığ tüneller açarak, 2-3 gün sonra nimf evresine geçerler. Nimfler iki kez gömlek değiştirip erişkin erkek veya dişi olurlar ve deride kazdıkları küçük tüneller içinde yaşarlar. Bir nesil 2-4 hafta sürebilir. Bulaşma tipik olarak enfekte olmuş bir birey ile enfekte olmamış bir birey arasında uzun süreli ciltten cilde temas yoluyla gerçekleşir. Bununla birlikte, bulaşmanın yatak takımları gibi fomitler yoluyla gerçekleşmesi de mümkündür. Uyuz, her yaştan, ırktan, cinsiyetten ve sosyoekonomik gruptan bireyi etkileyen parazitik bir enfestasyondur. Bununla birlikte, düşük ve orta gelirli tropikal ülkelerde çok daha fazla oranda görülmektedir.

Çalışmalardan elde edilen veriler uyuzun çocuklar, genç yetişkinler ve yaşlılar arasında ve sonbahar ile kış aylarında daha yaygın olduğunu göstermektedir. Uyuz salgınlarının savaş, afet, kıtlık, aşırı kalabalık, yetersiz beslenme, göç, evsizlik ve kötü hijyen gibi durumlarda ortaya çıktığı bilinmektedir. Aslında uyuz, mülteci veya sığınmacı popülasyonlarında en yaygın üçüncü bulaşıcı hastalık olarak rapor edilmiştir. Hastalığın küresel etkisi oldukça büyüktür, yılda 200 milyondan fazla kişiyi etkilemekte ve dünya çapında sağlık sistemlerine önemli bir yük getirmektedir. Türkiye'de de uyuz insidansı artış göstermektedir. 2013-2018 yılları arasında yapılan retrospektif kesitsel bir çalışma, insidansın kademeli olarak %0,4'ten %1'e yükseldiğini ortaya koymuştur. Ülkenin çeşitli coğrafi bölgelerindeki 12 üçüncü basamak dermatoloji kliniğinde uyuz hastalarına ilişkin verilerin derlendiği çok merkezli bir çalışmada, 2014-2019 yılları arasında 17.803 hastaya (14.574 yetişkin ve 3.229 çocuk) uyuz teşhisi konulmuştur. Vaka sayısının 2017 ile 2018 yılları arasında yaklaşık 7 kat, 2017 ile 2019 yılları arasında ise 30 kat artması dikkat çekicidir. İstanbul'daki iki üçüncü basamak hastanede yürütülen retrospektif bir çalışmada belirtildiği üzere, 2018 ve 2019 yılları arasında Türkiye'de bir uyuz salgını meydana

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



gelmiştir. Kuzeydoęu Trkiye'de 2021 yılında yapılan kesitsel bir alıřmada da uyuz insidansı %10,9 olarak bildirilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Uyuz ve Tahtakurusu Enfestasyonlarına Klinik Yaklaşım

Dr. Aslan YÜREKLİ

Uyuz hastalığı *Sarcoptes scabiei var hominis* akarının neden olduğu ektoparaziter bir deri hastalığıdır. Özellikle 2019 yılından sonra gerek ülkemizde gerek tüm dünya genelinde görülme sıklığında artış yaşanmaktadır. Otörler bu artışı dünya genelinde yaşanan düzensiz göçe ve covid-19 pandemisine bağlamaktadır. Ancak son zamalarda mevcut tedavi ajanlarının tedavide başarısızlığı bilimsel çalışmalara konu olmaya başlamıştır. Her ne kadar moleküler düzeyde bir direnç gösterilmemiş olsa da bu konuda en çok suçlanan ajan yıllardır birinci basamak tedavi olarak kullanılan permetrinidir.

Hastalık özellikle gece ve sıcakta artan kaşıntı ile kendini gösterir. Akar el ve ayak bileklerinde silion adı verilen tüneller inşa eder. Dermoskopi yardımı ile bu tüneller net bir şekilde görüntülenebilmektedir. Akarın kendisi ve dışkı vb. artıklarına karşı tip-4 aşırı duyarlık reaksiyonu gelişir ve kişi kaşınmaya başlar. Bu duyarlanma 2-6 hafta sürebildiğinden akar bulaşından sonra kaşıntı hemen başlamaz. Bu bilgi ailede kaşınan kaşınmayan herkesin aynı anda tedavi edilmesi gerekliliği açısından önem arz etmektedir. Klinik yaklaşım akarı öldürme ve kıyafetlerden akarı arındırma temeline dayanmaktadır. Tedavide topikal olarak permetrin, sülfür ve benzil benzoat sıklıkla kullanılırken oral olarak ta ivermektin tercih edilmektedir. Hiçbir tedavi ovosidal olmadığından tedaviden bir hafta sonra aynı kür tekrar edilmelidir. Böylelikle yumurtadan yeni çıkan akarlar tekrar yumurta bırakmadan öldürülmüş olacaktır. Yıkabilen bütün kıyafetler 60 derecede en az 1 saat yıkanmalı yıkanamayan kıyafetler ise ağzı kapalı bir poşette 7 gün bekletilmelidir.

Tahtakurusu enfestasyonları şiddetli kaşıntı ve bu kaşıntıya sekonder folikülitlerle karşımıza çıkmaktadır. Diğer insect bite reaksiyonlarında farklı olarak daha büyük bir giriş deliği ve nispeten daha büyük bir eritem yaratmaktadır. Tedavideki ana hedef semptomları kontrol altına alıp kaşıntıyı azaltmaktır. Aksi taktirde şiddetli kaşıntıya sekonder olarak bakteriyel enfeksiyonlar gelişmekte ve durum daha komplike hale gelmektedir. Bu amaçla tedavide oral antihistaminikler ve topikal steroidler kullanılmaktadır. Ancak tedavi başarısını belirleyen en önemli etken kişinin tahtakurusu ile karşılaşmasının engellenmesi olacaktır. Tahtakurusu ilaçlaması yapılmadıkça veya kişi etkenden uzaklaşmadıkça semptomları tekrar edecektir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 13:30 – 14:00

Biyosit Aktivite Testleri

Dr. Ali ZTRK

Biyositler (dezenfektanlar ve antiseptikler) hastalıkların nlenmesinde ve tıbbi, endstriyel ve gıda retim ortamlarında mikroorganizmaların sayısını azaltmak iin yaygın olarak kullanılmaktadır. Biyosit aktivite testleri, bir biyosidin mikroorganizmaları etkili bir şekilde kontrol etme veya yok etme yeteneğini belirlemek amacıyla yapılmaktadır. Biyosidal rnlerin etkinliğini belirlemek iin eşitli yntemler geliştirilmiştir. Biyositlerin antimikrobiyal aktivitesini lmek iin kantitatif ve kalitatif sspansiyon testleri kullanılır. Ayrıca, fenol katsayısı testi, taşıyıcı testleri ve pratik testler de dahil olmak zere eşitli test metodolojileri mevcuttur. Biyositlerin etkinliğini tespit etmek iin Avrupa Standartları (EN) 14348 ve EN 14563 gibi standartlar kullanılmaktadır. Bu testler belirli sıcaklıklar ve temas sreleri altında gerekleştirilmekte ve mikrobiyal poplasyonlardaki logaritmik azalmanın llmesi yoluyla deęerlendirilmektedir. Biyositlerin etkinliğinin deęerlendirilmesi, saęlık, gıda gvenliği ve tarım dahil olmak zere birok alanda byk nem taşımaktadır. Bu testler, biyositlerin insan saęlığı ve evre zerindeki etkilerini deęerlendirirken dzenleyici kurumlar tarafından istenen standart testlerdir. Biyosit aktivite testleri ile ilgili araştırmaya ve geliştirme alışmaları byk nem taşımaktadır. Bu alanda yapılan her yeni alışma, testlerin doęruluęunu ve uygulanabilirliğini artırmak iin nemli bir fırsat sunmaktadır. Sonu olarak, biyosit aktivite testlerinin gereklilięi giderek daha fazla kabul grdke, bu alandaki araştırmaya ve geliştirme faaliyetlerine olan talep de artmaktadır. Sunumda, biyosit etkinlik testlerinin trleri, uygulama alanları, standartları ve nemi hakkında bilgiler verilecektir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 15:00 – 15:30

Sepsiste Makine Öğrenmesi

Dr. Buket TOKSOY

Sepsiste, patojenlere karşı vücudun oluşturduğu proinflatuar yanıtın etkili bir şekilde regüle edilememesi sonucunda sistemik inflamatuvar yanıt ortaya çıkmaktadır. Bu nedenle her enfeksiyon sepsise yol açmaz, ancak tüm sepsis vakaları enfeksiyonla başlamaktadır.

Günümüzde sepsis tanısı, sistemik inflamatuvar yanıtın ve neden olduğu organ disfonksiyonu belirtilerinin ortaya çıkmasının ardından retrospektif olarak konulmaktadır (Sepsis belirtileri; konfüzyon veya dezoryantasyon, bilinç kaybı, ateş veya hipotermi, dakikada 20'den fazla nefes alma (takipne), dakikada 90'dan fazla kalp atışı (taşikardi), zayıf veya hızlı nabız, şiddetli ağrı, soğuk, nemli veya moraran cilt, idrar çıkışında azalma veya ağrı). Sonuç olarak, sepsisin tanımlandığı an, hasta için kritik zaman dilimlerinin başladığı an ile örtüşmektedir. Bu durum, araştırmalarda sepsiste antibiyotik tedavisindeki her bir saatlik gecikmenin mortalite artışı ile ilişkili olduğu ortaya konularak gösterilmiştir. Sepsisin başlangıç aşamalarında tespit edilebilmesi için, hastaların vital bulguları ve laboratuvar sonuçları skorlama yöntemleri (SOFA, qSOFA, SIRS) ile sık aralıklarla kayıt altına alınarak skorlandırılmaktadır. Bu süreç, skor değerindeki artışın gerçek zamanlı izlenmesini sağlamak amacıyla emek yoğun bir takip sürecini gerektirmektedir. Hastaya ait çok sayıda verinin (vital bulgular, laboratuvar ve görüntüleme sonuçları, klinik geçmişi hakkındaki notlar) hem zaman içindeki değişimlerinin hem de bu veriler arasındaki ilişkilerin değerlendirilmesi, karmaşık bir süreç olup zorluklar içermektedir. Skorlama yöntemleri, bu süreci daha az yorucu ve standart hale getirmiş olsa bile, hasta sayısının arttığı durumlarda (örn: Covid 19 pandemisi esnasında yoğun bakım ihtiyacındaki artış) skorlamanın iş yükünü azaltma ve karar vermeyi kolaylaştırma etkisi yeterli katkıyı sağlamamaktadır. Ayrıca, hastanın sepsis süreci esnasında da septik şoka girdiğinin belirlenebilmesi için, skorlama yöntemleri aracılığıyla belirtilerin daha kısa aralıklarla kayıt altına alınmaya devam etmesi gerekmektedir. Enfeksiyon şüphesi ile başlayan süreçte, hastaya ait ham veriler zaman içinde artmakta ve sepsis ile septik şok yönetimine ilişkin kararların, artan ham verilerin kademeli olarak işlenmesi aracılığıyla verilmesi gerekmektedir. Her hasta için oluşan veri seti heterojenlik göstermekte olup, hasta sayısının artmasıyla birlikte bu veri setlerinin işlenmesi daha karmaşık hale gelmektedir.

Makine öğrenmesi, bilgisayarların verilerden öğrenme ve bu öğrenme süreçlerini geliştirerek belirli görevleri yerine getirme yeteneğini ifade eden bir yapay zekâ dalıdır. Bu teknoloji, büyük veri setlerinden anlamlı desenler ve öngörüler çıkartabilmektedir. Derin öğrenme, makine öğrenmesinin bir alt dalı olarak, çok katmanlı yapay sinir ağları kullanarak verilerden yüksek düzeyde özellikler öğrenmeyi ve karmaşık görevleri yerine getirmeyi mümkün kılmaktadır; bu bağlamda, denetimli öğrenme, denetimsiz öğrenme ve pekiştirmeli öğrenme gibi farklı sınıflamalarla, belirli bir amaca yönelik veri analizi ve modelleme süreçlerinde büyük ilerlemeler sağlamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sepsis ve septik şok yönetiminde, klinik verilerin analizi ve hastalık dinamiklerinin anlaşılmasına yönelik olarak geliştirilen makine öğrenmesi ve derin öğrenme modelleri, tanı ve tedavi stratejilerini optimize ederek yüksek mortalitenin azaltılmasına yönelik hedeflerin gerçekleştirilmesi amacıyla denenmektedir. Bu denemelerin etkin olduğu başlıca aşamalar, enfeksiyon başlangıcı ve sepsis gelişimi öncesi dönemin tespit edilmesi, tedavi kararları ve müdahale zamanlarının belirlenmesi ile hastanın izlenerek iyileşme sürecinin ya da septik şok gelişiminin önceden tahmin edilmesidir. Öğrenme işlemi için büyük veri setleri kullanılmaktadır; bu bağlamda, MIMIC-III, eICU Collaborative Research Database, PhysioNet, ve eHealth veri setleri gibi çeşitli veri setleri araştırmalarda sıklıkla yer almaktadır. Öğrenimini tamamlamış modellerin, gerçek hasta verileri ve öğrenme sağladıkları veri setlerindeki verileri kullanarak test ve validasyon süreçlerinden geçirildiği araştırmaların sonuçları paylaşılmaktadır. Ancak, model geliştirme sürecinde kullanılan büyük veri setlerinin retrospektif tanımlama kriterlerine dayanması, modellerin daha erken tanı koyma ihtiyacını karşılamada yetersiz kalmasına ve yalancı erken uyarı sinyalleri oranının yüksek olması sonucunda özgüllüklerinin düşük olmasına neden olduğu bildirilmektedir.

Modellerin sepsis ve septik şok yönetimine katkısını artırmak için, büyük veri setlerinin kişiye özel tıp (prezisyon tıbbı) verilerini içerecek şekilde genişletilmesi önem arz etmektedir. Bu tür bir genişleme; sepsisle ilgili kişiye özel genetik, çevresel ve yaşam tarzı faktörlerinin eklenmesini sağlayarak modelin performansını arttıracaktır. Ayrıca, oluşturulacak veri seti kütüphanelerinde daha gelişmiş özellik mühendisliği tekniklerinin uygulanması, elde edilen desenlerin heterojenite engelini aşmasına katkı sağlayarak enfeksiyon şüphesi taşıyan hastalarda sepsis ve septik şok gelişiminin önceden tespit edilmesini mümkün kılacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon C / 15:30 – 16:00

Dr. İbrahim Refik Saydam'ın anısına: Yeni Bir Bartonella Türü Olan *Bartonella refiksaydami*'nin Keşif Öyküsü

Dr. Bekir ÇELEBİ

Bartonella türleri insanlarda ve hayvanlarda hücre içi yerleşim gösteren Gram negatif bakterilerdir. Bugüne kadar valide edilmiş 38 Bartonella türü bulunmaktadır. Türlerden ikisi *Bartonella quintana* ve *Bartonella bacilliformis* insan spesik iken diğerleri hayvanlarda bildirilmiş ve bunlardan 18 tür zoonotik etken olarak tanımlanmıştır. Zoonotik türlerin insanlara bulaşması rezervuarların ısırması, tırmalaması ile olurken vektörlerin de taşıması mümkündür. Bartonella türleri insanlarda lenfadenopati, ateş, endokardit, miyokardit, basiller anjiomatosis, nöroretinit gibi klinik tablolara neden olmaktadır.

Ülkemizde Bartonella üzerine çalışmalar insanlarda serolojik taramalar ve olgu sunumları üzerine iken hayvanlarda, etken izolasyonu ve serolojik çalışmalar dikkat çekmektedir. İlk çalışmalar Hıfzıssıhha Merkez Başkanlığı Salgın Hastalıklar Araştırma Müdürlüğü bünyesinde başlatılmış ve günümüzde serolojik, kültür ve moleküler çalışmalar olarak devam etmektedir. İlk çalışmalarda kedilerden, köpeklerde ardında yabancı rodentlerden Bartonella türlerinin izolasyonu ve moleküler tanımlamaları gerçekleştirilmiştir. Bu çalışmalarda *B. henselae*, *B. clarridgeiae*, *B. vinsonii subsp. berkhoffii*, *B. taylorii*, *B. grahamii*, *B. birtlesii*, *B. cooperplainsensis* ve *B. mastomydis* izolasyonları ve tanımlamaları yapılmıştır.

Batı Karedeniz Bölgesinde, 2009 yılında saha çalışmasında toplanan yabancı küçük memeli hayvanlarda yapılan Bartonella izolasyonu çalışmasında izole edilen B191 suşunun sitrat sentez gen (glTA) parsiyel sekansı GenBank karşılaştırma sonucuna göre Bartonella sp. olarak tanımlandı. Bir Bartonella suşunun, valide edilmiş Bartonella türleri ile glTA sekans verisine göre karşılaştırma benzerlik oranı %96'dan az ise yeni bir Bartonella türü olabileceği bildirilmektedir. Bu suşun yeni bir Bartonella türü olabileceği ihtimalini değerlendirmek için B191 suşunun 16S rRNA, glTA, rpoB, nuoG, ssrA gen bölgeleri ve ITS sekansları ile yapılan multi lokus sekans analizi (MLST) uygulandı. B191 suşunun MLST'den elde edilen verileri ile oluşturulan flogenetik analizde, mevcut valide edilmiş türlerden ayrı genotipik yapıya sahip olduğu gözlemlendi ve MALDI-TOF, tüm genom sekansı ve analizine, biyokimyasal analizlere, elektron mikroskopisine ve üreme gereksinimlerine yönelik çalışmalar ile yeni bir Bartonella türü yönünden tanımlamaya gidildi.

Bartonella türlerinin verilerinden oluşturulmuş veri seti kullanılarak yapılan MALDI-TOF MS çalışmasında skor 1,7 altında gözlemlendi. Bir bakterinin yeni tür tanımlama kriterlerine uygunluğunu ortaya koyabilmek için B191 suşunun genomu ile valide edilmiş Bartonella türlerinin genomları Orthologous Average Nucleotide Identity (orthoANI) ve digital DNA-DNA Hybridization (dDDH) metodları kullanılarak karşılaştırıldı. Yeni bir tür olabilmesi için en yakın türe benzerlik oranı orthoANI'de <%95-96, dDDH'de <%70 olarak bildirilmektedir. B191 suşu ile

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



en yakın tür olan *Bartonella taylorii* ile benzerlik oranı orthoANI'de %91.76, dDDH'de %43.5 olarak belirlendi. Elektron mikroskopisinde B191 suşu, flagella ve pilusu olmayan $1.18 \pm 0.17 \mu\text{m}$ ve $0.42 \pm 0.04 \mu\text{m}$ boyutlarında çomak şekilli bir bakteri olarak gözlendi.

Bu tanımlamalar daha detaylandırılarak makaleye dönüştürüldü ve B191 *Bartonella* suşu yeni *Bartonella* türü olarak, *Bartonella refiksaydamii* ismi önerilerek Vector Borne Zoonotic Dis. Dergisinde yayınlandı. Yayınlanmış veriler editörler tarafından değerlendirilerek International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology dergisinde B191 suşu *Bartonella* genusunda *Bartonella refiksaydamii* olarak valide edildi ve taksonomide yerini aldı.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 16:30 – 17:30

İnsan Viromu

Dr. Güneş ÖZÇOLPAN

Virom Analizleri

Dr. Ayca GÜNDOĞDU

Virüsler, gezegenimizdeki en bol ve çeşitli biyolojik varlıklar olarak kabul edilir ve Dünya'da yaklaşık 10^{31} virüs partikülü bulunduğu tahmin edilmektedir. Virom belirli bir habitatta bulunan tüm virüslerin toplamı olarak tanımlanan, insan sağlığı üzerinde önemli etkileri olan karmaşık ve dinamik bir topluluktur. İnsan viromu genellikle bakteriyofajlar, insan hücrelerini enfekte eden virüsler ve geçici virüslerden oluşmaktadır. Her bireyde yaklaşık 10^{13} virüs partikülü bulunduğu öngörülmektedir. Son yıllarda metagenom dizileme başta olmak üzere yeni nesil teknolojiler üzerinden yapılan çalışmalar, farklı vücut bölgelerindeki virom çeşitliliğinin, hastalık durumlarıyla ilişkilerinin ve viromun erken yaşamda nasıl oluştuğunun daha iyi anlaşılmasına olanak sağlamıştır. Ancak son yıllarda artan çalışmalara rağmen, standart bir viroma ait dizilerin çoğunun halen tanımlanamamış olması keşfedilmemiş viral 'karanlık madde' nin genişliği hakkında ip uçları vermektedir.

Yüksek verimlilikteki dizileme teknolojileri kültürlenemeyen mikroorganizmaların analizine olanak tanısa da, bu teknolojilerin virom analizlerinde kullanılması diğer mikroorganizmalara göre bir miktar karışıktır. Virüslerin bakteriyel 16S ribozomal RNA (rRNA) ya da birçok ökaryotik organizmada bulunan Internal Transcribed Spacer (ITS) gibi evrensel taksonomik belirteçlere sahip olmaması, nükleik asitlerinin sadece DNA, sadece RNA veya her ikisi olabilmesi gibi nedenlerle virom çalışmalarında, karmaşık veri işleme ve hesaplama kaynakları gerektiren virüs benzeri partikül (VLP) dizileme, shotgun metagenom dizileme, DNA ve RNA'nın eş zamanlı izole edilip dizilenmesi gibi yöntemlere baş vurulmaktadır. Virüsler için optimize edilmiş hesaplama yöntemleri ve algoritmalarının geliştirilmesindeki kapsamlı çabaların bağırsak viromunun daha kapsamlı bir görünümünü ortaya çıkardığı söylenebilir. Ancak virom analizlerinde karşılaşılan en büyük zorluklardan biri, viral nükleik asitlerin izole edilmesi ve kontaminasyonun önlenmesidir. Buna ek olarak mevcut referans viral genom veritabanları gerçek bağırsak viromunun sadece sınırlı bir kısmını kapsar. Bu nedenle bakteriyel analizlerde kullanılan bağıl bolluk belirleme yöntemleri virom analizinde yeterli verimlilikte kullanılamamaktadır. Ancak tüm bunlara rağmen virom analizleri, viral toplulukların dinamiklerini ve sağlık üzerindeki etkilerini anlamamıza yardımcı olurken, aynı zamanda yeni tedavi ve önleme stratejilerinin geliştirilmesine de katkı sağlama potansiyeli taşımaktadır. Gelecekte, ıslak ve kuru laboratuvar süreçlerindeki sorunların aşılmasıyla birlikte viromun tam olarak anlaşılması ve viromun rol oynadığı hastalıkların teşhisi ve tedavisinde çözümler üretilebilecek bilimsel bilginin üretilmesi beklenmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar:

1. Liang, G., & Bushman, F. D. (2021). The human virome: assembly, composition and host interactions. *Nature Reviews Microbiology*, 19(8), 514-527.
2. Clooney, A., Sutton, T., Shkoporov, A., Holohan, R., Daly, K., O'Regan, O., Ryan, F., Draper, L., Plevy, S., Ross, R., & Hill, C. (2019). Whole-Virome Analysis Sheds Light on Viral Dark Matter in Inflammatory Bowel Disease.. *Cell host & microbe*.
3. Minot, S., Bryson, A., Chehoud, C., Wu, G. D., Lewis, J. D., & Bushman, F. D. (2013). Rapid evolution of the human gut virome. *Proceedings of the National Academy of Sciences*, 110(30), 12450-12455.
4. Wylie, K., Weinstock, G., & Storch, G. (2012). Emerging view of the human virome. *Translational Research*, 160, 283 - 290.
5. Shkoporov, A. N., & Hill, C. (2019). Bacteriophages of the human gut: the “known unknown” of the microbiome. *Cell host & microbe*, 25(2), 195-209.
6. Haynes, M., & Rohwer, F. (2010). The Human Virome. *Metagenomics of the Human Body*, 63 - 77.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



16 Kasım 2024, Cumartesi

Salon A / 08:30 – 10:30

Karmaşık Olgularda Yorumlu ve Kısıtlı Antibiyotik Duyarlılık Testleri

Dr. Güner SÖYLETİR, Dr. Ufuk HASDEMİR, Dr. Onur KARATUNA, Dr. Yeşim BEŞLİ, Dr. Gülşen HAZIROLAN, Dr. Sesin KOCAGÖZ

Salon A / 12:00 – 12:30

DSÖ Öncelikli Mantar Etkenlerine Antifungal Direnç Açısından Bakış

Dr. Yasemin ÖZ

İklim değişikliği, COVID-19 salgını, immün düşün hasta sayısındaki artış ve antifungal ilaçlara karşı artan direnç oranları, son yıllarda mantar enfeksiyonlarında küresel bir artışa neden olmuştur. Hızla ortaya çıkan antifungal direnç sorunu, kaliteli tanı yöntemleri ve uygun tedavilere sınırlı erişim ile birleştiğinde, bu enfeksiyonların tanı ve tedavisini zorlaştırmıştır. Dünya çapında milyonlarca insanı etkilediği tahmin edilen invaziv mantar enfeksiyonları ile ilgili yeterli bilgi birikiminin oluşmadığı düşünülmektedir. Artan tehdide yanıt olarak, DSÖ tarafından ilk kez 2022 yılında, halk sağlığına etkisi en fazla olan ve antifungal direnç açısından risk taşıyan, invaziv akut ve subakut sistemik mantar enfeksiyonlarına neden olabilen 19 mantarı içeren “öncelikli mantar patojen listesi”ni yayınladı. Bu patojenler, ölüm oranı, yıllık vaka sayısı, küresel dağılım, antifungal direnç, tanı ve tedavi uygulamaları gibi 10 kritere göre, kritik, yüksek ve orta olmak üzere üç öncelik grubunda sıralanmıştır. Kritik grup *Cryptococcus neoformans*, *Candida auris*, *Aspergillus fumigatus* ve *Candida albicans*’ı içerir. Yüksek öncelikli grupta *Nakaseomyces glabrata*, *Histoplasma spp.*, eumycetoma etkenleri, *Mucorales*, *Fusarium spp.*, *Candida tropicalis* ve *Candida parapsilosis* sınıflandırılmıştır. Orta öncelikli grupta ise *Scedosporium spp.*, *Lomentospora prolificans*, *Coccidioides spp.*, *Pichia kudriavzeveii*, *Cryptococcus gattii*, *Talaromyces marneffeii*, *Pneumocystis jirovecii* ve *Paracoccidioides spp.* yer almaktadır. Listenin amacı, mantar enfeksiyonlarına ve antifungal dirence karşı küresel yanıtı güçlendirmek için daha fazla araştırma ve politik müdahalelere odaklanmak ve yönlendirmek olarak belirtilmiştir. Listedeki en büyük endişe kaynağı mantarlar, halk sağlığı üzerindeki etkileri ve/veya antifungal direnç riski nedeniyle en üst sırada yer alan dört kritik öncelikli patojendir. *C. neoformans* önemli insidans ve yüksek mortalite oranlarıyla tüm dünyada yaygın görülen bir fungal patojendir. En ciddi klinik formu menenjit ve diseminasyon enfeksiyondur. Güvenilir ve etkinliği bilinen tedavi seçeneği sadece üç antifungal ile sınırlıdır; amfoterisin B, flusitozin ve flukonazol. Antifungal ilaçlara karşı artan MİK değerleri bildirilmiş olmakla birlikte, bunların klinik yanıt ile ilişkisi net değildir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



C. auris, yakın zamanda tanımlanmış, yüksek salgın ve yüksek antifungal direnç potansiyeline sahip bir kandida türüdür. Bazı kökenleri pan-antifungal dirençlidir. Genel olarak, ısıya dayanıklı ve yaygın olarak kullanılan dezenfektanlara karşı da kısmen dirençlidir. *C.auris* izolatlarında, flukonazol için %87-100, amfoterisin B için %8-35 ve ekinokandinler için %0-8 oranlarında direnç bildirilmektedir.

Yaygınlığı, devam eden yüksek ölüm oranları ve azol direnç seviyeleri göz önüne alındığında, *A. fumigatus* en önemli mantar patojenlerinden biri olarak kabul edilmektedir. İnvaziv aspergillozun birinci basamak tedavisinde genellikle triazol antifungal ajanlar kullanılmaktadır ve kültür dışı tanı testleri sayesinde erken tanı ile birlikte ölüm oranları %30'a düşürülmüştür. Ancak, özellikle tarım sektöründe azol antifungal ajanların yaygın kullanımı nedeniyle ortaya çıkan kazanılmış azol direnci bu ilerlemeye tehdit oluşturmaktadır. *A. fumigatus* izolatları için bildirilen direnç sıklığı bölgelere ve hasta gruplarına göre farklılık göstermektedir.

C. albicans laboratuvarlarda en sık izole edilen mantar türüdür ve immün düşkün hastalarda yaygın bir mortalite nedeni olan invaziv kandidiyazisin en sık etkenidir. *C. albicans* için antifungal direncin coğrafik değişkenlik göstermediği ve özellikle steril bölge izolatlarında nispeten nadir olduğu bildirilmektedir. Bununla birlikte, steril olmayan bölge izolatları arasında yüksek (%20-60) oranda azol direnci bildiren bazı çalışmalar, invaziv enfeksiyonlarda kaynağın sıklıkla kommensal kandidalar olduğu bilgisi göz önüne alındığında, endişe vericidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Kaynaklar

1. WHO fungal priority pathogens list to guide research, development and public health action. Geneva: World Health Organization; 2022.
2. Dao A, Kim HY, Garnham K, et al. Cryptococcosis-a systematic review to inform the World Health Organization Fungal Priority Pathogens List. *Med Mycol*. 2024 Jun 27;62(6):myae043.
3. Kim HY, Nguyen TA, Kidd S, et al. *Candida auris*-a systematic review to inform the world health organization fungal priority pathogens list. *Med Mycol*. 2024 Jun 27;62(6):myae042.
4. Morrissey CO, Kim HY, Duong TN, et al. *Aspergillus fumigatus*-a systematic review to inform the World Health Organization priority list of fungal pathogens. *Med Mycol*. 2024 Jun 27;62(6):myad129.
5. Parambath S, Dao A, Kim HY, et al. *Candida albicans*-A systematic review to inform the World Health Organization Fungal Priority Pathogens List. *Med Mycol*. 2024 Jun 27;62(6):myae045.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon A / 13:30 – 15:00

Viral Aşılar (Covid-19, Zona ve RSV)

Dr. Selim BADUR

BCG ve Bakteriyel aşılar

Dr. Barbaros ORAL

Sıtma Aşıları

Dr. Cevayir ÇOBAN

Parazitik hastalıklar, özellikle tropikal ve subtropikal bölgelerde önemli bir küresel sağlık sorunu teşkil etmektedir. Sıtma, leishmaniasis, şistozomiyazis ve Chagas hastalığı gibi bu hastalıklar her yıl milyonlarca insanı etkileyerek ciddi morbidite ve mortaliteye yol açmaktadır. Teşhis ve tedavi alanındaki ilerlemelere rağmen, aşılama gibi önleyici tedbirler, bu hastalıkların kontrolü ve nihayetinde ortadan kaldırılması için hayati önem taşımaktadır.

Parazitler, geniş bir yaşam döngüsü ve konak etkileşimleri sergileyerek tek bir hedefe yönelik aşı geliştirilmesini zorlaştırmaktadır. Antijenik varyasyon ve bağışıklık sistemi baskılaması yoluyla konak bağışıklık tepkisinden kaçabilme yetenekleri, aşı tasarımı zorlaştırmaktadır. Viral veya bakteriyel enfeksiyonların aksine, birçok parazitik enfeksiyon güçlü ve uzun süreli bir bağışıklık tepkisi üretmez, bu da aşı geliştirilmesini zorlaştırır.

Sıtma aşısı (RTS,S/AS01) *Plasmodium falciparum*'a karşı kısmi etkinlik göstermiş olup, etkinliği tam olmasa da, parazitik hastalıklara karşı aşı geliştirme yolunda önemli bir adımdır.

Konuşmamda, sıtma ve diğer parazitik hastalıklara karşı aşı alanındaki son gelişmeleri güncelleyeceğim.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Son zamanlarda seçilen yayınlar (*corresponding):

1. Alshaweesh J, ..., **Coban C***. MyD88 in osteoclast- and osteoblast-lineages differentially controls bone remodeling in homeostasis and malaria. **International Immunology, 2024** Volume 36, Issue 9, September 2024, Pages 451–464. **Editor's pick**
2. Lee MSJ*, ..., **Coban C***. Acute malaria suppresses the B lymphocytic niche in the bone marrow through the alteration of CXCL12-abundant reticular cells. **International Immunology, 2024**, Volume 36, Issue 7, July 2024, Pages 339–352. **Editor's pick**
3. Lee MSJ, ..., **Coban C***. B cell intrinsic TBK1 is essential for germinal center formation during infection and vaccination in mice. **Journal of Experimental Medicine, 2022**, Feb 7;219(2):e20211336. **Cover**
4. **Coban C***. The host targeting effect of chloroquine in malaria. **Current Opinion in Immunology, 2020**, Oct;66:98-107.
5. **Coban C***, Lee MSJ, Ishii KJ. Tissue-specific immunopathology during malaria infection. **Nature Reviews Immunology, 2018** doi:10.1038/nri.2017.138.
6. Lee MSJ, ..., **Coban C***. Plasmodium products persist in the bone marrow and promote chronic bone loss. **Science Immunology, 2017**, June 2; 2 (12), pii: eaam8093. **Cover**

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon A / 16:30 – 18:00

Antimikrobiyal Direncin Saptanmasında Akan Hücre Ölçerin Kullanılması

Dr. İpek KOÇER

Antibiyotik direncinin tüm dünyada giderek artması nedeniyle rutin laboratuvarlarda antibiyotik direncinin hızlı ve doğru tanımlanması önem taşımaktadır (1). Antibiyotik direnci, otomatize cihazlar ve manuel yöntemler kullanılarak antibakteriyel duyarlılık testleri ile belirlenmektedir (2). Antibiyotik direncinin belirlenmesinde kullanılan fenotipik yöntemler tarama amacıyla kullanıma uygun, basit ve hızlı testlerdir. Genotipik testler bir çok antibiyotiğin direncine neden olan mekanizmaların belirlenmesinde referans yöntem olarak önerilmektedir, fakat her merkezde altyapı gereksinimi, moleküler testler için deneyimli personel ihtiyacı, zaman ve maliyet gibi faktörler göz önüne alındığında kullanım kısıtlılığı oluşturmaktadır.

Mikroorganizmaların geleneksel yöntemlerle tanımlanması, laboratuvarlarda genellikle 48 ila 72 saat sürmektedir. Ancak, yaşamı tehdit eden enfeksiyonların tedavisinde erken sonuçlara ulaşmak hayati öneme sahiptir.

Akan hücre ölçer, son dönemde mikroorganizmalar üzerinde yapılan optimizasyon çalışmaları ve rasyonel kullanımlarla dikkat çekmektedir (3). Akan hücre ölçer (veya akış sitometri/flow sitometri), bir sıvı akışı sırasında hücrelerin, mikroorganizmaların, çekirdeklerin ve kromozomların çeşitli parametrelerini eşzamanlı olarak ölçen bir cihazdır. Bu cihaz, hücrelerin hem iç hem de dış özellikleri hakkında bilgi toplamak için optik ve floresan özelliklerini kullanır ve bir ışık kaynağından geçerken bu unsurların analizini yapar (4). Çok daha fazla sayıda hücreyi çok daha kısa sürede inceleme ve analiz imkanı sunması nedeniyle günümüzde çeşitli hastalıkların tanısında ve tedavisinde yol göstermesi açısından immunoloji, viroloji, moleküler biyoloji, hematoloji ve onkoloji gibi alanlarda kullanımı mevcuttur.

Akan hücre ölçer, sıvı ortamda (kan ve vücut sıvıları) canlı veya ölü bakteri ve mantarların tespiti, sayımı ve antimikrobiyal duyarlılık testlerinde kullanılmaktadır (5). Ayrıca mikroorganizmaların metabolik faaliyetlerinin, DNA analizlerinin, mantarlar, parazitler ve izolasyonu zor olan virüslerin antimikrobiyal ilaçlara olan duyarlılıklarını ve etkilerini analiz edebilmektedir (6, 7). Dört saatten daha kısa bir sürede mikroorganizmanın tanımlayarak antimikrobiyal duyarlılığı saptama yeteneğine sahiptir(8).

Akan hücre ölçerin en önemli avantajlarından biri, bakteri tanımlamada kültür aşaması gerekmemektedir. Bakteri türlerinin DNA dizilimlerine dayanarak standardize edilmiş antijen spesifik florokrom antikolar ile patojenlerin tespiti daha hassas hale getirilmektedir (9). Antibiyotiklerin bakterilere etkisi, hücrelerin canlı veya ölü olup olmadığıyla ilgili bilgi verebilir. Dezavantajlardan biri ise akan hücre ölçer ile yapılan antibiyotik duyarlılık testleri henüz standardize edilmemiş olup, direnç veya duyarlılık sınır değerleri tam olarak belirlenmemiştir. Akan hücre ölçer ile antibiyotik duyarlılık testlerinde çok sayıda suşla ve aynı optimal koşullarda daha fazla çalışmaya ihtiyaç olmakla beraber, gelecekte antibiyotik direncinin hızlı tespitine yönelik değerli bir araç olduğu görülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kaynaklar

1. Mo Y. Rapid Diagnostics for Antibiotic Resistance: Urgent Need for Strong Clinical Evidence. *Clinical Infectious Diseases*. 2022;75(12):2076-8.
2. Humphries RM. Update on Susceptibility Testing: Genotypic and Phenotypic Methods. *Clin Lab Med*. 2020;40(4):433-46.
3. Alvarez-Barrientos A, Arroyo J, Cantón R, Nombela C, Sánchez-Pérez M. Applications of flow cytometry to clinical microbiology. *Clin Microbiol Rev*. 2000;13(2):167-95.
4. Macey MG, Macey MG. Flow cytometry: Springer; 2007.
5. Mason DJ, Mortimer FC, Gant VA. Antibiotic susceptibility testing by flow cytometry. *Curr Protoc Cytom*. 2001;Chapter 11:Unit 11.8.
6. Warolin J, Essmann M, Larsen B. Flow cytometry of *Candida albicans* for investigations of surface marker expression and phagocytosis. *Annals of Clinical & Laboratory Science*. 2005;35(3):302-11.
7. Wongchotigul V, Suwanna N, Krudsood S, Chindanond D, Kano S, Hanaoka N, et al. The use of flow cytometry as a diagnostic test for malaria parasites. *Southeast Asian journal of tropical medicine and public health*. 2004;35:552-9.
8. Saint-Ruf C, Crussard S, Franceschi C, Orenga S, Ouattara J, Ramjeet M, et al. Antibiotic susceptibility testing of the gram-negative bacteria based on flow cytometry. *Frontiers in microbiology*. 2016;7:1121.
9. Koçer İ, Karsligil T, Sağlam M, Arslanyürekli U, Deveci İ, Şahin E. Evaluation of real-time PCR and flow cytometry efficiency in rapid detection of carbapenemase-producing *Enterobacteriales*. *J Infect Dev Ctries*. 2023;17(5):635-42.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hücre İçi Sitokinlerin Tespitinde Akan Hücre Ölçerin Kullanılması

Dr. Buket CİCİOĞLU ARIDOĞAN

Bağışıklık sistemi, farklı hücreler, organlar, çözünür moleküllerden oluşan karmaşık bir ağıdır. Bu sistemdeki hücreler arasındaki karmaşık etkileşimlere, hücreden hücreye iletişimde haberci görevi gören sinyalizasyondan sorumlu küçük moleküllere Sitokinler denir. Sitokinler, bir dizi uyarana yanıt olarak lenfositler, makrofajlar, doğal öldürücü (NK) hücreler, mast hücreleri ve stromal hücreler gibi çok çeşitli hücrelerden salgılanan protein veya glikoprotein yapıda düşük moleküler ağırlıklı ($\approx 6-70$ kDa) çözünür düzenleyici moleküllerdir. Sitokin ailesi, interlökinler (IL'ler), interferonlar (IFN'ler), tümör nekroz faktörleri (TNF'ler), kemokinler, koloni uyarıcı faktörler (CSF'lar) ve transforme edici büyüme faktörleri (TGF'ler) kapsamaktadır. Sitokinler, çok çeşitli işlevlerine, yapılarına, hedef hücrelerine ve biyolojik etkilerine göre sınıflandırılırlar. Hücrel kaynaklarına göre tip 1 sitokinler, tip 2 Sitokinler, Rollerine göre ise de Pro-inflamatuar ve Anti-inflamatuar sitokinler olarak sınıflandırılabilirler. Sitokinler, immün hücre farklılaşması, inflamasyon, viral patogeneze, tümörigenez, anjiyogenez, nörobiyoloji, kanser ve yaşlanma üzerinde önemli biyolojik ve klinik öneme sahiptir.

Ağın aşırı karmaşıklığı nedeniyle, sitokinlerin çevredeki mikro hücrel ortama tepkileri sırasında gerçek zamanlı olarak ölçülmesi çok önemlidir. Sitokinlerin her biri için spesifik monoklonal antikorların türetilmesi, her biri için hızlı kantitatif immünolojik testler geliştirmeyi mümkün kılmıştır. Klinik olarak anlamlı örneklerde çoklu sitokinlerin miktar tayini tıpta çok önemlidir. Tek sitokini tespit etmek için ELISA'lar ve Luminex tabanlı veya Akış Sitometrisi (Flow sitometri FCM) tabanlı bir dizi ticari mültipleks teknolojisi mevcuttur. Floresan boncuk bazlı teknolojiye dayanan bu mültipleks analizlerin çoğu, küçük bir hacimde çoklu sitokinlerin profillenmesine izin verir. Bu ticari mültipleks analizler, singleplex analizlerden (örn. ELISA) küçük numune hacmi gereksinimi, analiz süresinde azalma, her analit için daha geniş bir miktar belirleme aralığı nedeniyle daha fazla avantaja sahiptir. Üç ana ticari sitokin tespit testi vardır. Luminex assays, **Flow Cytometry** ve Mesoscale Discovery (MSD).

Akan Hücre Ölçer (FCM) heterojen bir popülasyondaki tek tek hücrelerin özelliklerini analiz etmelerini sağlayan güçlü bir teknolojidir. Bu teknoloji, immünoloji araştırmalarında devrim yaratmıştır ve çeşitli hastalıkların teşhisi, takibi ve tedavisi için klinik ortamlarda giderek daha fazla kullanılmaktadır. Akan Hücre Ölçerin en önemli uygulamalarından biri, bağışıklık tepkisinde çok önemli rol oynayan sinyal molekülleri olan hücre içi sitokinlerin saptanmasıdır. Uzun süreli kültür ve klonlama olmadan Tek hücre bazında Multi-parametrik sitokin üretimi karakterizasyonu ve yüksek numune verimi flowsitometrik analize bağlı ana özelliktir. Analizdeki ana adımlar Hücre Toplama, Fiksasyon, Geçirgenleştirme, Blokaj, Hücre İçi Boyama ve FCM ile analizdir. Hücrelerin hücre içi sitoplazmik boyanması için akış sitometrik analizi, hücrelerin heterojen doğasını tamamen gösteren çok sayıda hücrenin bireysel karakterizasyonuna izin verir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tek tek hcrelerde farklı sitokinlerin zel veya karřılıklı birlikte ifadesini gsterebilen ok renkli boyama olasılıęı nedeniyle, hcreleri yalnızca yzey belirteleri yerine ifade ettikleri sitokinlere gre karakterize etmek mmkndr. Bu da sitokinlerin profilinin ekspresyonu temelinde eřitli hcre alt poplasyonlarının karakterizasyonuna izin verir

Sitokinlerin miktar tayini alanındaki arařtırmalar hala geliřme ařamasındadır ve in vivo olarak oklu sitokinlerin doęru ve gerek zamanlı tespiti iin etkili zmler elde etme yolundadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Aktif ve Latent TB Ayrımında Akan Hücre Ölçerin Kullanımı

Dr. Selim Merdan

Tüberküloz enfeksiyonu ile mücadelede, latent enfeksiyonun (LTBE) varlığının belirlenmesi büyük önem arz etmektedir. Latent enfeksiyonun tanısında altın standart olarak kabul görmüş bir yöntem bulunmamaktadır. Günümüzde; tüberküloz basiline karşı gelişen hücresel yanıtı ölçen, Tüberkülin Deri Testi (TDT) ve İnterferon Gama Salınım Testleri (İGST) rutin kullanımda yer almaktadır. Her iki yöntemin de avantaj ve dezavantajları olduğundan, testlerin doğru seçilmesi ve yorumlanması, LTBE varlığı belirlenmesinde önemlidir.

Tüberkülin Deri Testi (TDT); tüberküloz basiliinden saflaştırılarak elde edilen antijenlerin (purified protein derivatives, PPD) deri içine enjekte edilerek, 48-72 saat sonra enjeksiyon yerinde gelişen endurasyonun çapının milimetre cinsinden ölçülmesiyle yapılmaktadır. Ülkemizde; bağışıklığı baskılanmış kişilerde >5mm, tüberküloz aşısız bireylerde >10mm, tüberküloz aşıli bireylerde ise >15mm sonuçlar Pozitif kabul edilmektedir. TDT sonuçları, birçok faktörden etkilenebilmektedir. Bunların başında; bağışıklık sistemi sorunları olan hastalar olmak üzere, ağır başka hastalık geçirenlerde, gençlerde ve yaşlılarda yanlış sonuç verebilmektedir. Testin uygulanabilirliği kısmen zor olduğundan, kullanıcı hataları (doğru enjeksiyon yapılmaması, kit içeriğinin saklama koşullarına uyulmaması vb.) oluşmasına yatkındır. Kullanılan bu antijenin (PPD) Tüberküloz kompleks harici diğer mikobakteri türlerinde de bulunması, testin özgüllüğünü negatif yönde etkilemektedir. Cilt sorunları (yanık, egzama vb.) bulunan kişilere uygulanmamalıdır. Aktif Tüberküloz hastalığı geçirenlerde bu test %25 negatif olarak saptanabilmektedir. Tüberküloz tedavisi alanlarda ise pozitif sonuç verdiğinden tedavi takibinde kullanılamamaktadır.

İnterferon Gama Salınım Testleri (İGST): in-vitro olarak, hastada tüberküloz basiline karşı gelişen hücresel immün yanıtın araştırıldığı testlerdir. Bu testlerde; ESAT-6, CFP-10 ve TB7.7 antijenleri kullanılmakta ve kullanılan bu antijenler BCG aşısında bulunmamaktadır. Dolayısıyla TDT testinde meydana gelen aşıya bağlı hatalı pozitifliğin de önüne geçilmektedir. Bu testler için hastanın periferik kanı kullanılmaktadır. Günümüzde kabul edilen iki ticari kit bulunmaktadır. Bunlardan ilki; QuantiFERON-TB Gold Plus (QFT-GP) adı ile satılmakta, hastanın kanı kit içinde verilen 4 adet tüpe alınmaktadır. Eğer hasta tüberküloz basili ile daha önce karşılaşmış ise, tüp içinde bulunan mitojenler ile duyarlı hale gelen bellek T Lenfosit hücreleri aktifleşerek İnterferon-Gama (IFN- γ) salgılaması gerçekleşir ve salınan bu IFN- γ , testin devamında yapılan ELİSA yöntemi ile belirlenir. Diğer yöntem olan; T-Spot TB'de ise; benzer şekilde hastanın periferik kanından çalışılmakla beraber, bu yöntemde salınan IFN- γ yerine IFN- γ salgılayan hücrelerin kendisi ölçülmektedir. Her iki İGST'nin de TDT'ye göre pahalı olması, taze kan ile çalışılması ve donanımlı bir laboratuvara ihtiyaç duyması gibi dezavantajları bulunmaktadır. Dolayısıyla rutin uygulamada hangi testin kullanılması ile güncel bilgiler; Sağlık Bakanlığı tarafından düzenlenen ve güncellenen "Tüberküloz Tanı ve Tedavi Rehberi" incelenerek karar verilmelidir. Yeni nesil tüberkülin testleri çalışmaları da literatürde mevcut olup, henüz rehberlerde yer almamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Günümüzde, uzun yıllardır kullanımda olan bu testlere ek olarak, İGST'inde kullanılan antijenlerin deri içine verilmesi, IFN- γ harici sitokinlerin/proteinlerin ölçümü (IFN- γ tarafından indüklenen protein 10 (IP-10), İnterlökin-2 (IL-2), IL-8) ve diğer laboratuvar yöntemleri (Matrix-assisted Laser Desorption/ionization Time of Flight Mass Spectrometry (MALDI-TOF MS), Akan Hücre Ölçer (Flow Cytometry, FC)) ile spesifik proteinlerin araştırmaları başarılı sonuçlar vermekte fakat henüz rutin kullanım rehberlerinde yer almamaktadır. Akan hücre ölçer; hidrodinamik odaklama ile floresan işaretli monoklonal antikor teknolojilerini birlikte kullanarak, sıvı bir ortamda bulunan hücrelerin tek hücre ve tek antikor bazında analizini mümkün kılmaktadır. Dolayısıyla FC, rutin laboratuvarında başta Lösemi/Lenfoma immünofenotiplerleri olmak üzere geniş bir yer tutmakta, dünya genelinde Tüberküloz ile ilgili araştırmalarda da yer almaktadır. Bu bağlamda yapılan araştırmalar incelendiğinde; LTBE olgularında CD27- IFN- γ +CD4+ sayısının sağlıklı kontrollere (HC) göre arttığı belirlenmiştir. 2021 yılında yapılan bir çalışmada ise CD4+ T Lenfositlerdeki CD25/CD134 pozitiflikleri ile Xpert MTB/RIF sonuçları karşılaştırılmış ve umut verici sonuçlar elde edilmiştir. Başka bir çalışmada ise IFN- γ 'ya ek olarak IL-2 ve Tümör Nekroz Faktör-Alfa (TNF- α) ölçülmesinin de Aktif Tüberküloz tanısında faydalı olabileceği belirtilmiştir. CD4+ T hücrelerde yapılan bir çalışmada, CD69 ekspresyonu ile İGST arasında korelasyon gösterilmiştir. CD8+ T hücrelerle yapılan bir çalışmada, akciğer tüberkülozu olgularında periferik kanda CD8+CD28- T Hücrelerinin arttığı belirtilmiştir. Pulmoner tüberkülozlu hastalarda yapılan bir çalışmada ise, bu hastaların plazmalarında serbest CD137 oranının arttığı ve prognoz ile ilişkili olduğu gösterilmiştir. B Lenfositlerle yapılan bir çalışmada ise aktif tüberkülozlu olgularda, periferik kanda CD19+CD27-CD21- hücrelerin arttığı belirlenmiştir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 09:00 – 10:30

Mikrobiyolojide 2023-24 Yılında Öne Çıkan Enfeksiyon Etkenlerine Bakış

Dr. Yağmur EKENOĞLU, Dr. Ekin KIRBAŞ, Dr. Gözde AKKUŞ KAYALI, Dr. Şinasi KARVAR
2023 ve 2024 yılları, enfeksiyon etkenleriyle ilgili önemli gelişmelerin yaşandığı bir dönem olarak dikkat çekmektedir. COVID-19 pandemisinin uzun vadeli etkileri devam ederken, diğer viral, bakteriyel ve paraziter patojenlerin de küresel sağlık sistemleri üzerinde baskı oluşturduğu görülmektedir. Bu süreçte, yeni ortaya çıkan veya yeniden önem kazanan patojenler araştırmacıların odağı haline gelmiştir. İklim değişikliği, kıtalar arası seyahat ve şehirleşmenin hızla artması, vektör kaynaklı enfeksiyonların yayılımını artırmış ve geniş alanlarda görülmesine yol açmıştır. Dünya genelinde küresel ısınma, doğal afetler ve savaşlar nedeniyle bozulan sanitasyon ve temiz suya erişim sorunlarının ciddi salgınlara neden olduğu görülmektedir. Bunun yanında aşılarla ilgili yaşanan tedarik sorunları ve aşı karşıtlığı, önlenabilir enfeksiyon hastalıklarının yayılımını artırmıştır. Öne çıkan en önemli sorunlardan biri de antimikrobiyallere karşı direncinin giderek artış göstermesidir. Özellikle sağlık hizmeti ilişkili enfeksiyonlarda sıkça rastlanan çok ilaca dirençli etkenler, mevcut antibiyotik tedavilerini yetersiz hale getirirken tedavi maliyetlerinde de artışa yol açmaktadır. Antibiyotik direnci, mortalite oranlarında artışa yol açmasının yanı sıra hem klinik açıdan hem de halk sağlığı perspektifinden büyük bir tehdit oluşturmaktadır.

Son yıllarda yeni teknolojik gelişmelerle tüm genom dizileme ve metagenomik yaklaşımlar, patojenlerin hızlı tespitine, salgınların izlenmesine ve antibiyotik direnç mekanizmalarının anlaşılmasına büyük katkı sağlamaktadır. Özellikle mortalitesi yüksek solunum yolu viral etkenlerine yönelik yeni aşı çalışmaları ve çok ilaca dirençli etkenlere yönelik etkili antimikrobiyaller ile ilgili gelişmeler umut vadetmektedir. Yakın geçmişimizde yaşanan bu nefes kesici gelişmeler enfeksiyon etkenlerinin dinamizmini vurgularken, önümüzdeki yıllarda daha büyük ilerlemeler görme olasılığımızın yüksek olduğunu da göstermektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 11:00 – 12:30

İklim Değişikliklerinin Mikrobiyal Çeşitlilik Üzerine Etkisi

Dr. Selçuk KILIÇ

Küresel ısınma ve iklim değişikliği, bitki, hayvan ve mikro-organizmalar da dahil olmak üzere dünyadaki hemen hemen her türlü ekosistemi etkileyen bir sorundur. İnsan faaliyetleri ve bunların iklim ve çevre üzerindeki etkileri, hayvan ve bitki soylarının tükenmesine ve biyolojik çeşitliliğin kaybına neden olmaktadır. Mikroorganizmaların ekosistemdeki varlığı ve çeşitliliği, sağlıklı bir küresel ekosistemi sürdürmede çok önemlidir ve mikrobiyal dünya biyosferin yaşam destek sistemini oluşturmaktadır. Mikroorganizmalar, organik maddenin parçalanması yoluyla sera gazlarını serbest bırakarak küresel iklim değişikliğini hızlandırabilir ve aynı zamanda kendileri için kullanılabilir organik forma dönüştürerek sera gazı emisyonlarını azaltarak iklim değişikliğinin önüne geçebilirler.

İklim değişikliği mikro/makro-organizmalar [bakteri, arkea, ökaryot, virüs, belirli makroskobik tek hücreli ökaryotları (örneğin, daha büyük deniz fitoplanktonu) ve mantarlar v.b] üzerinde mikrobiyal topluluğun kompozisyonu ve işlevi, fizyolojik tepkileri ve evrimsel adaptasyonu üzerinde büyük etkileri vardır. İklim değişikliği, türler arasındaki etkileşimleri bozarak türleri uyum sağlamaya, göç etmeye ve başkaları tarafından değiştirilmeye veya yok olmaya zorlamaktadır.

Dünyada su ve karasal biyom olmak üzere iki büyük biyokütle bulunmaktadır. İklim değişikliği, özellikle değişen çevresel faktörler toprak biyotasının bolluğu, çeşitliliği ve aktivitesi üzerinde önemli bir etkiye sahiptir. İklim karasal biyomdaki mikrobiyal çeşitliliğin yapısını ve çeşitliliği ile bunların işlevlerini doğrudan (mevsim ve sıcaklığı etkileyerek) veya dolaylı (bitki çeşitliliği, bitki artıklarını ve kök salgılarını değiştirerek) yollarla etkileyebilir. Daha yüksek atmosferik CO₂ konsantrasyonu, sıcaklık, yağış ve sel, kuraklık koşulları vb. gibi çevresel parametrelerin toprak biyokütlesini, mantarların miktar ve çeşitliliğini artırdığını, ancak bakteri çeşitliliği üzerinde sınırlı bir etkiye sahip olduğu göstermiştir. İklim değişikliği mikro-organizmaların önemli metabolik aktivitelerinde değişikliklere neden olmaktadır. Metabolik aktivitenin değişmesi, biyokütlenin, çeşitliliğin ve bileşimin azaltılması/uyarılması mikroorganizmanın fizyolojisi üzerinde olumsuz (bazen de olumlu) bir etkiye yol açar. Artan sıcaklık ile mikroorganizmaların enzimleri aktive olur ve solunum, fermentasyon, metanogenez süreci ve adaptasyon mekanizmaları da hızlanır. Ancak artan metabolik aktivite organik madde ayrışması yoluyla küresel ısınma sürecini hızlandırır ve atmosferdeki CO₂ akışını da artırır. Toprak bakterileri küresel iklim değişikliğine ve ısınmaya orta derecede bir tepki gösterirken, toprak ve kökle ilişkili mantarlar (özellikle kuraklıkta yüksek adaptasyon kabiliyeti nedeniyle) daha belirgin değişiklikler gösterir Genel olarak, küresel ısınma karasal biyomda bakteri ve mantar miktarını artırırken ekosistemlerin bileşimini ve işlevini etkileyen topraktaki mikroorganizmalar ve bitki-mikroorganizma etkileşimlerini etkiler.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Su ekolojisi küresel çevrenin önemli bir parçasıdır. Okyanuslar dünyanın en büyük ekosistemidir ve ısı depolama ve taşıma ve karbondioksitin alınması ve tutulması yoluyla iklim sistemini kontrol etmede önemli bir rol oynar. Okyanuslardaki biyokütlenin yaklaşık %90'ını mikroorganizmalar oluşturmaktadır ve bu mikroorganizmalar tüm biyokimyasal döngülerin anahtarıdır ve deniz ekosistemlerinin işleyişi için kritik öneme sahiptir. Sularda ısınma, akış rejimlerinde değişimler, pH düşmesi, ötrofikasyon (suyun azot ve fosfor açısından zenginleşmesi) ve aşırı kullanım (örneğin balıkçılık, turizm) mercan resiflerinin azalmasına neden olarak ekosistemlerin makroalgler ve bentik siyanobakteriyel matlara doğru kaymasına neden olmaktadır. Yükselen sıcaklık aynı zamanda temel ekolojik süreçleri, coğrafi dağılımı, su türlerinin biyolojik çeşitliliğinin yok oluşunu ve bozulmasını da değiştirir. Küresel ısınma nedeniyle, permafrost buzları her geçen gün erimekte/çözülmetedir ve bu süreç mikro-organizmaların harekete geçmesine ve daha önce donmuş organik maddeleri parçalamasına ve atmosfere büyük miktarda karbon salmasına neden olmaktadır.

Mikrobiyal biyoçeşitlilik ve aktivitelerdeki değişikliklerin diğer tüm organizmaların dayanıklılığını ve dolayısıyla iklim değişikliğine yanıt verme yeteneklerini de etkilemektedir. İklim değişikliği, çeşitli sosyo-ekonomik, çevresel ve konak-patojene özgü faktörlere bağlı olarak deniz ve kara biyotasındaki hastalıkların oluşumunu ve yayılmasını etkilemektedir. Ayrıca, iklim değişikliği patojenlerin virülansını artırmaktadır. Çünkü ilkim değişikliği doğal yaşamı zorlaştırmakta ve patojeniteyi artırmaktadır. Yağış, bağıl nem, sıcaklık, El Niño Güney Salınımı (ENSO) gibi iklimsel ve çevresel faktörler; vektör-kaynaklı etkenler açısından vektörlerin artması, vektörlerin yaşam süresinin uzaması, ısırma ve vektördeki patojenin çoğalma oranında artış ve su/gıda kaynaklı ile hava-yolu ile bulaşan mikro-organizmalar için patojenin hayatta kalması, ortamda patojenin çoğalması ve patojen ve/veya konakçının yayılması gibi bulaş dinamikleriyle hastalıkları da artırmaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



İklim Değişikliklerinin Artropodlarla Bulaşan Hastalıklar Üzerine Etkisi

Dr. Emrah RUH

Etkileri gün geçtikçe artan iklim değişiklikleri büyük ölçüde fosil yakıtlara bağlı sera gazı emisyonlarından kaynaklanmaktadır. Dünya genelinde ortalama sıcaklıklar 1900'den bu yana 1,1°C artış göstermiş ve değişimin çoğu özellikle son 50 yılda gerçekleşmiştir. Mevcut durum göz önüne alındığında, bu yüzyılın sonuna kadar yaklaşık 2,5°C ila 2,9°C'lik bir sıcaklık artışı beklenmektedir.

İklim değişikliklerinin patojen, vektör ve rezervuar konaklar üzerinde önemli etkileri olup, bu durum dünya genelindeki sağlık sektörü için sorun oluşturmaktadır. Vektörler zaman içerisinde daha geniş coğrafik bölgelere yayılmakta, ayrıca bulundukları yerlerde daha yüksek rakımlara da adapte olabilmektedir. Örneğin, hastalık taşıyan artropodlar sıcaklık artışına bağlı olarak Avrupa'da kuzey bölgelerde ve daha yüksek rakımlarda da saptanmaya başlamıştır. Son yıllarda vektörel hastalıkların prevalansında artış kaydedilmiş olup, yeterli önlemler alınmaması durumunda önümüzdeki 80 yıl içerisinde özellikle sıtma, Dengue, Lyme hastalığı ve Batı Nil virüsü enfeksiyonunun sayılarının yükseleceği öngörülmektedir.

Vektörle bulaşan patojenlerin yaşam döngüsü konak ve vektör içerisinde olmak üzere iki aşamalıdır. Konak (insan veya hayvan) kendi vücut ısısını regüle edebildiği için patojen bu ortamda sabit bir sıcaklık bulmaktadır. Ancak artropodlar ektotermik canlılar olduğu için kendi vücut sıcaklıklarını regüle edemezler. Bu nedenle patojen, vektörün sadece elverişli bir ortamda olması durumunda uygun sıcaklık bulacaktır. Örneğin, Dengue virüsü yalnızca 20-35°C aralığındaki sıcaklık koşullarında sinekler içerisinde gelişerek bulaştırılabilmektedir.

Ekstrinsik inkübasyon periyodu (bir vektörün patojenle enfekte olduğu zaman ile bunu başka bir konağa bulaştırmaya hazır olduğu zaman arasında geçen süre) sıcaklığa önemli ölçüde bağlıdır. Bu nedenle sıcaklık vektörel hastalıkların bulaşında doğrudan etkilidir. Ekstrinsik inkübasyon periyodunun kısa olması durumunda vektörler daha hızlı bulaşıcı hale geldiği için, bu durum hastalık bulaşını da kolaylaştırmaktadır. Sıcaklık ayrıca vektörlerin ısırma özelliğini, üretkenliğini ve sağkalımını etkilemesi sonucunda da vektörel hastalıkların bulaşını kolaylaştırabilmektedir. Sıcaklık artışının yanı sıra yağış ve nem de vektörel hastalıkların bulaşını önemli ölçüde etkilemektedir. Yağış artışı ve şiddetli seller genellikle vektörel hastalıkların bulaşının artmasına neden olmaktadır. Yoğun yağışa bağlı durgun su birikintilerinin oluşumu ve nem artışı nedeniyle vektörlerin yumurtlaması, larva gelişimi ve hayatta kalması için daha uygun ortamlar oluşabilmektedir.

İklim değişiklikleri nedeniyle vektörlerin ve hastalıkların farklı coğrafik bölgelere yayılmasının halk sağlığı açısından ciddi sonuçlar doğuracağı düşünülmektedir. Söz konusu hastalıkların yayılımında görülen coğrafi değişikliklerin, daha önce bu enfeksiyonlarla karşılaşmamış insan ve hayvan popülasyonları üzerinde büyük etkiler yaratabilme ihtimali vardır. Sonuç olarak, bulaşın saptandığı yeni bölgelerin gelişmekte olan ülkeleri de kapsadığı unutulmamalı ve söz konusu bölgelerde de bu hastalıklara karşı gerekli önlemler alınmalıdır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Kaynaklar:

1. Thomson MC, Stanberry LR. Climate Change and Vectorborne Diseases. N Engl J Med. 2022; 387(21): 1969-78.
2. European Climate and Health Observatory. Vectorborne diseases. <https://climate-adapt.eea.europa.eu/en/observatory/evidence/health-effects/vector-borne-diseases>. (Eriřim: 12.09.2024)
3. Fouque F. Climate change impacts the transmission of vector-borne diseases. <https://researchoutreach.org/articles/climate-change-impacts-the-transmission-of-vector-borne-diseases/> (Eriřim: 12.09.2024)
4. Fouque F, Reeder JC. Impact of past and on-going changes on climate and weather on vector-borne diseases transmission: a look at the evidence. Infect Dis Poverty. 2019; 8(1): 51.
5. de Souza WM, Weaver SC. Effects of climate change and human activities on vector-borne diseases. Nat Rev Microbiol. 2024; 22(8): 476-91.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Importance of Microbiology for Timely Delivery of UN's Sustainable Development Goals

Dr. İpek KURTBÖKE

A perspective on microbiology teaching supported by Pasteurian pedagogies as a significant contributor for timely delivery of the Sustainable Development Goals (SDGs) defined by the United Nations, will be presented. The SDGs include: (1) no poverty, (2) zero hunger, (3) good health and well-being, (4) quality education, (5) gender equality, (6) clean water and sanitation, (7) affordable and clean energy, (8) decent work and economic growth, (9) industry, innovation and infrastructure, (10) reducing inequality, (11) sustainable cities and communities, (12) responsible consumption and production, (13) climate action, (14) life below water, (15) life on land, (16) peace, justice and strong institutions, (17) partnerships for goals (<https://www.un.org/sustainabledevelopment/>).

Key roles of Higher Education Institutions (HEIs) in providing guidance in the path to sustainable futures through empowerment of citizen scholars as well as the importance of regional engagement by the HEIs in alignment with the OECD recommendations to bring out the innovative potential of their surrounding regions will also be highlighted. Pasteurian era concepts will be revisited when the 'prepared minds' played a key role. The role of "effective thinking" for microbiologically equipped "global citizens" who will participate in the timely delivery of the SDGs will also be discussed.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 13:30 – 15:00

Değişen Fungal Etkenler-Değişmeyen Tanımlama Güçlükleri

Dr. İlvana ÇAKLOVİCA KÜÇÜKKAYA

İklim değişikliği, hem ekosistemleri hem de insan sağlığını tehdit eden çeşitli sonuçlara yol açmaktadır. Küresel ısınmayla birlikte mantarlar daha önce hayatta kalamadıkları bölgelerde yaşayabilmekte, yeni coğrafyalara yayılmaktadır. Küresel ısınma, mantarların evrimsel olarak sıcaklığa uyum sağlama süreçlerini hızlandırmış ve bu durum insan sağlığına yönelik tehditleri artırmıştır (1). Özellikle *Candida auris*, iklim değişikliğinin patojen dağılımını nasıl değiştirdiğinin iyi bir örneğidir. Son 10 yıl içinde dünya genelinde yaygın enfeksiyonlara yol açan bu tür, tanımlama ve tedavi süreçlerinde büyük zorluklar yaratmaktadır (2,3).

Mantarların artan ısı toleransı ve buna bağlı yayılımıyla birlikte özellikle zoonotik enfeksiyonlara neden olan türlerinde, insanlara bulaşma oranları artış göstermektedir. Küresel ticaret, tarım ve hayvancılık uygulamaları, mantarların bu yayılımını hızlandıran ek faktörler olarak değerlendirilebilir. *Cryptococcus neoformans* gibi mantarlar daha önce görülmedikleri bölgelerde izole edilmeye başlanmış, *Aspergillus* türleri, iklim değişikliği ile artan toz fırtınaları ve hava kirliliği nedeniyle daha yaygın hale gelmiştir (4). Bu yayılım, yalnızca mantarların coğrafi dağılımını değiştirmekle kalmamakta, aynı zamanda yeni fungal patojenlerin ortaya çıkmasına da neden olmaktadır. *Histoplasma capsulatum*, *Coccidioides immitis* ve *Blastomyces dermatitidis* gibi mantarlar, ılıman iklimlerde artış göstermeye başlamış; ayrıca, tropikal bölgelerde endemik olan bazı mantar enfeksiyonlarının daha önce görülmedikleri bölgelerde ortaya çıkması, tanı ve tedavi süreçlerini zorlaştırmıştır (5-7).

Kültür ve biyokimyasal testler, genellikle mantar tanımlamasında kullanılan klasik yöntemler olsa da, birçok açıdan yetersiz kalmaktadır. Özellikle yavaş büyüyen ya da fenotipik olarak benzerlik gösteren mantar türleri arasında yanlış tanımlamalar sıkça görülmektedir. Bunun yanı sıra, doğru tanı için kullanılan ticari test kitlerinin sınırlı mantar türlerini kapsaması ve bazı türler arasında çapraz reaksiyonlara neden olabilmesi, tanıda belirsizlikler yaratmaktadır. Bununla birlikte mantarların genetik adaptasyonları, tanı süreçlerinde klasik fenotipik yöntemleri yetersiz bırakabilmektedir. Patojenlerin yeni ortaya çıkan moleküler varyasyonları, bu türlerin tanımlanmasını daha da zorlaştırmaktadır. Bu zorlukları aşmak için geliştirilen moleküler tanı yöntemleri umut verici olsa da, bu yöntemlerin yaygın kullanımının önünde hala finansal ve teknik engeller bulunmaktadır. Özellikle sekanslama temelli moleküler teknikler, genetik çeşitliliği daha iyi analiz edebilmek için umut verici bir seçenek olmakla birlikte, yüksek maliyet ve teknik uzmanlık gerektirmesi nedeniyle henüz yaygın klinik kullanımda değildir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



1. Thomson MC, Stanberry LR. Climate change and vectorborne diseases. *N Engl J Med.* 2022; 387:1969-1978
2. Garcia-Bustos V, Cabañero-Navalon MD, Ruiz-Gaitán AC et al. Climate change, animals, and *Candida auris*: insights into the ecological niche of a new species from a One Health approach. *Clin Microbiol Infect.* 2023; 29: 858-862
3. Casadevall A, Kontoyiannis DP, Robert V. Environmental *Candida auris* and the global warming emergence hypothesis. *mBio.* 2021; 12: e00360-21
4. Mulliken JS, Hampshire KN, Rappold AG et al. Risk of systemic fungal infections after exposure to wildfires: a population-based, retrospective study in California. *Lancet Planet Health.* 2023; 7: e381-e386
5. Litvintseva AP, Marsden-Haug N, Hurst S et al. Valley fever: finding new places for an old disease: *Coccidioides immitis* found in Washington State soil associated with recent human infection. *Clin Infect Dis.* 2015; 60: e1-3
6. Hepler SA, Kaufeld KA, Benedict K et al. Integrating public health surveillance and environmental data to model presence of *Histoplasma* in the United States. *Epidemiology.* 2022; 33: 654-659
7. Ross JJ, Koo S, Woolley AE et al. Blastomycosis in new England: 5 cases and a review. *Open Forum Infect Dis.* 2023; 10: ofad029

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Türkiye'de HIV Tanı Algoritma Tarihçesi ve HIV Gizli Pandemisi-Değişmeyen Sorumluluklarımız

Dr. Gülten ÇELİK

HIV ile enfeksiyonun seyrine, erken doğru tanı ve buna bağlı olarak da erken başlanan tedavi en olumlu etkiyi yapmaktadır. Çünkü buna bağlı olarak da HIV ile yaşayanlarda ölüm oranları azalmakta, yaşam beklentileri uzamakta ve ayrıca-bulaşma oranları düşmektedir.

2030 yılında HIV/AIDS i sonlandırmak için UNAIDS tarafından konan 95–95–95 hedefleri nedeni ile çok emek sarf edilmiştir. Böylece 2022 yılında 1.3 milyon yeni HIV enfeksiyonu bildirilmiştir.

Bu sayı son on yılların en düşük rakamıdır. Yeni enfeksiyonlarda düşüş en çok Sahra Altı Afrika 'sı gibi HIV/AIDS'in en yoğun olduğu bölgelerde saptanmıştır. Oysa yeni HIV enfeksiyonu, 2010 yılından beri Doğu Avrupa ve Orta Asya'da (%49) ve Orta Doğu ve Kuzey Afrika'da (%61) artmaya devam etmektedir. Dünyada genel olarak HIV ile yaşayan kişilerin yaklaşık sadece %86'sı HIV ile enfekte olduğunu bilmektedir. Türkiye'de bu oranı tahmin edemiyoruz. Bu da doğru ve erken tanının önemini daha da arttırmaktadır.

HIV ile yaşayanların etkili antiretroviral tedaviye biran önce ulaşmalarının sağlanması ve 2030 yılında HIV/AIDS'si sonlandırma hedefine varabilmek için hızlı ve mümkün olduğunca en az hatalı algoritmalar daha çok hedeflenir olmuş ve yeni teknolojilerin yardımı da büyük ölçüde algoritmaların geliştirilmesi ve valide edilmesi ile uygulanır olmuştur.

HIV ile enfeksiyonun tanısı, 1983 yılında etkeninin tanımlanmasından sonra 1985 yılında HIV antikorlarının saptanmasında ilk ELISA'nın gelişimi ile başlamıştır. HIV enfeksiyonunun tanısında ELISA testinin kullanılmasına aynı yılda İstanbul Tıp Fakültesinde Prof Dr Enver Tali Çetin'in Başkan olduğu Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim dalında başlanmış ve Türkiye'deki ilk HIV ile yaşayan kişi tanısı konmuştur. Enfeksiyonun özelliği nedeni ile tanının mümkün olduğunca doğru olması başından beri önemli olmuştur. Doğru hızlı tanıda en düşük yanlış pozitiflik ve negatiflik hedeflendiğinden ve yüksek duyarlılık maksimum düzeye çıkarken özgüllük azaldığı için, tanıda erken dönemde uygun nitelikte ardışık test yöntemlerinin birlikte kullanımını içeren algoritma uygulamaları gündeme gelmiştir. İlk yıllarda ELISA ile tekrarlayan reaktiviteyi takiben daha özgül Western blot ve IFA yöntemleri algoritmanın ikinci aşaması olarak kullanılmaya başlanmış ve Türkiye'de önce kurulan iki doğrulama merkezinden biri olan İstanbul Tıp Fakültesinde de doğrulama testi olarak Western blot yöntemi kullanılmıştır. İlk aşamada en duyarlı mümkün olduğunca özgül ELISA'lar kullanılmaya başlanmıştır. Zaman içinde ELISalar geliştirilerek 1.,2,3, ve sonunda HIV-1 antijeni HIV-1 ve HIV-2 antikorlarını birlikte saptayarak pencere dönemini kısaltıp tanıyı erken günlere taşıyan 4. Jenerasyon ELISA nadir de olsa görülen O tipini de saptayacak şekilde geliştirilmiştir. Bunu 5. Jenerasyon ELISA gelişimi de takip etmiştir. 4. Jenerasyon testler geliştikten hemen sonra ülkemizde algoritmada önerilmiş ve kullanılmaya başlanmıştır. Western blot testi özgül ama duyarlılığı 4. Jenerasyon kadar yüksek olmadığı için önceleri erken HIV enfeksiyonunu atlamamak için, 4. Jenerasyon testi reaktif, WB negatif örnekler riskli davranış söz konusu olduğunda, izlem ve sonrası tekrar algoritmanın tekrarı kullanıma girmiştir. 2014 yılında ABD de tanıyı hızlandırmak ve hiç vaka atlamamak için

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



yeni bir algoritma öne sürülmüştür. WB hem çok uzun süre alan ve yorumlanması deneyim isteyen bir test olduğu için onun yerine ikinci aşamada daha hızlı daha duyarlı ve kolay uygulanacağı için doğrulama merkezlerine gerek duyulmadan uygulanabilecek HIV1/2 ayırt edici hızlı doğrulama test algoritmaya girmiş ve akut HIV enfeksiyonu da atlamamak için 3. Aşamada ELISA tekrarlayan reaktif, HIV1/2 ayırt edici hızlı doğrulama testi negatif ya da kuşkulu olanlara HIV-1 NAT kullanılması , şüphe varsa HIV-1 NAT negatifliğinde HIV-2 açısından inceleme uygun görülmüştür. Artık Dünya Sağlık örgütü de WB'un bırakılması gerektiğini vurgulamaktadır. Ülkemizde de bu yeni algoritma 2019 Ulusal HIV tanı rehberine girmiştir. 18 aydan ufak bebeklerde ise HIV' in NAT ile tayini yapılmaktadır. Ancak erişkinlerdeki yeni algoritma ile önerilen desantralizasyon henüz gerçekleşemediği ve algoritmanın tamamlanması doğrulama merkezlerine sınırlı kaldığı için HIV tanısı istenen hıza ulaşamamıştır. Dünya Sağlık Örgütü'nün '5C' kuralı HIV'in laboratuvar tanısında ödün vermeden uygulanmalıdır. Oysa ülkemizde bu kuralın ilk C'si (Counselling)Danışmanlık-Bilgilendirme maalesef çoğu kez yeterli değildir. Ayrıca desantralizasyon olamadığı için son C de (Connection) Önleme, tedavi ve bakım servislerine bağlantı bölgeye bağlı olarak gecikmeli bir şekilde yapılmaktadır. Gizli bir pandemi şeklinde devam eden HIV pandemisinde Mikrobiyoloji uzmanının güncel mevcut rehberleri ve kaynakları özünde anlayarak takip etmesi ve sadece deneyin doğru şekilde yapılması değil 5C kuralının uygulanması için kurumu özelinde bu konuya ayrıcalık tanınması ve uzmanlık derneklerinin de desantralizasyonu gündemde tutması gerekir.

Kaynaklar

1-Can R, Çelik K: HIV/AIDS el kitabı 2024

https://www.klimud.org/public/uploads/content/files/Hiv_Aids%20Elkitab%C4%B1%20Haziran2024.pdf

2-TC Sağlık Bakanlığı HIV/AIDS Tedavi Rehberi 2019

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Kan merkezlerinde Mikrobiyoloji Tanı Algoritmaları ve Değişmeyen Bilmece: Mikrobiyoloji Uzmanlarının Sorumlulukları

Dr. Meltem IRMAK

Kan transfüzyonu hayat kurtarıcı bir tedavi yöntemi olmakla birlikte birçok yan etkiyi ve komplikasyonu da içinde barındırmaktadır. Kan Transfüzyonunda temel amaç her zaman “Güvenli kan” olmalıdır. Güvenli Transfüzyonda HIV bulaştırıcılığı önemli bir risk taşımaktadır. DSÖ 2023 yılı verilerine göre kan donörlerinde transfüzyonla bulaşan HIV prevalansı yüksek gelirli ülkelerde % 0,002 iken düşük gelirli ülkelerde % 0,70’ lere çıkmaktadır. Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü’nün 08 Kasım 2023 tarihi itibarı ile doğrulama testi pozitif tespit edilerek bildirimi yapılan vakalar içinde HIV / AIDS Vakalarının Olası Bulaş Yollarına Göre Dağılımını içeren tabloda ise tüm bulaş yolları arasında enfekte kan transfüzyonu ile bulaşın %0,27 olduğu bilinmektedir. Kızılay yılda yaklaşık 3 milyon (2.675.374) ünite kan donasyonu yapmakta olup; tekrarlayan reaktivite oranı yaklaşık % 0,10- % 0,15 ve bunlarda doğrulama test pozitiflik oranı % 15-20 olarak bildirmektedir. Kan Merkezlerinde HIV Tarama ve Doğrulama Algoritması olarak temelde HIV-AIDS Tanı-Tedavi Rehberi 2019 algoritması uygulanmaktadır. Ancak uygulama detayında kan merkezleri arasında tam bir standardizasyon mevcut değil. Bünyesinde Eliza cihazı olmayan Kan Transfüzyon merkezleri eliza testlerini merkez laboratuvara göndermektedir. Ayrıca Süreli Kan merkezleri NAT çalışılan ve çalışılmayan merkezler şeklinde farklı prosedürler uygulayabilmektedir. Tüm bu süreçler hastane olanaklarına göre değişkenlik gösterebilmektedir.

Kan Merkezi Sorumlusu Mikrobiyoloji Uzmanlarının Sorumlulukları

BKM Sorumlusu Mikrobiyoloji Uzmanları; BKM’ nin ruhsatlandırılmasından, BKM’nin ve bağlı birimlerin organizasyonundan, personel idare ve eğitiminden, Kalite yönetim sisteminin yerleştirilmesinden, bağışçı kazanım programlarından, Bilimsel faaliyetlerin takibinden sorumludur.

Transfüzyon Merkezi Sorumlusu Mikrobiyoloji Uzmanları; TM’ nin ruhsatlandırılmasından, TM’nin organizasyonundan, personel idare ve eğitiminden, Kalite yönetim sisteminin yerleştirilmesinden, BKM ile koordinasyondan, Hastane Transfüzyon Komitesi faaliyetlerinden, Hemovijilans faaliyetlerinden sorumludur.

Sorunlarımız...

Doğrulama sonuç alma süreleri halen çok uzun sürmektedir. Doğrulama sonuçlarının WEB üzerinden izlenebilmesi dönüş süresini kısaltmıştır ancak halen gönderilmedeki bürokratik yazışmalar gidiş süresini etkilemektedir. Tekrarlayan reaktivitede ikinci kan örneğinin temininde gecikme yaşanmaktadır. Hasta ile kimin iletişim kuracağı konusunda her kurumda farklı uygulamalar mevcuttur. Yönlendirme ve ara danışmanlıkta mikrobiyoloji uzmanının sorumluluğu her hastanede standart değildir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Ayrıca Hastane bilgi iletişim sistemlerinde hasta mahremiyetine zarar vermeden panik değer olarak girilmesine olanak tanınmalıdır. Her hastane kendi iş akışına göre raporlama sistemi oluşturmuş olup belli bir standardizasyon yoktur. Kamu hastanelerinde hizmet alımının her hastaneye test çalışma olanağı tanımaması nedeniyle bu kurumların testleri merkez laboratuvarlarında çalışılıp merkez laboratuvar uzmanlarınca onaylanmaktadır Mikrobiyoloji uzmanları mesai saatleri dışında da çok kez aranmasına ve acil durumlarda icap hizmeti vermek durumunda kalmasına rağmen icap ücreti verilmemektedir. Transfüzyon merkezi sorumluları uzman yetersizliğinden dolayı birçok hastanede aynı zamanda laboratuvar sorumlusu olarak görev aldığı için hastanedeki birçok komisyon ve ünitelerde de görevlendirilmektedir. Transfüzyon Merkezi Sorumluluğu Mikrobiyoloji uzmanlarının ek görevleri arasında belki de en riskli en çok emek gerektiren ve en çok mesai harcanılan görevdir. Öte yandan doğrudan bir hastanın hayati tedavisine dokunabilmek hekimlik ruhumuzda vardır. Bu alandaki testler tamamıyla mikrobiyolojik testler olduğu için Kan Transfüzyon Merkezi sorumluluğu mikrobiyologların uzmanlık alanıdır ve bu ek göreve sahip çıkılmalıdır. Ancak yukarıda bahsedilen sorunlarımızın çözümüne yönelik çalışmalar yapılmalıdır. Bu yolla mikrobiyoloji uzmanlarının Transfüzyon merkezlerinde güvenle ve huzurla sorumluluk almaları yönünde ilerleme mümkün olabilecektir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon B / 15:00 – 16:00

Alveolar Ekinokokkoz Sürveyansında Tek Sağlık Yaklaşımı

Dr. Hakan USLU

İnsanlığın karşı karşıya kaldığı küresel çözüm gerektiren zorluklardan biri yaşadıkları ekosistemler ile hayvan ve insanlar arasındaki temas ile ortaya çıkan enfeksiyöz hastalıkların yayılmasıdır. Bu yayılma hızı; hızlı şehirleşme, çiftçilik sistemlerindeki hızlı değişim, çiftlik hayvanları ve yaban hayatının giderek yakınlaşması, ormanlara zarar verilmesi, ekosistemlerdeki değişiklik ve hayvansal ürün ticaretinin küreselleşmesini içeren birçok neden ile bağlantılıdır (1). Bugün, insanları enfekte ettiği bilinen yaklaşık 1400 organizma türünün %60'ı ve yeni ortaya çıkan veya önem kazanan enfeksiyonların %75'i hayvan kaynaklıdır (2). İnsan ve hayvanları ilgilendiren bu enfeksiyonlar, onlarla mücadelede “Tek Sağlık Anlayışı”nı Dünyada ve Türkiye’de konuşulur hale getirmiştir. Bu zoonotik hastalıklar arasında birçoğu viral etkenler olsa da ekinokokkoz ve özellikle düşük ekonomili ülkelerde yaşayan ve modern tanı testlerine ve tedavilerine erişimi olmayan hastalar için yaşamı tehdit eden alveolar ekinokokkoz (AE) gibi yerini almıştır (3). “Tek Tıp” kavramı 1984’te “Veteriner epidemiyolojinin babası” olarak bilinen Calvin Schwabe tarafından gündeme taşınmıştır. Rudolf Virchow’un “Hayvan ve insan hekimliği arasında ayırıcı bir çizgi yoktur-olmamalıdır da” şeklindeki nakledilmiş fikrini yenileyerek insan, hayvan ve çevre sağlığına daha bütünsel bir yaklaşımda bulunmuştur (4). Ekinokokkoz tanımlı bireyler için sağlık iyileştirme politikaları arasında, endemik ülkelerdeki insan vakalarının ve endemik olmayan ülkelerdeki hayvan durumlarının bildirilmesi, insan, hayvan ve çevre denetimine katılan hükümet örgütleri arasında veri paylaşımı ve düşük ve yüksek gelirli ülkeler arasında güçlendirilmiş iş birlikleri yer almaktadır (5). Bu konuda ülkemiz adına en önemli gelişme 1978’de Dünya Sağlık Örgütü (DSÖ)’nün katkıları ile düzenlenen, Türkiye’nin de üye olduğu 31. Dünya Sağlık Asamblesi kararı uyarınca Akdeniz Zoonoz Kontrol Programı’nın oluşturulmasıdır (6). Türkiye’de, bu programdan yola çıkılarak, Sağlık Bakanlığı ile Tarım ve Orman Bakanlığının imzaladığı protokol sonucu Türkiye Zoonotik Hastalıklar Milli Komitesi kurulmuş ve bu sayede zoonotik enfeksiyonlarla mücadelede önemli bir mesaeife katedilmiştir (7).

Alveolar ekinokokkoza ve etkenine genel bakış

AE, insanlarda görülen en ciddi paraziter hastalıklardan birisi olarak DSÖ, AE’yi ihmal edilen 20 tropikal hastalıktan biri olarak belirlemiş ve etkeni *Echinococcus multilocularis* (*E. multilocularis*)’i gıda kaynaklı parazit olarak 24 paraziter hastalık arasında üçüncü en büyük küresel etkili hastalık olarak belirlemiştir (8). Tedavi edilmediğinde ölümcül olan AE, kesin konakçının dışkısıyla atılan *E. multilocularis* yumurtalarının yutulması ile bulaşan ve parazitin larval metasestod evresinden kaynaklanan bir hastalıktır (9). *E. multilocularis*’in yaşam döngüsü, kesin konakçı olan köpekler ve ara konakçı görevi gören kemirgenler gibi küçük memeliler arasında gerçekleşir. Parazitin başta kızıllar (Vulpes vulpes) ve tarla fareleri gibi vahşi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



hayvanlardaki orijinal döngülerin yanı sıra, döngülerin evcil köpeklerde (*Canis lupus familiaris*) de yerleşmiş olduğu bilinmektedir (11,12). İnsanlar tesadüfi ara konaklar olup kesin konakçılarla temas yoluyla veya toprak, yiyecek veya olasılıkla kontamine sudaki yumurtaların fekal-oral yolla alınmasıyla enfekte olurlar (10). İnsanlarda enfeksiyon öncelikle karaciğerde ortaya çıkar. Parazitin metacestod evresi, ekzojen tomurcuklanma ile sonsuza kadar çoğalıp yavaş yavaş çevredeki dokuyu istila ederek tümör benzeri kötü huylu bir büyüme gösterir ve tedavi edilmediği takdirde vakaların %90'ında tanıdan sonraki 10-15 yıl içinde ölüme neden olur (11). Her yıl %91'i Çin'de meydana gelen dünya çapında 18.000'den fazla yeni AE vakası olduğu tahmin edilmektedir (12). *E. multilocularis*'in Kuzey Yarımküre ülkelerinin çoğunda dağılım gösterdiği; Fransa, Almanya, İsviçre ve Avusturya ve diğer Avrupa ülkelerine yayıldığı; kuzey ve orta Avrasya, Kuzey Japonya, Orta Asya ve Çin'de endemik olduğu bildirilmiştir (13). Dünya çapında geniş bir alanda yayılım gösteren parazitin virülansı bölgeler arasında oldukça farklılık gösterir. Virülanstaki bu farklılığın varsayımsal nedeni olarak, mitokondriyal dizilere ve EmsB mikrosatelit profillerine dayalı olarak dört ayrı klad oluşturan (Asya, Avrupa ve Kuzey Amerika kladları ve Moğolistan ve komşu bölgelerle sınırlı ki bu henüz EmsB genotiplemesiyle tanımlanmamış olan dördüncü klad olarak bilinir) *E. multilocularis*'in genetik yapısı gösterilmektedir (14). Yakın yüzyıla kadar kistik ve alveolar ekinokokkozun etkeninin aynı türün varyantları mı yoksa iki farklı tür tarafından mı oluştuğu sorusu uzun bir süre gizemini koruyordu. Rudolf Virchow, insan hastalarındaki *E. multilocularis*'in larval evresinin morfolojik özelliklerini 19. yüzyılın ortalarında, tanımladı. Ancak o zamanlar, alveoler ekinokokkozun anormal bir *Echinococcus sp.* tarafından meydana getirildiğinden şüpheleniliyordu. Nihayet, 1863'te Leuckart'ın araştırmaları sayesinde ayrı bir tür olarak tanımlandı ve bu parazite "*E. multilocularis*" adı verildi (15). Morfolojiye göre *Echinococcus* cinsinde *E. multilocularis*, *E. granulosus*, *E. vogeli* ve *E. oligarthrus* olmak üzere dört tür tanınmaktadır. Bu türlerin dışında önerilen ek türler *E. shiquicus* ve *E. felidis*, *E. orteppi*, *E. equinus*, *E. canadensis* ve *E. intermedius*'tur ve bunlar şu anda *E. granulosus sensu lato (s.l.)* olarak sınıflandırılmaktadır (15). *E. multilocularis*'i diğer *Echinococcus* türlerinden ayıran özellikler arasında yetişkin evrede çok sayıda segmente ve vazo benzeri uterusu sahip olması; multiloküler veya multiveziküler metasestod gelişimi, germinal tabakanın endojen ve ekzojen proliferasyonu ve vahşi kemirgenleri içeren bir yaşam döngüsü göstermesi sayılmaktadır. *E. multilocularis*'in neredeyse tamamlanmış 115-141 megabaz ebadındaki genomu 9 kromozomdan oluşur ve genom başına 10.231-12.490 varsayılan gen tanımlanmıştır (16). Coğrafi genotipler ve moleküler epidemiyoloji ile ilgili olarak mtDNA çeşitliliği *E. multilocularis*'in tür içi farklı izolatlar arasında coğrafi çeşitlilik olduğu gözlenir. Nakao ve arkadaşları farklı coğrafyalardan izole edilen *E. multilocularis* suşlarının mtDNA haplotiplerinin karakterizasyonu gerçekleştirmişler ve sonuçta E1 ile E5 (Avrupa haplotipleri), A1 ile A10 (Asya haplotipleri), N1 ve N2 (Kuzey Amerika haplotipleri) ve O1 (diğer haplotip) olarak adlandırdıkları 18 haplotip tespit etmişlerdir (17). *Echinococcus* cinsinin filogenisi tıbbi ve veterineri olarak oldukça önemlidir ancak hem mitokondriyal hem de

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



nükleer verilerle yapılan sayısız çabaya rağmen istenilen sonuçlara ulaşılamamıştır. AE bulaşmasını daha iyi anlamak ve etkili sağlık hizmetleri stratejileri tasarlamak için hayvanlardan ve insanlardan izole edilen *E. multilocularis* izolatlarının genotiplenmesinin uluslararası koordinasyonuna acil ihtiyaç vardır.

Yaşam döngüsü

E. multilocularis yaşam döngüsü, kesin konaklar (köpekgiller ve daha az sıklıkla kedigiller) ile ara konaklar (toynaklılar, lagomorflar ve kemirgenler) arasındaki bir avcı-av ilişkisine dayanır. İnsanlar tesadüfi veya sapkın konaklardır ve bu nedenle hastalık bulaşmasında rol oynamazlar. Köpekgiller, enfekte hayvan başına yüzlerce, binlerce yetişkin form taşıyabilir. Her biri 1-5 mm uzunluğundadır ve üç segmentten oluşur; sonuncusu (gebe proglottid) yumurtaları hayvan dışkıyla birlikte çevreye salar. Bu yumurtalar, ara (veya tesadüfi) konaklar tarafından yutulana kadar geniş bir sıcaklık aralığında canlı kalır (13). İnce bağırsağa girdikten sonra yumurtadan çıkarlar ve portal ve lenfatik kanallar yoluyla karaciğere göç eden larva formlarını (onkosferler) salarlar. Karaciğerde larvalar, aktif olarak çoğalan pluripotent parazit kök hücreleriyle çevrili sıvı dolu veziküllere dönüşür (germinal tabaka), daha sonra karakteristik bir yapı olan metasetoda farklılaşır. Germinal tabaka, yüksek oranda glikozlanmış musinlerden oluşan bir ağdan oluşan hücresiz bir lamine tabaka salgılar, konağa doğru yönlendirilmiş olarak sentezlenir; bu, larvayı konağın bağışıklık tepkisinden ayırır ve korur. *E. multilocularis*'in birincil vezikülleri, *E. granulosus*'unkiler gibi boyut olarak genişlemez, bunun yerine daha sonra ikincil veziküller oluşturmak için ayrılabilen küçük kök benzeri dış tomurcuklar ve (nadiren) protoskoleksli iç kız kistleri üretir (18). Bu sınırlanmamış çoğalma, karaciğer dokusuna sızan ve bunun çok ötesine kadar genişleyen invaziv, çok odacıklı (multiloküler) veziküler bir lezyon üretir. Kesin bir konakçı tarafından yutulduğunda, bu protoskoleksler safra tuzlarının yardımıyla avcının bağırsaklarında yetişkin parazite dönüşür ve çevreye enfekte yumurtalar boşaltarak yaşam döngüsünü tamamlar (19).

Epidemioloji

E. multilocularis, kuzey yarımküredeki ılımlı soğuk iklim bölgelerindeki hayvan dünyasında bulunur. Batı, kuzey ve doğu Avrupa, Rusya'dan Asya'ya, Türkiye'den Orta Asya'ya ve batı ve kuzeye kadar uzanır. İnsan AE'si Avrupa'da ortaya çıkan bir hastalıktır. Yaban hayatında yapılan çalışmalar paraziti yeni alanlarda da tespit etmeye başlamıştır. Türkiye, insan vakalarına göre AE için dünyada yüksek endemik bölgelerden biri olarak kabul edilir (20). Kızıl tilkiler (*Vulpes vulpes*) Türkiye'de dahil tüm dünyada en fazla popülasyona sahip oluşu bu yabancı karnivorun temel kesin konak olduğu ve genellikle kızıl tilkiler tarafından avlanan bazı küçük memelilerin birincil ara konaklar olduğu varsayılabilir. Ancak, kızıl tilkiden ayrı olarak kutup tilkisi, evcil köpek (*Canis lupus familiaris*) ve kediler (*Felis silvestris catus*) ve ayrıca, kurt (*Canis lupus*), çakal (*Canis latrans*), rakun köpeği (*Nyctereutes procyonoides*), yaban kedisi (*Felis silvestris*) gibi diğer karnivorların son konak olabileceği bildirilmiştir (21). Gürler ve arkadaşlarının 2019 yılında yayınlanan bu derleme makalesinde *E. multilocularis* için Türkiye'nin, dünyada yüksek endemik

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



birkaç ülkeden birisi olduğu; Türkiye’de günümüze kadar bildirilen insan AE olgu sayısının 603 ile 916 arasında olduğu, Erzurum ve Kars başta olmak üzere doğu illerinin halk sağlığı açısından çok daha riskli iller olduğu belirtilmiştir. AE ile ilgili olarak yapılan bir meta analizde Kuzey yarımküredeki 36 ülkeden yayınlanmış makaleler incelenmiş ve en yüksek yaygınlık %9.43 ile 2014 yılında Çin'in Qinghai eyaletindeki Banma bölgesinde ve %7.1 Kırgızistan'ın Nary Oblastında (2010-2011 yılları içinde) bulunmuştur (22).

AE hakkında yayınlanan verilerin hem niceliği hem de niteliği bu hastalığın prevalansının kesin olarak belirlenmesi için yetersiz kalmaktadır. Bu durumdan sorumlu nedenler arasında AE ile KE arasında ayırım yapılmayan veriler, 5-15 yıllık başlangıçtaki asemptomatik dönem, parazitin yutulduğu kesin yeri belirlemenin mümkün olmayışı, muhtemelen, ekonomik durumu kötü ve/veya uzak bölgelerde yaşayan ve tanı konulmamış önemli sayıda semptomatik hasta varlığı sayılabilir.

Risk ne kadar, AE için endişelenmeli miyiz?

Potansiyel olarak ölümcül bir zoonotik enfeksiyon olan AE etkeni *E. multilocularis*, kistik ekinokokkoz etkeni *Echinococcus granulosus* ile karşılaştırılır. İki parazit arasında birçok benzerlik olmasına rağmen, bu iki ekinokokkoz türünün tamamen farklı bir patogenezi ve klinik sunumu vardır. Her iki türdeki ekinokokal larva evreleri (metasestod) benzerdir ancak *E. granulosus* yapının içinde protoskoleksler ve yavru kapsülleri oluştururken (hidatik kist), *E. multilocularis* bunları içeride ve dışarıda büyütürken komşu dokulara sızabilen ve uzak yerlere metastaz yapabilen kötü huylu tümörlere benzer (23). Franz ve ark. yaptığı çalışmada; “önemli potansiyel risk” için altı ayrı veri tabanında taranarak toplam 1.009 yayın analiz edilerek riskler vurgulanmıştır. Bu sistematik literatür incelemesinde bu başlığı vurgulayan 17 yayın (6 vaka-kontrol ve 11 kesitsel çalışma) meta-analiz ile irdelenmiştir (24). Bu çalışmada üzerinde durulan en temel sıkıntı genellikle on yıldan uzun sürebilen bir kuluçka dönemiyle ilişkili olmuştur. İnsan AE için “önemli potansiyel risk” başlıkları; köpek sahibi olmak, kedi sahibi olmak, köpeklerle oynamak, mutfak bahçesine sahip olmak, meslek olarak çiftçi olmak, suya yakın olmayan çayırarda ot biçmek, saman yapmak, mesleki nedenlerle ormanlara gitmek ot çiğnemek ve yemek, tilki avlamak/temas etmek, içme suyu kaynağı, cinsiyet olarak dişi olmak, 20 yaş üstü olmak, meslek olarak çobanlık yapmak, düşük eğitim ve gelir, etnik grup olarak Tibetli olmak şeklinde sıralanmıştır. Çevresel risk faktörü analizi açısından örneğin organik gıdaları seçme eğilimi, mutfak bahçelerinin kullanımı ve genel olarak arka bahçe bahçeciliği risk oranlarını artırır. Son yıllarda artan açık hava etkinlikleri de burada maruziyetin artmasına katkıda bulunabilir. Özellikle parklar gibi ortak yaşam alanlarında ve rekreasyon alanları bulaşması için yeni yollar yaratır. İnsan korkusu gibi doğal hayvan davranışları yavaş yavaş ortadan kalktıkça, sinantropik ve evcil konakçıları içeren yeni kentsel döngüler ortaya çıkmaktadır. Çevrede doğal iklim maruz bırakılan *E. multilocularis* yumurtalarının maksimum hayatta kalma süresi sonbahar ve kış aylarında 240 gün ve yazın 78 gün olduğu gösterilmiştir (25). Parazitin çevredeki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



yumurtalarının uzun süre canlılığını koruması ciddi ve dikkatle takip edilmesi gereken bir durumdur.

Klinikopatoloji

Hastalık seyri insanlarda aktif başlangıç, progresif ve ileri evre olmak üzere 3 aşamalı ilerler. 35-70 yaşlarda pik yapar. Erkek ve kadın dağılımı eşit orandadır. Çiftçiler, avcılar, sebze veya meyve toplayan, kırsal kesimde yaşayan insanlarda daha sık görülür. Kemirgenlerin aksine, insanda metasestod içerisinde aseksüel protoskoleks oluşmaz. Kemirgenlerde oluşan protoskoleks yüksek oranda üretken hale gelmektedir (2-4 ay içerisinde). Bu evreden sonra hastalık ya spontan olarak iyileşir ya da progresif seyre geçer. Progressif evrede hastalık semptom vermeye başlar. İlk belirtiler genelde nonspesifiktir. Semptomlar parazitik kitlenin büyüklük ve yerleşim yerine göre değişir. Hastalık ileri evreye geçince büyük damar ve safra yolları invazyonuna bağlı semptomlar gözlenir. Bazı vakalarda parazit ölür ve kalsifiye olur (26). Klinik konağın bağışıklık durumuna, hızlı tanıya ve modern tedaviye erişimine bağlıdır. Ölüm oranı tedavisiz olgularda 10 ila 15 yıl içinde %90'ın üzerindedir. İnsanlar anormal ara konaklar olarak yumurtaların yutulmasıyla parazitin metasestod aşaması ile etkilenirler. Ekinokok yumurtaları oral alımı takiben asidik mideyi geçer ve alkali duodenum ortamında pankreatik sıvıların etkisiyle parçalanır. Serbest hale geçen onkosfer larvası bağırsak mukozasına tutunur ve bağırsak lamina propriasına nüfuz ederek, onu karaciğere, akciğerlere ve diğer organlara taşıyan kan ve lenf damarlarına ulaşır (26,27). Metasestodlar %98 oranında karaciğerde ve çoğunlukla sağ loba yerleşir ve enfekte canlıda karaciğer dokusunda büyüyen çok odacıklı kistlerle karakterize bir görünüm kazanır. Kistler KE'de farklı olarak diğer organlara yayılma eğilimindedir. Portal ven yoluyla karaciğere yerleşen parazit mononükleer hücre infiltrasyonu, eozinofilik infiltrasyon ile enflamatuar cevabı uyarır. Embriyonun etrafı endotel hücreleri, eozinofil, dev hücreleri içeren fibroz bir doku ile sarılır. *E. multilocularis* multiple ve düzensiz infiltrasyonlar içerir. Karaciğere yerleşen parazit çapı 1-3 cm çapında değişen çok sayıda vezikül içeren alveolar tip yapıyı oluşturarak yılda ortalama 1 cm büyümeye devam eder. Metasestodun yapısı dışında bulunan dış tabaka glikandan zengindir ve PAS (+) boyanır (27,28). Germinal membran tarafından salgılanan bu tabaka tüm ekinokoklarda bulunur ve lezyonun histopatolojik olarak da doğrulanmasını sağlar. Bu laminar membrana ait karbonhidrat antijeni EM-2' nin üretim yeridir. EM-2 konağın immün sistemini etkileyen bir proteindir. Germinal tabaka ara konakta protoskoleks oluşumunu da sağlar. Ancak insanda protoskoleks oluşumu nadirdir. Kistik ekinokokozin aksine alveolar ekinokokoziste protoskoleksler sekonder enfeksiyon oluşturmaz. Larval dokunun mikroveziküler uzantılar ile invazyonu ve germinal tabaka hücrelerinin metastaz yapması sekonder enfeksiyonun temel nedenidir. İnsanda kist içeriği nekrotik vejetasyon ile doludur (27,28). İleri vakalarda, karaciğer parankimine verilen hasar siroz, portal hipertansiyon ve karaciğer yetmezliğine neden olabilir. Eozinofili ve alerjik reaksiyonlar (genellikle hidatik hastalıkta görülür) AE'de çok nadirdir, çünkü metasestodların etrafındaki yoğun fibrotik doku, konağı larval antijenlerin sızmasından korur (28). Ortalama olarak larval kitle yaklaşık 10 cm

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



çapa ulaştığında veya onu aştığında bulgu verebilir. İlginç bir şekilde, hastaların yaklaşık %60'ı tanı sırasında asemptomatiktir. *E. alveolaris* enfeksiyonu olan %67'sinde tek başına karaciğer tutulumu, %20'sinde karaciğerle beraber komşu organ tutulumu (diyafragma, adrenal bez, böbrek), %13'ünde ise metastatik uzak organ (akciğer, beyin, dalak) tutulumu görülür. %0,7 oranında ise karaciğer, akciğer ve beyin tutulumu beraber gözlenmiştir. AE'nin maligniteye benzerliği nedeniyle, WHO-IWGE (Informal Working Groups on Echinococcosis), karaciğer kanseri için kullanılan Tümör-Düğüm-Metastaz (TNM) sistemine göre yönlendirilen bir sınıflandırma sistemi sunmuştur. PNM (P, karaciğerdeki parazitik kitle; N, komşu organların tutulumu ve M, metastaz) olarak adlandırılan bu terim, vakaları I ile IV olmak üzere dört evreye ayırır. Bu yaklaşım hastalığın tanısı ve tedavisi için standartlaştırılmış uluslararası kistaslar sağlar. Her vaka multidisipliner bir ekip tabanlı yaklaşım ve uzun vadeli takip gerektirir. (28,29).

Tanı yöntemleri

Özellikle yüksek endemik bölgelerde epidemiyolojik verileri iyileştirmek ve hastalık potansiyelini ortaya çıkartacak tanı metodları tek sağlıkla ilişkili olarak tıp, veterinerlik, çevre ve gıda toplulukları içine alan tanısal test stratejilerini içermektedir (30). İnsan enfeksiyonlarının tanısında; Dünya Sağlık Örgütü-Echinococcosis grubu (WHO-IWGE), insanlarda AE tanısında parazitin; görüntüleme, seroloji, histopatoloji, nükleik asit tespiti gibi tanı metodlarından en az birinin kullanılmasını tavsiye etmektedir (31). İnsan enfeksiyonlarında karaciğer ultrasonu genellikle klinik ve laboratuvar araştırmalarını tetikleyen ilk tanı adımıdır. Ultrason, en ucuz ve en kolay birinci basamak tanı aracıdır ve sıklıkla hem hasta tanısı hem de kitle alanı taramaları için kullanılır. F-florodezoksiglukoz (FDG) içeren pozitron emisyon tomografisi ile bilgisayarlı tomografi (PET-CT), hepatik alveoler ekinokokkozis lezyonlarını çevreleyen inflamasyonu değerlendirmek için tercih edilen görüntüleme yöntemidir (32). MRI genellikle belirsiz vakaların tanısında düşünülür. AE tanısı, histopatolojinin AE ile uyumlu olması veya klinik bir örnekte *E. multilocularis* nükleik asit dizilerinin saptanması durumunda doğrulanır (33). Tanıda son derece önemli olan histopatolojide hastalığa adını veren kist içinde üzüm benzeri kistlerin görünümüdür (34). En yüksek larval büyüme aktivitesi lezyonun çevresinde meydana gelir. Dağınık veya izole kalsifikasyonlar genellikle larval dokuda bulunur ancak periferde bulunmaz (hidatik hastalığın aksine). Granülomatöz bir konak reaksiyonu ve fibrozis sıklıkla metasestodun etrafında görülür. AE için patognomonik olan karakteristik lamine zarlar katlanmış, genellikle parçalanmış ve bazen germinal zarlar veya protoskoleksler olmadan görünür. Bu zarlar *E. granulosus*'un zarlarından daha incedir ve periyodik asit Schiff (PAS) ve Gomori metenamin gümüş (GMS) pozitifdir (32-34). Seroloji, şüpheli AE için en sık istenen laboratuvar testlerinden biridir ancak tanısal değeri sınırlıdır. Mevcut analizler, *Echinococcus*'un farklı gelişimsel aşamalarından gelen çok çeşitli antijenlere dayanmaktadır. Antijen olarak Metacestod antijenleri, yani doğal Em2 ve Em 492 (metacestod lamine tabakasının yapısal bileşenleri) ve rekombinant antijenler Em11/3-10 (daha sonra Em10 olarak adlandırıldı), AE'yi CE'den ayırt etmede çok yüksek özgüllüğe sahiptir. Dolaylı hemaglutinasyon testi veya ELISA gibi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



immünodiagnoz testleri sadece birincil tanıda değil aynı zamanda cerrahi tedavi veya kemoterapi sonrası hastaların takibinde ve hastalıkların eş zamanlı olarak endemik olduğu bölgelerde AE ve CE arasındaki spesifik ayırıcı tanıda güvenilir olarak değerlendirilmektedir (35). AE'nin en aktif bileşeni, EM16 ve EM18 antijenlerine sahip olan protoskolekstir. Lezyonun aktivitesi, bu antijenler immüno blot testlerinde kullanılarak elde edilebilir, ek olarak, EM18, AE ve CE arasındaki ayırım için faydalı göstergelerdir(36). EM4 henüz insanlarda tanısal potansiyel açısından değerlendirilmemiştir. Serolojik amaçlı kullanılan antijenler arasında boşaltım-salgılama ürünü doğal antijenleri, EmVF (in vitro üretilen metasestod vezikül sıvı antijeni) veya membrana bağlı enzim EmAP gibi diğer bileşenler bulunmaktadır. Bu antijenler içerisinde Em2 ve Em18 en güvenilir olanlar gibi görünmektedir ve ELISA testlerinde özgüllük %95'e kadar çıkabilmektedir. Genel olarak, saflaştırılmış/rekombinant antijenlerin (Em2, Em18 ve EmVF) çok bileşenli test kombinasyonları yüksek tanısal duyarlılık ve özgüllük (%80 ila %95) gösterir ve Western blotting'in ardından ELISA taraması olarak test edildiğinde değerler %98'e yükselir ⁽³⁴⁻³⁶⁾. Ek olarak, Em18 tabanlı seroloji metasestodların yaşayabilirliğini veya tedavinin etkinliğini değerlendirmek için de kullanılabilir (35,36). Pratik açıdan, serolojik tanı iki adımlı bir yaklaşımı izler. İlk adım, EgHF (E. granulosus hidatik sıvısı) veya E. multilocularis özütünden homolog antijenler gibi heterolog antijenler kullanan daha hassas ancak daha az özgül bir test kullanır. Bu testler diğer sestod veya helmint enfeksiyonları, karaciğer sirozu ve malignitelerle çapraz reaksiyona girer. Em2 veya Em2+ veya rekombinant Em18 gibi daha yeni rekombinant ve saflaştırılmış antijen bazlı testler, aynı derecede hassastır ancak daha iyi özgüllük gösterir; ticari olarak mevcuttur ve birçok ülkede yaygın olarak kullanılır (37). İkinci adım daha spesifik Western blot tekniğinin kullanımıdır. Bunlar *E. granulosus* ve *E. multilocularis*'in veya *E. multilocularis*'in tek başına, Em18 antijeni veya Em18 rekombinant proteininin birleştirilmiş özütlerine dayalı olabilir. Bu testler AE ve CE arasında ayırım yapabilir ve oldukça spesifiktir, yalnızca nörosistisierkozla çapraz reaksiyon verir. Ayrıca ticari olarak da mevcuttur. Bu tür testlerin bazı örnekler verecek olursak; Em2+ ELISA (Bordier Affinity ürünleri, Crissier, İsviçre), E. multilocularis Em2-Em18 ELISA (Em2-Em18 artı ELISA; Bordier Affinity Ürünleri, Crissier, İsviçre), Anti-Echinococcus EUROLINE WB IgG—birleşik Western ve çizgi blot testi (Euroimmun Medizinische Labordiagnostica AG), • Echinococcus Western Blot IgG (LDBIO Diagnostics, Lyon, Fransa) (37,38).

Genel olarak, seroloji birinci basamak tanı aracı değildir. Birçok seropozitif bireyde AE kanıtı yoktur ve bazı immün yetmezliği olan hastalar enfekte olmalarına rağmen seronegatifdir. WHO-IWGE serolojiyi yalnızca "olası" ve "muhtemel" vaka tanımlarının bir parçası olarak vurgular. Enfeksiyon ile hastalık arasındaki zaman aralığı 5 ila 10 yıl arasında değiştiği ve yumurtaların yutulmasından serokonversiyona kadar geçen süre bilinmediği için, tek bir negatif seroloji sonucu enfeksiyonu dışlamaz ve tek bir pozitif sonuç hastalığın varlığını doğrulamaz. Bu, serolojinin tek başına (görüntüleme olmadan) tanı veya tarama aracı olarak şüpheli değerde olmasına neden olur. Ancak, uyumlu bir lezyonun radyolojik kanıtının ilgili epidemiyolojik

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



maruziyet veya risk faktörleriyle birleştirildiği belirli durumlarda oldukça faydalıdır. AE'nin şüpheli tanısının kesin olarak doğrulanması, temsili doku örneklerinde *E. multilocularis*'e özgü nükleik asit amplifikasyon testlerinin kullanılmasını gerektirir; bu testlerden bazıları ayrıca metacestodun in situ (ters transkripsiyon-PCR) canlılığının değerlendirilmesine yardımcı olabilir (38).

Son yıllarda dokularda *Echinococcus*'un tespiti için birkaç PCR tabanlı test ortaya çıkmıştır. Tür tanımlaması için kullanılan anahtar lokuslar, mitokondriyal genler veya nükleer ribozomal DNA'nın yanı sıra mitokondriyal DNA'da bulunur. Çoğu hedef mitokondriyal lokuslardır, örneğin nad1, cob ve RNA genleri (örneğin, 12S rRNA, 12SrDNA ve cox 1) (37,38). Bu analizler hem taze hem de formalinle korunan örneklerde yapılabilir ve WHO-IWGE'nin "doğrulanmış vakalar" tanımına dâhildir. Birçok referans laboratuvarı artık insan AE'sinin klinik tanısı için gerçek zamanlı PCR (kantitatif PCR [qPCR]) kullanmaktadır. Daha iyi duyarlılık ve özgüllük ile daha kısa bir reaksiyon süresi sunar ve DNA kantasyon sağlayabilir. Ancak, negatif bir PCR sonucu hastalığı dışlamaz Teknik, enfekte materyalin örneklenmesine büyük ölçüde bağımlıdır ve yalnızca nekrotik veya lifli doku analiz için gönderildiğinde iyi performans göstermez (39-41). Karnivor çalışmalarında; *E. multilocularis* enfeksiyonunu tanımlamak ve doğrulamak için çeşitli tanı teknikleri kullanılmaktadır. Burada teşhis ve süveyans testleri öne çıkar. Direk dışkı analizi, morfolojik tanımlar, görüntüleme yöntemleri, seroloji ve antijen taramaları, PCR testleri ve post-mortem intestinal muayeneler bu tanı yöntemleri için örnek verilebilir. Dışkı analizi, köpekgillerden örnek almanın invaziv olmayan bir yöntemidir; ancak *E. multilocularis* sestodlarının döktüğü yumurtalar morfolojik olarak diğer teniid türlerinin yumurtalarından ayırt edilemez ve yumurtaların tutarsız dökülmesi nedeni ile duyarlılıktan yoksun olabilir. Dışkı muayenelerinde sestodların morfolojik tanımlanmasında çeşitli konsantrasyon metodları, arekolin hidrobromür purgasyon ile sedimentasyon ve Sayım Tekniği (Sedimentation and Counting Technique) SCT, dışkı eleme/flotasyon teknikleri, Bağırsak Kazıma Tekniği- IST, Segmental. Sedimentasyon ve Sayım Tekniği- SSCT, Sedimentasyon, Filtrasyon ve Sayım Tekniği- SFCT gibi. SSCT (Segmental Sedimentation and Counting Technique) bağırsak yolundaki sestod yatkınlık bölgelerini inceleyerek işlem süresini azaltan altın standart SCT protokolünün bir modifikasyonudur (42). SSCT, SCT'ye kıyasla yüksek bir duyarlılığa (< 98.3%) ve özgüllüğe sahiptir (her ikisi de bağırsak segmentine bağlıdır) ancak enfeksiyon yoğunluğunu tahmin etmede daha düşük bir doğruluğa sahiptir. Bu dışkı analizlerinden sonra çeşitli moleküler tabanlı testler de kullanılmıştır. Yazarlar, referans standardı olarak Intestinal Scraping Technique (IST)'yi kullanarak QIAamp® Fast DNA Stool Mini Kit with qPCR'yi (QuantiTect® Multiplex-Master Mix kullanarak) test edilen kombinasyonların en yüksek duyarlılığına (%97) sahip olarak tanımladılar. Son olarak, doğal ve rekombinant antijenlerin değerlendirilmesi, EmVF-Western Blot ve rEm95-ELISA'yı, köpekgillerde AE'nin serolojik tanısı için iki yüksek hassasiyetli (%100) ve spesifik (%100 ve %98) seçenek olarak vurguladı (43).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



E. multilocularis için toprak örnekleri de çalışma konusu olmuştur Ormanlarda, plantasyonlarda ve mutfak bahçelerinde toplanan 103 çevresel meyve, sebze ve mantar örneği, mitokondriyal 12S ribozomal RNA (rRNA) genine dayanan yuvalanmış PCR testi kullanılarak analiz edilmiştir. Parazit DNA'sı örneklerin %23,3'ünde tespit edilmiştir. Dizileme, elde edilen PCR ürünlerinin *E. multilocularis*'i temsil ettiğini doğrulamıştır (44).

Şu anda, bu paraziti insanlarda, hayvanlarda veya çevrede tespit etmek için belirli altın standart protokoller konusunda uluslararası bir fikir birliği yoktur. Buna karşılık, insan ve köpek konaklarında metasestod enfeksiyonunu tespit etmek için her biri %95'i aşan duyarlılık ve hassasiyete sahip birkaç umut verici serolojik test belirlendi. Bunlar arasında ticari olarak temin edilebilen modifiye edilmiş bir EUROLINE®-Western Blot (IgG, rEm18, rEm95, rEgAgB'ye dayalı), köpeklerde kullanılmak üzere bir Western Blot (EmVF) ve ELISA (rEm95) ve insanlarda kullanılmak üzere ticari olarak temin edilebilen bir antikör altın immünokromatografik hızlı tanı testi yer almaktadır (38,39). Tanı testleri, patent öncesi, erken metasestod ve düşük yoğunluklu enfeksiyonları tespit etmede farklı kapasitelere sahiptir. Ayrıca, test doğruluğunun Faz III saha değerlendirmeleri genellikle tek bir konakta tek bir yerde gerçekleştirilir ve konak türleri ve yaygınlık arasındaki olası doğruluk farklılıkları göz ardı edilir (45). Bu nedenle, toplu tarama kampanyaları bir gözetim stratejisi oluştururken bir bölgenin epidemiyolojik durumunu ve tanı testlerinin tespit sınırlarını dikkate almalıdır. Çoğu laboratuvar altyapısı ve teknisyen eğitimi pahalı reaktiflere erişim gerektirir ve bu da düşük kaynaklı bölgelerdeki uzmanlar için bunlara erişilemez hale getirebilir. Çeşitli teşhis testlerinin güvenlik yönlerini de dikkate almak önemlidir. Bu nedenle dışkı örneklerini toplayan ve analiz eden teknisyenlerin, kişisel koruyucu ekipmanla çalışma gereği vardır (46).

AE için neden tek sağlık konuşulmalı?

Tanı teknolojilerindeki son gelişmelere rağmen, AE insanlar ve hayvanlar için yaşamı tehdit eden bir enfeksiyon olmaya devam ediyor. Kısmen de olsa, endemik ülkelerdeki hastaların modern tanı ve tedavilere eşit erişimi olmaması nedeniyle hastalık artmaya devam ediyor. Bu, hastalığın dünya genelindeki yayılımını göstermeye ve epidemiyolojik bilgimizdeki boşlukları ortaya çıkarmayı hedefleyen birçok çalışma olmasına rağmen yalnızca insan vakalarına odaklanan küresel bir harita bizi geçmişte çok yanıltıcı götürmüştür. Örneğin güçlü laboratuvar ve insan kaynağına sahip olduğu için avrupa'da *E. multilocularis* için gözetim genellikle kızıl tilkiler üzerinde gerçekleştirilir ve ağırlıklı olarak morfolojik (SCT) veya moleküler (PCR) yöntemler kullanılarak teşhis edilir. Dört AB ülkesi (Finlandiya, İrlanda, Malta ve Birleşik Krallık) *E. multilocularis*'ten ayrı kabul edilir ve bu statüyü korumak için yıllık gözetim yapmak zorundadır (Yönetmelik (AB) No 1152/201117 uyarınca (47). İnsan AE'si Kanada'da ulusal olarak bildirilmesi zorunlu değildir, ancak 2018'de Ontario'daki vahşi köpekgillerde artan yaygınlık ve evcil köpeklerde AE'nin yeni tespiti üzerine il düzeyinde bildirilmesi zorunlu hale gelmiştir (3). Hayvanlarda ve gıdalarda *E. multilocularis* tespiti şu anda bildirilmesi zorunlu değildir ve hükümetlerin insanlarda, hayvanlarda veya gıdalarda aktif gözetim yaptığını gösteren herhangi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



bir belge bulamadık. Her yıl, *E. multilocularis* 11.400 ila 29.600 yeni insanı enfekte ediyor, yaklaşık 17.000 ölüme neden oluyor ve küresel olarak 409.000 ila 1,1 milyon Engellilik Ayarlı Yaşam Yılı yükü getiriyor (48). Kanada, Avrupa ve Asya bölgelerinde bu parazite yönelik artan endişe göz önüne alındığında, tutarlı vaka tanımlarına dayalı zorunlu raporlama çerçevelerine ihtiyaç duyulmaktadır. Ayrıca, gözetim ve raporlama çerçevelerinin geliştiricileri, özellikle bu parazitin önemi artmaya devam ettikçe, insan, hayvan ve çevre kaynaklarının izlenmesinde sinerjik olarak çalışan gelişmiş sistemler oluşturmak için Tek Sağlık yaklaşımını uygulamayı düşünmelidir. Tek sağlık yaklaşımımızın bir parçası olarak, insanlardan, köpeklerden (kurtlar, tilkiler, çakallar, rakun köpekleri ve evcil köpekler) ve/veya çevreden (yani toprak, bitkiler, yiyecek, su) sonuçlar bildiren çalışmalar incelendiğinde multidisipliner yaklaşımları ve politikaların olması kaçınılmaz olarak gözlenmektedir. Özellikle 2012’de WHO’nun 17 ihmal edilmiş hastalık arasında zikretmesi hem medikal hem de veteriner hekimlik alanlarda majör düşünülmesi gerektiği vurgusu yapılmıştır. Bu anlamda hastalığın modern tanı ve tedavisi için hem ana hemde ara konaklar için ortak projeler önerilmektedir. Özellikle endemik alanlardan başlanılarak riskli bölgelere yayılan programlı tek sağlık çatısında düzenli kayıtlarla programlar geliştirilmelidir.

Önleme ve koruyucu kontrol programları

AE'nin etkili bir şekilde önlenmesi ve kontrol girişimleri halktan başlayan veterinerlik, tıbbi ve halk sağlığı toplulukları ve çevre örgütleri gibi birçok farklı gruptan destek gerektiren bir girişimdir. Konu uzmanları arasında bu ortaya çıkan tehdide uygun yaklaşımları değerlendirmede üst yönetimler kilit bir rol oynar. Optimum başarı, tüm bu kişi, kurum ve örgütlerin, insan ve hayvan enfeksiyonlarına katkı sağlayan risk faktörleri hakkında net bir anlayışa sahip olunması durumunda elde edilebilir. Halk sağlığı otoritelerinin planları doğrultusunda kamu tutumları, mali kaynaklar, politik öncelikler ve değişen epidemiyolojik ortamlar gibi faktörler planlamayı ve değerlendirmeyi zorlaştırabilir. Tek sağlık yaklaşımı ile AE ile enfekte olan bireylerin erken, uygun fiyatlı ve doğru tanıya ve modern tedaviye erişim en önemli başlık olsa da yine ara konak ve ana konak teşhis, tedavi, örneklem grupları ve takipleri ve yine nükleotid dizilerinin veri tabanlarında hedefe yönelik programları etkenin küresel sağlık yükünü ve coğrafi dağılımını kapsamlı bir şekilde tanımlamak ve bu parazitin yeni alanlara ve konakçı tiplerine çıkışını izlemek için önemli adım olacaktır. Endemik ülkelerdeki insan vakalarının ve endemik olmayan ülkelerdeki hayvan vakalarının zorunlu olarak bildirilmesi, insan, hayvan ve çevresel gözetim yapan hükümet kurumları arasında veri paylaşımı ve düşük ve yüksek kaynaklı ülkeler arasındaki güçlendirilmiş ortaklıklar, AE hastaları için sağlık eşitliğini optimize etmek için kullanılan stratejilerdir. Ayrıca, ulusal *E. multilocularis* kontrol programları, gözetim stratejileri tasarlanırken konak türlerine, tahmini yerel yaygınlığa ve diğer *Echinococcus* türlerinin varlığına ilişkin tanı testi sınırlamalarını dikkate alınmalıdır. Tanı protokolleri geliştirme, *Echinococcus* türlerini tanımlama ve entegre insan-hayvan gözetim sistemleri tasarlama yetkisine sahip ortak bir WHO/OIE dünya referans laboratuvarının kurulması, bu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



hedeflere ulaşmada uzun bir yol kat edebilir. Bu nedenle, bu “One Health” çalışmasının hedefleri (i) *E. multilocularis*'in endemik ülkelerdeki insanlarda, köpeklerde ve çevrede popülasyon düzeyinde tespiti için bildirilen mevcut yöntemleri sistematik olarak tanımlamak ve (ii) popülasyon düzeyinde bir altın standarda göre değerlendirilen yeni tekniklerin tanı testi özelliklerini ve kaynak gereksinimlerini bildirmek olacaktır. Tanıda kullanılan testler için özgüllük hesaplanırken, diğerleri yaygınlık parametreleri arasında ölçümleri karşılaştırmak için gelişmiş modelleme yöntemleri kullanılmalı. Bu bulgular, endemik ve yeni ortaya çıkan bölgelerde laboratuvar tanıları için standartlaştırılmış dahili AE protokollerine ihtiyaç olduğunu göstermektedir. Örneğin, AB'nin *E. multilocularis* için yerleşik bir yıllık raporlama sistemi olmasına rağmen, 2016'da yalnızca 23 ülke, türlere özgü olmayan 2008 veya 2012 vaka tanımlarını kullanarak ekinokokkoz vakaları bildirdi (ECDC, 2018b). Türler özgü raporlama, özellikle eş endemik bölgeler için önemlidir. Şimdilik, tüm AE endemik ülkelerde zorunlu ve gönüllü *E. multilocularis* bildirimini özetleyen bir program yok ancak gelecekte kaçınılmaz olacaktır.

Sonuç ve öneriler

E. multilocularis, Kuzey Amerika, Avrupa ve Asya bölgelerinde insan ve hayvan sağlığı açısından önemli bir tehdittir. Bu parazit modern tanı testlerine ve tedavilerine erişimi olmayan insanlarda yaşamını tehdit etmede ısrarını sürdüreceği gibi görünüyor. Tek sağlık genel hedefli insanlarda, köpekgillerde ve çevrede parazit yükünü tespit etmek için özellikle endemik ülkelerde kullanılan tanı testlerini optimize ederek ortak bir bildirim sistemi kurmak gerekecektir. Örneğin özellikle bölgemizde *E. multilocularis*'in kesin konağı olan yabani kızıltılkilerdeki enfeksiyon oranları, düşük endemik bölgelerde artmaya devam ederken tilki popülasyonunun kentsel bölgelerde bile arttığı görülmektedir. Günümüzde insanlar, hayvanlar ve çevrenin giderek artan yaklaşması sonucu ortaya çıkan durum, bu konudaki zorlukların tek bir kavram ile ele alınması gerekliliğini bir kez daha ortaya koymuştur. Bu amaçla Tek Sağlık yaklaşımı ile hastalıklar, gıda güvenliği ve güvenilirliği, çevre, iklim değişikliği, arasındaki ilişkiye dikkat çekilmiştir. Ayrıca, gözetim ve raporlama çerçevelerinin geliştiricileri, özellikle bu parazitin önemi artmaya devam ettikçe, insan, hayvan ve çevre kaynaklarının izlenmesinde sinerjik olarak çalışan gelişmiş sistemler oluşturmak için “Tek Sağlık” yaklaşımını uygulamayı düşünmelidir. Bu uygulamalarda: ekosistemin dikkate alınması, kesin konakçıların antelmintik tedavisi programlarının takibi, tarama programları (ELISA kullanarak kişi başına 4 ABD Doları veya ultrasonografi (ELISA pozitifliği olan kişi için 67 ABD Doları) gibi ekonomik olarak makul olan tarama programları yer almalıdır. Bu programlarda yine Potansiyel olarak yüksek risk altında olan alanlarda daha kolay yöntemlerin geliştirilmesi, potansiyel olarak yüksek risk taşıyanlara odaklanmak, paydaşlar arasında bilgi paylaşımı, endemik bölgelerde yaşayanlara yönelik farkındalık programları, evcil hayvanlardan enfeksiyon riski, alveoler ekinokokkozlu hastaların kaydı veya düzenli yıllık vaka kayıt sistemi gibi başlıkları göz önünde tutulmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Salon B / 16:30 – 18:00

Göç ve Paraziter Enfeksiyonlar

Dr. İbrahim ÇAVUŞ

Paraziter enfeksiyonların yayılımı ve kontrolünde göç önemli bir faktördür. Türkiye, coğrafi konumu, sınır komşuları ve jeopolitik durumu nedeniyle göçün yoğun olarak yaşandığı bir ülkedir. Son 10-15 yıl içinde büyük bir göç dalgasıyla karşı karşıya kalmıştır. Başta sınır komşularımız Suriye, İran ve Irak olmak üzere Afganistan ve çeşitli Afrika ülkelerinden gelen göçmenler, Türkiye'yi bir geçiş noktası veya hedef ülke olarak kullanmaktadır.

Göç, birçok sağlık sorununu beraberinde getirmektedir. Bu sağlık sorunları hem göçmenler hem de yerel halk için halk sağlığı açısından önemli riskler teşkil etmektedir. Bu sağlık sorunlarından en önemlilerinden biri de paraziter enfeksiyonlardır.

Leishmaniasis

Dünya genelinde yılda yaklaşık 700.000 ila 1 milyon yeni leishmaniasis vakası bildirilmektedir. Ülkemiz için de önemli bir halk sağlığı sorunu olan leishmaniasis, kutanöz leishmaniasis ve visseral leishmaniasis klinik formları ile karşımıza çıkmaktadır. Bu klinik formların etkenleri başta *Leishmania tropica* olmak üzere *Leishmania infantum*, *Leishmania major*, *Leishmania donovani* ve *Leishmania aethiopica* türleridir. Son yıllarda ülkemizde leishmaniasis vakalarında kayda değer bir artış yaşanmasının ve Eski Dünya *Leishmania* türlerinin tamamının ülkemizde görülmesinin en önemli sebepleri, ülkemizin göç yolları üzerinde bulunması, seyahat kolaylığı ve iklim değişikliği olarak değerlendirilmektedir.

Sıtma

Dünya Sağlık Örgütü verilerine göre, 2022 yılında dünya genelinde 85 ülkede yaklaşık 249 milyon sıtma vakası bildirilmiş ve 608.000 kişi sıtma nedeniyle hayatını kaybetmiştir. Ülkemizde sıtma vakaları genellikle yurt dışından gelen kişilerde ve mültecilerde görülmektedir. Vektör olan sivrisinek türlerinin ülkemizin tüm bölgelerinde yaygın olarak bulunması, sıtmanın ülkemiz için halen önemli bir halk sağlığı sorunu olmasına neden olmaktadır. Nitekim, son olarak 2022 yılında yerli bir *P. vivax* ve üç *P. falciparum*/*P. vivax* vakası bildirilmiştir.

Uyuz

Uyuz hastalığı, dünya genelinde daha çok sıcak iklim bölgelerinde, tropikal ülkelerde ve nüfus yoğunluğunun yüksek olduğu yerlerde daha sık görülmektedir. Dünya Sağlık Örgütü verilerine göre, dünya genelinde en az 200 milyon insanın uyuzdan etkilendiği tahmin edilmektedir. Sosyoekonomik açıdan düşük seviyedeki ülkelerde yaşayan çocukların %5 ila %50'sinin uyuz hastalığından etkilendiği öngörülmektedir. Ülkemizde ise özellikle mülteci kamplarında yaşayan bireylerde uyuz hastalığına sık rastlanmaktadır. Mülteci kamplarında yaşayanların yerel halkla temasları sonucunda, ülkemizde uyuz epidemilerinin ortaya çıkma potansiyeli bulunmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bağırsak Parazitleri

İntestinal parazitler enfeksiyonları, dünya genelinde önemli bir halk sağlığı problemi olarak kabul edilmektedir ve bir milyardan fazla insanı etkilemektedir. Bu enfeksiyonlar, çoğunlukla gelişmekte olan ülkelerde yaygın olarak görülmekle birlikte, gıda sevkîyatının yoğunluğu, seyahatlerin artması ve göç gibi nedenlerle gelişmiş ülkelerde de görülme sıklığı artmaktadır. İntestinal parazitler enfeksiyonlarının yaygınlığı, coğrafi, sosyal ve çevresel faktörlere bağlı olarak değişiklik göstermektedir. Dünya Sağlık Örgütü'ne göre, dünya genelinde 1,5 milyar insanın *Ascaris lumbricoides*, *Trichuris trichiura*, *Ancylostoma duodenale* ve *Necator americanus* ile enfekte olduğu bildirilmiştir. Gelişmekte olan ülkelere ise *Giardia lamblia*, *Entamoeba histolytica* ve *Cryptosporidium* enfeksiyonları daha sık görülmektedir.

Sonuç;

Ülkemizde, özellikle mülteci kamplarında, insanların toplu olarak yaşadığı alanlarda ve hijyenin yetersiz olduğu yerlerde, bağırsak parazitler enfeksiyonları ve uyuz epidemileri görülebilir. Dünya genelinde en önemli tropikal hastalıklar arasında yer alan sıtma ve leishmaniasis, ülkemizde yeni odaklar ve epidemiler oluşturma potansiyeline sahiptir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Göçmenler, TB tanısı, tedavisi ve takipleri sırasında farklı zorluklar ile karşı karşıya kalmaktadırlar: Anadil sorunu, hastaların bakımına erişimin kısıtlı oluşu, uzun soluklu izolasyonlar nedeniyle hastaların yaşadığı depresif ruh halleri, genel TB insidansının düşük olduğu ortamlarda karmaşık MDR-TB vakalarının yönetiminde yaşanan zorluklar, pediatrik hastaların tedavisi ve yönetimi sırasında yaşanan olumsuz reaksiyonlar. Yaşanan zorluklar çoğu ülkede giderek daha kısıtlayıcı olan sağlık sistemleri nedeniyle daha da artmaktadır.

Ülkelerde özellikle de göç tehditi yüksek olan ülkelerde sadece ulusal TB oranlarının vurgulanması, yerel enfeksiyon eğilimlerindeki önemli farklılıkların göz ardı edilmesine ve TB hakkındaki farkındalığın sınırlandırılmasına neden olmaktadır. Bu nedenle doğru TB kontrol programları için göç ve TB oranlarının sürekli gözetimi gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Göç ve Seyahat İlişkili Enfeksiyonlarının Matematiksel Modelle İncelenmesi

Dr. Nazife SULTANOĞLU

Kitle hareketliliği, yani insanların göç, seyahat veya yer değiştirme süreçleri, enfeksiyon hastalıklarının yayılmasında kritik bir rol oynamaktadır. Göç eden ya da seyahat eden bireyler, enfekte olduklarında hastalık etkenini farklı coğrafyalara taşıyabilirler ve bu durum, hastalığın küresel ölçekte hızla yayılmasına neden olabilir. Özellikle HIV gibi bulaşıcı hastalıklarda, göçmen ve mülteci nüfusları virüsün yeni bölgelere taşınmasında önemli bir etken olarak karşımıza çıkmaktadır. Göçmenler, mülteciler veya yer değiştiren bireyler, genellikle sağlık hizmetlerine erişim konusunda zorluklar yaşamakta, bu da onları hastalıklara karşı daha savunmasız hale getirmektedir. Bu bireyler, enfekte olduktan sonra da uygun tedaviye erişemedikleri için hastalık yayılımı hızlanabilmektedir. Kıbrıs ve Türkiye gibi geçiş noktalarında bu durum özellikle dikkat çekici bir boyut kazanmaktadır. Kitle hareketliliği aynı zamanda hastalık izleme ve kontrol çalışmalarını da zorlaştırmaktadır. Ayrıca, göç eden bireylerin taşıdığı farklı mikroorganizmalar mevcut patojenlerle birleşerek ya da hastalık dinamiklerini değiştirerek yeni türlerin ortaya çıkmasına veya mevcut hastalıkların şiddetinin artmasına neden olabilir. Bu nedenle kitle hareketliliği, enfeksiyon hastalıklarının dinamiklerini anlamada ve kontrol altında tutmada dikkate alınması gereken önemli bir faktördür.

Enfeksiyon hastalıklarının incelenmesinde matematiksel modelleme, hastalık yayılma dinamiklerini anlamak, salgınların ilerleyişini tahmin etmek, kontrol stratejileri geliştirmek ve kaynakların etkili kullanımını sağlamak açısından kritik bir araçtır. Bu modellemeler, farklı faktörlerin hastalık yayılımı üzerindeki etkilerini daha net bir şekilde görmemizi mümkün kılar. Hastalığın bireyler arasındaki bulaşma mekanizmalarını anlamak amacıyla kullanılan matematiksel modeller, örneğin SIR modeli (Susceptible, Infected, Recovered), bir toplumdaki duyarlı, enfekte ve iyileşmiş bireylerin etkileşimlerini inceleyerek hastalığın yayılımını öngörmeye yardımcı olur. Bu modeller, aynı zamanda bulaşma hızı ve salgın süresi gibi parametreleri tahmin ederek salgının ne kadar süreceği, kaç kişiyi etkileyeceği ve sağlık sistemi üzerindeki yükü hakkında öngörülerde bulunmamıza olanak sağlar. Matematiksel modellemeler, aşılama, karantina ve sosyal mesafe gibi önlemlerin etkilerini analiz ederek en etkili stratejilerin belirlenmesine katkıda bulunur. Bu bağlamda R_0 (bulaşma oranı) gibi kritik parametrelerin hesaplanması büyük önem taşımaktadır. R_0 değeri, bir enfekte bireyin ortalama kaç kişiye hastalığı bulaştırdığını gösterir. Bu değer 1'in üzerinde olduğunda hastalık yayılmaya devam ederken, 1'in altına düşmesi salgının kontrol altına alındığını gösterir. Özellikle göç ve seyahat hareketliliğinin bulaşma üzerindeki etkilerini analiz eden matematiksel modeller, bu dinamiklerin enfeksiyon hastalıklarının küresel yayılımındaki rolünü anlamamıza büyük katkı sağlamaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Artan kreselleşme ile birlikte, gç ve seyahatin etkisi altında zellikle HIV, SARS-CoV-2, Influenza, Zika, Dengue ve Hepatit B ile Hepatit C gibi enfeksiyon hastalıklarının yayılımı matematiksel modellerle izlenebilmekte ve bu doęrultuda kontrol stratejileri optimize edilebilmektedir. Bu konuşmada aęırlıklı olarak matematik modelleme kullanılarak HIV'in epidemiyolojisinin izlenmesi konusu tartıřılacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 09:00 – 10:30

Kızamık

Dr.Fgen YARKIN

Kızamık ciddi komplikasyonlar ve lme yol aabilen, zellikle ocuklarda grlen ateşli ve dkntl bir viral hastalıktır. Kızamığın etkeni olan Paramyxoviridae ailesine ait kızamık virs son derece bulaşıcı olup bir toplumda kızamık salgınlarını nlemek iin aşılama kapsamının %95’den fazla olması gerekir. Kızamık aşısının btn dnyada yaygın olarak kullanılmasıyla 2000-2016 yılları arasında kızamık vakalarının sayısı %85 azalarak kızamığa karşı mcadelede nemli bir ilerleme kaydedildi. Ancak son yıllarda Avrupa dahil dnyanın bir ok lkesinde kızamığın yeniden ortaya ıkması eliminasyon hedefine ulaşılmamasını geciktirmiştir. Dnya Saėlık rgt (DS) verilerine gre kızamık vakalarının ok yksek sayıda bildirildiėi yıllar 2019 (873.373 vaka) ve 2023 (663.830 vaka) olup 2024 yılında da kızamık hızla artmaya devam etmiř ve DS acil nlem aėrısında bulunmuřtur. Kresel kızamık vakaları ve salgınların yeniden artışı aşı tereddt, aşıyla iliřkili kanıta dayalı olmayan asılsız iddialar ile aşıya gvenin azalması, aşı rehabeti, kızamığın ciddi sonuları hakkında farkındalık eksikliği, aşıya eriřimin olmaması, zayıf saėlık sistemi, yetersiz beslenme, endemik blgelerden gelen ithal kızamık vakaları ve zellikle COVID-19 salgını sırasında aşılama hizmetlerini sınırlayan karantina sebebiyle aşılama oranlarının dřmesi gibi eřitli faktrlerden kaynaklanmaktadır.

Kızamığın kontrol ve ortadan kaldırılmasına ynelik ilerlemenin devam etmesi iin aşılanmamıř ve eksik aşıları olan tm ocuklara kızamık aşısının yapılarak aşı kapsamının artırılması ve srdrlmesi, birinci basamak saėlık sistemlerinin glendirilmesi, kızamık hastalığının ciddiyeti ve aşının nemi konusunda farkındalığın artırılması ve aşıyla ilgili yanlış bilgilerin yayılmasını nlemek lkelerin ncelikli hedefi olmalıdır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Hepatit A, Polio

Dr. Elçin KAL ÇAKMAKLIOĞULLARI

Hepatit A virüsü (HAV)'nın neden olduğu akut viral hepatit, kendi kendini sınırlayan ve dünya genelinde yaygın olarak görülen bir enfeksiyon hastalığıdır. Genellikle asemptomatik olarak seyreder, Hepatit B ve C'den farklı olarak, kronik karaciğer hastalığına neden olmaz.

Sanitasyonun zayıf olduğu bölgelerde çocuklar çoğunlukla erken yaşta HAV ile enfekte olur, hafif klinik belirti gösterirler ve hastalığa karşı hayat boyu immünite geliştirirler. Sanitasyonun iyi olduğu bölgelerde ise enfeksiyon daha ileri yaşlarda geçirilerek fulminan hepatit tablosuna yol açabilmektedir. Sıklıkla çocukluk dönemi hastalığı olarak kabul edilen hepatit A enfeksiyonunda, zaman içinde virüsle karşılaşma yaşının adolesan ve genç erişkin döneme doğru kaydığı gözlemlenmektedir. Dünya Sağlık Örgütü (DSÖ) verilerine göre, viral hepatite bağlı ölümlerin %0,5'inden sorumludur. Öncelikli bulaş yolu fekal-oral yol olmakla beraber kötü sanitasyon koşulları ve enfekte bireylerle temas da diğer bulaş yollarını oluşturmaktadır. Genellikle kanalizasyonla kirlenmiş veya yetersiz arıtılmış su ile bulaşma, su kaynaklı salgınlara neden olabilir. Hastalıktan korunmanın en kesin yolu aşılamaaştır. Hepatit A aşısı, Kasım 2012'de 18. ayın sonunda ilk doz ve 24. ayın sonunda ikinci doz olacak şekilde Türkiye'nin zorunlu ulusal bağışıklama programına dahil edilmiştir. Hepatit A özellikle homoseksüel gruplarda salgınlar yapabilmektedir. Human Immunodeficiency Virus (HIV)/HAV birlikteliğinde; uzamış viremi, daha düşük CD4 ve daha yüksek HIV viral yük ile fulminan hepatite gidiş daha kolay olmaktadır. Bu sebeple HIV pozitifliği ile takip ve tedavisine başlanan her hastanın hepatit A'ya karşı bağışıklığının bilinmesi ve Hepatit A ile daha önce karşılaşmamış kişilerin aşılamaalarının sağlanması önemlidir. Etkin ve güvenli bir aşı ve aşılama programı olmasına rağmen DSÖ'ye göre, dünya çapında her yıl 1,4 milyon yeni hepatit A olgusu ve bunun sonucunda yaklaşık 7000 ölüm gerçekleştiği bildirilmektedir.

Çocuk felci (poliomyelit) üç tip enterovirüs (poliovirus tip 1, 2 ve 3) kaynaklı bir merkezi sinir sistemi hastalığıdır. Virüs esas olarak fekal-oral yol daha az sıklıkla da kontamine su ve gıda ile yayılım göstermektedir. Hastalıktan korunmada en etkili yöntem aşılamaadır. Ülkemizde 1963 yılından beri çocukluk döneminde çocuk felci aşısı uygulanmaktadır. Son çocuk felci vakamız 26 Kasım 1998 yılında görülmüştür. Ülkemiz 2002 yılında Dünya Sağlık Örgütü Avrupa Bölgesi ile birlikte çocuk felcinden arındırılmış ülke sertifikası almıştır. Ancak komşu ülkelerdeki savaş ve karışıklık çocuk felci kontrolünü etkilemiştir. Suriye krizinin başlangıcından bu yana çoklu ilaca dirençli gram-negatif bakteriyel enfeksiyonlar, tüberküloz, kızamık ve hepatit A enfeksiyonları ile poliomyelit ve kolera salgınları için Türkiye büyük risk altındadır. Suriye savaşı nedeniyle ülkemize sınırdan çok sayıda mültecinin gelmesi sonucunda, ülkemizde geçmiş yıllarda eradike edilen hastalıklar (çocuk felci, kızamık gibi) yeniden görülmeye başlamıştır. Her ne kadar ülkemizdeki aşılama oranları yüksek düzeyde olsa da göç durumu bu başarıyı etkileyebilmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Gç esnasında oluřan olumsuz evre řartları, toplu alanlarda yařama, hijyen eksiklięi, temiz su kaynaklarının ve kanalizasyon alt yapısının yetersiz kalması, ařılama programlarının dzenli uygulanmaması ve saęlık hizmetlerine eriřimin zorlařması nedeniyle bulařıcı hastalıkların oluřum ve yayılımda olduka etkilidir.

lkemizde ocukluk dneminde yapılan ařılamadaki bařarının srdrlebilmesi iin lkemize gç ile gelen ocukların ařı takiplerinin yapılması, ailelerin bilgi dzeyinin artırılmasına ynelik eęitimlerin verilmesi ve toplu yařadıkları yerlerde yeterli sanitasyon kořullarının oluřturulması olduka nemlidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 11:00 – 12:00

Yapay Zeka ile Sentetik İlaç ve Biyoteraptik Tasarımı

Dr. Ufuk NALBANTOĐLU

Son yıllarda, yapay zeka (YZ) teknolojilerinin sentetik biyoteraptik tasarımındaki gelişmeleri mikrobiyoloji alanında büyük ilerlemeler kaydetmiştir. YZ'nin derin öğrenme yöntemleriyle, doğada bulunmayan sentetik proteinler ve nükleik asitler gibi biyolojik bileşikler hızla geliştirilebilmektedir. Bu süreç, özellikle antibiyotik direnci, viral enfeksiyonlar ve kanser gibi mikrobiyal hastalıkların tedavisinde yeni çözümler sunmaktadır. Ayrıca, AI teknolojileri sayesinde biyolojik sistemlerin tasarımı ve mikroorganizmaların hastalıkları hedefleyebilmesi mümkün hale gelmiştir.

Bu alandaki bir diğer önemli gelişme, AlphaFold gibi YZ araçlarının protein yapılarının tahmininde ve ilaç tasarımında kullanılmasıdır. Bu tür yapay zeka destekli platformlar, yeni biyoteraptik molekllerinin hızlı ve düşük maliyetli bir şekilde keşfedilmesini sağlamaktadır. Sonuç olarak, YZ ve sentetik biyolojinin birleşimi, mikrobiyoloji ve ilaç geliştirme süreçlerinde devrim niteliğinde bir potansiyel taşımaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Nano Teknoloji ve Mikrobiyolojik Uygulamaları

Dr. Ömer AYDIN

Son yıllarda COVID-19 pandemisini hepimiz deneyimledik. Ancak sessiz bir pandemi olarak kapımızı çalan antibiyotik dirençliliğinin (AMR) ne kadar farkındayız? Dünya Sağlık Örgütü (DSÖ) ve OECD gibi uluslararası kuruluşlar tarafından da vurgulandığı gibi, AMR, küresel sağlık, gıda güvenliği ve kalkınma için en büyük tehditlerden biridir. AMR doğal bir süreç olsa da antibiyotiklerin insanlar ve hayvanlar üzerinde yanlış ve gereksiz kullanımı bu süreci hızlandırmaktadır. Zatürre, tüberküloz ve salmonella gibi bakteriyel enfeksiyonlar, antibiyotiklerin azalmakta olan etkinliği nedeniyle dünya çapında tedavisi giderek zorlaşan hastalıklardır. Dahası, yaygın patojenlere karşı kullanılan temel antibiyotikler, etkinliklerini %15 oranında kaybetmiştir. Ayrıca, antibiyotiklerin maliyetleri düşmesine rağmen, yanlış antibiyotik kullanımını teşvik eden, hangi bakterinin sorumlu olduğunu belirlemek için gerekli testlerin maliyeti daha yüksektir.

Bu sürece ek olarak, küresel ısınma ve iklim değişikliği, AMR'nin yayılmasını hızlandıran önemli faktörlerdendir. Artan sıcaklıklar, bakterilerin metabolizma hızını artırarak antibiyotiklere karşı direnç geliştirme süreçlerini hızlandırabilmektedir. Ayrıca, su kaynaklarının kirlenmesi, tarım ve hayvancılıktan kaynaklanan antibiyotik kalıntıları ve dirençli bakterilerin yayılmasına yol açmaktadır. İklim değişikliğinin etkisiyle göç eden popülasyonlar da dirençli bakterilerin geniş coğrafyalara yayılmasına katkı sağlamaktadır. Tüm bu faktörler, AMR'nin küresel bir tehdit olarak büyümesine neden olmaktadır.

Bu sorunlara çözüm üretmek amacıyla NanoThera Araştırma Grubumuz; hızlı, kullanımı kolay ve düşük maliyetli bir tanı yöntemi geliştirmektedir. Yüzeyde Zenginleştirilmiş Raman Saçılması (SERS) ve yapay zeka destekli bu yöntemle, metisiline dirençli *S. aureus*'u dirençsiz türlerinden, kolistine dirençli *K. pneumoniae*'yi dirençsiz türlerinden %95'in üzerinde bir doğrulukla ayırt ettik. Çalışmalarımız, bakteriyel direnç profillerini daha iyi analiz edebilmek için antibiyotiğe dirençli bakterilerin yapay zeka destekli olarak tespiti için SERS bakteri kütüphanesi oluşturmak için devam etmektedir.

Bu çalışma, Erciyes Üniversitesi BAP birimi tarafından **FBAÜ-2023-12265** kodlu proje ile desteklenmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 13:30 – 15:00

Afet Mikrobiyolojisi

Dr. Yce AYHAN, Dr. Metin KORKMAZ

Afet mikrobiyolojisi, doęal ve insani afetlerin mikrobiyolojik etkilerini azaltmak, evresel mikroorganizmaların afetler sonrasındaki adaptasyonunu ve afete baęlı olarak deęiřen mikroorganizma-insan etkileřimlerini ele alan bir bilim alanı olarak tanımlanmaktadır ¹.

Bu alan mikrobiyologlar dıřında epidemiyoloji, enfeksiyon hastalıkları, ekoloji, evre mhendislięi gibi dięer uzmanlık alanlarının da katkı ve iřbirlięini gerektirir. Afet mikrobiyolojisi, afetin trne, blgenin coęrafi zelliklerine ve sosyoekonomik kořullara gre salgına yol ama riski bulunan mikroorganizmaları ve afetin krkleyeceęi enfeksiyon hastalıkları konusunda saęladıkları bilgilendirme ile afete hazırlık ve/veya afet sonrasında halk saęlıęı aısından tehdit oluřturacak enfeksiyon hastalıklarının nlenmesi srecine destek vermektedir ^{1,2}.

Bir doęal afet sonrasında erken dnemde (0-4 gn) afetin yarattıęı darbe n plandayken bunu 4 gnden 4 haftaya dek sren afete baęlı hasar dnemi, onu da toparlanma evresi izlemektedir. Afetin erken dnem/darbe etkisinde daha ok travmatik yaralanmalar ve bunlarla iliřkili enfeksiyonlar gndemde iken hasar evresinde yara enfeksiyonları yanında toplumsal hareketlilik nedeniyle ortaya ıkan enfeksiyonlar grlmeye bařlar. Sel, kasırga, tsunami gibi su iliřkili hasara yol aan afetler sonrasında sıtma, dang humması gibi vektr iliřkili hastalıklar ile lejyonelloz, leptospiroz gibi evresel kontaminasyona baęlı enfeksiyonlar grlebilmektedir ³. Kf tr mantarlar afet sonrası travma iliřkili yara enfeksiyonlarına neden olabildikleri gibi iklim deęiřiklięinin yarattıęı ekosistem deęiřiklięiyle daha yksek ısılara uyum saęlayarak daha yaygın ve daha virlan hale geebilmektedirler ⁴.

Tsunami sonrasında grlen ve ‘‘Tsunami Akcięeri’’ olarak adlandırılan aspirasyon pnmonisinden tuzlu ya da tatlı su ve/veya toprak aspirasyonunun yol atıęı mekanik ve kimyasal irritasyon dıřında evresel mikroorganizmaların kontaminasyonu da sorumlu tutulmaktadır ⁵.

Orman yangınları, topraktaki bakteriyel ve fungal daęılımı deęiřtirerek ısıya direnli sporların adaptasyonuna olanak vermektedir. Duman ile yayılan bu sporlar insanlar tarafından solunduklarında solunum yolu enfeksiyonlarına yol aabilmektedir. Ayrıca bu etkenler bitkilerin yararına etki gsteren mikroorganizmaların yerini alarak evresel ve tarımsal bitki rtsne de zarar vermektedir^{1,6}.

Gnmzde insan eliyle yaratılan bařlıca afetlerden olan blgesel savařların doęrudan bir sonucu olarak yařam alanlarındaki altyapının tahribi, insanların saęlıklı ime ve kullanma suyu ile besin kaynaklarından yoksun bırakılması, saęlık kuruluřlarının hasar grmesi nedeniyle tıbbi yardım alamaması, toplumsal yer deęiřtirme hareketleri, gler nedeniyle bu blgelerde enfeksiyonların yaygınlařması ne yazık ki olaęan grlmektedir.

İkinci Dnya savařı sonrasından bu gne dek yařanan Asya ve Orta Doęu’da gerekleřen blgesel savařlar oklu ilaca direnli gram negatif bakteri enfeksiyonlarının yaygınlařmasına,

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



riketsiyal salgınlara, tüberküloz ve boğmaca gibi aşı ile önlenabilir hastalıkların kontrolden çıkmasına neden olmuştur. Son olarak İsrail'in Filistin'e yönelik saldırılarında poliovirüs tehditinin gündeme geldiği görülmüştür⁷.

Antroposen çağda iklim değişikliğinin en önemli sonuçlarından birisi mikroorganizmaların olağan yerleşim ve yaşam koşullarından farklı ortamlarda bulunabilmesi ve çeşitli doğa olaylarının insan- mikroorganizma etkileşimi beklenmedik ölçüde arttırması olarak ifade edilebilir. Burada sadece doğa olaylarının yarattığı zararların insanları enfeksiyonlara duyarlı hale getirmesi değil, mikroorganizmaların da maruz kaldıkları strese yanıt olarak değişen çevredeki yeni yaşam koşullarına uyum sağlayacak şekilde evrimleşmeleri söz konusudur. Bu nedenle afet mikrobiyolojisi kavramının sadece insan-mikroorganizma etkileşimi kapsamında sınırlanmaması, afetler sonrasındaki mikroorganizma-canlı etkileşimlerindeki değişiklikleri "Tek Sağlık" yaklaşımıyla ele almak ve mikroorganizmaların değişen koşullara adaptasyonunu da tıbbi mikrobiyoloji yönünden değerlendirmek daha uygun olacaktır¹.

Gıda güvenliğinden temiz enerjiye, iklim değişikliğinden çevre sağlığına dek pek çok açıdan önemli bir rolü olan mikrobiyoloji alanı ise afet mikrobiyolojisi kavramıyla -doğa olayları ya da insan eliyle yaratılan- afetlerle başa çıkmada yeni bir işlev üstlenecektir⁸.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



KAYNAKLAR

1. Smith DF, Casadevall A (). Disaster microbiology—a new field of study. MBio. 2022; 13(4), e01680-22
2. Viswanathan R, Chakrabarty A, Basu S. Active support after natural disasters: a review of a microbiologist's role. Trans R Soc Trop Med Hyg. 2021;115(1):110-116.
3. Liang SY, Messenger N. Infectious diseases after hydrologic disasters. Emerg Med Clin North Am. 2018;36(4):835-851.
4. Seidel D, Wurster S, Jenks JD, et al. Impact of climate change and natural disasters on fungal infections. Lancet Microbe. 2024;5(6):e594-e605.
5. Mavrouli M, Mavroulis S, Lekkas E, Tsakris A. Respiratory infections following earthquake-induced tsunamis: Transmission risk factors and lessons learned for disaster risk management. Int J Environ Res Public Health. 2021;18(9):4952.
6. Etherton BA, Choudhury RA, Alcalá Briseño RI, et al. Disaster plant pathology: Smart solutions for threats to global plant health from natural and human-driven disasters. Phytopathology. 2024;114(5):855-868.
7. Nawfal Dagher T, Al-Bayssari C, Diene SM, Azar E, Rolain JM. Bacterial infection during wars, conflicts and post-natural disasters in Asia and the Middle East: a narrative review. Expert Rev Anti Infect Ther. 2020;18(6):511-529.
8. Fagunwa OE, Olanbiwoninu AA. Accelerating the sustainable development goals through microbiology: some efforts and opportunities. Access Microbiol. 2020;2(5):acmi000112.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



6 Şubat Depremi Sonrası Salgınlar Ve Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı: Gaziantep Deneyimi Dr. Tekin KARSLIGİL

6 Şubat Depremi'nin Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvar Hizmetlerine Erken Dönem Etkileri: Hatay Deneyimi

Dr. Burçin ÖZER

Kahramanmaraş Pazarcık ilçesinde 6 Şubat 2023 tarihinde olan deprem, içerisinde Hatay'ında bulunduğu 11 ili etkilemiştir. İçişleri Bakanlığı web sitesindeki rakamlara göre 53.537 insanın öldüğü ve 107.213 bin kişinin yaralandığı bildirilmektedir (1). Çok sayıda kişide de uzuv kaybı olmuştur. Hatay'da 21.910 kişi ölmüş 30.762 kişi yaralanmıştır (2). Bu depremde en fazla hasar gören ve ölümün gerçekleştiği il Hatay'dır (2). Hatay'da Hatay İl Sağlık Müdürlüğü, Hatay Eğitim Araştırma Hastanesi Ek Binası, üç adet özel hastane, İskenderun Devlet Hastanesinin eski binasının bir bloğu yıkılmıştır (2). Antakya, Defne ve Samandağ'daki aile sağlığı merkezlerinin neredeyse tamamı, Antakya Toplum Sağlığı Merkezi, Samandağ Devlet Hastanesi ağır hasar almış hizmet veremez duruma gelmiştir (2). Hatay Mustafa Kemal Üniversitesi Hastanesi 20 Şubat depremine kadar Acil Servis hizmeti vermeye devam etmiştir. Hastane 20 Şubat'ta Hatay Defne ilçesinde 6,4 büyüklüğünde gerçekleşen depremde sonra hasar almış ve boşaltılmıştır. Temmuz ayına kadar hastanenin bahçesine kurulan sahra hastanesinde poliklinik hizmeti verilmeye devam edilmiştir. Hatay Mustafa Kemal Üniversitesi Hastanesi Merkez laboratuvarında bulunan Mikrobiyoloji laboratuvarı 20 Şubat'a kadar çalışmasına devam etmiştir. İlk günlerde teknisyenlerin ve öğretim üyelerinin hepsi göreve dönememiştir. Teknisyenlerden ailesi ile birlikte vefat edenler, aile bireylerini, akrabalarını kaybedenler olmuştur. Bu kişiler enkazlardan yakınlarını kurtarmak için enkaz başında beklemişlerdir. Başka illerden Sağlık Bakanlığı tarafından görevlendirilen teknisyenler ve çok az sayıda gelebilen hastanenin teknisyenleri ile hizmet verilmeye çalışılmıştır. Laboratuvardaki cihaz ve eşyalar depremde kırılmamıştır. Sadece tezgah üstü cihazlar öne gelmiş, diğer cihazların yeri değişmiş ve buzdolaplarının ve dolapların kapakları açılarak malzemelerden yere saçılanlar olmuştur. Tamamen cihazlar devrilmemiştir. Deprem sonrası elektrik kesintisi nedeniyle jeneratörle hizmet sunulmuştur. Kısa bir süre jeneratör yakıtı temininde zorlanılsa da 3. Günden itibaren enerji sağlanmıştır Deprem sonrası hemen hastaneye gelen hastane çalışanlarının çoğunluğunun evi yıkıldığı için kıyafetlerini ve yiyeceklerini evden alamadıkları ve yardımlar hemen ulaşmadığı için zor durumda kalmışlardır. Uzun süre bir şey yemeden ya da bisküvi vb. yiyecek gelen yaralı depremzedelere müdahale, ameliyat ve tedavi etmek zorunda kalmışlardır. Ertesi günlerde yardım amaçlı tırlarla gelen malzemeler hastane depolarına ve Tıp Fakültesi Binasına taşınmıştır. Öğretim üyeleri, sağlık çalışanları da yeri geldiğinde taşıma işine destek olmuşlardır. Gelen giyim ve hijyenik malzemeler günlük olarak çalışanlara dağıtılmıştır. AFAD tarafından yemek verilmeye başlanmıştır. Sahra hastanesi döneminde de yemek verilmeye devam edilmiş, hastane bahçesine kurulan mobil fırında ekmek yapılmış ve dağıtılmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sahra hastanesi döneminde Mikrobiyoloji laboratuvarı hizmet sunmamıştır Deprem 6. ayında tadilatlar sonrası hastane poliklinikleri, servisleri, yoğun bakımları ve laboratuvarlar hizmete başlamıştır. Şuanda deprem öncesinde olduğu gibi laboratuvarlar çalışmaktadır.

Kaynaklar

1. Türkiye'nin Birlik ve Dayanışma Gücü Depremle Sınandı, Asrın Felaketi Asrın Dayanışmasına Dönüştü! 8.2.2024. <https://www.icisleri.gov.tr/turkiyenin-birlik-ve-dayanisma-gucu-depremlerle-sinandi-asr-in-felaketi-asr-in-dayanismasina-donustu8>
2. İnandı T. Deprem Hattay'da Halk Sağlığına Etkileri. İnterdisipliner Yaklaşımla Hattay'da Afet Deneyimi: 6 Şubat 2023 Depremini Tarihe Not Düşmek kitabında. Veysel E. (ed.). Nobel Akademik Yayıncılık, 1. Basım, Eylül 2023; 457-472.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



6 Şubat Depremi Sonrası Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvar Hizmetlerinin Toparlanma Süreci: Adana Deneyimi

Dr. Toğrul NAĞİYEV

6 Şubat 2023'te biri 7.7, diğeri 7.6 büyüklüğünde Kahramanmaraş merkezli depremler sırasında nispeten daha az etkilenen Adana'da 13 bina yıkılmış, bunun sonucunda 400'den fazla insan hayatını kaybetmiş, 7000'den fazla insan da yaralanmıştır. Onlarca bina ağır ve orta hasar aldığından ya yıkılmış ya da kullanıma kapatılmıştır.

Depremi ilk gününden itibaren Adana'daki hastaneler Hatay başta olmak üzere çevre illerden getirilen yaralıların tedavisi için seferber edildi. Çukurova Üniversitesi Tıp Fakültesi Balcalı Hastanesinin bir bölümünde orta hasar olduğundan poliklinik, servis ve yoğun bakım ünitelerinin bir kısmı kampüs yerleşkesinde bulunan sağlam binalara, diğerleri ise 7,5 km uzaklıktaki Yüreğir Devlet Hastanesine taşınmak zorunda kalındı. Ancak Acil Servis, Ameliyathane ve Merkez Laboratuvarın bulunduğu bölüm depremden kısa bir süre önce çelik yapılarla sağlamlaştırılarak restore edildiğinden bu birimlerde hizmete duraksamadan devam edildi. Adana'daki diğer büyük hastanelerin acil servis ve laboratuvar hizmetlerinde de aksama görülmedi.

Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarımızdaki işleyişle ilgili yalnız iki aksaklık yaşandı. Birincisi depremden 3 gün sonra yapılacak olan malzeme alım ihalesinin iptal edilmesi sebebi ile bazı testlerin yapılamaması idi. Bu sorun iki hafta içerisinde çözüldü. Diğer aksaklık ise örnek taşınmasında yaşanan preanalitik sorunlar idi. Deprem öncesinde klinik örnekler birimlerden Merkez Laboratuvara pnömatik taşıma sistemi ile kolayca ulaşırken, deprem sonrasında örneklerin uzaktan taşınması sonucunda personel ve araç-gereç yetersizliği ve uygun ısı koşullarının yeterince sağlanamaması gibi sebeplerle ortaya çıkan örnek kayıpları laboratuvar hizmetlerinin toparlanma sürecini hala az da olsa zorlamaktadır.

Sonuç olarak, 6 Şubat Depremi sonrasında Adana'daki büyük hastanelerin Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarlarının hizmetlerinde ciddi bir aksama olmadığından belirgin bir toparlanma süreci de yaşanmadı.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Çevresel Afetler Ve Mikrobiyoloji - Müsilaj Deneyimi

Dr. İpek KURTBÖKE

The impacts of climate change and global warming due to manmade detrimental activities is resulting in extreme weather events and there is an urgency for implementation of effective control strategies. Air and water pollution, ozone and natural resource depletion, overpopulation resulting in unmanageable waste disposal, are the key contributing factors. Microorganisms are natural indicators of detrimentally impacted natural balances and disturbed ecosystems. Examples include the lichens which can incorporate cations in their thalli. Studies in Cuyahoga Valley in Ohio, USA in the 1980s revealed that 81% of the 172 lichen species that were present in 1917 were gone due to pollutants primarily the sulphur dioxide. Nocardiae detected in foaming coastal marine waters can indicate presence of hydrocarbons floating on the surface water. Moreover, reemerging microbial diseases can be encountered due to permafrost defrosting such as unprecedented infections of anthrax and seal finger. Attention to microbial indicators can thus lead to timely implementation of preventative measures by the authorities such as design of improved waste management and pollution control methods.

In this presentation, examples of microbial indicators of environmental pollution and climate change will be presented with specific emphasis placed onto nocardiae-mediated sea foam and their value will be emphasized for timely reversal of man-made disasters.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında Afete Hazırlık: AB Projesi

Dr. Nevgün ÖZEN

Salon C / 15:00 – 16:00

Emerging Molecular Technologies Testing for Comprehensive Tuberculosis and Drug Resistance

Dr. Harald HOFFMANN

Tüberkülozla Savaşta Genomik Devrim: İleri Dizileme Yöntemleri ve Uygulamaları

Dr. Taylan BOZOK

Tüberküloz (TB), dünya genelinde önemli bir halk sağlığı sorunu olmaya devam ederken, genomik devrim tüberkülozla savaşta güçlü bir araç haline gelmiştir. İleri dizileme yöntemleri TB'nin teşhisinde, tedavi yönetiminde ve salgın kontrolünde önemli avantajlar sunar. *Mycobacterium tuberculosis kompleks* (MTBC)'in tüm genomu hızlı bir şekilde analiz edilerek enfeksiyonun genetik yapısına dair kapsamlı bilgiler sağlar. TB'de ilaç dirençli suşların tespiti, tedavi başarısı ve bulaşın önlenmesi için kritik önem taşır. Geleneksel yöntemler ile dirençli suşların tespiti zaman alıcı olabilmekte ve çeşitli sınırlamalarla karşılaşabilmektedir. İleri dizileme yöntemleri dirençle ilişkili mutasyonların hızlı ve doğru bir şekilde tespit edilmesini sağlayarak kişiye özel tedavi imkânları sunar. Bunun yanı sıra direnç oluşumunda etkili olabilecek yeni gen bölgelerinin ve mutasyonların analizine olanak tanır. Bu teknoloji, hastaların daha uygun ilaçlara yönlendirilmesi ve tedavi süresinin kısaltılması açısından devrim niteliğindedir.

Ayrıca, ileri dizileme teknikleri TB'nin epidemiyolojik analizinde yeni ufuklar açmıştır. Salgınların kaynağını belirleme, hastalığın yayılma yollarını izleme ve farklı coğrafi bölgelerdeki suşları karşılaştırma olanağı sağlamaktadır. Bu nedenle TB'nin küresel kontrolünde büyük bir öneme sahiptir. Dizileme verileri, hangi suşların hangi bölgelerde yaygın olduğunu ve salgınların nasıl yayıldığını anlamaya yardımcı olarak halk sağlığı stratejilerini güçlendirir. Bu gelişmeler, TB kontrol programlarının daha etkin bir şekilde yapılandırılmasında ve özellikle yüksek riskli bölgelerde TB'nin daha hızlı ve etkili bir şekilde kontrol altına alınmasında çok önemlidir. Özellikle dirençli formların yayılmasının engellenmesiyle küresel TB kontrolüne büyük katkılar sağlar.

MTBC'nin tekrar açısından zengin genom bölgeleri biyoinformatik süreçleri zorlaştırmakta ve hatalı dizilemelere neden olabilmektedir. Son yıllarda yapılan çalışmalar, uzun okuma imkânı sağlayan Oxford Nanopore gibi yeni nesil teknolojilerin tekrar bölgelerinin doğru tanımlanmasında olumlu sonuçlar verdiğini göstermektedir. Bunun yanında MTBC'ye yönelik direkt örnekten tüm genom dizileme çalışılmasını sağlayan yöntemlerin geliştirildiği umut veren yeni çalışmalar da mevcuttur.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Sonuç olarak, genomik devrim, TB mcadelesinde stratejik ve bilimsel aıdan byk bir adım atılmasını saėlamıřtır. Bu yeni teknolojiler, TB'nin hem bireysel hem de toplum saėlıėı zerindeki yıkıcı etkilerini azaltma potansiyeline sahiptir ve tberklozun kresel olarak kontrol altına alınmasında hayati bir rol oynamaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon C / 16:30 – 18:00

Neden İmmünohematoloji Bilmeliyiz?

Dr. Nil Banu PELİT, Dr. Gürol EMEKDAŞ, Dr. L.Tufan KUMAŞ

Kan ve kanla ilgili bütün faaliyetler toplum sağlığı bakımından büyük öneme sahiptir. Çeşitli dal ve basamakta hekimlik ve hemşirelik görevi yürüten sağlık çalışanları da hiç değilse günün birinde ama mutlaka, transfüzyon ile ilgilenmek zorunda kalacaklar ve transfüzyon uygulamasından kaçamayacaklardır. İnsanın içinde bulunduğu her işte olduğu gibi kan merkezleri ve transfüzyon tıbbında hata kaçınılmaz bir risktir. Kan merkezlerinde çalışanların da en büyük kâbusudur. Hata, istemeyerek ve bilmeyerek yapılan yanlış, kusur, yanılma, yanlışlıklar olarak tanımlanabilir. Hatalar yükümlülüğü doğurur. Ancak hekimin sorumluluğu kusurlu uygulama hatasından dolayıdır. Sorumluluk kusura dayalı genel sorumluluktur. Tıbbın gerek ve kurallarına uygun davranmakla birlikte sonuç değişmemiş ise sorumluluk doğmaz. Tıbbi müdahaleler izin verilen risk olarak değerlendirilmektedir.

Kan transfüzyonu adeta bir organ nakli gibidir. Çok dikkatli olunmayı gerektirir. Hataları en aza indirmek ve güvenli kana ulaşmada kalite sisteminin kurulması ve işleyişin standart işletim prosedürlerine uygun olarak çalışmak esastır. Her kan merkezi personelinin vazgeçilmezi kan bileşenlerinin bağışçıdan alınıp, test edilip, hazırlanıp hastaya nakline kadar her geçen aşamada belirlenmiş kalite prensipleri ve kontrolleri ile çalışmasıdır. Kan Bankacılığı ve Transfüzyon Tıbbi diğer tıp alanlarına göre standartların geliştirilebilmesi için şanslı bir alandır. Standartları uygularken hatalardan öğrenerek geliştirilecek bir hata yönetim sistemi en yararlı risk azaltma olarak bildirilmektedir. Kan merkezindeki hatalar hukuksal bir tanım olmayarak kalite kültürünün bir parçası olarak değerlendirildiğinde, iç disiplin amaçlı bir takım tanımlar kullanılmakta, bu hatalardan ders alınarak tekrarları önlenmeye çalışılmaktadır. Esas amaç ceza vermek değildir.

Özel hukuk ve ceza hukuku sorumluluğu bakımından kusur prensibi esastır ve hekimin özen yükümlülüğüne aykırı icrai veya ihmali hareketi ile meydana gelen netice arasında bir nedensellik ilişkisi bulunmalıdır. Hastaya bir zarar verilmiş ve bu zarar belli bir nedensellik bağı ile çalışanın kusuru ise yasalar karşısında gerekli yaptırımlar ile karşılaşılacağı aşikârdır. Ancak önemli olan zarar oluşmadan bunu önleyecek yapının kurulmasıdır. Bunun içinde en önemli kısmı cezalandırmadan yapılacak hata bildirimleri alır. Tıbbi uygulamada kusur çeşitleri dikkatsizlik, tedbirsizlik, meslekte acemilik, gerekli dikkat ve özenin gösterilmemesi, emir ve yönetmeliklere uymamak olarak sıralanabilir. Kusur sonucu hastada zarar oluşmuşsa yaptırım doğar. Yaptırım da hukuk hiyerarşisi içinde özel hukuk ya da kamu ceza hukuku çerçevesinde değerlendirilir, hüküm kurulur. Hekimin çalıştığı kuruma bağlı olarak da dava süreçleri yürür. Sağlık Hizmetleri sağlayan özel ya da kamu hastaneleri tıbbi müdahalelerden sorumludurlar. Hastane yönetiminin istihdam ettiği personel ile ilgili olarak da sorumluluğu bulunmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bakım, muhafaza, denetim gibi görevler personel tarafından yerine getirilecek ise hastane hekim dahil bu personelin iyi bir şekilde seçilmesi, eğitilmesi ve denetlenmesi konularında hastasına karşı sorumludur. Tıbbi müdahale bakım standartlarına uygun olmasına rağmen ortaya çıkarabileceği ilgili tıp çevresi tarafından kabul edilen, her türlü tedbir alınmasına rağmen ortaya çıkmasından kaçınılamayan zararlara komplikasyon adı verilir. Yani komplikasyon tedavi edilen hastalığa eklenen ve tabloyu ağırlaştıran ikincil bir hastalıktır. Komplikasyon zamanında fark edilmez ise, geç fark edilmiş ise, fark edilmesine rağmen önlemler alınmaz ise, fark edilip önlem alınmasına rağmen yerleşmiş tıbbi standart olarak girişimde bulunulmaz ise komplikasyon doğru yönetilmediğinden sorumluluk doğabilecektir. Bu durumlarda komplikasyon malpraktise dönüşmüştür. Davalar malpraktis ve komplikasyon ayrımı üzerine kurulmaktadır.

İmmünohematolojik testler özelinde de iç ve dış kalite uygulamaları, personel eğitimi ve denetimi, cihaz yönetimi, standartlara uyma bizi ve hastalarımızı hatadan koruyucu faktörlerdir. Kayıtları iyi tutmak, rehberlere, standartlara uymak, kendisinin ve personellerin eğitimini güncel tutmak, sürekli kontrol ve tedbir bizi ve hastalarımızı zarar ve hukuki yaptırımlardan koruyucu esas yaklaşımlardır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



17 Kasım 2024, Pazar

Salon A / 09:00 – 10:30

2023-2027 TTMYK Stratejik Plan Çalıřtayında Öne Çıkan Başlıklar

Dr. Aydan ÖZKTK

Tıbbi Mikrobiyoloji Eđitim Akreditasyonu Neden Gereklidir?

Dr. Duygu FINDIK

Eđitim akreditasyonu, hem đretim kurumunun kendi kendini dnemsel olarak zdeđerlendirmesine hem de kurumun kurum dıř bađımsız akreditasyon dernekleri tarafından dnemsel deđerlendirilmesine imkan veren gnll kalite gvence srecidir.

Bir bařka ifade ile akademik kalitenin iyileřtirilmesi, saydamlık ve hesap verme sorumluluđunun aracıdır. Kurumun eđitim programının performans standartları ynnden kendi kendilerini deđerlendirmelerine ve aynı zamanda yetkili akreditasyon kuruluřlarınca dıř deđerlendirme yapılmasına imkan veren bir sistemdir. İlgili programın belirli mkemmeliyet standartlarına sahip olduđunu belgeleyen saygın bir sertifikanın verilme srecidir. Uzun dnemdir ve periyodik i ve dıř deđerlendirmelere dayanır. Kurumda kalitenin srekli olarak geliřtirilmesini amalayan bir sretir. Kalite gvencesi sađlayan bir aratır. Kalite geliřtirme dıřında drstlđ ve etik standartları yerleřtirmeyi amalayan bir sistemdir. Yapılması gnll bir iřlemdir, zorlama ya da yaptırım sz konusu deđildir Akredite kurumlar uzman olmak isteyen hekimlerce dahaok tercih edilmektedir. Derneđimizde akreditasyon komisyonu TTMYK'nın bir komisyonu olarak 2014 yıkındaalıřmalarına bařlamıřtır.

Eř YETKİLENDİRME (AKREDİTASYON) KOMİSYONU YELERİ

(2014-2015)	2015-2019	2019 2023	2023-
Dr.İlknur KALELİ	Dr.İlknur KALELİ	Dr.Rukiye BERKEM	Dr.Duygu FINDIK
Dr.Ayřın ZEYTİNOđLU	Dr.Ayřın ZEYTİNOđLU	Dr.Duygu FINDIK	Dr.Esra KARAKO

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Dr.Arzu SAYINER	Dr.Nuran ESEN	Dr.Betigl NGEN	Dr.hret AYDEMİR
Dr.Berrin ESEN	.Dr.Rukiye Berkem	Dr. Nilay PL	Dr.Ahmet PINAR
Dr.Sebahat AKSARAY	.Dr.Sebahat AKSARAY	Dr. Nuran ESEN	Dr.Aydan ZKTK
		Dr.Dilek Yeim METİN	Dr.Dilek OLAK
		Dr.Asuman Birinci	.Dr.Betigl NGEN

Derneğimizde akreditasyon komisyonu 2014 yılında kurulmu olup bugne kadar be anabilim dalı akredite olmutur.

AKREDİTE OLAN KURUMLAR	
KURUM	TARİH
Ege niversitesi Tıp Fakltesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı	2016
Pamukkale niversitesi Tıp Fakltesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı	2018
Dokuz Eyll niversitesi Tıp Fakltesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı	2021
Saėlık Bilimleri niversitesi Tıp Fakltesi Haydarpaa Numune Eėitim ve Aratırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniėi	2021
Hacettepe niversitesi Tıp Fakltesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı	2024

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Dünyada Mikrobiyoloji Uzmanlığı Nerede, Biz Neredeyiz?

Dr. Elif AKTAŞ

Klinik Mikrobiyoloji (KM) uzmanlarının hareketliliği ve sağlık hizmetlerinin kalitesi açısından önemli bir hedef bu alanlardaki eğitim müfredatlarının ve değerlendirme süreçlerinin Avrupa çapında standartlaştırılmasıdır. Avrupa Birliği Tıbbi Uzmanlar Birliği (UEMS), bu süreçte merkezi bir rol oynamaktadır. Avrupa'daki tıbbi mikrobiyoloji uzmanlık eğitimi, 2017 yılında kabul edilen Avrupa Tıbbi Mikrobiyoloji Müfredatına dayanmaktadır. UEMS müfredat çalışmaları, uzmanlık eğitim programlarının nasıl yapılandırılacağını, eğitmenlerin ve eğitim merkezlerinin nasıl akredite edileceğini ve eğitimin genel çerçevesini kapsamaktadır.

Avrupa genelinde, Klinik Mikrobiyoloji ve Enfeksiyon Hastalıkları uzmanlık eğitimlerinde büyük farklılıklar bulunmaktadır. Örneğin, Portekiz ve Fransa gibi ülkelerde, klinik mikrobiyoloji hizmetleri genellikle Laboratuvar Tıbbi uzmanları tarafından sağlanmaktadır ve bu uzmanlıklar çeşitli laboratuvar disiplinlerini kapsayacak şekilde geniş bir alana yayılmaktadır. Laboratuvar Tıbbi, farklı laboratuvar disiplinlerini kapsayan bir uzmanlık dalıdır ve bu kapsamda klinik kimya, hematoloji, immünoloji, mikrobiyoloji, patoloji, parazitoloji ve viroloji gibi alanlarda çalışılmaktadır. Laboratuvar Tıbbi uzmanlığı, daha geniş bir disiplin yelpazesini kapsarken, Klinik Mikrobiyoloji uzmanlığı daha dar bir alana odaklanır ve enfeksiyon hastalıklarının tanısı, tedavisi ve kontrolü üzerine yoğunlaşır. Klinik Mikrobiyoloji uzmanları, laboratuvar sonuçlarını yorumlamakla kalmaz, aynı zamanda klinik ekiplerle yakın işbirliği yaparak enfeksiyon hastalıklarının yönetiminde danışmanlık rolü de üstlenirler. Bu nedenle, bazı ülkelerde Klinik Mikrobiyoloji, Laboratuvar Tıbbi'nden ayrı bir uzmanlık dalı olarak kabul edilmiştir. Birleşik Krallık ve Estonya gibi bazı ülkelerde birleşik Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji uzmanlık eğitimi programları mevcuttur. Bunun yanı sıra, İspanya gibi ülkelerde Enfeksiyon Hastalıkları hala bir bağımsız uzmanlık olarak tanınmamakta ve iç hastalıkları uzmanlığının bir alt dalı olarak kabul edilmektedir. Özellikle enfeksiyon önleme ve kontrolü, antimikrobiyal yönetim ve hastane enfeksiyonlarının denetimi, Klinik Mikrobiyoloji uzmanlarının önemli görev alanlarıdır. Bu alanlar, Enfeksiyon Hastalıkları uzmanlarıyla ortaklaşa yürütülen çalışmalardır ve her iki disiplinin de bu alanlarda ileri düzeyde bilgi ve deneyim kazanmasını gerektirir. Avrupa'da bazı ülkelerde Klinik Mikrobiyoloji uzmanları, eskiden sadece Enfeksiyon Hastalıkları uzmanlarının sorumluluğunda olan ayaktan hasta tedavisi gibi alanlarda da görev almaya başlamışlardır. Bu da her iki disiplinin rollerinin giderek daha fazla iç içe geçtiğini göstermektedir.

Tıbbi mikrobiyoloji, eskiden daha çok laboratuvar odaklı olan bir uzmanlık alanı iken, günümüzde klinik ve laboratuvar odaklı hizmetlerin dengelendiği bir noktaya gelmiştir. Tıbbi mikrobiyologlar, klinik danışmanlık hizmetleri vermek, antibiyotik yönetim programlarına liderlik etmek, hastane enfeksiyonlarının önlenmesi ve kontrolünde rol almak gibi önemli sorumluluklara sahiptir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Ülkemizdeki tıbbi mikrobiyoloji eğitiminin ve gerekli uyumlanma çalışmalarının bu kapsamda değerlendirilmesi yeni nesil uzmanların donanımları açısından kritik öneme sahiptir.

Kaynaklar:

1. [Maeve Doyle¹](#), [Breida Boyle²](#), [Caoimhe Brennan³](#), [Jane Holland⁴](#), [Albert Mifsud⁵](#), [Markus Hell⁶](#), [Frank van Tiel⁷](#), [Truls Michael Leegaard⁸](#). Specialist training in medical microbiology across Europe in 2021-an update on the actual training situation based on a survey.
Clin Microbiol Infect . 2021 Nov;27(11):1576-1580. doi: 10.1016/j.cmi.2021.06.027.
2. Beeching NJ, Rautelin H, Stahl JP, Leegaard TM.
Training and assessment of medical specialists in clinical microbiology and infectious diseases in Europe. Clin Microbiol Infect. 2021 Nov;27(11):1581-1588. doi: 10.1016/j.cmi.2021.07.009.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Meslek Eğitimi Ne Zaman Başlar, Ne Zaman Biter? Mikrobiyolojide Yaşam Boyu Öğrenme Yaklaşımları

Dr. İmran SAĞLIK

Meslek eğitimi, genellikle bireyler üniversite veya yüksekokul düzeyinde ilgili bir alanda eğitim aldıklarında başlar. Örneğin, tıp veya sağlık bilimleri fakültelerinde okumaya başlayan öğrenciler, mezuniyet sonrasında meslek pratiğine yönelik temel bilgiler edinmiş olurlar. Ancak bu, eğitim sürecinin sona erdiği anlamına gelmez.

Mikrobiyoloji alanında uzmanlık gerektiren konularda yetkinlik kazanmak için lisans sonrasında ileri düzeyde eğitim ve gelişim gerekir. Ancak bu aşamadan sonra da, bireylerin sürekli olarak yeni bilgiler edinmesi, becerilerini geliştirmesi ve mesleki yeterliliklerini artırması beklenir. Diğer yandan tüm sağlık profesyonellerinin mesleki gelişimi, ülke ve toplumsal ihtiyaçlara bağlı olarak değişim göstermektedir. Hızla gelişen ve değişen günümüz dünyasına uyum sağlamak için, bireyin bilgi, beceri, ilgi ve yeterliliklerini geliştirmek amacıyla hayatı boyunca katıldığı her türlü öğrenme etkinliği olarak tanımlanan "Hayat boyu öğrenme yaklaşımı" öne çıkmaktadır. Bu yaklaşım güncel verileri takip etme ve meslek hayatında daha başarılı olma olanağı sağlar. İlgili alanlardaki uzmanlık sertifikaları, sürekli eğitim programları, seminerler ve konferanslar bu süreçte kritik rol oynar. Günümüzde her an ulaşılabilir olan teknoloji sınırsız bir bilgi kaynağı sunar. Dolayısıyla meslek eğitiminde online kaynaklar da önemli bir rol üstlenmektedir.

Mikrobiyolojide Yaşam Boyu Öğrenme Yaklaşımları

Mikrobiyolojide yaşam boyu öğrenme, uzmanların güncel bilgilere erişimini sağlamak ve mesleki becerilerini sürekli geliştirmek açısından büyük önem taşır. Bu amaçla kullanılan başlıca yaklaşımlar şunlardır:

1. Meslek dernekleri: Üyelerine yönelik düzenledikleri seminerler, konferanslar ve diğer çalışmalar ile güncel bilgileri ve yenilikleri paylaşarak sürekli öğrenme fırsatları sunar. Mikrobiyologlar için belirli bir konu veya teknik üzerine tasarlanmış kurslar ve seminerler ile özellikle güncel bilgilerin edinilmesine ve yeni tekniklerin uygulanmasına imkan tanırırlar.
2. Kendi Kendine Öğrenme: Mikrobiyoloji alanında bireysel öğrenim, makaleler, kitaplar ve e-kitaplar, veri tabanları ve diğer çevrimiçi kaynaklardan yararlanarak gerçekleşir. Özellikle PubMed gibi platformlar, güvenilir uluslararası bilimsel araştırmalara erişim imkanı sağlar ve araştırma sonuçlarının takip edilmesine olanak tanır.
3. Akran öğrenmesi ve Meslektaşlarla İşbirliği: Konferanslar, sempozyumlar ve çalıştaylar, uzmanların bir araya gelerek deneyimlerini paylaştığı ve güncel gelişmeleri tartıştığı platformlardır. Bunun yanında diğer meslektaşlarla sürdürülen ortak çalışmalar ve projeler, bilgi ve deneyim paylaşımı sağlar.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



4. Eğitim Modlleri ve Sertifika Programları: Belirli konularda derinlemesine bilgi sağlamak için tasarlanmış eğitim modlleri, özel sertifikalar da sunarak edinilen kazanımın kanıtını da sunabilir. Örneğin, molekler mikrobiyoloji veya klinik mikrobiyoloji gibi alanlarda sertifikalı eğitim programları düzenlenmektedir.

5. Araştırma ve Geliştirme: Araştırma projelerine katılmak mikrobiyolojide en son gelişmelerin takip edilmesine katkı sağlar. Bilimsel çalışma ve geliştirme süreçlerine katılım ile yeni yöntemlerin ve teknolojilerin öğrenilmesi gerçekleşir.

6. Geri Bildirim ve Değerlendirme: Eğitim ve uygulama süreçlerinde alınan geri bildirimler, bireylerin kendilerini değerlendirebilmesine ve gelişim alanlarını belirleyebilmesine yardımcı olur. Geri bildirim, ekip çalışması içinde sağlanabileceği gibi, mentorlar ve deneyimli meslektaşlar tarafından da gerçekleştirilebilir.

7. Online Öğrenme Yaklaşımları: Son yıllarda öne çıkan online öğrenme yaklaşımları, mikrobiyoloji eğitiminde esneklik, erişilebilirlik ve etkileşim sağlaması açısından önemli avantajlar sunar.

a) Online Kurslar (Massive Open Online Courses: MOOC'lar) : Udemy, Coursera, edX, Class Central Microbiology Courses, StraighterLine Microbiology Online Course ve IOD171 - Essential Microbiology w/Lab gibi çok çeşitli platformlarda sunulan çevrimiçi kurslar mikrobiyoloji konularında uluslararası standartlarda bilgi edinme fırsatı sunar. Hatta bu platformlar örneğin Lecturio's all-in-one, mobil cihazlar üzerinden erişim imkanı da sağlar.

b) Üniversite Öğrenim Yönetim Sistemleri: Birçok yerel veya yabancı üniversite, kendi E-learning platformlarında mikrobiyoloji dersleri sunmaktadır. Bu sistemler, öğrencilere online ders materyallerine, interaktif içeriklere ve sınavlara erişim imkanı tanır. University of New England Microbiology Lecture/Lab BIOL 1020 - UNE Online örnek olarak verilebilir.

c) Webinarlar ve Canlı Seminerler: Çeşitli meslek dernekleri veya kurumlar tarafından düzenlenen, uzmanların belirli konular hakkında bilgi verdiği çevrimiçi seminerler güncel bilgilerin paylaşılmasına olanak tanır. Katılımcılar, soru sorma imkanına sahip olarak etkileşimde bulunabilir. Bu tür etkinlikler, dernekler veya profesyonel kuruluşlar tarafından düzenlenebilir.

d) Online Laboratuvar Simlatrleri: Mikrobiyoloji eğitimi, genellikle laboratuvar uygulamalarını içerir. Online laboratuvar simlatrleri, sanal ortamda deney yapma ve çeşitli teknikleri uygulama fırsatı sunar. Biyolojik örneklerin analizi simle edilebilir ve teorik bilgileri pratiğe döklebilir. Bu ortamlar henüz yeni gelişmekle birlikte Labster, VRLab Academy örnek olarak verilebilir.

e) Sanal Asistanlar: Yapay zeka tabanlı sanal asistanlar bir çoğumuzun günlük hayatında yer almaya başlamıştır. Bunlar her düzeyde soruları yanıtlama ve bilgi sağlama yoluyla mikrobiyoloji uygulamalarında destek sağlayabilir. Güncel araştırmalar ve literatürden yararlanarak otomatik olarak eğitim materyalleri oluşturabilir ancak elde edilen verilerin güvenilirliği kontrol edilmelidir. Bu uygulamaların özellikleri ve sayıları hızla artmaktadır. Başlıca OpenAI GPT, Google Assistant örnek olarak verilebilir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



f) Video Dersler ve Eğitim Videoları: Mikrobiyoloji ile ilgili çeşitli konularda hazırlanan eğitim videoları, görsel öğrenmeyi destekler. YouTube gibi platformlarda uzmanlar tarafından hazırlanmış içeriklere ulaşmak mümkündür.

g) Sosyal Medya ve Online Forumlar: Facebook, LinkedIn gibi sosyal medya platformlarında oluşan gruplar, mikrobiyoloji alanında bilgi alışverişi yapmak ve tartışmalara katılmak için kullanılabilir. Ayrıca, Reddit gibi platformlarda yer alan forumlar, spesifik konularda derinlemesine tartışmalara imkan tanır.

h) Dijital Kitaplar ve Kaynaklar: E-kitaplar ve çevrimiçi kütüphaneler, mikrobiyoloji ile ilgili en güncel araştırma makalelerine, dergilere ve kitaplara erişim sağlar. Öğrenciler ve profesyoneller, güncel literatürü izleyerek bilgi birikimlerini artırabilirler.

i) Uzaktan Mentorluk ve Danışmanlık: Tecrübeli mikrobiyologlar, online ortamda mentorluk yaparak genç araştırmacılara ve öğrencilere kariyer rehberliği sağlayabilir. Bu, meslek gelişiminde önemli bir destek mekanizmasıdır.

Sonuç

Mikrobiyolojide hayat boyu öğrenme, sağlık hizmetlerinin kalitesini artırmak ve profesyonel yetkinliği sürdürmek için kritik bir öneme sahiptir. Hayat boyu öğrenme, bireylerin bilgi, beceri ve yeterliliklerini sürekli olarak geliştirmelerine yardımcı olur ve sağlık alanındaki yenilikleri takip etmelerini sağlar. Aynı zamanda toplumsal sağlık sorunlarına daha etkili çözümler geliştirmelerine de olanak tanır. Çevrimiçi eğitim, mikrobiyoloji alanında bilgiye hızlı ve esnek erişim imkanı sunar ve özellikle sürekli değişen bilgilere hızlı bir şekilde ulaşma ihtiyacını karşılar. Eğitimciler, öğrenciler ve diğer profesyoneller, bu dijital kaynakları çeşitli şekillerde kullanarak mesleki gelişimlerini destekleyebilirler. Her sağlık profesyoneli gibi mikrobiyoloji uzmanları da yaşam boyu öğrenmenin benimsendiği bir yaklaşım içinde olmalıdır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Salon A / 10:30 – 12:00

Ülkemizde ve Dünyada Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitimi

Dr. Sema KEÇELİ

Doktora programları, dünya ölçeğinde bilimde en üst dereceyi ifade eder. Ülkemizde akademik kariyer sürecinin ilk basamağı doktora eğitimi olarak görülmektedir ve doktora mezunlarının çoğu akademisyen olmaktadır. Üniversitelerin geliştirilmesi akademisyen kaynağının artırılması gerekmektedir. Akademisyen sayısını da artırmanın yolu doktoralı mezun sayısını artırmaktan ve onları yetiştirmekten geçmektedir. Dünyada ise, özellikle Amerika, Almanya ve Japonya gibi gelişmiş ülkelerde doktora mezunlarının çoğu araştırma merkezleri, özel sektör, endüstri ve sanayide çalışmaya başlamaktadır. Gelişmiş dünya ülkeleri nüfusa orantılı olarak ülkemize kıyasla daha fazla doktora mezunu vermektedir. Başka deyişle, ülke kalkınması yetiştirilen kaliteli doktoralı bilim insanları sayısı ile paralel olmaktadır.

ORPHEUS (Avrupa Biotıp ve sağlık bilimlerinde doktora eğitimi organizasyonu) doktora eğitiminde iyi uygulamalar ile kaliteyi arttıran uygulamaları önermektedir. Bu önerilerin başında aktarılabilir beceriler gelir. Aktarılabilir Beceriler (Bilimsel Beceriler): Araştırmanın sunumu(sözlü/poster), eğitim becerileri, dil becerileri, proje yönetimi, bilimsel literatürün eleştirel değerlendirilmesi, lisans eğitime katkı, ulusal ve uluslararası iletişim (network) gibi konular formal derslerin bir parçası olarak programa yerleştirilmelidir. Mikrobiyoloji ders programlarında PhD adaylarının inter-disipliner özgün proje çalışmalarını arttırmaya yönelik biyoteknoloji, biyomalzeme, nanoteknoloji, kimya gibi alanlarla ilişkili dersler konulabilir. Ders başlıkları, adayın analitik düşünme becerilerini geliştirecek “alanda yeni gelişmeler veya yeni geliştirilen yöntemler” şeklinde düzenlenmeli, dersler Tıp Fakültesi’ndeki eğitim gibi usta-çırak ilişkisi şeklinde danışman ile beraber araştırma yolu ile öğrenme sağlanmalıdır. Dersler ödev veya mini projeler verilerek yürütülmelidir. Doktorada niteliklilik konsepti ORPHEUS, AMSE-WFME PhD Standartları ile YÖK kalite komisyonukriterleri benzerlik içermektedir. Avrupa veya ulusal akreditasyon/kalite çalışmaları eğitimin kalitesini arttıracaktır. Enstitüler öncelikle bu iyi uygulamaların hayata geçirilmesi için çalışmalıdır. Ülkemizde Hacettepe, Dokuz Eylül, Kocaeli, İstanbul Çapa, Uludağ ve Gazi Üniversitelerinin Sağlık Bilimleri Enstitüsü bu akreditasyona sahiptir. Bu kurumlarda Mikrobiyoloji dahil tüm programlarda Avrupa standartları elde edilmiştir. Kontenjan açılması yerine PhD adayı danışmanını seçerek danışmanın projelerine başvuru yapılmalıdır. Programlar ilgili anabilim dalında danışmanlar tarafından yürütülen araştırma konularını içerecek şekilde güncellenmelidir. Fazla ders yükü yerine araştırma projeleri ile desteklenmiş tez alanı ile ilgili dersler ön planda olmalıdır. Lisansüstü Eğitim-Öğretim ve Sınav Yönetmeliği’ne göre doktora çalışmaları sonunda hazırlanacak tezin; a) Bilime yenilik getirme, b) Yeni bir bilimsel yöntem geliştirme, c) Bilinen bir yöntemi yeni bir alana uygulama niteliklerinden en az birini yerine getirmesi gerekir.

Bu amaçlara uygun tez araştırmaları multi-disipliner yaklaşımla daha fazla uluslararası makale üretme şeklinde sonuçlanmaktadır. Sonuç olarak üniversitelerde öğrenim görmekte olan

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



doktora ğrencilerini projeler yoluyla araştırma yapmaya teşvik etmek; Doktora alım aşamasında başlatılmalıdır. PhD adayı başvurusunu yaparken Anabilim Dalında yapılan yayınları/ projeleri/ çalışmaları inceleyerek, Mlakata gelmeli, projesine katılmak istedięi Danışmanına, “research proposal-araştırma teklifi” ni mlakatta anlatabilir. Seçmeli dersler bu doğrultuda adaya daha katkı sağlayacak şekilde seçilebilir, mecburi teorik yük azaltılmış olur. Danışman doktora kabul sürecinde belirlenerek, kabul edilen adayın yüryen projelere katılması sağlanabilir. Sonuç olarak, Mikrobiyoloji doktora programları uluslararası nitelikte, dünya standartlarına yakın araştırma yolu ile eğitim şeklinde düzenlenmelidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Türkiye'de Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitimi SWOT Analizi

Dr. Didem ÖZGÜR

Türkiye'de tıbbi mikrobiyoloji doktora eğitimi, öğrencilere akademik kariyer ve araştırma odaklı bir gelecek için önemli fırsatlar sunmaktadır. Programlar, güçlü akademik kadrolar ve bilimsel altyapı ile donatılmış olup, öğrencilere ileri düzeyde bilimsel düşünme ve araştırma becerileri kazandırmayı hedeflemektedir. Akademisyenler ve öğrenciler, genel olarak doktora programlarının kalitesinden memnun olduklarını ve bu programların güncel olduğunu vurgulamaktadır. Ayrıca akademisyenler, öğrencilere sağlanan araştırma destekleri ve danışmanlık süreçlerinden de tatmin olduklarını ifade etmektedir. Akademisyenlerin doktora öğrencileriyle olan etkileşimlerinden memnuniyet duymaları, eğitimin güçlü yanlarından biri olarak görülmektedir. Çoğu üniversitede laboratuvar altyapısının yeterli seviyede olması, öğrencilere geniş araştırma olanakları sunmaktadır. Bu durum, programın güçlü bilimsel altyapısının en önemli göstergelerinden biridir. Ancak, şartların tüm üniversiteler için geçerli olmadığı ve bazı üniversitelerde laboratuvar olanaklarının iyileştirilmesi gerektiği de belirtilmektedir. Bu farklılıklar, programın genel bilimsel altyapısının güçlü olmasına karşın yerel eksiklikler olduğunu göstermektedir.

Eğitimin bazı zayıf yönleri de bulunmaktadır. Öğrenciler, bazı üniversitelerde laboratuvar altyapısının yetersiz olduğu durumlarda iyileştirme yapılması gerektiğini dile getirmektedir. Araştırma ve tez çalışmalarında gerekli donanım ve olanakların eksikliği, bu üniversitelerde öğrencilerin araştırmalarını zorlaştırmaktadır. Ayrıca, zorunlu derslerin sayısı ve içerikleri konusunda hem öğrenciler hem de bazı akademisyenler eleştirilerde bulunmuştur. Özellikle bazı zorunlu derslerin doktora programının genel amaçlarına yeterince katkı sağlamadığı ifade edilmektedir. Tez konularının belirlenmesi sürecinde öğrencilerin karşılaştığı zorluklar ve danışmanlık süreçlerinde yaşanan yönlendirme eksiklikleri de dikkat çeken zayıf noktalar arasındadır. Öğrenciler arasında değerlendirme yöntemlerinin etkili olmadığı ve bazı derslerin akademik olarak gereksiz zorluklar içerdiği yönünde de geri bildirimler bulunmaktadır.

Bu zayıf yönlere rağmen, tıbbi mikrobiyoloji doktora programları, öğrencilere çok sayıda fırsat sunmaktadır. Farklı araştırma gruplarıyla ve disiplinler arası işbirliği yapma imkânının, öğrenciler için önemli bir avantaj olduğu belirtilmektedir. Bu tür multidisipliner işbirlikleri, hem bilimsel gelişim hem de akademik ağların genişletilmesi açısından büyük fırsatlar sunmaktadır. Seminerler, konferanslar ve bilimsel etkinliklere katılımın artması, öğrencilerin daha geniş akademik çevrelere dahil olmasına olanak tanımaktadır. Programların akreditasyon süreçlerinden geçmesi ve ulusal düzeyde tanınırlıklarının artması ile mezunların iş bulma şansının yükseleceği ve doktora diplomalarının daha fazla prestij kazanmasına katkı sağlayacağı ifade edilmektedir.

Tıbbi mikrobiyoloji doktora eğitiminin karşılaştığı bazı tehditler de göz önünde bulundurulmalıdır. Öğrenciler, doktora süresinin uzunluğundan ve mezuniyet sonrası iş bulma

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



konusunda yaşanan belirsizliklerden endişe duymaktadır. Sanayi ve kamu sektörlerinde kariyer fırsatlarının sınırlı olması, doktora mezunlarının iş piyasasında dar bir çerçevede kalmasına neden olabilmektedir. Özellikle akademik olmayan iş fırsatlarının sınırlılığı, mezunlar için ciddi bir tehdit olarak algılanmaktadır. Ayrıca, akademisyenler araştırma fonlarının yetersizliği ve üniversiteler arasındaki rekabetin artmasının, programın sürdürülebilirliği açısından bir risk oluşturduğunu ifade etmektedir. Bu bağlamda, eğitimin niteliğinin daha da geliştirilmesi ve mezunların iş piyasasında güçlü rekabet edebilmesi için kariyer destek hizmetlerinin artırılması gerekmektedir.

Sonuç olarak, Türkiye'de tıbbi mikrobiyoloji doktora eğitimi, güçlü akademik kadrolar ve bilimsel araştırma altyapısıyla öğrencilere önemli fırsatlar sunmaktadır. Ancak, programın zayıf yönleri ve karşı karşıya olduğu tehditler, eğitim kalitesini olumsuz etkileyebilecek unsurlar barındırmaktadır. Laboratuvar altyapısının geliştirilmesi, program içeriklerinin güncellenmesi, araştırma imkanlarının iyileştirilmesi ve mezuniyet sonrası iş bulma olanaklarının artırılması, programın kalitesini yükseltecek önemli adımlar olacaktır. Bu adımlar atıldığında, hem akademisyenlerin hem de öğrencilerin memnuniyeti artacak, programlar daha fazla öğrenci çekecek ve Türkiye'de tıbbi mikrobiyoloji doktora eğitimi uluslararası düzeyde rekabet edebilir hale gelecektir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Doktora Eđitiminde Ulusal Mfredat Oluřturulması

Dr. Mustafa ZYURT

lkemizde Tıbbi Mikrobiyoloji alanında verilmekte olan doktora eđitimleri ile ilgili olarak kurumların uygulamakta oldukları ders odaklı mfredatlar ile uygulamalarındaki farklılıklar, ulusal boyutta Tıbbi Mikrobiyoloji doktora eđitiminde kalite ve standardizasyon sorununu halen gndemde tutmaktadır.

Bugn yksekđretim kurumlarının, arařtırma merkezlerinin, kamu ve zel kurumlardaki ileri arařtırma birimlerinin arařtırmacıları beklentileri yksektir. Doktora adayı arařtırmacıdır ve konuyu arařtırma yaparak đrenir. Bu nedenle kurumlarda rutin sađlık hizmeti veren uzman řeklinde yetiřtirilmemeli, tam donanımlı, konuyu en iyi bilen bađımsız arařtırmacı olarak yetiřtirilmelidir. Tıbbi Mikrobiyoloji doktora eđitimi sonrası mezun kiřilerin; alıřma ve đrenme ortamlarında kuram, uygulama, yntem ve tekniklere iliřkin uzmanlık dzeyinde sistematik bilgiye sahip olmaları, hem ileri laboratuvar teknikleri hem de bađımsız arařtırmacılık ynyle ileri dzeyde veri toplama, proje yazma, proje ynetimi, uluslararası iletiřim, makale yazma gibi bilimsel beceriler ynnden tam donanımlı olarak yetiřmiř olmaları hedeflenmelidir.

Yksek đrenim de kalite gvencesi, doktora eđitimi geliřiminin temel tařıdır. Bu amala YK, Doktora eđitim mfredatları ile ilgili ulusal boyuttaki farklı uygulamaların yarattıđı eđitimde kalite ve standardizasyon sorununa zm odaklı olarak, Trkiye Yksekđretim Yeterlilikler erevesi (TYY) oluřturmaya ynelik oluřturulan yksekđretim yeterlilikler komisyonu (YYK) 28.04.2006- 04.02.2008 tarihleri arasında ilk taslak alıřmalarını gerekleřtirmiřtir. Komisyon bu alıřmalarında Avrupa Yksekđretim Alanı Yeterlilikler erevesi (QF-EHEA, Qualifications Framework for European Higher Education Area) ve Avrupa Yasam boyu đrenim Yeterlilikler erevesi (European Qualifications Framework for Lifelong Learning - EQF/LLL) olmak zere iki ayrı yeterlilikler erevesi dzey tanımlayıcılarını kullanarak Ulusal Yeterlilikler ereve (UY)'sini; yksekđrenimin her dzeyi iin asgari olarak kazanılması gerekli bilgi, beceri ve yetkinliklere gre belirlemiřtir. Bu amala TYY kapsamında "Doktora, Tıpta uzmanlık ve Sanatta doktora Yeterlilikleri " ile ilgili yksekđretim dzeyleri olarak QF-EHEA: 3 dzey ve EQF-LLL 8.dzeyleri tanımlanmıřtır. Bu profilde TYY 8.dzey de yer alan Doktora eđitimi iin; bir akademik eđitim đretim yılında asgari 60 AKTS ve 1500-1800 saat iř yk esas alınarak; 3-4 yıllık sre iin toplamda asgari 180-240 AKTS kredisi ve 4500-5400/6000-7200 saat đrenci alıřma yk olarak belirlenmiř olup Doktora Eđitimi ile ilgili Sađlık Temel Alanı Yeterlilikleri Bilgi (Kuramsal ve Olgusal) , Beceri (Biliřsel ve Uygulamalı) ve Yetkinlikler (Bađımsız alıřabilme ve Sorumluluk Alabilme Yetkinliđi, đrenme Yetkinliđi, iletiřim ve Sosyal Yetkinlik, Alana zg Yetkinlik) olmak zere  kategoride toplanmıřtır. TYY kapsamında Doktora eđitiminin iyileřtirilmesi amalı belirlenen bu asgari kořullara 20 Nisan 2016 tarihli 29690 sayılı Resmi gazetede yayınlanan "YK Bařkanlıđının Lisansst Eđitim ve đretim Ynetmeliđi"nin nc blmnde yer verilmiř, ynetmelikte kurumların "đrenciye bađımsız arařtırma yapma, bilimsel problemleri, verileri geniř ve derin bir bakıř aısı ile irdeleyerek yorum yapma, analiz

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



etme ve yeni sentezlere ulaşmak için gerekli becerileri kazandırma” hedeflerine yönelik olarak ulusal doktora eğitim müfredat programları hazırlamaları istenmiştir.

Bu hedeflere yönelik olarak tüm eğitim kurumlarındaki doktora eğitiminde standart ve kaliteli uygulamaları hayata geçirebilmek için doktora programları sürecinde öğrencilere, yönetmelikte belirlenmiş TYYÇ düzeyleri ve yüksek öğretim yeterlilik profili dikkate alınarak, hedefe uygun bir eğitim müfredatını oluşturmak gerekmektedir. Bunun için yukarıda açıkladığı üzere belirlenen eğitim sürecinde toplam AKTS ve saat olarak öğrenci ders yükleri baz alınarak; zorunlu alan dersleri, seminer, seçmeli alan dersleri ile multi disiplinler dersler, biyoistatistik ve araştırma teknikleri, araştırma ve yayın etiği dersleri, sunum hazırlama ve sunum teknikleri ile bilimsel makale yazma ve değerlendirme’ye yönelik dersler, doktora yeterlilik sınavına hazırlık dersleri, teze hazırlık ve tez ile ilgili uzmanlık alan derslerini kapsayan teorik, uygulama ve laboratuvar derslerinden oluşan bir program uygulanması tercih edilmelidir. Aktarılabılır beceriler dahil öğrencilerin gelişimini sağlayabilecek multidisipliner dersler için de ilgili disiplinlerin hocalarından destek alınmalıdır. Müfredat oluşturulurken eğitimin amacı ve hedefleri doğrultusunda ilgili anabilim dalına ait zorunlu ders yükünden daha çok seçmeli ders yükü ağırlıklı bir program esas alınmalıdır. Tez ile ilgili uzmanlık alanında ders seçimi için, erken dönemde o alanda deneyimli danışman belirlenip ders seçimi yaptırılmalıdır.

2004 yılında kurulan ve içerisinde ülkemizden 21 üniversitenin de yer aldığı 42 ülkenin üye olduğu Avrupa doktora eğitimi organizasyonu ORPHEUS (The Organisation for PhD Education in Biomedicine and Health Sciences in the European System), ilke ve uygulamalarına yönelik yayımladığı ve doktora eğitiminde kalitenin arttırılmasına katkı sağlayabilen “iyi uygulamalar kılavuzu” ile de günümüzde doktora programlarının Avrupa standartlarında güncellenmesine katkı sağlanabilmektedir.

Ülkemizdeki doktora eğitiminin iyileştirilmesine yönelik atılmış bu önemli adımlara rağmen, Yükseköğretimdeki uluslararası rekabetin her geçen gün arttığı küresel bir dünyada ülkemizde doktora eğitiminin kapasitesini ve niteliğini artırmak, mevcut durumunun iyileştirilmesine yönelik atılması gerekli elzem adımları hayata geçirmek Yükseköğretim sistemimizin en stratejik meselelerinden biri olma konumunu devam ettirmiştir. Bu amaçla yakın bir dönemde (14 Şubat 2022 tarihinde) YÖK tarafından Ankara’da “Doktora Öğretiminin İyileştirilmesi Çalıştayı” gerçekleştirilmiş ve sağlık alanı ile ilgili çalıştay çıktısı olarak ; Program Açma ve Öğrenci Kabulü, Öğretim Süreçleri, Danışmanlık, İdari Süreçler, Araştırma ve Tez Süreci ile ilgili birçok konuda öneriler hayata geçirilme istemi ile kayıt altına alınmış ve günümüzde az sayıda da olsa bazı eğitim kurumlarımız doktora eğitim programlarını bu öneriler kapsamında hayata geçirmeye başlamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sonuç Olarak;

Ülkemizde Tıbbi Mikrobiyoloji Doktora Eğitiminde farklı eğitim programları ve eğitim süreçlerinin neden olduğu kalite , standardizasyon ve istihdam sorunları halen devam etmektedir. Bu oldukça önemli lisansüstü eğitim sorunumuzun çözümüne yönelik olarak YÖK akreditasyon komitesi (YÖKAK) tarafından, “Doktora Öğretiminin İyileştirilmesi Çalıştayı”nda konu ile ilgili çözüm olarak önerilen hususların eğitim kurumlarında aranması ve eksikliği saptanan konular tamamlanana kadar ilgili kurumlara geçici yetki kısıtlamalarının gündeme almasının uluslararası standartlarda doktora eğitim kalitesini arttıracığı, tam donanımlı araştırmacı bilim insanı ve akademik personel yetiştirilmesi ve istihdamının önünü açabileceği kıymetlendirilmektedir.

Ayrıca; Ulusal boyutta Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dallarımızda yukarıda belirtilen hedefler doğrultusunda eğitim programları, güncel araştırma konularını içerecek şekilde araştırma odaklı düzenlenmelidir. Doktora Öğrenci alım koşulları güncellenmeli ve erken dönemde danışman seçimi yapılmalıdır. Eğitim müfredatında seçmeli ders sayıları artırılarak (AKTS değeri 3 veya 4) öğrencinin, ders seçiminde multi disiplinler alanlara yönelimini arttırmaya çalışılmalıdır.

KAYNAKLAR

1. YÖK: Türkiye Yükseköğretim Yeterlilikler Çerçevesi. <http://www.tyyc.yok.gov.tr/>
2. Resmi Gazete: YÖK Başkanlığının Lisansüstü Eğitim Ve Öğretim Yönetmeliği, Sayı: 29690, Tarih 20.04.2016. <https://www.resmigazete.gov.tr/eskiler/2016/04/20160420-16.htm>
3. [Standards for PhD Education in – ORPHEUS. :Best Practices for PhD Training.](https://orpheus-med.org/wp-content/uploads/2022/05/Best-Practices-DOCUMENT-3-May-2022-1.pdf)

<https://orpheus-med.org/wp-content/uploads/2022/05/Best-Practices-DOCUMENT-3-May-2022-1.pdf>

4. ORPHEUS – AMSE – WFME: Standards for PhD Education in Biomedicine and Health Sciences in Europe. <https://orpheus-med.org/wp-content/uploads/2021/11/ORPHEUS-AMSE-WFME-standards-for-PhD-education.pdf>

5. 4.YÖK: Doktora Öğretiminin iyileştirilmesi Çalıştayı 14Şubat 2022, Ankara

<https://www.yok.gov.tr/Documents/Yayinlar/Yayinlarimiz/2022/doktora-ogretiminin-iyilestirilmesi-calistayi.pdf>

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SZL BİLDİRİ LİSTESİ

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Szl Bildiriler

SS-001

2023 ve 2024 Yıllarında Enfeksiyon Hastalıkları Alanında ne ıkan Konular: Bibliyometrik Ve Grselleřtirme Analizi

Yağmur Ekenoğlu Merdan, Ekin Kırbař, Gzde Akkuř Kayalı, řinasi Karvar, Taylan Bozok, Banu Sancak

SS-002

Antimikrobiyal Fotodinamik Tedavi Etkinlięinin In Vitro Kateter Modelinde İncelenmesi

Merve Erdoęan, Kayhan aęlar, Ayře Kalkancı

SS-003

Hbv-İliřkili Hepatoselller Karsinomda Lncrna Ekspresyonunun Deęerlendirilmesi: İn-Vitro Modelde Malat1'in Prognoz Belirleyici ve Tedavi Edici Potansiyeli

Seil Ak Aksoy, İmran Saęlık, Murat Kırıyıcı, Fuat Aksoy, Ekrem Kaya

SS-004

Trkiye'de Hepatit B Rutin Ařılama Programının Pediatrik Hastalarda Hbsag Pozitiflięi Oranına Etkisi

Mustafa Piřirici, Delal Polat Demir, Glsm Cengiz Eriřen, Selahattin Atmaca, Nezahat Akpolat

SS-005

Mikrobiyoloji Laboratuvarının Hcv-Rna Refleks Test İstemi Yoluyla Hcv Eliminasyon Programına Katkısının Arařtırılması

Hafize Oru, Selin Aras, Reyhan Yiř

SS-006

Identification of Host Cell Factors Associated With HBV Virions and Subviral Particles

Firat Nebioęlu, Shangqing Yang, Pietro Scaturro, Stephan Urban, Stefan Seitz, Ralf Bartenschlager

SS-007

Muęla İlinde Hıv ve Hıv (+) Bireylerde Sifiliz Seroprevalansı, 2019-2024

Mehmet Karabey, řeniz Ayturan, Selda Kaya

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-008

Hepatit C Virs (HCV) Enfeksiyonu Tanısında Anti-Hcv Dzeyleri (S/Co) İle HCV-RNA Arasındaki Korelasyonun Arařtırılması

Muhammet Kırlapınar, Pınar Erbay Dndar, Semra Kurutepe, Sinem Akçalı

SS-009

Yeni Kedi Koronavirs (Fcov-23) Varyantının İnsana Olası Bulař Riskinin, İn Silico Modelleme Yoluyla Deęerlendirilmesi

Ahmet Çaęlar zketen, Hasan Hseyin Kazan, Cenk Serhan zverel, Tamer řanlıdaę

SS-010

Suııeęi Hastalıęına Karřı Toplum Baęıřıklamasında Neredeyiz: Tek Doz Ařılama Yeterli Mi?

Makbule Hilal Yıldırım, Yeřim Tok, Bilal Olcay Peker, Tuba Mderris, Sreyya Gl Yurtsever, Ayřegl Aksoy Gkmen, Selıuk Kaya

SS-011

Parvovirus B 19 Enfeksiyonlarında Gncel Prevalans: Ankara Bilkent řehir Hastanesi Deneyimi 2019-2024

Ferhat Grkan Aslan, Fsun Kırca, Alparslan Toyran, Sibel Aydoęan, Bedia Dinı

SS-012

Yeni Aılın Bir řehir Hastanesinde Human Papillomavirus Varlıęı ve Genotiplerin Daęılımının İncelenmesi

Glfem Ece Terek, Fulya Bayındır Bilman, Nisel Yılmaz, Selin Gamze Kılıı Sinci

SS-013

İnfluenza ve Rsv Test Sonuıların Biofire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 Etken) ve Bd Max Respiratory Viral Panel (Solunum Paneli 3'l) Kitleri İle Karřılařtırılması

İdil Sevil, **Harun Aęca**

SS-014

HPV16/18 Dıřındaki Yksek Riskli Hpv'lerin Genotip Daęılımları ve Servikal Kanseri Oluřumuna Etkilerinin Deęerlendirilmesi

Esra İřı Bostancı, **Selin Yięit**, Elif ıalıřkan, M. Anıl Onan, Glendam Bozdayı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-015

14-Years Of Rotavirus A Surveillance in Belgium: Unusual Dominance of Equine-Like G3p[8] Genotype With Ds-1-Like Genotype Constellation After the Pandemic

Mustafa Karataş, Mandy Bloemen, Lize Cuypers, Elke Wollants, Marc Van Ranst, Jelle Matthijnssens

SS-016

Bir Eğitim ve Araştırma Hastanesi Yoğun Bakım Ünitesi Hastalarının Kan Kültürlerinden İzole Edilen Karbapenem Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarında Beta Laktam Direnç Genlerinin Ve Klonal İlişkinin Araştırılması

Canset Nur Aydoğan, Tuğba Fatsa, Gürhan Taşkın, Tuğrul Hoşbul, Mehmet Tevfik Yavuz

SS-017

Metisiline Dirençli Klinik *Staphylococcus aureus* İzolatlarında Antibiyotik Direncinin Crispr/Cas9 Temelli Genom Düzenlemesi ile Baskılanması

Ayşegül Ateş, Cihan Taştan, Şafak Ermertcan

SS-018

Bir Üniversite Hastanesi Yoğun Bakım Ünitelerinde Bakteriyemi Nedeni Olan Gram Negatif Bakterilerin Antibiyotik Direnç Profillerinin ve Antibiyotik Tüketiminin İncelenmesi (2018-2023)

Zeynep Sena Gönen Göl, Ömrüm Uzun, Gülşen Hazirolan

SS-019

Investigation of Brucella Infected Body Fluids Using Surface-Enhanced Raman Spectroscopy And Machine Learning

Münevver Akdeniz, Zakarya Al-Shaebi, Fatma Mutlu Sarıgözel, Pınar Sağiroğlu, Mustafa Altay Atalay, Ömer Aydın

SS-020

Konjonktiva Örneklerinde Mikrobiyolojik Profil ve Antimikrobiyal Duyarlılık Sonuçları: Üç Yıllık Verilerimiz

Nurhilal Kundak, Tuba Müderris, Aslı Teker Günler, Süreyya Gül Yurtsever, Yeşim Tok, Bilal Olcay Peker, Selçuk Kaya

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-021

Metisilin Dirençli *Staphylococcus aureus* İzolatlarında Biyofilm Oluşumunun Genotipik ve Fenotipik Yöntemlerle Araştırılması, Glikopeptidlerin Biyofilm İnhibisyonu Üzerine Etkisi
Zeliha Seyfi Şanda, Demet Gür Vural

SS-022

Gram Negatif Bakterilerin Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Otomatize Sistem, Modifiye Sıvı Disk Elüsyon ve Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemlerinin Karşılaştırılması
Zeliha Seyfi Şanda, **Safa Şanda**, Kübra Hacıeminoğlu Ülker

SS-023

Boğaz Sürüntü Örneklerinde A Grubu Beta-Hemolitik Streptokokların Tespitinde Biogold Strep A Hızlı Antijen Testinin Etkinliğinin Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi - Mehmet Emin Bulut, **Uğur Tekbaş**, Saliha Rabia Şahin, Hanife Tutan, Süleyman Pelit, Elif Aktaş

SS-024

Escherichia coli, *Klebsiella pneumoniae*, *Pseudomonas aeruginosa* Ve *Acinetobacter baumannii* İzolatlarında Kolistin ve Polimiksin B Duyarlılığının Araştırılması
Selda Doğan, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

SS-025

Klebsiella pneumoniae İzolatlarında Metallobetalaktamazların Tespiti İçin EDTA'lı-Karbanp-Direkt Testin Araştırılması
Leyla Genç, **Şevval Arduç**, Hanife Tutan, Mehmet Emin Bulut, Elif Aktaş Sepetci

SS-026

Klebsiella pneumoniae İzolatlarının Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Sıvı Disk Elüsyon, Hızlı Polimiksin Np ve Kolistin Agar Spot Tarama Testlerinin Araştırılması
Seda Karataş, Ayşe Esra Karakoç, Mihriban Yücel

SS-027

Seftazidim-Avibaktam Direnci Nereye Gidiyor?
Selahattin Ünlü, **Betl Fatmanur Yıldırım**, Melahat Grbz, Yeliz Çetinkol

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-028

Karbapenem Dirençli *{Klebsiella pneumoniae}* Suşlarında Seftazidim-Avibaktam, Fosfomisin Ve Meropenem'in İn Vitro Sinerjistik Etkinliğinin Araştırılması

Büşra Güneysu Yazar, Mücahide Esra Koçoğlu, Tuncer Özekinci

SS-029

{Stenotrophomonas maltophilia} Klinik İzolatlarında Sefiderokol Duyarlılığının Araştırılması

F. Sena Türkdogan, Deniz Bahar Akgün Karapınar, Betigül Öngen

SS-030

Kolistin Dirençli *{Acinetobacter baumannii}* İzolatlarının Tedavisinde Uygun Faj-Antibiyotik Kombinasyonunun Araştırılması Ve Faj Direnç Gelişimi. - **Hilal Basak Erol**, Banu Kaskatepe

SS-031

Anti-HCV Pozitif Saptanan Hastaların, HCV RNA ve HCV Genotip Sonuçlarının Klinikleriyle Birlikte Değerlendirilmesi

Banu Hümeysra Keskin, Şermin Baykoca, Bekir Tunca, Emel Çalışkan, Şükrü Öksüz

SS-032

2024 Parvovirüs B19 Salgını Olgularımız

Elif Alaçam, Ayça Arzu Sayiner

SS-033

Gastroenteritli Olgularda Adenovirüs ve Rotavirüs Sıklığının Araştırılması: 5 Yıllık Değerlendirme
Melahat Gürbüz, **Cengiz Demir**, Selahattin Ünlü, Yeliz Çetinkol

SS-035

Serotypes And Toxin Variants of Clinical Stec Strains Isolated From Patients with HUS in Turkey

Elif Okumuş, Aynur Karadenizli, Elif Bahat Özdoğan, Kenan Bek

SS-036

Pseudomonas aeruginosa Suşlarında Biyofilm Düzeyi ve Antibiyotik Duyarlılıklarının Araştırılması

Sümeyye Özel, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-037

Karbapenem Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarında Kolistin ve Sefiderokol Etkinliği
Feyza Balcı, Nilgn Kansak, Sebahat Aksaray

SS-038

Pozitif Sinyal Veren Kan Kltr Şişelerinden Karbapenemaz reten {Enterobacterales}'in Hızlı
Tespiti ve Karbapenemaz Karakterizasyonunda Fenotipik Temelli Yeni Bir Yntem: Dblimplus
Tuğba Ayvalık, Emel Sesli Çetin

SS-039

New Delhi Metallo-Beta-Laktamaz Pozitif {*Klebsiella pneumoniae*} Suşlarına Seftazidim-
Avibaktam-Aztreonam, Meropenem-Kolistin Kombinasyonlarının ve Tek Başına Sefiderokoln İn
Vitro Etkinliğinin Araştırılması
Glşah Kaygısız, Emel Sesli Çetin

SS-040

Klinik rneklerden İzole Edilen Cytomegalovirus (CMV) Suşlarında Antiviral Direncin Real Time
Pcr Yntemiyle Araştırılması
Pınar Gn, Sibel Aydoğın, Bircan Kayaaslan, Glsm zet, Mehmt Sezgin Pepeler, Bedia Dinç

SS-041

HCV RNA ve HCV Genotiplerinin Dağılımı: On Yıllık Tek Merkezli Retrospektif Bir Çalışma
Gkçe Sucuer Akarca, Zeynep Nazlıkaya Erdem, Sinem Akçalı

SS-042

Bir niversite Hastanesinde Pandemi Ve Sonrası Dnemi Kapsayan İki Yıllık Sreçte Respiratuvar
Sinsityal Virs Epidemiyolojisi
Oğuzhan Yağdı, Harun Ağca, İmran Sağık, Beyza Ener

SS-043

İlc2 Hcrelerinin Cd8 T Hcrelerinin Proliferasyonu, Sitokin retimi Ve Sitotoksitesi zerindeki
Etkisinin İncelenmesi
Zeynep Eş Kse, Fay Celeste Magnusson

SS-044

Hipervirlan {*Klebsiella pneumoniae*} Makrofaj Yanıtından Kaçış Mekanizmaları
Zeynep Ece Kuloğlu, zgr Albayrak, Ahmet Hayrettin Mertoğlu, Fsun Can

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-045

COVID-19 ve Makrofaj Yönlendirmesinde Ada İzoenzimlerinin Etkisi

Tuğçe Bozkurt, Abdurrahman Şimşek, Muhammed Ali Kızmaz, Eren Çağan, Hülya Köse, Ali Eren Işkın, Tuğba Şenbuz, Ayşe Melda Payaslıoğlu, Mehmet Karadağ, Emin Halis Akalın, Sara Şebnem Kılıç, Ferah Budak

SS-046

Çeşitli Klinik Örneklerden İzole Edilen Çoklu Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarının Kolistin MİK Değerlerinin Otomatize Sistem ve Mikrodilüsyon Yöntemi İle Karşılaştırılması

Funda Şahin, Sadık Akgün, Gülnur Tarhan

SS-047

Yaklaşan Tehlike *Morganella*; Dört Yıllık Duyarlılık Verilerimiz

Nuray Arı, Sümeyra Kayalı, Hatice Handan Akbulut

SS-048

{*Streptococcus mutans*} İzolatlarının Genom Dizilerinin Diş Çürüğü İlişkisi Yönünden İncelenmesi

Merve Yıldırım Üçüncü, Musa Kazım Üçüncü, İlker Karacan, Nursen Topcuoğlu

SS-049

Hemodiyaliz Hastalarında Yeni Bir Tehdit: *Ochrobactrum anthropi*

Selda Kömeç, Onur Özalp

SS-050

Kistik Fibrozisli Çocuk Hastalarda {*Pseudomonas aeruginosa*}: Antibiyotik Toleransı, Hipermutasyon, Biyofilm ve Pulsed Field Gel Elektroforezi (PFGE)/Multilokus Sekans (MLST) Tiplendirme

Öznur Gürpınar Tosun, Alper Tekeli, İstar Dolapçı, Elmas Ebru Yalçın, Beste Özsezen, Nagehan Emiralioğlu, Deniz Doğru, Uğur Özçelik, Özgen Eser

SS-051

Çeşitli Klinik Örneklerden Elde Edilen {*Streptococcus pyogenes*} İzolatlarında Quadripleks Gerçek Zamanlı PCR Yöntemi ile Belirlenen {EMM} Serotip Dağılımının Hastaların Klinik Durumuyla İlişkilendirilmesi

Büşra Saygın, Fatma Gülay Korukluoğlu, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-052

Kolistin Duyarlılık Testlerinde Hangi Test Kullanılmalı?

Tuğçe Özyol Atkaya, **Rukiye Berkem**

SS-053

Hastanede Yatan Hastalarda Genişlemiş Spektrumlu Beta-Laktamaz Üreten Enterobacterales' in Neden Olduğu Bakteriyemi ile Sürveyans Kültürleri Arasındaki Uyumun Araştırılması: 5 Yıllık Retrospektif Bir Çalışma

Meltem Ayaş, Neval Yurttutan Uyar, Sesin Kocagöz

SS-054

{*Stenotrophomonas maltophilia*} da Trimetoprim/Sülfametoksazol Duyarlılığı Ve Biyofilm Oluşumunun Araştırılması

Hatice Özdemir, Ahmet Çalışkan

SS-055

İnsan Ve Rodentlerde Belirlenen *Leptospira* Türlerinin Multilocus Sequence Typing (MLST) Yöntemi İle Genotiplendirilmesi Ve Karşılaştırılması

Bekir Çelebi, Meral Turan, Alparslan Cerit, Yusuf Yılmaz, Elmas Eminoğlu, Mehmet Ali Öktem, Cahit Babür, Ferhat Matur, Ahmet Karataş, Mustafa Sözen, Bernard Davoust, Oleg Mediannikov, Pierre Edouard Fournier

SS-056

Mersin'de Boğmaca Vakalarındaki Endişe Veren Artış

Can Berk Kurt, **Miraç Derya Güdükboy**, Taylan Bozok, Necdet Kuyucu, Gönül Aslan

SS-057

Vitek®2 Ast-Xn21 Kartının Kolistin Duyarlılık Sonuçlarının Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi İle Karşılaştırılması

Ayça Aydın Uysal, Alper Tünger

SS-058

Kistik Fibrozisli Hastalardan İzole Edilen {*Pseudomonas aeruginosa*} Suşlarının Biyofilm Oluşumu ve Tedavide Kullanılan Antibiyotikler İle İlişkisi

Zeynep Güngördü Dalar, Nevriye Gönüllü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-059

{*Corynebacterium*} Türlerinde Daptomisin ve Vankomisin Yüksek Düzey Direncinin Hızlı Ortaya Çıkışının İn Vitro Değerlendirilmesi

Tuğba Küçükbahar, Ekin Kırbaş, Öznur Gürpınar, Serhat Ünal, Banu Sancak, Özgen Eser

SS-060

Boğmaca Vakaları Artıyor mu?

Arjen Ulaba, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

SS-061

Brucella melitensis Suşlarında İn Vitro Antibiyotik Duyarlılığının Araştırılması

Üsâme Ünlü, Salim Yakut, İbrahim Halil Şahin, Fadile Yıldız Zeyrek

SS-062

Hipermukoviskoz *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarının Virülans ve Direnç Genlerinin Uzun Okuma Yapan Dizileme Teknolojisi İle Belirlenmesi

Şeyda Şilan Okalin, İ. Mehmet Ali Öktem

SS-063

Gastrik Biyopsi Örneklerinde *Helicobacter pylori* Saptanması, Klaritromisin ve Levofloksasin Direncinden Sorumlu Mutasyonların Araştırılması

Ülker Çuhacı, Bengül Durmaz, Mahmut Tayyar Kalcioğlu, Serdal Çelik, Tülay Zenginkinet, Özgür Bahadır, Katre Cemre Atıcı, Oğuz Arı, Rıza Durmaz

SS-064

Oxa-48 Üreten {*Klebsiella pneumoniae*} İzolatlarında Karbapenem Direncinin Tespitinde Eucast Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testinde Temosilin Sınır Değerlerinin Kullanılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Sedanur Okumuş, Banu Sancak

SS-065

Derin Öğrenme Tabanlı Dizi Tasarımı ile Antimikrobiyal Peptit İşlevselliği Ve Üretilebilirliğinin Artırılması

Ayşenur Soytürk Patat, Aycan Gündoğdu, Özkan Ufuk Nalbantoğlu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-066

Klebsiella pneumoniae İzolatlarında Meropenem ve Kolistin Direncinin Maldi-Tof Ms İle Hızlı Tespitinde “Direct-On-Target Microdroplet Growth Assay” (Dot-Mga) Yönteminin Kullanılması
Melike Ersoy, **Irmak Baran**, Serap Yağcı

SS-067

Klinik Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae İzolatlarında Antibiyotik Direncinin Prevalansı ve Direnç Mekanizmalarının Araştırılması
Mervenur Demir, Gülşen Hazirolan

SS-068

Oprd Eksikliği Olan ve Olmayan *Pseudomonas aeruginosa* Klinik İzolatlarında Meropenem ile Çeşitli Antimikrobiyal Kombinasyonların İn Vitro Etkileşimleri
Tuba Müderris, Ufuk Akbayırlı, Rıza Durmaz, Selçuk Kaya, Tuba Dal, Ziya Cibali Açıkgöz, Ayşegül Aksoy Gökmen

SS-069

Enterobacterales İzolatlarında Kolistin Direncinin Fenotipik Ve Genotipik Yöntemlerle Araştırılması
Kübra Hacıeminoğlu Ülker, Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Asuman Birinci

SS-070

Clinical Impact And Molecular Profile Of Carbapenem-Resistant Hypervirulent *Klebsiella pneumoniae*
Cansel Vatansever, Jale Boral, Selin Belge, Nihan Kardan, Bade Tanyolaç, Ghazal Shahrokhi, Anı Akpınar, Güz Ekinci, Emir Ural, Burcu İşler, Önder Ergönül, Fusun Can

SS-071

Stenotrophomonas Maltophilia İzolatlarında Smqnr, Sui Genleri ve İntegron Taşıyıcılığının Araştırılması
Gülşah Altan, Erva Rakıcı, Osman Birol Özgümüş, Devrim Dünder

SS-072

Pandemi Sonrası Dönemde Sendromik Panel İle Tespit Edilen Bordetella Vakaları
Zeinep Chavouz Ametoglou, Harun Ağca

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-073

Acil Servise Başvuran Hastalara Sepsis Tanısı Koymada Biyobelirteçler Tanısal Yönetişime
Katkıda Bulunabilir Mi?

Ayşegül Binay, Aslı Bozer, Murat Doğuş Günel, Sinan Genç, Müge Günalp Eneyli, Erdinç Devrim,
Ebru Evren, Zeynep Ceren Karahan

SS-074

Doğu Anadolu ve Orta Anadolu Bölgesindeki Bazı İllerde Doğal Yaşam Kemiricilerinde Patojenik
Leptospira Türlerinin Varlığının Araştırılması

Berken Gür, Ferhat Matur, Ceylan Polat, Muhsin Çoğal, Ortaç Çetintaş, Sercan Irmak, Kürşat
Kenan Kalkan, Mustafa Sözen, İbrahim Mehmet Ali Öktem

SS-075

Gaziantep İlinde Yaşayan Türk Vatandaşları Ve Suriyeli Göçmenlerin Burun Sürüntü
Örneklerinden İzole Edilen Metisilin Dirençli {S. Aureus} İzolatları Klonal Olarak İlişkili Mi?

Zekiye Bakkaloğlu, Özlem Ünalı, Serap Süzük Yıldız

SS-076

Klinik Örneklerden İzole Edilen Enterobacter Spp. Türlerinin Beta Laktam Direnç Fenotiplerinin
Karakterizasyonu

Sümeyye Zengin, Pınar Sağıroğlu, Mustafa Altay Atalay

SS-077

Karbapenemaz Varlığının Matriks İle Desteklenmiş Lazer Desorpsiyon/İyonizasyon Uçuş Zamanı
Kütle Spektrometresi (Maldı-Tof Ms) Yöntemi İle Değerlendirilmesi

Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu, Aslı Çakar, Gülşen Hazırolan, Zeynep Ceren Karahan, Neşe İnan,
Cumhur Özkuyumcu

SS-078

Bd Phoenix Sistemi İle Saptanan Karbapenem Direncinin Doğrulanması

Sümeyra Kayalı, Nuray Arı, Hatice Handan Akbulut

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-079

Kolistin Heterodirençli *{Pseudomonas aeruginosa}* Ve *{Acinetobacter baumannii}* Kan İzolatlarının Duyarlı (Natif) ve Dirençli Alt Popülasyonlarının Antimikrobiyal Duyarlılıklarının Belirlenmesi

Tuğba Küçükbahar, Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu, **Ekin Kırbaş**, Mustafa Bala, Ece Öykü Tercanlı, Ramazan Köksal, Berke Akdere, Özgen Eser, Banu Sancak

SS-080

Karbapenemlere Dirençli ve Duyarlı *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Hipervirülan *Klebsiella pneumoniae* Görülme Sıklığı

Esra Karaday, İlknur Kaleli

SS-081

Nazofarengeal Örneklerde Solunum Yolu Etkenlerinin Multipleks PZR Yöntemiyle Araştırılması; Viral ve Bakteriyel Etkenlerin Dağılımı

Merve Sivil, Bilal Olcay Peker, Yeşim Tuji Tok, Süreyya Gül Yurtsever, Tuba Müderris, Ayşegül Aksoy Gökmen, Selçuk Kaya

SS-082

Karbapenem-Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Profajla İlişkili Bölgelerde Antimikrobiyal Direnç ve Patojenite Genlerinin Dağılımı

Nisanur Ayas, Aylin Üsküdar Güçlü, Süleyman Yalçın

SS-083

Çok Merkezli Türkiye *Saprochaete (Magnusiomyces)* Çalışması: Klinik Örneklerden İzole Edilen *Saprochaete (Magnusiomyces)* Kökenlerinin Antifungal Duyarlılıklarının ve İn Vitro Virülans Özelliklerinin Belirlenmesi

Ali Öztürk, Ayşe Kalkancı, Barış Otlu, Elif Seren Tanriverdi, Sevtap Arıkan Akdağlı, Dolunay Gülmez Kıvanç, Esra Özkaya, İlknur Tosun, Rabiye Altınbaş, Berna Gültekin Korkmazgil, Merve Aydın Terzioğlu, Emine Küçükateş, Halil Er, Özgül Çetinkaya, Arzu İlki, Elvan Sayın, Yasemin Öz, Ayşe Barış, Asuman Birinci, Melda Özdamar, Betil Özhak, Özlem Koyuncu

SS-084

Kandidemili Hastalarda Antifungal Direnç ve Serolojik Testlerin Tanısal Değeri

Duygu Aksoy, İlkay Bahçeci, Zihni Acar Yazıcı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-085

Pediyatrik Böbrek Yetmezlikli Hastada Nadir Bir Sistemik Enfeksiyon Etkeni: {*Trichosporon asahii*}
Fatmanur Zehra Altay, Nuri Kiraz, Zeynep Yazgan, Sare Güntülü Şık

SS-086

Candida auris İzolatlarına Karşı Bazı Antiseptik Ve Dezenfektanların Antifungal Etkinliklerinin
Araştırılması

Zafer Habip, M. Esra Koçoğlu, Büşra Güneysu Yazar, Merve Özmen, Şule Çetin, Tuncer Özekinci

SS-087

Paranasal Sinüslerin Biyopsi Örneklerinin Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

Melike Yaşar Duman, Şükrü Dirik, İrem Nur Şahin, Egemen Bolat, Hüseyin Aytaç Erdem, Naim
Ceylan, Ayça Dilşad Çağlayan, Suleyha Hilmioğlu Polat, Dilek Yeşim Metin

SS-088

Candida auris'in Biyosid Ve Antifungal Duyarlılığının Analiz Edilmesinde Makine Öğrenme
Yöntemlerinin Kullanımı

Sidre Erganiş, Ayşe Seyer Çağatan, Mubarak Taiwo Mustapha, Furkan Martlı, Meliz Yuvalı, Sena
Algin, Sema Turan Uzuntaş, Beyza Yavuz, Alper Doğan, Esra Kılıç, Füsün Kırca, Abdullahi Garba
Usman, Elif Ayça Şahin, Çağrı Ergin, Bedia Dinç, Dilber Uzun Özşahin, Ayşe Kalkancı

SS-089

İnvaziv Enfeksiyona Neden Olan {*Aspergillus*} Dışı Filamentöz Mantar Etkenlerinin Clsı Sıvı
Mikrodilüsyon Yöntemi İle Amfoterisin B, İtrakonazol, Vorikonazol Ve Posakonazol İçin
Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Nilgün Karabıçak

SS-090

Peloidoterapi Çamurlarında {*Cryptococcus neoformans*}’ın Eşeyli Üremesinin Araştırılması

Mustafa Şengül, Aylin Döğen, Sedef Zeliha Öner, Gülin Fındıkoğlu Ergin, **Çağrı Ergin**, Macit İlkit

SS-091

C. auris Suşlarında Ekinokandinlere Yanıt Olarak Gelişen Paradoksikal Büyüme Etkisinin (Eagle
Effect) Saptanması

Gülşah Ece Özmerdiven

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-092

Candida Trlerinde Flukonazole Heterodirençli Fenotiplerin Gsterilmesi

Elif Ayça Şahin, Sidre Erganiş, Ayşe Kalkancı

SS-093

Çoklu İlaça Dirençli (*Candida auris*) İzolatının Direnç Genlerinin Tam Genom Dizileme Yntemi İle Analizi

Pelinsu Armutcuoğlu, Ayse Barış, Nur Kına, Anı Akpınar, Elif Aktaş, zlem Doğan

SS-094

Candida auris'in Farklı Yzeylerdeki Canlılık Sresi

Sena Algin, Hande Nur Ulukan, Fethiye Şevik, Rufig Hasanlı, Elif Ayça Şahin, Sidre Erganiş, Ayşe Kalkancı, Halil Furkan Martlı, Esra Kılıç

SS-095

Temel Mikoloji Kursu: Eđitim Gereksinimlerine Ynelik Geliştirilerek Uygulanan Hibrit Eđitim Programı

Dilek Yeşim Metin, S. Ayhan Çalışkan, Yasemin z

SS-097

İnvazif Mikozların Tanısında ELISA Ve Kemolminesans Temelli Serolojik Yntemlerin Karşılaştırılması

Esra Kılıç, Elif Ayça Şahin, zlem Gzel Tunçcan, Zbeyde Nur zkurt, Zeynep Arzu Yeđin, Şeyma Yıldız, Ayşe Kalkancı

SS-098

Kandidemi Tespit Edilen zel Grup Hastalarda İmmn Yanıtın Deđerlendirilmesi

Deniz Alkaya, Taylan Bozok, Gnl Aslan, Mehmet Burak Yavuz Çimen, Aylin Dđen

SS-099

Kan Kltrlerinden İzole Edilen Mantarların COVID-19 Pandemisi ncesi Ve Sonrası Dnem Dađılımlarının Karşılaştırılması

Fethiye Şevik, Handenur Ulukan, Rufig Hasanlı, Sena Algin, Halil Furkan Martlı, Esra Kılıç, Sidre Erganiş, Elif Ayça Şahin, Ayşe Kalkancı, Kayhan Çađlar

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-100

Klinik rneklerden İzole Edilen *Trichosporon* Suşlarının Duyarlılık Paternleri Ve Virlans Faktrlerinin Araştırılması

Sena Bayrakçiođlu, Taylan Bozok

SS-101

Exophiala dermatitidis Dhn-Melanizasyonuna Lipit Etkisinin Araştırılması

Çađrı Ergin, Sedef Zeliha ner, **Gzde Glcan nal**, Ramazan Gmral, Macit İlkit

SS-102

Mucorales Takımı Mantarda Tr Tanımlanması: Tek Merkezli Çalışma

Ayşen İkkın, Osman Merdan, Seçil Ak Aksoy, Zeinep Chavouz Ametoglou, İmran Sađlık, Samet Kızıl, Beyhan Blbl, Esra Kazak, Beyza Ener

SS-103

Çeşitli Klinik rneklerden İzole Edilen *Candida* Trlerinin Dađılımları Ve Antifungal Duyarlılık Sonularının Araştırılması

Betl Ceyhuni, Duygu cal, Ebru Evren, Zeynep Ceren Karahan

SS-104

İstanbul Tıp Fakltesi Hastanesine Bařvuran HIV İle Enfekte Pediatrik Hastaların Subtiplerinin ve Diren Profillerinin Araştırılması

Serta Kkkaya, Muammer Osman Kksal, Kutay Sarsar, Elif Dede, Neslihan Mete Atasever, Dilara Yıldırım, Tlin Demir, Sevim Meşe, Hayriye Kırkoyun Uysal, Selda Hanerli Trn, Ayper Somer, Ali Ađafidan

SS-105

HCV İle Enfekte Hastalarda Genotip Tayini Yapılması Ve mi-Rna Dzeylerinin Araştırılması

Saniye Kkakın Yaka, Ahmet Çalıřkan

SS-106

Bir niversite Hastanesi'nde İzole Anti-Hbc IgG Pozitifliđi Sıklıđı Ve Diđer Atipik Hepatit B Serolojileri

Hakan Şenođlu, Ferdi Çetin, Sinem Akalı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-107

Hepatit C Tedavisi Artık Mmkn: Ne Kadar Farkındayız?

Tuğçe Albayrak, Yeşim Tuyji Tok, Süreyya Gül Yurtsever, Merve Sivil, Ayşegl Aksoy Gkmen,
Tuba Mderris, Bilal Olcay Peker, Selçuk Kaya

SS-108

HCV Taramasında Sahaya Uygun Çıplak Gz Tespiti Saėlayan Altın Nanopartikl Tabanlı
Kolorimetrik Lamp Ynteminin Geliştirilmesi

Hanne Altın, Ayşe İstanbullu Tosun, Esra Aėel

SS-109

2019-2024 Yılları Arasında Tatarcık Ateş'i'nin Serolojik Ve Molekler Olarak İncelenmesi

zlem naldi, Yasemin Coşgun, Eylül Beren Tanık, Betl Yzğld, Bşra Ayyıldız, Ekrem
Saėtaş, Sedat Kaygusuz

SS-110

Normal Ve Anormal Servikal Sitolojili Kadınlarda Human Papillomavirus Prevalansı ve Genotip
Daėılımı

Maimonah Alshoaibi, **Gkhan ztrk**, Ganim Khatib, Hasan Alaa Wahhab Alantake, Huri
Skmen, Fgen Yarkın

SS-111

SARS-Cov-2 Spike Protein Varyantlarının Farklı Kanseri Trlerine Etkisinin Araştırılması

Hale ksz çkayabaşı, **Ali çkayabaşı**, Halil İbrahim ksz, Mehmet Bertan Yılmaz

SS-112

Mersin Blgesinde 2023-2024 Yıllarında Multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu İle Saptanan
Solunum Yolu Enfeksiyonu Etkenlerinin Deėerlendirilmesi

Aslıhan Bekci, Kenan Çevik, Taylan Bozok, Nuran Delialioėlu, Seda Tezcan lger, Gnl Aslan

SS-113

COVID-19 Hastalarında Bakteriyel, Fungal ve Viral Koenfeksiyonların Deėerlendirilmesi

mr Mustafa Parkan, **Sıtkı zgr Altop**, Pınar Saėiroėlu, Mustafa Altay Atalay, Ayşe Nedret
Koç, Selma Gkahmetoėlu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-114

Mis-C Vakalarında Gçl T Hcre Yanıtları Kontrol Edilemiyor

Muhammed Ali Kızmaz, Abdurrahman Şimşek, Tuğçe Bozkurt, Eren Çağan, Ferah Budak

SS-115

Çocukluk Çağında Hepatit E Virsnn Seroprevalansının Ve Hepatit A Aşı Cevabının Tespiti

Nurten Aksu, Altan Aksoy, Burcu Ceylan Cura Yayla, Medine Ayşin Taşar

SS-116

Covid-19'da Reglatr Ve Atipik B Hcreleri

Abdurrahman Şimşek, Muhammed Ali Kızmaz, Eren Çağan, Tuğçe Bozkurt, Glçin Tezcan, Ali Asan, S.Haldun Bal, Diğdem Yyen-Ermiş, Dane Ediger, Emel Yılmaz, H.Barbaros Oral, Emin Halis Akalın, Ferah Budak

SS-117

Pediyatrik Hastalarda SARS-Cov-2 / Flu / RSV Solunum Yolu PCR Tarama Yaklaşımının Hasta Ynetimine ve Test Maliyetlerine Etkisi

Sultan Glbahçe Orhan, Ayşe Esra Karakoç, Burcu Ceylan Cura Yayla, Medine Ayşin Taşar

SS-118

Multipleks PCR Ve RT-PCR Yntemleriyle SARS Cov-2 Rna Varlığının Araştırılması

mr Mustafa Parkan, **Ayşe Yceil Karabulut**, Selma Gkahmetoğlu

SS-119

Kolistin Direncinin Saptanmasında Vitek2 Xn-21 Kart, Modifiye Disk Elsyon Ve E-Test Sonularının Sıvı Mikrodilsyon Yntemi İle Karşılaştırılması

Pınar Sağıroğlu, **Aynur Trkan**, Ayşe Yceil Karabulut, Smeyye Zengin, Fatma Mutlu Sarıgzel, Mustafa Altay Atalay

SS-120

N-Asetilsistein Ve Kuersetinin Farklı Klinik Bakteri İzolatlarına Karşı Antimikrobiyal Ve Antibiyofilm Aktivitesi

Glcan Kuyucuklu, Suzan kten, Mehmet Demirci

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-121

İdrar Örneklerinden İzole Edilen Hipervirülan Ve Klasik *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Virülans Geni Araştırılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı, **Esra Türken**, Demet Vur Güral, Kemal Bilgin, Asuman Birinci

SS-122

Rapid Bacterial Identification And Antimicrobial Susceptibility Testing of Positive Blood Cultures

Naima Sirad, Mustafa Altay Atalay, Pinar Sağıroğlu

SS-123

Pangenome Analysis in Clinical Strains of *Pseudomonas aeruginosa* Highlights Hotspots For Horizontal Transfer of Pathogenicity Genes

Anı Akpınar, Cansel Vatansever, Selin Kolsuz, Füsün Can

SS-124

Eklem Sıvısı Örneklerinden İzole Edilen Bakteriler Ve Antibiyotik Direnç Oranları

Göksel Bilir, Sadık Beytaş, **Mümtaz Cem Şirin**, Emel Sesli Çetin, Tuğba Ayvalık

SS-125

N-Klorotaurinin Antibiyofilm, Anti Quorum Sensing Ve Antioksidan Aktivitelerinin Araştırılması

Eda Altınar-Kurt, Mayram Hacıoğlu, Gözde Hasbal-Çelikok, Markus Nagl

SS-126

Menenjit Ve Ensefalit Tanısında Multipleks RT-PCR Testlerinin Performansı Ve Uyum Analizleri: Ön Çalışma

Gözde Akkuş Kayalı, Şeyda Vural, Melike Yaşar Duman, Dilek Yeşim Metin, Sabire Şöhret Aydemir, Candan Çiçek

SS-127

Yeni Hizmete Açılan Üçüncü Basamak Bir Hastanede Menenjit/Ensefalit Paneli Deneyimi

Selin Gamze Kılıç Sinci, Gülfem Ece, Fulya Bayındır Bilman, Sebahat Taş, Nisel Yılmaz

SS-129

İzmir Şehir Hastanesinde Anti-Nükleer Antikorların Tespitinde İndirekt İmmüno Floresan ve İmmüno blot Yöntemlerinin Karşılaştırması

Ayşe Arslan, Alper Togay

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-130

Doğru Tanımlama için Dilüsyon Gerekli Mi ?

Rukiye Berkem, **Ali Furkan Yahşi**, Merve Özkan Ahmetoğlu

SS-131

Tüberküloz Ve Çok İlaça Direnç Tanısı İçin Gerçek Zamanlı Multipleks Pcr Yöntemi Geliştirilmesi

Oğuz Arı, Rıza Durmaz, Sedat Vezir, Ahmet Arslantürk

SS-132

Tüberküloz Dışı Mikobakterilerde Bedakuilinin Eflüks Pompa İnhibitörü İle Kombinasyonlarında Etkinliklerinin Değerlendirilmesi

Esra Gül Tursun, Taylan Bozok, Can Biçmen, Gönül Aslan

SS-133

Tüberküloz Tanılı Hastalarda Xpert Mtb/Rif Ultra Tanı Testinin Performansının

Değerlendirilmesi: Altı Yıllık Bir Çalışma

Aylin Var, Tuğrul Hoşbul, Ali Albay

SS-134

Tüberküloz Tanısında Sıvı Kültür Besiyeri İle Birlikte Kullanılan Katı Besiyerinin Tanıya Katkısı

Ferdi Çetin, Nuri Özkütük, Süheyla Sürücüoğlu

SS-135

Mycobacterium tuberculosis Complex Suşlarında Pirazinamid Direncinin Genetik Mekanizması Ve Bedakulin Direnci Arasındaki İlişki

Hamdi Gökahmetoğlu, Toğrul Nağıyev, Fatih Köksal, Fügen Yarkın, Işıl Var

SS-136

Mycobacterium abscessus Klinik İzolatlarına Karşı Hidrazon Türevi Bileşiklerin Ve Mevcut İlaç Kombinasyonlarının İn Vitro Etkinliğinin Araştırılması

Leyla Ersoy, Taylan Bozok, Semra Utku, **Merve Hilal Altınlı**, Kevser Elçi, Ahmet Arslantürk, Gönül Aslan

SS-137

Bir Üniversite Hastanesine Ait Tüberküloz Laboratuvarının 11 Yıllık Kalite Göstergeleri

Nalan Yıldız, Ferdi Çetin, Nuri Özkütük

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-138

Mycobacterium bovis Tanımlanmasında Kullanılan Genotiplendirme Yöntemlerinin Karşılaştırılması - **Derya Altun**, Ahmet Arslantürk, Nilay Uçarman, Alper Sarıbaş, Ekrem Sağtaş

SS-139

Tüberkülozun Hızlı Moleküler Tanısı Ve Çok İlaça Direncin Saptanmasında Truenat Mtb Ultima Testinin Değerlendirilmesi

Can Bıçmen, M. Mete Demirel, Tuba Atay, Ayрыз T. Gündüz, Onur F. Erer, Onur Karaman, Tülay Akarca, Serir Aktoğu Özkan

SS-140

Klinik *Salmonella* İzolatlarına Karşı Faj Kokteyllerinin Litik Aktivitesinin İn Vitro Değerlendirilmesi
Mete Yarkin Yetişir, Sezin Ünlü, Özlem Kurt Azap, Aylin Üsküdar Güçlü

SS-141

Çocuk Hastaların Örneklerinden Elde Edilen Enterobacterales İzolatlarının Kümülatif Antibiyogram Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Gökhan Kırbaş, Deniz Işık, Duygu Öcal

SS-142

İmmüsupresif Hastalarda Kolonize Olan Karbapenemaz Üreten *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarına Bakteriyofaj Etkinliğinin İn Vitro Olarak Belirlenmesi

Serap Süzük Yıldız, Hilal Başak Erol, **Sevgi Şahin**, Özlem Ünaldı, Tuba Dal, Banu Kaşkatepe

SS-143

Pseudomonas Biyofilmine Faj Etkinliğinin Fajın Litik Aktivitesiyle İlişkisi

Zeynep Erdem Aynur, Bülent Bozdoğan, Gamze Başbülbül

SS-144

Parçalanmış Fajların Anti-Biyofilm Etkisi Fajın Litik Aktivitesinden Bağımsız Mı?

Abdulkerim Karaynır, Sahd Ali, Hanife Salih Doğan, Ramesh Nachimuthu, Bülent Bozdoğan

SS-145

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Streptococcus pyogenes* Suşlarında Bakteriyofaj Taranması Ve Lizojenik Bakteriyofajların Morfolojik Ve Moleküler Karakterizasyonu

Şengül Alpay Karaoğlu, Arif Bozdeveci, Elif Sevim, Yağmur Çayan, Şeyma Suyabatmaz, İlkay Bahçeci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-146

Hastane Atık Suyundan *Escherichia coli* Fajı İzolasyonu Ve Karakterizasyonu

Merve Özmen, Zafer Habip, M. Esra Koçoğlu, Tuncer Özekinci

SS-147

Bir Yara Örneğinden İzole Edilen Tüm Antibiyotiklere Dirençli *Klebsiella pneumoniae* Suşu
Üzerinde Antimikrobiyal Fotodinamik Tedavinin Etkinliği

Hüseyin Haydar Kutlu, Metin Çalışkan, Serçin Özlem Çalışkan

SS-148

İzmir İlindeki Sağlıklı Yetişkinlerde Bağırsak Mikrobiyota Kompozisyonu Ve Kardiyometabolik
Parametrelerle İlişkisi

Nazlı Arslan, Şeyda Şilan Okalin Yamaç, Ebru Demiray-Gürbüz, Mine Arayıcı, Deniz Kırca, Fatma
Duygu Özel Demiralp, Didem Akdeniz, Pınar Akan, Ayşe Aydan Özkütük

SS-149

Sifiliz Tanısında Kullanılan RPR Ve ELISA Test Sonuçlarının Değerlendirilmesi Ve Tanı Algoritma
Değişikliğinin Karşılaştırılması

Kutay Demirel, Ali Fazıl Anıl, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

SS-150

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'nde Saptanan Adenovirus Ve Rotavirus Sıklığı: İki Yıllık
Değerlendirme

Selma İnce, **Emel Çalışkan**, Emel Akbaş, Şükrü Öksüz, Hüseyin Demir

SS-151

Easy, Fast And Accurate Diagnosis Of Monkeypox Virus With An Artificial Intelligence Based
Application

Cenk Serhan Ozverel, Fadi Al Turjman, Erdal Sanlidag, Tamer Sanlidag

SS-152

Dışkı Örneklerinin Direkt Mikroskopik İncelemesinde Geleneksel Yöntem Ve Parafek

®Parazitolojik Tanı Kiti İle Konsantrasyon Yöntemlerinin Karşılaştırılması

Arif İrfan Turan, Nida Özcan, **Özge Alkan Bilik**, Hakan Temiz

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-154

Ülseratif Kolit Hastalarında Fekal Biyobelirteç Düzeylerinin Araştırılması

Büşra Usta, Demet Gür Vural, Asuman Birinci

SS-155

Santral Sinir Sistemi Enfeksiyonlarının Tanısında Sendromik Paneller; Testlerin Etkinliği Ve Akılcı Kullanımında Madalyonun İki Yüzü, Test İstem Algoritması Geliştirmek Mümkün Mü?

Elif Çalışkan, Sidre Erganiş, Özge Özgentop, Anıl Tapısız, Hasan Tezer, Işıl Fidan, Gülendamar Bozdayı

SS-156

Genital Enfeksiyon Ön Tanısı İle Gönderilen Örneklerde Moleküler Yöntemlerle {*Gardnerella vaginalis*, *Mycoplasma hominis*, *M. genitalium* Ve *Ureaplasma urealyticum*} Varlığının Değerlendirilmesi

Emek Türkecul Şen, Ayşe Esra Karakoç

SS-157

Bir Eğitim Ve Araştırma Hastanesi Moleküler Mikrobiyoloji Laboratuvarında BOS Örnekleri Multipleks PZR Sonuçlarının Retrospektif Değerlendirilmesi

Emek Türkecul Şen, **Hacer Aytekin Börü**, Nadire Altınok Dabeşlim, Irmak Baran, Ayşe Esra Karakoç, Rukiye Berkem

SS-158

Üriner Sistem Enfeksiyonlarının Tanısında Sendromik Moleküler Testler Kullanılabilir Mi?

Tuğçe Özyol Atkaya, Rukiye Berkem

SS-159

Hematolojik Maligniteli Hastalarda Enfeksiyöz İshal Etkenlerinin Belirlenmesinde

Gastrointestinal Sendromik Panel Fark Yaratır Mı?

Neşe İnan, **Özge Nur Arıcasoy**, Sait Demirkaya, Ayşe Semra Güreser, Turgay Ulaş, Mehmet Sinan Dal, İpek Mumcuoğlu, Serap Süzük Yıldız, Tuba Dal

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SS-160

Yoğun Bakım Hastalarından Eş Zamanlı Alınan Kan Örneklerinde Sendromik Sepsis Paneli Ve Rutin Kan Kültür Sonuçlarının Değerlendirilmesi: Sendromik Sepsis Panelinin Hasta Yönetimine Katkısı

Sevim Gayenur Büyükberber, Sibel Aydoğan, Nilay Çöplü, Sultan Sevim Yakın, Temel Kayan, Hayriye Dal, Sema Turan, Bedia Dinç

SS-161

Üriner Sistem Şikayetlerinde Gözden Kaçabilen Üropatojenler: {*Mycoplasma hominis*} Ve {*Ureaplasma urealyticum*} Laboratuvardan Klinik Pratiğe Bakış

Merve Gürler, Füsun Kırca, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

SS-162

Gram Negatif Bakterilerde Vitek 2 İkinci Jenerasyon Yöntemi İle Elde Edilen Kolistin Duyarlılığı Sonuçlarının Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi İle Karşılaştırılması

Betül Günaydın, Hüseyin Haydar Kutlu, Mine Aydın Kurç

SS-163

Klinik Örneklerden İzole Edilen {*Klebsiella pneumoniae*} İzolatlarında Kolistin Duyarlılığının Değerlendirilmesinde Altın Standart Mikrodilüsyon Ve Güncel Otomatize Ticari Sistemimin Performans Kıyaslaması Ve {MCR} Gen Varlığının Araştırılması

İrmak Özkubat Korkmaz, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

SS-164

Erken Tanı İçin Moleküler Yöntemlerin Kullanımı: Akut Gastroenterit Ve Enfektif Ajanlar Üzerine Bir Çalışma

İsmail Selçuk Aygar, Kemal Tekin, Tuğrul Hoşbul

SS-165

Deprem Bölgesinden Gelen Dışkı Örneklerinde Gastroenterit Etkenlerinin Multiplex PCR Yöntemiyle Tespiti

Özlem Kirişçi, **Şeyma Nur Bozok Uzun**

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SS-166

Çeşitli *Aspergillus* Metabolitlerinin Anti-Leishmanial Etkinliklerinin Ve Leishmania Virusunun Patogeneze Olan Etkilerinin Molekler Dzeyde Araştırılması: lkemizden Farklı Leishmania Trleriyle İn Vitro Çalışmalar

Buse Kaymaz, İbrahim Sertdemir, Gnseli Bayram Akçapınar, **zgr Kurt**

SS-167

Dıřa Atım Pompa İnhibitrleri Ve Antileishmanial İlaç Kombinasyonlarının Leishmania Tropica Ve Leishmania İnfantum İzolatlarına Etkisi

Yener zel, İbrahim Çavuş, Varol Tunalı, Tlay Aksoy, Mehmet nl, Ahmet zbilgin

SS-168

Enterobius vermicularis Olgularının Deęerlendirilmesi ve Selefombant rneklerinden Mitokondriyal DNA COX1 Geni Karakterizasyonu

Harun Glbudak, Seda Tezcan lger, Taylan Bozok, Gnl Aslan

SS-169

Yoęun Bakım Dıřındaki Servis Hastalarında Seftazidim-Avibaktam İhtiyacı

Çisem Karaoęlu, Elif Saldere, Gle Çınar, Alpay Azap, Zeynep Ceren Karahan

SS-170

İmmn Sistem Hcrelerinin Ciddi Enfeksiyon İle Seyreden Yoęun Bakım Hastalarındaki Durumu; n Çalışma

Selin Uęraklı, Şeyma Çelikkilek Çelik, Funda Gk, Ahmet Oęuz, Metin Doęan, Mehmet zdemir, İsmail Reisli

SS-171

Kantitatif HBV DNA, CMV DNA, HCV RNA, HIV RNA, EBV DNA Testlerinin Analitik Performansının Deęerlendirilmesi Ve Korelasyon Analizi

Muhammed Alper zarslan, Gzde Akkuş Kayalı, Tansu Aydoęan, Selda Erensoy

SS-172

Sitoplazmik Ve Mitotik Hep-2 Hcre Paternlerini Ne Sıklıkta Raporluyoruz?

Melahat Grbz

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SZL BİLDİRİLER

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS - 001

2023 ve 2024 Yıllarında Enfeksiyon Hastalıkları Alanında Öne Çıkan Konular: Bibliyometrik ve Görselleştirme Analizi

Yağmur Ekenoğlu Merdan¹, Ekin Kırbaş², Gözde Akkuş Kayalı³, Şinasi Karvar⁴, Taylan Bozok⁵, Banu Sancak⁶

¹Biruni Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Erciş Şehit Rıdvan Çevik Devlet Hastanesi

³Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

⁴Sağlık Bilimleri Üniversitesi Van Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

⁵Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

⁶Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Enfeksiyon hastalıkları toplumun en önemli sağlık sorunlarından biridir. Enfeksiyon hastalıkları ile ilgili yapılan çalışmaların sistematik ve ayrıntılı bir şekilde incelenmesi, ana sorunların belirlenmesine ve buna yönelik önlemlerin önceden alınmasına yardımcı olacaktır. Bibliyometrik veriler ve görselleştirilmiş harita analizleri, bilimsel bir konudaki yayınları gözden geçirmek için kullanılan en yaygın ve faydalı yöntemlerdir. Bu çalışmada, 2023 ve 2024 yıllarında, enfeksiyon hastalıkları ile ilgili gerçekleştirilmiş bilimsel yayınların küresel boyutta çıktılarını, eğilimlerini ve önemli gelişmelerini değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 2023 ve 2024 yıllarında (Ağustos 2024'e kadar) "Enfeksiyon hastalıkları" kategorisinde yapılmış tüm bilimsel yayınlar "Web of Science" veri tabanı kullanılarak analiz edilmiştir. Elde edilen verilerin nicel ve nitel analizleri bibliyometrik göstergeler kullanılarak gerçekleştirilmiştir. Anahtar kelime ağlarını görselleştirmek için VOSviewer 1.6.18.0 kullanılmıştır. Hesaplanan değerler frekans (n) ve yüzde (%) olarak sunulmuştur.

Bulgular ve Sonuç: Analiz sonucu "Enfeksiyon hastalıkları" kategorisinde toplam 39407 bilimsel yayın elde edilmiştir. Yayınların 24764'ü 2023 ve 14643'ü 2024 yılında yayınlanmıştır. Yayın sayısı sıralamasında %28 (2023 n:6830, 2024 n:4228) ile Amerika Birleşik Devletleri ilk sırada yer almaktadır. Yayın sayısı sıralamasında Türkiye'nin 22. sırada (n: 602) olduğu görülmüştür. Yayınların büyük bir bölümü (n:27487; 69,7%) "özgün çalışma" olup %99,5'nin (n:39204) yazım dili İngilizcedir. Yapılan çalışmaların en fazla yayınlandığı derginin "Antibiotics Basel" olduğu belirlenmiştir. Anahtar kelime ağ analizine göre en sık kullanılan anahtar kelimelerin 2023 yılında "Infection, COVID-19, SARS-COV-2", 2024 yılında ise "Infection, COVID-19, HIV" olduğu saptanmıştır. Ağ haritasında farklı temaları temsil eden yedişer küme oluşmuştur. En çok çalışma yapılan konunun (en büyük kümelerin), her iki yılda da "sessiz bir pandemi" olarak nitelendirilen ve önemli bir halk sağlığı sorunu olan "antimikrobiyal direnç" üzerine olduğu görülmüştür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



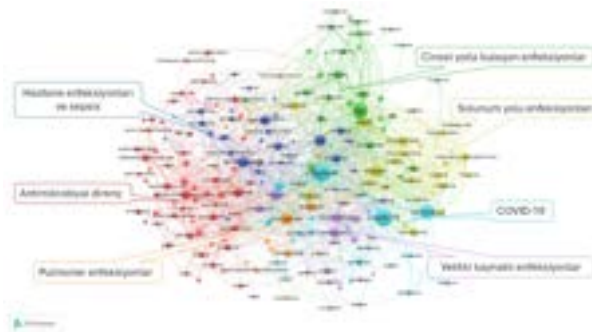
Ağ haritasında görüldüğü üzere COVID-19'nun hala güncelliğini koruduğu, HIV ve solunum yolu enfeksiyonlarının ise her zamanki gibi öne çıkan başlıklar arasında yer aldığı belirlenmiştir. Son dönemde tekrar gündeme gelen Mpox, her iki yılda da öne çıkan konular içinde yer almıştır. Tüm bu veriler ışığında, bibliyometrik ve anahtar kelime ağ analizlerinin kullanılmasının güncel olan önemli konuları öğrenme ve gelecekte önem kazanabilecek başlıkları öngörebilme adına araştırmacılara yardımcı olabileceği düşünülmüştür. Yapılan analiz sonuçlarına göre önümüzdeki dönemlerde antimikrobiyal direncin alanımızdaki hakimiyetini sürdüreceği, COVID-19 dışı solunum sistemi enfeksiyonlarının ve vektör ile bulaş gösteren enfeksiyon etkenlerinin öneminin artacağı ön görülmüştür.

Şekil 1



2023 yılındaki yayınların anahtar kelimeler ağ analizi

Şekil 2



2024 yılındaki yayınların anahtar kelimeler ağ analizi

Anahtar Kelimeler: Bibliyometrik analiz, enfeksiyon, VOSviewer.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-002

Antimikrobiyal Fotodinamik Tedavi Etkinliğinin In vitro Kateter Modelinde İncelenmesi

Merve Erdoğan¹, Kayhan Çağlar², Ayşe Kalkancı²

¹SANKO Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Gazi Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Sağlık hizmeti ilişkili kan dolaşımı enfeksiyonlarının (SHİKDİ) önemli bir kısmı kateter kullanımı kaynaklıdır. Yüksek morbidite-mortalite oranı, hastanede yatış süresinde artış ve ek maliyet sebebiyle kateter ilişkili enfeksiyonların (KİE) önlenmesine yönelik çalışmalar ön plana çıkmaktadır. Antimikrobiyal fotodinamik tedavi (AFDT); belirli bir dalga boyuna sahip görünür ışık kaynağı, fotosensitizör ve oksijen bileşenlerinden meydana gelmektedir. Işığın fotosensitizör madde tarafından soğurulması ile açığa çıkan reaktif oksijen türleri/tekil oksijen hedef mikroorganizma üzerine sitotoksik etki göstermektedir. Bu çalışmada, kateterde oluşturulan biyofilm modeli üzerine farklı fotosensitizör ve LED ışık kaynaklarının profilaktik ve terapötik etkisi incelenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada *Staphylococcus aureus*, *Staphylococcus epidermidis*, *Candida albicans* ve *Candida parapsilosis* ile kateter biyofilm modeli oluşturulmuştur. In vitro olarak kateterlere kırmızı LED için metilen mavisi ve toluidin mavisi O, yeşil LED için rose bengal ve eosin Y, mavi LED için ribofilavin ve kurkumin (zerdeçal) ile AFDT uygulanmıştır. Uygulanan tedavinin etkinliği biyofilm biyokütlesinin ölçümü sonucu elde edilen verilerin istatistiksel olarak değerlendirilmesiyle belirlenmiştir. İstatistiksel olarak anlamlı bulunan gruplarda biyofilm yapısı taramalı elektron mikroskobu (SEM) ile görsel olarak incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma sonucunda SEM ile yapılan karşılaştırmalarda AFDT sonrasında hem fungal, hem bakteriyel biyofilm kütlesinin azaldığı gösterilmiştir. SEM ile incelenen kateterlerde; *Staphylococcus* deney grubunda EPS yapısında ve mikroorganizma miktarında azalma görülürken, *Candida* deney grubunda bu etkilerin yanı sıra hifal yapılarda azalma gözlenmiştir. Her mikroorganizma için fotodinamik etkinin fotosensitizör ve LED kombinasyonlarına göre değişkenlik gösterdiği bulunmuştur. *S. aureus* kontrol grubu ($0,25 \pm 0,05$) ile karşılaştırıldığında en etkili profilaktik ($0,10 \pm 0,02$) ve terapötik ($0,08 \pm 0,00$) AFDT metilen mavisi ve kırmızı LED, *S. epidermidis* kontrol grubu ($1,38 \pm 0,09$) ile karşılaştırıldığında en etkili profilaktik ($0,08 \pm 0,02$) ve terapötik ($0,33 \pm 0,24$) AFDT rose bengal ve yeşil LED kombinasyonudur. *C. albicans* kontrol grubu ($0,30 \pm 0,03$) ile karşılaştırıldığında en etkili profilaktik ve terapötik ($0,09 \pm 0,01$) AFDT kurkumin ve mavi LED, *C. parapsilosis* kontrol grubu ($0,22 \pm 0,01$) ile karşılaştırıldığında en etkili profilaktik ($0,09 \pm 0,01$) ve terapötik ($0,10 \pm 0,02$) AFDT toluidin mavisi O ve kırmızı LED kombinasyonudur. Uygulanan profilaktik fotodinamik tedavi ile kateterde biyofilm oluşumunun kısmen engellendiği, terapötik fotodinamik tedavi ile oluşan biyofilm yapısının azaldığı gösterilmiştir. Kateterin enfekte olmaması veya enfeksiyon sonrasında çıkarılmadan temizlenebilmesi sağlık hizmetinin devamı açısından büyük önem taşımaktadır. Çalışma sonuçları AFDT'nin biyofilm ilişkili kateter enfeksiyonları için koruyucu-tedavi edici, hasta dostu, potansiyel yeni bir yaklaşım olabileceğini göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

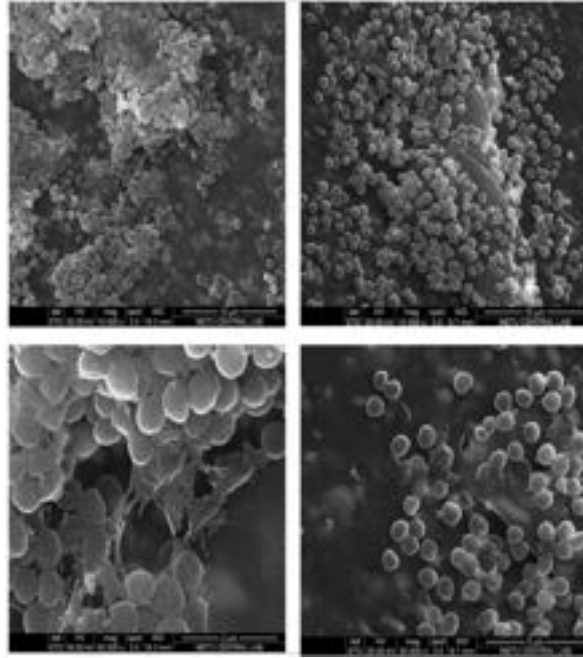
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kateter yüzeyinde *Staphylococcus epidermidis* biyofilmi SEM analizi



Tedavi uygulanmayan kontrol grubu (solda) ile Rose bengal+ Yeşil LED terapötik FDT uygulanan deney grubu(sağda) görüntüleri

Kateter yüzeyinde *Candida parapsilosis* biyofilmi SEM analizi

13-17 Kasım
2024

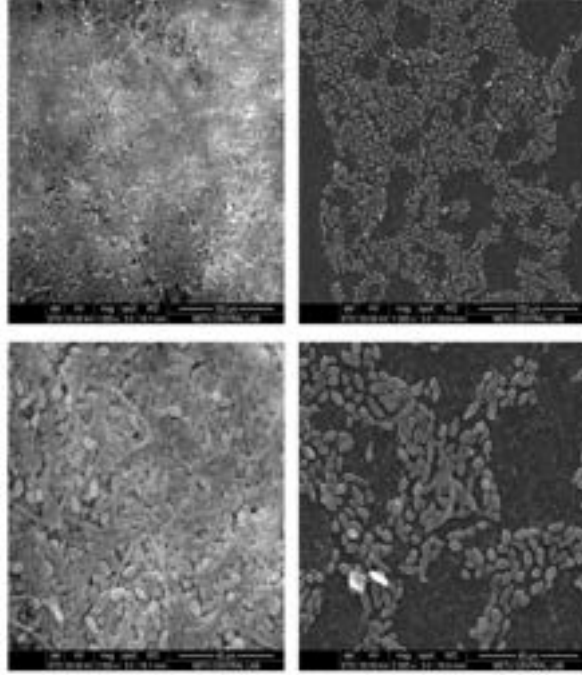
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tedavi uygulanmayan kontrol grubu (solda) ile Toluidin mavisi O+ Kırmızı LED profilaktik FDT uygulanan deney grubu (sağda) görüntüleri

Anahtar Kelimeler: Biyofilm, Kateter, Fotodinamik Tedavi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-003

HBV-İlişkili Hepatosellüler Karsinomda LncRNA Ekspresyonunun Değerlendirilmesi: İn-Vitro Modelde MALAT1'in Prognoz Belirleyici ve Tedavi Edici Potansiyeli

Seçil Ak Aksoy¹, İmran Sağlık¹, Murat Kıyıcı², Fuat Aksoy³, Ekrem Kaya³

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi İç Hastalıkları Anabilim Dalı

³Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Genel Cerrahi Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Hepatit B virüsü (HBV), siroz ve hepatosellüler karsinomun (HCC) başlıca nedenlerindendir. Tanının gecikmesi ve tedavi seçeneklerinin sınırlı olması nedeniyle HCC'nin mortalitesi yüksektir. Bu nedenle HBV-ilişkili HCC'nin önlenmesi ve tedavisi için bu süreçte dokuda meydana gelen moleküler değişikliklerin anlaşılması önemlidir. Bu çalışmada HBV kaynaklı HCC gelişen ve karaciğer transplantasyonu uygulanan hastaların tümör doku örneklerinde, hücrede epigenetiği düzenleyen kodlama yapmayan uzun RNA'ların (Long-non coding RNA; LncRNA) tanısal ve prognostik değerinin araştırılması ve in-vitro ortamda bu moleküllerin terapötik etkinliklerinin belirlenmesi amaçlanmaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışma hasta tabanlı ve in-vitro olmak üzere iki aşamadan oluşmaktadır. Birinci aşamada; 80'ni HBV ilişkili HCC tanısı almış (1. grup), 20'si HBV ilişkili siroz tanısı almış (2. grup) ve 20'si HBV ile ilişkisiz HCC tanısı almış (3. grup) ve karaciğer nakli yapılmış toplam 120 hasta çalışmaya alındı. Hastaların karaciğer doku örneklerinden sırasıyla RNA, cDNA sentezi gerçekleştirildi ve gerçek zamanlı PCR'a (RT-PCR) dayalı olarak üç hasta grubunda 28 farklı LncRNA'nın ekspresyonu değerlendirildi. Normal karaciğer dokusu kontrol olarak kullanıldı. İkinci aşamada ise HCC hücre hattına (HEPG2) pHBV1.3 replikon plazmidlerinin transfekte edilmesiyle in-vitro HBV-ilişkili HCC modeli oluşturuldu. HBV DNA'nın varlığı ve replikasyonu dizi analizi ve RT-PCR yöntemleri ile gösterilerek model doğrulandı. Çalışmanın birinci aşamasında hasta gruplarında kontrol grubuna kıyasla ekspresyon düzeyinde farklılık tespit edilen LncRNA'lar, ikinci aşamada in-vitro modelde RT-PCR ile araştırıldı. Yine bu modelde LncRNA'lar küçük interferans RNA (siRNA) dizisi ile regüle edilerek hücre morfolojisi, koloni formasyonu ve wound healing analizleri ile tümör agresifliği değerlendirildi (BUÜ BAP: THIZ-2023-1507).

Bulgular ve Sonuç: HBV-ilişkili HCC hasta grubunda altı farklı LncRNA'da ekspresyon diğer gruplara göre yüksek bulundu. Nakil sonrasında takip edilen HBV-ilişkili HCC hastalarının % 6,25'inde (5/80) intrahepatik, %2,5'inde (2/80) ise ekstrahepatik nüks belirlendi. Nüks gelişen hastalarda LncRNA'lar arasında özellikle MALAT1'de anlamlı artış saptandı (P<0.001). In-vitro'da oluşturulan HBV-kaynaklı HCC modelinde siRNA-MALAT1 aracılığı ile regüle edildi ve hücrelerin koloni oluşturma, invazyon ve migrasyon özelliklerinde anlamlı düşüş izlendi (P<0.0001). HBV-ilişkili HCC'de hem tanı sırasında hem de karaciğer nakli sonrasında, LncRNA ekspresyonunun yüksek olması dikkat çekicidir. HBV latent enfeksiyona neden olduğundan, karaciğer nakli sonrasında bile karaciğerde kalabilir ve hücre döngüsü düzenlemelerini etkileyen

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

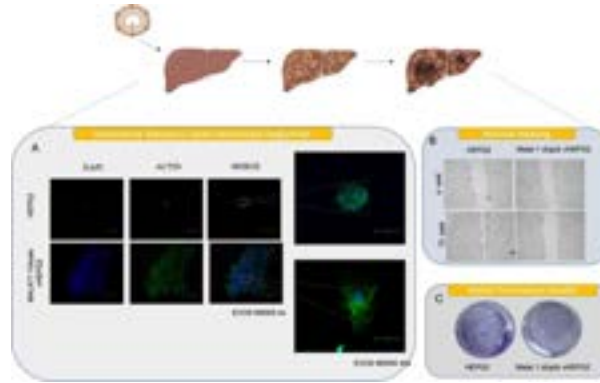
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



mekanizmalar üzerinden prognozu olumsuz etkileyebilir. Bu çalışma, HBV-ilişkili HCC'de ilk kez MALAT1'in hem prognoz belirteci hem de tedavi hedefi olma potansiyelini göstermektedir.

Şekil 1. Tümör agresifliğinin hücre morfolojisi, koloni formasyonu ve wound healing analizleri ile değerlendirilmesi.



Anahtar Kelimeler: HBV, HCC, LncRNA

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-004

Türkiye’de Hepatit B Rutin Aşılama Programının Pediatrik Hastalarda Hbsag Pozitifliği Oranına Etkisi

Mustafa Pişirici, Delal Polat Demir, Gülsüm Cengiz Erişen, Selahattin Atmaca, Nezahat Akpolat

Dicle Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Hepatit B virüsü günümüzde hala önemini koruyan önemli bir morbidite ve mortalite sebebidir. Aşı ile önlenabilir hastalıklar arasında yer alan Hepatit B hastalığı için, 1998 yılından itibaren Hepatit B virüsüne karşı rutin aşılama programına ülkemiz de katılmıştır. Çalışmamızda aşılama programının hastanemize başvuran pediatrik hastalarda HBsAg pozitifliği oranına etkisini incelemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: 2014-2024 yılları arasında Dicle Üniversitesi Hastaneleri’ne başvurup serum örneğinden HBsAg testi çalışılan toplam 238955 hasta çalışmaya dahil edilmiştir. Testler Roche Cobas e601 cihazı ile çalışılmıştır. Düşük düzey pozitifliklerin çapraz reaksiyona bağlı yalancı pozitif olma durumunu ekarte etmek amacıyla cut off index (COI) 5 ve üzerindeki değerler pozitif grup olarak çalışmaya dahil edilmiştir. Hastalar 0-14, 15-24, 25-34, 35-44 ve 45 yaşından büyük olarak yaşlarına göre gruplandırılmıştır. 0-14 yaş grubundaki HBsAg pozitifliği oranı ile diğer yaş gruplarından elde edilen oranlar Pearson Ki-kare testi kullanılarak istatistiki olarak karşılaştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Tüm hasta serum örneklerinin %91.34 ‘ü negatif, %8.66’ sı pozitif olarak tespit edilmiştir. Seropozitiflik oranının en yüksek olduğu yaş grubu 35-44 yaş olarak belirlenirken, seropozitiflik oranının en düşük olduğu yaş grubu 0-14 yaş grubu olduğu görülmüştür. Ayrıntılı sonuçlar tablo 1 ve grafik 1 de gösterilmiştir. Çalışma grubu olan 0-14 yaş grubundaki HBsAg pozitifliği oranı %1.35 ile diğer yaş gruplarındaki oranların istatistiki değerlendirmesinde anlamlı bir fark olduğu tespit edilmiştir. ($p<0.0001$) 2000’li yıllarda ülkemizde yapılan benzer çalışmalarda pediatrik gruplardan elde edilen HBsAg pozitifliği oranları arasında farklılıklar olmasına rağmen 2022 yılında Orta Anadolu Bölgesinde (%0.2) ve 2023 yılında Şırnak Bölgesinde (%0.14) yapılan çalışmalarda elde edilen HBsAg pozitifliği oranları oldukça düşük tespit edilmiştir. Yaptığımız çalışmada pediatrik popülasyonda HBsAg pozitifliği oranı %1.35 ile bu sonuçların üzerinde olmasına rağmen eski yıllarda yapılan çalışmalarla karşılaştırıldığında daha düşük bir oranda olduğu görülmektedir. Tablo 2 de bahsedilen çalışmalar özetlenmiştir. Sonuçlarımız rutin aşılama programının başarıya ulaştığını destekler niteliktedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

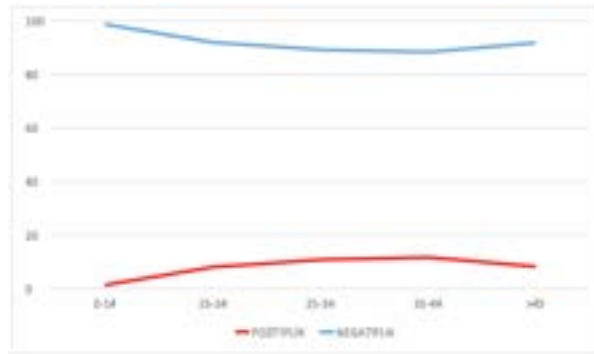
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: 2014-2024 yılları arasındaki yaşa göre HBsAg prevalansı

	POZİTİF	NEGATİF	TOPLAM	%POZİTİF	%NEGATİF
0-14	309	22465	22774	1.35681	98.64319
15-24	3043	34666	37709	8.069692	91.93031
25-34	5077	41831	46908	10.82331	89.17669
35-44	4692	35352	40044	11.71711	88.28289
>45	7580	83940	91520	8.282343	91.71766
TÜMÜ	20701	218254	238955	8.663137	91.33686

Grafik 1: Yaş gruplarına göre HBsAg pozitifliği ve negatifliği yüzdesinin dağılımı



Tablo 2: Farklı çalışmalarda pediatrik popülasyonda el edilen HBsAg pozitifliği yüzdeleri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Çalışma adı	Çalışma yılı	Pedatrik popülasyonda HBsAg pozitifliği yördesi	Hastane tabanlı/Toplum tabanlı çalışma	Örnek sayısı	Çalışma bölgesi
Seroprevalence of hepatitis B infection in Turkish Children, Kırıkkale ve ark.	1998	1.9	Belirli	1305	Belirli
Prevalence of hepatitis B in Gaziantep province, Turkey: a hospital-based serosurvey of 2043 children, Bayraktaroglu ve ark.	1999	7.3	Hastane	2043	Gaziantep
Prevalence of hepatitis B infection among Schoolchildren in Southeast Turkey, Dikici ve ark.	2009	2.7	Toplum	802	Mardin
Seroprevalence of hepatitis B and C among Children in Endemic Areas of Turkey, Kargın ve ark.	2010	8.1	Hastane	1089	Diğerbaki
Hepatitis B seroprevalence in children and women and the impact of the hepatitis B vaccination program in the Black Sea Region of Turkey, Karatekin ve ark.	2013	5.5	Hastane	1,005.7	Samsun
Ten-year hepatitis A, B, and C Seroprevalence Trend in Children: Results From A Single Center, Tülek ve ark.	2012	9.2	Hastane	1989	Kastamonu
Change in Rate of HBsAg and Anti-HBs in Çınak 20 Years After introduction of hepatitis B vaccine into routine infant immunization Program, Çınak ve ark.	2015	9.14	Hastane	2713	Çınak

Anahtar Kelimeler: HBsAg, Hepatit, Aşılama

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-005

Mikrobiyoloji Laboratuvarının HCV-RNA Refleks Test İstemi yoluyla HCV Eliminasyon Programına Katkısının Araştırılması

Hafize Oruç, Selin Aras, Reyhan Yiş

Bakırçay Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

Giriş ve Amaç: DSÖ, 2016 yılında HCV enfeksiyonunu 2030 yılına kadar ortadan kaldırmaya yönelik Küresel Stratejiyi onaylamıştır. Doğrudan etkili antivirallerin kullanımı ile, HCV ile enfekte kişilerin etkili tedavisi mümkün olabileceği için, hastaların tanı alması büyük önem taşımaktadır. Bu hedefe yönelik olarak HCV Eliminasyon Programına katkı sağlamak amacıyla hastaların tek serum ile tanı alıp, tedaviye yönlendirileceği 'Refleks test İstem Prosedürü' laboratuvarımızda uygulamaya konulmuştur. Bu çalışmada hastanın ilk başvurusunda, alınan kan örneğinde anti-HCV pozitifliği durumunda HCV-RNA çalışılması yoluyla hastalar ile iletişim kesilmeden tanı ve tedaviye en erken erişim hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Araştırmamız Mart-Eylül 2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza gelen Anti-HCV (Architect i2000, Abbott, Almanya) ve HCV RNA (Bosphore HCV Detection Kit, Anatolia Geneworks, Türkiye) testlerini kapsamaktadır. Anti-HCV istemi ile gelen örnekler alikotlanmış, Anti-HCV reaktif saptanmış örneklerde HCV-RNA için alikot kullanılmıştır. Anti-HCV test sonuçları Sample/Cut-off (S/Co) indeks değeri üzerinden değerlendirilmiş, S/Co değeri ≥ 1 ise reaktif olarak kabul edilmiştir. Anti-HCV 'si reaktif olan hastalarda refleks test istemi yapılarak HCV-RNA çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma döneminde laboratuvarımıza gönderilmiş olan 16.730 anti-HCV tarama testinden 167 hastadan gönderilmiş olan 182 örnek reaktif saptanmış, tekrarlar değerlendirme dışı bırakılmıştır. Anti-HCV testi reaktif saptanan hastaların 134 (%80,23)'ünden refleks test istemi yapılmış, 33 (%19,76) hastadan yapılamamıştır. Refleks test istenen hastalardan 9'unda (%6,71) HCV-RNA pozitif, 125'inde (%93,28) HCV-RNA negatif saptanmıştır. HCV-RNA negatif saptanan 125 hasta değerlendirildiğinde 9 (%7,2) hastanın tedavi sonucunda negatifleştiği, 83 (%66,4) hastanın ise Anti-HCV S/Co değerinin 1-2,99 arasında saptandığı belirlendi. Bu 83 hastanın klinik verileri tarandığında hastalarda HCV enfeksiyonu şüphesi olmadığı, "6 ay sonra poliklinik kontrolü" önerildiği görülmüştür. HCV-RNA'sı pozitif ve HCV-RNA'sı tedavi ile negatifleşmiş olan 18 hastanın anti-HCV S/Co değerleri; 12 hastada ≥ 10 , 3 hastada 5-9,99, 1 hastada 3-4,99, 2 hastada 1-2,99 olarak saptanmıştır (Tablo1, 2). 'Refleks test İstem Prosedürü' nün kullanımı bu hastaların erken tanı ve tedavi almasına katkı sağlayacaktır. Çalışmamızda sadece altı aylık sürede 9 hasta tanı almış ve tedavi amacıyla Enfeksiyon Hastalıkları polikliniğine yönlendirilmiştir. Anti-HCV pozitif, HCV-RNA negatif hastaların tedavi yoluyla HCV-RNA'larının negatifleşebileceği akılda tutulmalıdır. Tedavi verisine ulaşamadığımız 116 hasta olması nedeniyle HCV-RNA refleks test istemi için anti- HCV cut-off algoritması oluşturulamamıştır. . Anti-HCV reaktifliği saptanmış olan hastaların tümünden HCV- RNA çalışılmamış olması, hastaların klinik ve tedavi durumlarının sağlıklı değerlendirilememiş olması çalışmanın kısıtlılıkları arasındadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



TABLO 1: Reaktiflik saptanan örneklerin anti -HCV ve HCV-RNA sonuçları

	Anti -HCV								Toplam n
	S /Co değeri n								
	1-2,99		3-4,99		5-9,99		≥10		
	S /Co		S /Co		S /Co		S /Co		
	Tedavi alan hastalar	Tedavi verisine ulaşamayan hastalar	Tedavi alan hastalar	Tedavi verisine ulaşamayan hastalar	Tedavi alan hastalar	Tedavi verisine ulaşamayan hastalar	Tedavi alan hastalar	Tedavi verisine ulaşamayan hastalar	
HCV-RNA (+)	1	-	-	-	1	-	7	-	9
HCV-RNA (-)	1	83	1	12	2	13	5	8	125
HCV-RNA çalışılmayan hastalar	-	20	-	5	-	4	1	3	33
TOPLAM	105 (% 62,9)		18 (% 10,8)		20 (% 12)		24 (% 14,3)		167

TABLO 2: Refleks HCV -RNA testi pozitif saptanan hastalar ve anti-HCV S/Co değerleri

HASTA SAYISI	ANTI-HCV S/Co	HCV RNA IU/ml
1	2,43	4.283E+02
2	9,987	7.11E+06
3	12,36	2.294E+06
4	12,85	4.681E+05
5	14,45	4.152E+04
6	15	3.49E+05

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



7	17,02	1.492E+03
8	17,68	8.154E+04
9	18,59	4.131E+03

Anahtar Kelimeler: Anti-HCV, HCV RNA, Refleks test

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-006

Identification of Host Cell Factors Associated with HBV Virions and Subviral Particles

Firat Nebioglu¹, Shangqing Yang¹, Pietro Scaturro³, Stephan Urban², Stefan Seitz¹, Ralf Bartenschlager¹

¹Division Virus-Associated Carcinogenesis, German Cancer Research Center (DKFZ), Heidelberg, Germany

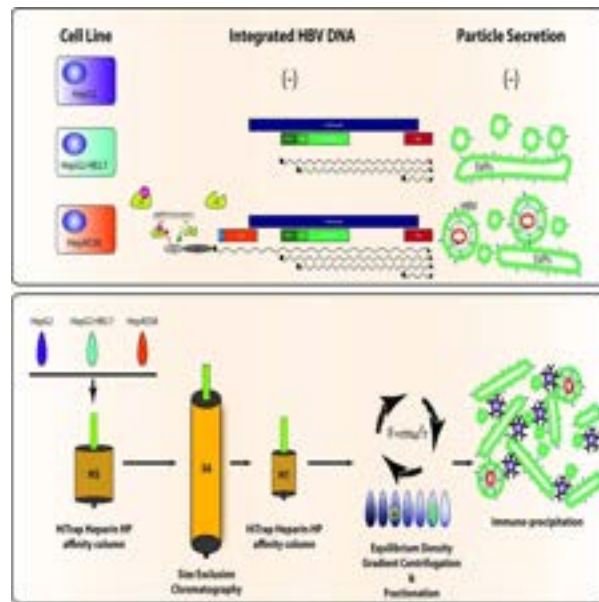
²Heidelberg University, Medical Faculty Heidelberg, Department of Infectious Diseases, Molecular Virology, Center for Integrative Infectious Disease Research (CIID), Heidelberg, Germany

³Leibniz Institute for Experimental Virology (LIV), Hamburg, Germany

Introduction and purpose: Current antiviral therapies against HBV focus on the suppression of viral replication, but rarely achieve a functional cure of patients. Host factors exploited by HBV during its lifecycle are potential alternative or additional drug targets for treating chronic hepatitis B patients. One set of such host factors might be proteins associated with HBV virions or subviral particles (SVPs). However, to the best of our knowledge, proteomic studies of HBV particles are lacking.

Materials and Methods: In this study, we describe a protocol combining affinity chromatography, size exclusion chromatography, isopycnic centrifugation, and HBsAg-specific immunocapture to obtain HBV virions and SVPs with very high purity.

HBV particles purification pipeline



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Purification pipeline of the HBV virions and subviral particles (SVPs) obtained from HepG2-HB2.7 and HepAD38 supernatants

Findings and Conclusion: LC-MS/MS proteomics analysis of purified HBV virions and SVPs from two independent cell lines detected peptides of HBV polymerase, core, and envelope proteins, but no peptides corresponding to HBx or HBeAg. Overall, we could identify a set of previously published host factors such as HSP90AB1, HSC70 and APOE, along with approximately 150 novel host factors. Amongst these, the enrichment of apolipoprotein-related factors is one of the key findings. We further investigated these factors through biochemical and phenotypic characterization using siRNA-mediated knock-down in HBV infected HepG2-NTCP cells and HBV 1.1mer plasmid transfected Huh7 cells. Moreover, by using neutralization assays, pull-down and electron microscopic analyses we characterized the role of one HBV virion and SVP-associated host cell factor in great detail and results will be presented.

Keywords: HBV, Host factors, Antivirals

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-007

Muğla Eğitim ve Araştırma Hastanesinde HIV ve HIV (+) bireylerde sifiliz Seroprevalansı, 2019-2024

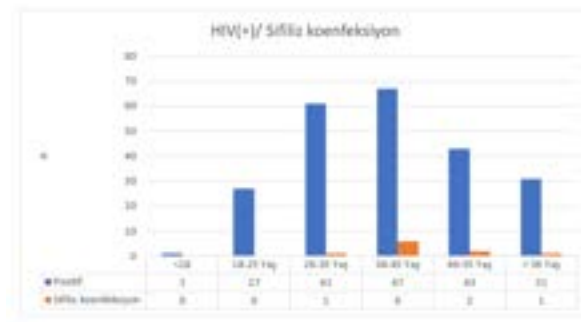
Mehmet Karabey, Şeniz Ayturan, Selda Kaya

Muğla Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, Muğla, TÜRKİYE

Giriş ve Amaç: Amaç: HIV ve sifiliz gibi cinsel yolla bulaşan enfeksiyonlar, tüm dünyada giderek artan bir halk sağlığı sorunu olmaya devam etmektedir. Bu nedenle cinsel yolla bulaşan hastalıkların erken teşhisi ve tedavisi önem taşımaktadır. Bu çalışmada, Muğla ilindeki HIV ve HIV ile enfekte bireylerde sifiliz seroprevalansının irdelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Gereç ve Yöntemler: Ocak 2019 – Ağustos 2024 tarihleri arasında Anti-HIV antikorları çalışılan toplam 108520 kişi çalışmaya dahil edildi. Anti-HIV ve Anti-Sifiliz testi; Elecsys HIV combi PT ve Elecsys Syphilis (Roche Diagnostics, Germany) ticari kitleri ile Cobas e 601 (Roche, Germany) cihazında Electro Chemiluminescence immunoassay (ECLIA) ile analiz edildi. Anti-HIV (+) örneklerin test tekrarı yapıldı, tekrarlayan reaktivite saptanan örnekler İzmir Halk Sağlığı Laboratuvarı'na doğrulama testi için gönderildi. HIV(+) olgular için yaş grupları; <18, 18-25, 26-35, 36-45, 46-55 ve 56 yaş ve üzeri olarak belirlendi. Anti-Sifiliz(+) örnekler RPR (Rapid Plasma Reagent) (Carbogen, Tulip Diagnostics India) ile test edilerek pozitif bulunan örnekler raporlanmıştır.

Yaş gruplarına göre HIV ve HIV(+) sifiliz koenfeksiyonu pozitifliği



Çalışma popülasyonunun demografik ve laboratuvar verileri

	Anti HIV	HIV Doğrulama	HIV (+) Bireylerde Sifiliz
Toplam n	Pozitif n (%)	Pozitif n (%)	Pozitif n (%)
108520	829(0,76)	230 (%0,21)	10 (4,35)
Yaş, Ortalama	43,85±19,79	40,43±12,34	42,60±9,19

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Cinsiyet

Erkek	52382	525 (1,00)	197 (0,38)	10 (5,08)
Kadın	56138	304 (0,54)	33 (0,06)	0 (0)
Yayın				
Türk	107313	794 (0,74)	210 (0,20)	10 (4,76)
Yabancı	1207	35 (2,90)	20 (1,66)	0 (0)
İl				
019	17252	58 (0,34)	17 (0,098)	1 (5,88)
020	17744	86 (0,48)	10 (0,056)	0 (0)
021	20576	105 (0,51)	20 (0,097)	2 (10,00)
022	28749	171 (0,59)	35 (0,122)	0 (0)
023	11873	194 (1,63)	85 (0,716)	2 (2,35)
024	12326	215 (1,74)	63 (0,511)	5 (7,94)

Bulgular ve Sonuç: Bulgular: Anti-HIV testi çalışılan 108520 hastadan 829(%0,76)'unda reaktivite saptandı. Tekrarlayan reaktivite sonucu 829 hastaya HIV doğrulama testi yapıldı ve 230(%0,21) hasta HIV 1 pozitif olarak, 599(%0,55)'u ise doğrulama sonucu negatif olarak raporlandı. 230 HIV 1 ile enfekte bireyin yaş ortalaması $40,43 \pm 12,34$, 33(%14,35)'ü kadın ve 20(%8,70)'si ise yabancı uyruklu idi. Yıllara göre değerlendirdiğimizde HIV seroprevalansı %0,716(85) ile 2023 yılında, diğer yıllara kıyasla daha yüksek oranda saptandı ve 2020 yılında ise %0,056(10) ile en düşük seviyede idi. Yaş grupları arasında en düşük seroprevalans oranı %0,43(1) ile 18 yaş altında, en yüksek seroprevalans ise %29,13(67) ile 36-45 yaş aralığında tespit edildi. HIV ile enfekte bireylerde sifiliz seroprevalansı; %4,35(10), yaş gruplarına göre en yüksek seroprevalans ise %2,61(6) ile 36-45 yaş aralığında ve yıllara göre ise %2,17(5) ile 2024 yılında tespit edildi. Sonuç: Muğla bölgesinde, 2019-2024 yılları arasında HIV seroprevalansı; %0,21, HIV ile enfekte bireylerde sifiliz seroprevalansı ise %4,35 olarak belirlendi. Bu oranlar Türkiye'nin diğer bölgelerine göre oldukça yüksektir. Bu durumun bölgemizin bir turizm kenti olması nedeni ile insan sirkülasyonunun çok olması, kısa süreli ilişkilerin sık ve kontrolsüz yaşanması sonucu olduğunu düşünmekteyiz. Cinsel yolla bulaşan hastalıklar konusunda, halka ve genç nüfusa gerekli eğitim ve bilgilendirme faaliyetlerinin daha etkili yapılması ve HIV ve sifiliz taramalarının artırılmasının gerekliliği önem taşımaktadır.

Anahtar Kelimeler: insan immün yetmezlik virüsü (HIV), sifiliz, anti-HIV

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-008

Hepatit C Virüsü (HCV) Enfeksiyonu Tanısında Anti-HCV Düzeyleri (S/Co) ile HCV-RNA Arasındaki Korelasyonun Araştırılması

Muhammet Kıplapınar¹, Pınar Erbay Dünder², Semra Kurutepe¹, Sinem Akçalı¹

¹Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi, Halk Sağlığı Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Anti-HCV testlerinde cut-off değerine yakın pozitif sonuçların elde edilmesi rutin tanı laboratuvarları için ciddi sorunlar oluşturmaktadır, test tekrarı ve/veya doğrulama testlerine duyulan ihtiyaç nedeniyle maliyetleri artırmaktadır. Düşük pozitif anti-HCV sonuçlarının doğrulanmasında, viremiyi gösteren HCV-RNA varlığının polimeraz zincir reaksiyonu(PCR) ile araştırılması önerilmektedir. Anti-HCV EIA testlerinde, test numunesinin optik yoğunluğunun cut-off değerine(Co) oranlanmasıyla elde edilen Sample-to-Cut-off oranı(S/Co)kesme noktası(eşik değer)olarak kullanılır. Yapılan bazı çalışmalar, S/Co değerinin viremiyi öngörmede önemli olduğunu ve daha yüksek S/Co değerlerinin HCV-RNA ile daha tutarlı olduğunu öne sürmüştür. Bu çalışmada, Hepatit C virüs enfeksiyonu taraması için kullanılan anti-HCV testinin S/Co indeks değeri ile virüs yükünün tayini ve aktif HCV enfeksiyonunu belirlemek için kullanılan HCV-RNA pozitifliği arasındaki korelasyon araştırılmış ve HCV-RNA pozitifliği için anti-HCV indeks değerine ait kesme noktasının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ocak,2013-Ekim,2023 tarihleri arasında Manisa-Celal-Bayar-Üniversitesi-Hafsa-Sultan-Hastanesi'ne tarama testleri için başvuran ve anti-HCV sonuçları pozitif çıkan 1088 kişi dahil edilmiştir. Tekrarlayan hasta örnekleri çalışmaya dahil edilmemiştir. Anti-HCV testleri kemilüminesan EIA yöntemleri(Architect,Abbott,ABD ve Murex,DiaSorin,İtalya) kullanılarak üreticilerin önerilerine göre yapılmış ve her iki kit için S/Co değeri≥1 olan sonuçlar pozitif olarak kabul edilmiştir. Pozitif hastaların HCV-RNA miktarları gerçek zamanlı PCR yöntemi(Roche,USA ve Qiagen,Germany) kullanılarak üretici firma önerilerine göre değerlendirilmiştir. Veri analizi için SPSSver:23.0 yazılım paketi, Spearman korelasyon testi ve ROC eğrisi analizi kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya anti-HCV testi pozitif çıkan 1088 hasta dahil edilmiş ve bunların 271'inde(%24.9)HCV-RNA pozitif bulunmuştur. Anti-HCVS/Co değerleri farklı aralıklardaki HCV-RNA sonuçları ile karşılaştırıldığında, pozitiflik oranları Tablo-1'de belirtilmiştir. Anti-HCVveHCV-RNA arasındaki korelasyon analizinde, istatistiksel olarak anlamlı(p= 0,000) güçlü bir pozitif korelasyon(r= 0,607)bulunmuştur. Çalışmamızda eşik değerin en iyi noktasını belirleyebilen yöntem olan ROC analizi kullanılarak en uygun S/Co değeri 5.0 olarak bulunmuş ve buna göre duyarlılık%94.8, özgüllük%77; pozitif ve negatif prediktif değerler sırasıyla %57.5ve%97.8 olarak hesaplanmıştır(Tablo-2).Çalışmamızda, HCV-RNA pozitifliği için anti-HCV indeks değerine ait en uygun kesme noktası 5.0 olarak bulunmuştur. Ancak, çalışmanın yapıldığı süreçte iki farklı anti-HCV kitinin kullanılmış olması ve hastaların klinik özelliklerine göre değerlendirme yapılamamış olması çalışmanın eksik yönleridir. Sonuç olarak, anti-HCV sonucu eşik

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



değere yakın ve/veya düşük pozitif olgularda doğrulama amacıyla direkt olarak HCV-RNA bakılmadan önce, yeni örnek ile testin aynı yöntemle çalışan farklı bir cihazda yeniden çalışılmasının ve klinik bulgular ile birlikte tekrar değerlendirilmesinin daha doğru ve ekonomik olacağı düşünülmüştür.

Tablo-1 Anti-HCV S/Co aralıklarında HCV-RNA pozitiflik oranları

Anti-HCV S/Co	HCV-RNA pozitiflik oranları
1 - 4 S/Co	% 0.98
4.1 - 7 S/Co	% 34.95
7.1 - 10 S/Co	% 50.10
10.1 - 13 S/Co	% 67.70
13 > S/Co	% 89.09

Tablo-2 ROC analizine göre en uygun S/Co değerini 5.0 olarak belirlediğimizde; Duyarlılık, Özgüllük, PPD, NPD

Duyarlılık	% 94.8
Özgüllük	% 77
Pozitif prediktif değer (PPD)	% 57.5
Negatif prediktif değer (NPD)	% 97.8

Anahtar Kelimeler: Anti-HCV S/Co, HCV-RNA

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-009

Yeni Kedi Koronavirüs (Fcov-23) Varyantının İnsana Olası Bulaş Riskinin, İn Silico Modelleme Yoluyla Değerlendirilmesi

Ahmet Çağlar Özketen¹, Hasan Hüseyin Kazan², Cenk Serhan Özverel¹, Tamer Şanlıdağ¹

¹Yakın Doğu Üniversitesi, DESAM Araştırma Enstitüsü

²Yakın Doğu Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Genetik Bölümü

Giriş ve Amaç: Koronavirüsler (CoV'ler), halk sağlığı ve sosyoekonomik durum üzerindeki etkileri nedeniyle, pozitif iplikçikli RNA virüslerinin en bilinen üyeleri olarak kabul edilmektedir. Ağır akut solunum yolu sendromu (SARS), Orta doğu solunum yolu sendromu (MERS) ve kedi enfeksiyöz peritoniti (FIP) gibi son zamanlarda ortaya çıkan hastalık salgınlarının etkeni olan CoV'lerin, gelecekteki pandemi olasılıklarının değerlendirilmesi, halk sağlığı açısından önem taşımaktadır. Hayvan rezervuarlarından yeni varyantların ortaya çıkma potansiyeli ve bu varyantların olası türler arası bulaş yeteneği hem insan hem de hayvan refahını tehdit etmektedir. Son yıllarda, yeni bir CoV varyantının (FCoV-23), Kıbrıs adasındaki kedi popülasyonuna ciddi zararlar verdiği belirlendi. Kedi sağlığına yönelik büyük bir endişe oluşmasının yanı sıra, FCoV-23'ün diğer hayvanlara veya insanlara olası bulaşının araştırılması, gelecekteki salgınları önlemek adına büyük önem taşımaktadır. Yürütülen bu çalışma ile, in silico tahmin yaklaşımları kullanılarak FCoV-23'ün insana olası bulaş riski değerlendirildi.

Gereç ve Yöntem: FCoV-23'ün reseptör bağlanma alanının (RBD) kedideki olası reseptör hedefine karşı bağlanma afinitelerini analiz edilerek elde edilen sonuçlar insan vücudundaki reseptör homologları ile karşılaştırıldı. Yürütülen çalışma çerçevesinde, protein kenetleme (docking) araçları aracılığıyla RBD dizisinde rastgele ve rasyonel mutasyonların meydana gelmesi durumunda bağlanma afinitelerindeki değişiklikler hesaplandı.

Bulgular ve Sonuç: Yakın alfa-koronavirüs aile üyeleri ve FCoV-23 arasında gerçekleştirilen korunmuş bölge analizi çalışması, FCoV-23'ün FIPV, FCoV-SB22, FCoV-UG-FH8 ve PRCV virüsleri ile benzer protein yapısında olduğunu gösterdi (Figür 1). Literatürde daha önce etkileşim gösterdiği raporlanmış koronavirüs RBD bölgeleri ile konak reseptör çiftleri kullanılarak yapılan karşılaştırmalı bağlanma analizi sonuçları neticesinde, FCoV23'ün insan aminopeptidaz 1 (hAPN1) ile etkileşim olasılığının oldukça zayıf olduğu belirlendi (Tablo 1). Çalışma neticesinde elde edilen bulgular, virüsün insan hedef proteinine karşı bağlanma afinitesinde artışa neden olabilmesi için, eşzamanlı olarak, birden fazla mutasyonun oluşması gerektiğini ortaya koydu. Çalışmada elde edilen bulgular ile literatürde bildirilen mutasyon oranları baz alındığında FCoV-23'ün olası insan bulaşının son derece düşük olduğu saptandı. Bulaş riskini sistematik olarak belirleyebilmek için ilave moleküler çalışmaların yürütülmesi gerekmektedir.

Benzer alfa-koronavirüsler arasında korunmuş bölge analizi

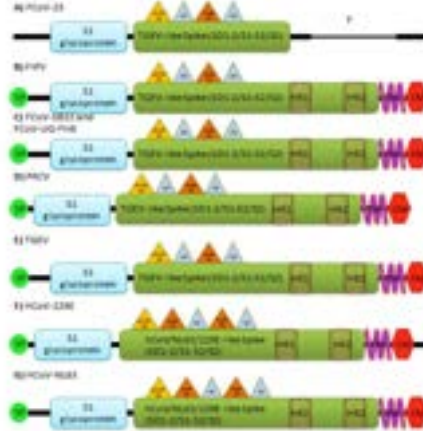
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



S1: S1 glikoprotein (pfam01600), TGEV-like_Spike_SD1-2_S1-S2_S2: C-terminal S1 ve S2 bölgelerinde korunmuş TGEV benzeri spike (cd22377), HCoV/NL63/229E-like_Spike_SD1-2_S1-S2_S2: C-terminal S1 ve S2 bölgelerinde korunmuş HCoV/NL63/229E benzeri spike (cl40439), HR: Heptad tekrar motifi, TM: Transmembran motifi, CM: Zengin sistein içeren C-terminal intravirion (cl41189), SP: Sinyal peptidi, CS: kırılma bölgesi, FP: Füzyon peptidi .

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Farklı FCoV reseptör bağlanma bölgeleri kullanılarak ClusPro v. 2.0 programı kullanılarak yapılan karşılaştırmalı* protein-protein etkileşim analizi sonuçları.

Protein	3D Modeli	Alan	Agarlık Resolüsyon	Alan	Agarlık Resolüsyon
hAPN-FCoV		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å
hAPN-229E		37	3.40 Å	37	3.40 Å

*HCoV-229E reseptör bağlanma bölgesi ile insan aminopeptidaz 1 (hAPN) etkileşimi pozitif kontrol olarak kullanılmıştır.

Anahtar Kelimeler: kedi enfeksiyöz peritoniti, Koronavirüsler, in silico modelleme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-010

Suçiçeği Hastalığına Karşı Toplum Bağışıklamasında Neredeyiz: Tek Doz Aşılama Yeterli Mi?

Makbule Hilal Yıldırım¹, Yeşim Tok¹, Bilal Olcay Peker², Tuba Müderris¹, Süreyya Gül Yurtsever¹, Ayşegül Aksoy Gökmen¹, Selçuk Kaya¹

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İzmir Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Suçiçeği hastalığına (VZV enfeksiyonu) karşı korunma sağlayan aşı, ulusal aşı takvimimize 2013 yılından itibaren eklenmiş olup, bir yaşını dolduranlara tek doz şeklinde uygulanmaktadır. Gelişmiş ülkelerde ise 4-6 yaş arası ek bir rapel olmak üzere iki doz şeklinde uygulanmaktadır. Varicella enfeksiyonları, gebelikte özellikle pnömoni şeklinde ağır seyredebilirken bebekte de konjenital varicella sendromuna sebep olabilmesi nedeniyle önem arz etmektedir. VZV enfeksiyonlarının, Türkiye’de 15 yaş altındaki IgG prevalansı yüksektir (%90 üzeri) ve bu sebeple doğurganlık çağında rutin VZV serolojik taraması önerilmemektedir. Ancak Herpesviridae familyası üyesi (HHV-3) bu nörotropik virüsler, karakteristik olarak duysal arka kök gangliyonlarında latent kalmakta ve ilk karşılaşma sonrasında yaşam boyunca reaktivasyonları görülebilmektedir. Bu durum gebelerde, yakın temasta bulunduğu çocuklardan bulaş sonucu VZV reaktivasyonuna bağlı konjenital VZV enfeksiyonuna neden olabilmektedir. VZV ilişkili morbidite riskini azaltmaya yönelik; gelişmiş ülkelerdeki uygulamaya benzer şekilde, Türkiye ulusal aşı takvimimize de ikinci bir dozun eklenmesi gerekliliği sorusu akla gelmektedir. Bu çalışma, farklı yaş ve gebelik/immünsupresyon/ileri yaş gibi farklı fizyolojik durumlardaki bireylerin VZV seroprevelanslarını irdeleyerek bu soruya yanıt aramayı amaçlamaktadır.

Gereç ve Yöntem: İKÇÜ Atatürk EAH Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı’na 2020-2024 yılları arasında, çeşitli kliniklerden gönderilmiş, 283’ü Çocuk Hastalıkları Polikliniği’nden olmak üzere toplam 7532 hastanın VZV IgG ve IgM tetkik sonuçları retrospektif olarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Laboratuvarı’mıza son beş yıl içinde farklı kliniklerden VZV serolojisi çalışılmak üzere gönderilen 7532 hasta serumunda; toplam VZV-IgG seroprevelans %93.01(7006/7532) iken,(<18yaş) çocuk hastalarda bu oran istatistiksel olarak anlamlı ölçüde düşük bulundu(%76.67,217/283,p<0.02). Aynı period içinde, üçü gebe olmak üzere değerlendirilen olgularda toplam VZV-IgM seroprevelansı %3.77(88/2329) iken,(<18yaş) çocuk hasta grubunda tek doz aşıya rağmen %10’a yakın pozitiflik(10/101,p<0.02) saptanması dikkat çekiciydi. VZV-IgM (tekrarlayan reaktivite) ve eşlik eden VZV-IgG pozitifliği ile bu olguların akut enfeksiyon oldukları doğrulandı. 88 akut VZV enfeksiyonu olgusunun %32.95’inde (26 otoimmünite, 1 MM, 2 HIV tanıli hasta) eşlik eden en az bir immünsüpresif durum mevcuttu. Çocuk yaş grubunda VZV-IgG seroprevelansının genel VZV-IgG pozitifliği ile karşılaştırıldığında anlamlı ölçüde düşük bulunması ve çocuk yaş grubunda VZV-IgM seroprevelansının da yine genel VZV-IgM pozitifliği ile karşılaştırıldığında 2.5 kattan fazla yüksek bulunması; primer/sekonder suçiçeği

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

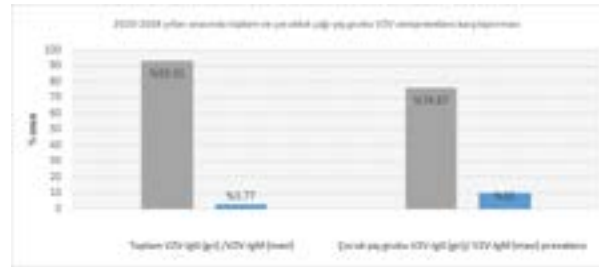
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

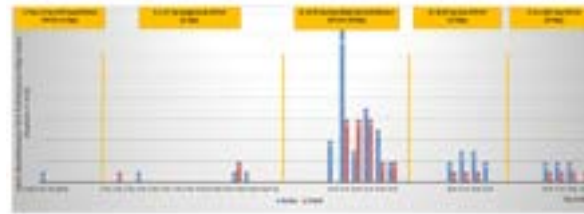


enfeksiyonlarına karşı immünizasyonda mevcut tek doz aşılamanın yetersiz kaldığını, toplum sağlığı açısından ek bir hatırlatma dozunun ulusal aşı takvimine eklenmesinin uygun olacağını düşündürmektedir.

Şekil.1: 2020-2024 Yılları Arasında Toplam ve Çocukluk Çağı Yaş Grubu VZV Seroprevalansı Karşılaştırması



Şekil.2: Yaş Aralıklarına Göre Kadın ve Erkek VZV Enfeksiyonu (IgM Pozitif) Olgularının Dağılımı



Anahtar Kelimeler: Varicella, Aşı, Seroprevalans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-011

Parvovirus B 19 Enfeksiyonlarında Güncel Prevalans: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Deneyimi 2019-2024

Ferhat Gürkan Aslan¹, Füsün Kırca¹, Alparslan Toyran¹, Sibel Aydoğan², Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²SBÜ Ankara Bilkent Şehir SUAM, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: İnsan Parvovirus B19 etkeni, asemptomatik enfeksiyondan aplastik anemi, hidrops fetalis ve nörolojik hastalık gibi potansiyel olarak yaşamı tehdit eden komplikasyonlara kadar değişen geniş bir klinik spektrum sergiler. Enfeksiyonun ciddiyeti yaş, immün yeterlilik ve gebelik durumuna bağlı olarak değişebilmektedir. Çalışmamızda, hastanemiz verileri eşliğinde, son dönemde artış olduğunu gözlemlediğimiz Parvovirus B19 pozitifliğine dikkat çekmeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Şubat 2019-Ağustos 2024 tarihleri arasında, Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Moleküler Mikrobiyoloji Laboratuvarına, Parvovirüs B19 DNA varlığının tespiti için gönderilen plazma örnekleri dahil edilmiştir. Klinik örneklerden nükleik asit ekstraksiyonu Qiasymphony (Qiagen, Almanya) cihazında yapılmış ve viral DNA varlığı, Artus Parvo B19 RG PCR (Qiagen, Almanya) kiti kullanılarak Rotor-Gene Q (Qiagene, Almanya) platformunda gerçek zamanlı PCR yöntemi ile kantitatif olarak araştırılmıştır. Aynı döneme ait Parvovirus B19 IgM ve IgG antikor testleri Liaison Biotrin Parvovirus B19 kiti (DiaSorin, İtalya) ile çalışılmış ve sonuçları retrospektif olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Araştırmaya dahil edilen dönem süresince laboratuvarımızda, toplam 2820 hasta örneği Parvovirus B19 DNA varlığı açısından araştırılmış, 221 (%7,8) hasta örneğinde etken saptanmıştır. Pozitif saptanan hastaların 131'i (%59,3) kadın, 90'ı (%40,7) erkektir ve yaş aralıkları 0-86 yıl olarak belirlenmiştir. Hastaların 153'ü (%69,2) pediatrik yaş grubunda (0-18 yaş), 68 (%30,7) hasta erişkin yaş grubundadır. Parvovirüs B19 DNA ve IgM pozitifliklerinin yıllara göre dağılımları incelendiğinde, 2024 yılında belirgin artış olduğu dikkati çekmektedir (Grafik 1 ve Grafik 2). Pozitif vakaların kış ve ilkbahar mevsimlerinde daha çok saptandığı görülürken, 2024 yılının ilk sekiz ayında, yaz mevsiminde de pozitif vaka oranlarındaki yüksekliğin devam ettiği belirlenmiştir. Bebek yaş grubundaki (0-12 ay) 17 hastadan, trombositopenisi (PLT: 47.000) olan yenidoğan bir bebekte Parvovirus B19 DNA'sı pozitif olarak belirlenmiş ve konjenital Parvovirus B19 enfeksiyonu tanısı almıştır. Gebelik takibi sırasında Parvovirus B19 DNA testi çalışılan 99 hastanın 12'sinde (%12,1) PCR testi ile virüs varlığı saptanırken, IgM testi çalışılan 142 gebede 10 (%7,04) hastada IgM pozitifliği belirlenmiştir. Hem PCR hem IgM pozitifliği saptanan gebe sayısı beş olarak tespit edilmiştir. Toplam 17 hastanın yedisinde non-immün hidrops fetalis saptanırken, altı gebelik intrauterin eksitus veya terminasyon ile sonlandırılmıştır. Parvovirus B19 enfeksiyonu dünya çapında yaygındır ve birkaç yılda bir bölgesel salgın pikleri oluşturmaktadır. Gebelik sırasında, Parvovirus B19 enfeksiyonu fetal kayba, anemiye ve non-immün hidrops fetalise yol açabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



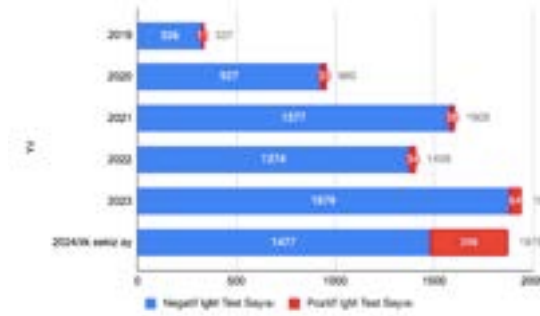
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik 1. Parvovirus B19 DNA sonuçlarının yıllara göre dağılımı



Grafik 2. Parvovirus B19 IgM sonuçlarının yıllara göre dağılımı



Anahtar Kelimeler: Parvovirus B19, Prevalans, Gebe

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-012

Yeni Açılan Bir Şehir Hastanesinde Human Papillomavirus Varlığı ve Genotiplerin Dağılımının İncelenmesi

Gülfem Ece Terek, Fulya Bayındır Bilman, Nisel Yılmaz, Selin Gamze Kılıç Sinci

İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir, Türkiye

Giriş ve Amaç: Human papillomavirüs (HPV) düşük riskli genotipleriyle genital siğil, laringeal papilloma gibi benign lezyonlara; yüksek riskli genotipleriyle baş ve boyun kanserleri, serviks ve diğer genital bölge kanserlerine neden olmaktadır. Küresel olarak jinekolojik kanserler arasında ikinci sırada yer alan ve kadınlarda kansere bağlı ölümlerin ana sebebi olarak kabul edilen serviks kanserinin etiyolojisinde de temel risk faktörüdür. Çalışmamızda, yeni açılan ve bulunduğu bölgedeki hasta yükünün çoğunluğunu taşıyan hastanemizin mikrobiyoloji laboratuvarına gelen servikal sürüntü örneklerinde çalışılan HPV DNA testi sonuçlarının retrospektif olarak değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ekim 2023 - Temmuz 2024 tarihleri arasında hastanemiz tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen 13.258 servikal sürüntü örneği Cobas® 6800 HPV (Roche, Almanya) sistemiyle çalışılmıştır. Gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu yöntemiyle çalışan sistemde HPV-16, HPV-18, diğer yüksek riskli-HPV tipleri (YR-HPV: 31,33,35,39,45,51,52,56,58,59,66,68) saptanmıştır. Sonuçlar retrospektif olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Örneklerin %15,8 (n=2085)'inde en az bir HPV tipi saptanmıştır. Pozitif örneklerin %81 (n=1688)'inde tek, %17,5 (n=364)'sinde iki, % 1,5 (n=33)'inde üç farklı genotip tespit edilmiştir. En sık saptanan genotipler sırasıyla YR-HPV (%73, n=1521), HPV-16 (%34, n=711), HPV-18 (%14, n=283)'dir. Pozitif sonuçların dağılımları Şekil-1'de gösterilmiştir. YR-HPV grubu, %55 (n=1141) ile en geniş dilimi oluştururken HPV-16 ve HPV-18 kombinasyonu %1 (n=17) ile en düşük orana sahip olmuştur. HPV-16, HPV-18 ve YR-HPV kombinasyonu ise %2 (n=33) oranında bulunmuştur. Bulgular, yüksek riskli HPV tiplerinin, tek başına veya diğer tiplerle birlikte pozitif sonuçlarda önemli bir paya sahip olduğunu göstermekle birlikte rutin panellerde bu tiplerin belirlenmesinin önemini ortaya koymaktadır. HPV DNA sonuçlarına göre hasta gruplarının yaş dağılımları Şekil 2'de verilmiştir. Negatif grupta yaş ortalaması daha yüksek iken (42 yaş) HPV-16, HPV-18 veya YR-HPV'ye sahip bireylerde yaş ortalamalarının daha düşük olduğu görülmüştür. HPV tiplerinin kombinasyonlarına sahip gruplarda yaş ortalamalarının genellikle daha da düştüğü dikkat çekmektedir. Bu durum özellikle HPV-16, HPV-18 ve YR-HPV birlikte saptandığı grupta (30 yaş) belirgindir. Bulgular, HPV tiplerinin bir arada bulunmasının daha genç yaş gruplarında görüldüğünü göstermektedir. Sonuç olarak HPV enfeksiyonlarının geniş bir yaş aralığında görülmesi, yüksek riskli tiplerin görüme sıklığının yüksek olması ve özellikle genç popülasyonda görülmesi konunun toplum sağlığı üzerindeki önemini göstermektedir. Bu nedenle, tarama ve aşılama programlarının bölgesel veriler ışığında güncellenip yaygınlaştırılması, hem enfeksiyon riskini azaltmada hem de HPV' ye bağlı kanserlerin önlenmesinde kritik öneme sahiptir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

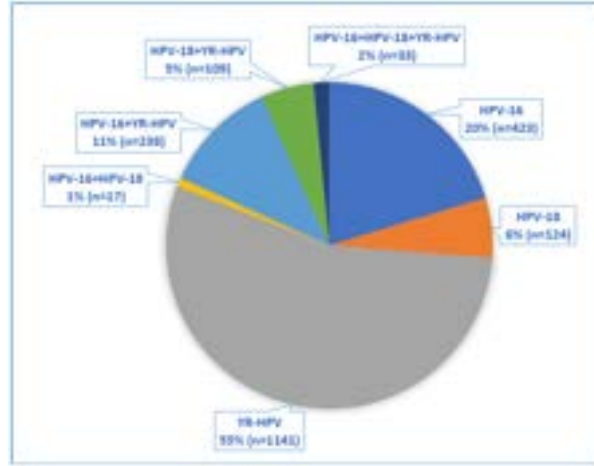
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

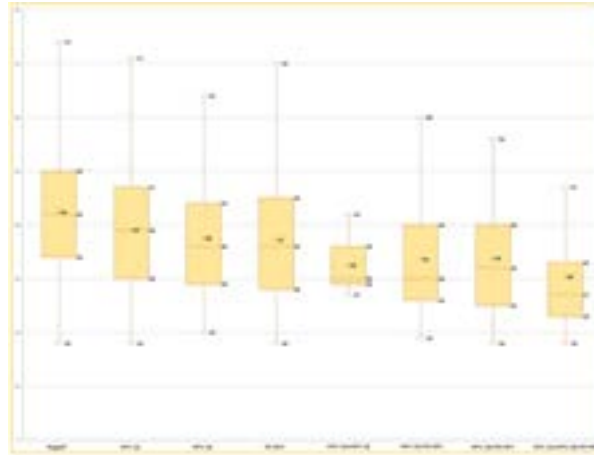
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Yüksek riskli HPV pozitif sonuçların dağılımı



Şekil 2. HPV DNA sonuçlarına göre hasta gruplarının yaş dağılımı



Anahtar Kelimeler: HPV, Genotip, PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-013

İnfluenza ve RSV test sonuçlarının BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) ve BD Max Respiratory Viral Panel (Solunum Paneli 3'lü) Kitleri ile Karşılaştırılması

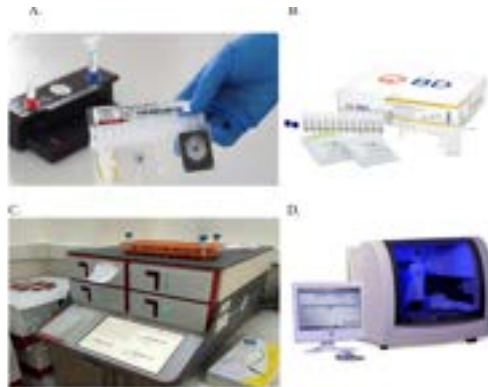
İdil Sevil, Harun Ağca

Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Respiratuvar Sinsityal Virüs (RSV) ve grip etkeni influenza virüsü ciddi solunum yolu infeksiyonlarına neden olmakta ve yüksek riskli popülasyonlarda ciddi morbidite ve mortaliteye sebep olmaktadır. Günümüzde multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu (PCR) ile tek bir test ile çok sayıda solunum yolu infeksiyonu etkeni virüs araştırılabilmektedir. Çalışmamızda Bursa Uludağ Üniversitesi Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında rutin olarak Solunum Yolu Panelinde (BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) çalışılmış ve -80 C° de saklanmış olan 200 örneği BD Max Respiratory Viral Panel testi ile çalışarak, her iki ticari kitin influenza A/B, RSV test sonuçlarını birbiri ile karşılaştırmayı hedefledik.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya dahil edilecek hastalar 01.09.2022 ile 15.10.2023 arasında BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi ile numuneleri çalışılan ve influenza ve/veya RSV tespit ettiğimiz 100 hasta ve yanı sıra diğer virüs ve bakterilerin pozitif çıktığı 50 hasta ve sonucu negatif çıkan 50 hasta örneğinden oluşturuldu. Bu örnekler BD Max Respiratory Viral Panel testi ile de çalışıldı ve sonuçlar karşılaştırıldı.

Multipleks PCR için kullanılan kit ve cihazlar



Şekil 1A: BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR kiti Şekil 1B: BD Max Respiratory Viral Panel kiti
Şekil 1C: Biofire cihazı Şekil 1D: BD Max cihazı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi altın standart olarak değerlendirildiğinde; BD Max Respiratory Viral Panel kiti RSV için; %96,3 duyarlı ve %100 özgüldü; influenza A için; %91,8 duyarlı ve %100 özgüldü, influenza B için; %66,7 duyarlı ve %100 özgüldü. İnfluenza için genel duyarlılık %87,7 ve özgüllük % 100 olarak bulundu. Genel olarak tüm testler değerlendirildiğinde duyarlılık % 90 ve özgüllük % 100, pozitif prediktif değer (PPV) % 100 ve negatif prediktif (NPV) değer % 90,9 olarak bulundu. BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) nin çalıştığı etken sayısı BD Max Respiratory Viral Panel (Solunum Paneli 3'lü daha fazladır) testine kıyasla daha fazladır. BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) ile varlığı gösterilen bazı örneklerin BD Max Respiratory Viral Panel (Solunum Paneli 3'lü) Testi ile saptanamadığı gösterilmiş olup, BD Max Respiratory Viral Panel (Solunum Paneli 3'lü) Testi ile saptanan ancak BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) ile saptanamayan hiçbir etken olmamıştır. Bu da, özellikle duyarlılık açısından BioFire Solunum Yolu Etkenleri Multiplex PCR Testi (22 etken) nin daha iyi olduğuna ve kullanım açısından daha avantajlı olduğuna işaret etmektedir.

Tablo 1: Biofire ve BD Max cihazlarında çalışılan influenza ve RSV pozitiflikleri

Biofire	RSV (+)	Influenza A (+)	Influenza B (+)	Diğer virus (+)	Negatif
BD Max					
RSV (+)	26	0	0	0	0
Influenza A (+)	0	56	0	0	0
Influenza B (+)	0	0	8	0	0
Diğer virus (+)	0	0	0	0	0
Negatif	1	5	4	50	59

Biofire ve BD Max cihazlarında çalışılan kitlelere göre sonuçların karşılaştırılması

Anahtar Kelimeler: RSV, influenza, PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-014

HPV16/18 Dışındaki Yüksek Riskli HPV'lerin Genotip Dağılımları ve Servikal Kansere Oluşumuna Etkilerinin Değerlendirilmesi

Esra İşçi Bostancı¹, Selin Yiğit², Elif Çalışkan², M. Anıl Onan¹, Gülendam Bozdayı²

¹Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi, Kadın Hastalıkları ve Doğum ABD, Ankara

²Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji ABD, Viroloji BD, Ankara

Giriş ve Amaç: İnsan papillomavirüsü (HPV), Papillomaviridae ailesinden, 50-55 nm çapında, zarfsız, ikozahedral simetrik bir DNA virüsüdür. Cinsel yolla bulaşan en yaygın enfeksiyon etkenlerinden olup serviks kanseri gelişmesinden %90'ın üzerinde sorumlu tutulmaktadır. Servikal kanserden en sık HPV16 ve HPV18 sorumlu olsa da son yıllarda yapılan çalışmalarda HPV31, HPV33, HPV35, HPV52 ve HPV58'in de rollerinin olduğu gösterilmiştir. Çalışmamızda hastanemize başvuran ve HPV16/18 dışında yüksek riskli HPV(HR-HPV) pozitif tespit edilen hastaların HPV genotiplerinin araştırılması ve bu tiplerin servikal kanser oluşumu ile ilişkisinin incelenmesi amaçlanmaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Ocak 2022-Aralık 2023 tarihleri arasında Gazi Üniversitesi Tıbbi Viroloji Laboratuvarına HPV tiplendirmesi için gönderilen 5446 servikal sürüntü örneğinden, HPV PCR testinde "diğer yüksek riskli tipler pozitif" saptanan ve servikal smear sitolojisi yapılan 20-70(ortalama 43,25) yaş aralığında 122 hasta dahil edilmiştir. Çalışmaya dahil edilen hastalar, servikal smear sitoloji sonuçlarına göre kronik servisit, CIN1, CIN2 ve CIN3 şeklinde gruplandırılmıştır. Örneklerden DNA ekstraksiyonu ve Real time PCR Cobas 4800 (Roche Diagnostics,İsviçre) cihazı ile çalışılmıştır. HR-HPV pozitif bulunan örnekler; NLM Genotypes 14 Real-TM Quant (NLM Diagnostic, İtalya) kiti kullanılarak, Rotor GeneQ (Qiagen, Almanya) cihazında çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda HR-HPV pozitifliği %2.2 bulunmuş olup; en sık HPV52(%19,6), ardından sırasıyla; HPV31(%18,8), HPV51(%18), HPV56(%18) ve HPV66(%15,5) görülmüştür (Şekil 1). Hastaların 70(%57,4)'i tek bir HR-HPV ile enfekte iken, 52(%42,6)'si multiple HPV tipleri; 32(%61,5)'si 2, 17(%32,6)'si 3, 3(%5,8)'ü 4 HPV tipi ile enfektelidir(Tablo 1). Hastaların servikal smear sitoloji sonuçları ise; %48,3(59/122) kronik servisit, %28,7 (35/122) CIN1, %3,3(4/122) CIN2 ve %19,7(24/122)'i CIN3 şeklindedir. Kronik servisit olan hastalarda en sık HPV39(%18,6) ve HPV66(%18,6), CIN1 olan hastalarda HPV56(%28,5), CIN2 olan hastalarda HPV31(%100), CIN3 olanlarda ise en sık HPV52(%37,5) tespit edilmiştir.Çalışmamızda en sık HPV52(%19,6) tespit edilmiş ve aynı zamanda CIN3 bulunan hastalarda da en sık HPV52(%37,5) görülmüştür. Farklı coğrafik bölgelerde HPV tiplerinin prevalansı farklılık göstermekle birlikte son yıllarda yapılan çalışmalar invaziv servikal kanserlerde HPV52'nin belirgin şekilde arttığını göstermektedir. Ayrıca çoklu enfeksiyonlarda HPV tiplerinin birbirleriyle olan etkileşimleri ve bunun kanseröz dönüşüm üzerine olan etkileri tam olarak bilinmemekle birlikte, birden fazla HPV genotipi varlığının tekrarlayan maruziyeti gösterdiği ve hastalığın ilerlemesi için bir risk faktörü olabileceği düşünülmektedir. HPV16/18 dışındaki yüksek riskli HPV tiplerinin tarama testlerinde kullanılmasının

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

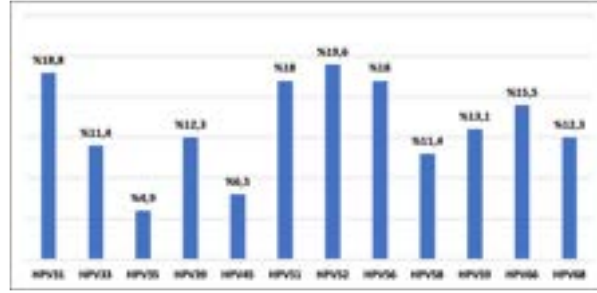
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



hastaların klinik takibine, epidemiyolojik çalışmalara ve aşılama programlarına katkı sağlayacağını düşünmekteyiz.

Şekil 1



HPV tiplerinin dağılımı

Tablo1. HPV tiplerinin tekli ve multi pozitiflik dağılımları

HPV tipleri	Tek pozitiflik	Multi pozitiflik	Toplam
HPV31	11 (%9)	12 (%9,8)	23 (%18,8)
HPV33	6 (%4,9)	8 (%6,5)	14 (%11,4)
HPV35	3 (%2,4)	3 (%2,4)	6 (%4,9)
HPV39	3 (%2,4)	12 (%9,8)	15 (%12,3)
HPV45	5 (%4)	3 (%2,4)	8 (%6,5)
HPV51	5 (%4)	17 (%13,9)	22 (%18)
HPV52	11 (%9)	13 (%10,6)	24 (%19,6)
HPV56	7 (%5,7)	15 (%12,3)	22 (%18)
HPV58	6 (%4,9)	8 (%6,5)	14 (%11,4)
HPV59	4 (%3,2)	12 (%9,8)	16 (%13,1)
HPV66	6 (%4,9)	13 (%10,6)	19 (%15,5)
HPV68	3 (%2,4)	12 (%9,8)	15 (%12,3)

Anahtar Kelimeler: HPV, servikal kanser

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-015

14-Years Of Rotavirus A Surveillance in Belgium: Unusual Dominance of Equine-Like G3P[8] Genotype with DS-1-Like Genotype Constellation After the Pandemic

Mustafa Karataş¹, Mandy Bloemen¹, Lize Cuyppers², Elke Wollants¹, Marc Van Ranst², Jelle Matthijnsens¹

¹KU Leuven, Dept. Microbiology, Immunology and Transplantation, Rega Institute, Laboratory of Clinical and Epidemiological Virology - Leuven (Belgium)

²University Hospitals of Leuven, Department of Laboratory Medicine, National Reference Centre for Rotavirus - Leuven (Belgium)

Giriş ve Amaç: Despite vaccine availability, rotavirus persists as a leading cause of gastroenteritis in children under five years old. In this study, we aimed to analyze Rotavirus A epidemiology in Belgium over the past 14 years and to reveal the changes after the pandemic.

Gereç ve Yöntem: We collected 8024 rotavirus-positive stool samples throughout Belgium between 2009 and 2023. Rotavirus positivity was examined by local hospitals using their optimized methods, such as qPCR or rapid antigen tests. For 6352 samples, we determined the G and/or P genotypes through sequencing of the genes encoding the outer capsid proteins VP7 and VP4.

Bulgular ve Sonuç: In the pre-pandemic period, we received an average of 622 samples per season, which decreased to 114 and 111 samples during the two pandemic seasons, followed by a peak surge of 1048 samples in the first post-pandemic season. Notably, the proportion of cases in the 2-5-year-old age group increased from 20.3% before the pandemic to 33% after the pandemic ($p < 0.001$, Figure 1). Over the 14-year study period, the most common genotypes were G2P[4], G3P[8], and G9P[8]. Postpandemic data show an unusually strong dominance of the “equine-like G3P[8]” genotype which carries DS-1-like genotype constellation in two consecutive seasons (2021-2023) (Figure 2). Additionally, a significant overrepresentation of vaccinated individuals was found within the equine-like VP7 carrying G3P[8]-infected patient samples compared to infections with other genotypes, including typical human VP7 G3P[8]. Therefore, despite the presence of typical seasonal genotype fluctuations, the pandemic seems to be associated with several epidemiological changes, including the unusually strong dominance of an emerging rotavirus strain, against which currently used vaccines may be less effective. It is important to continue close monitoring of this strain to investigate whether this is a temporary phenomenon or if these strains may pose an increased public health threat.

Figure 1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

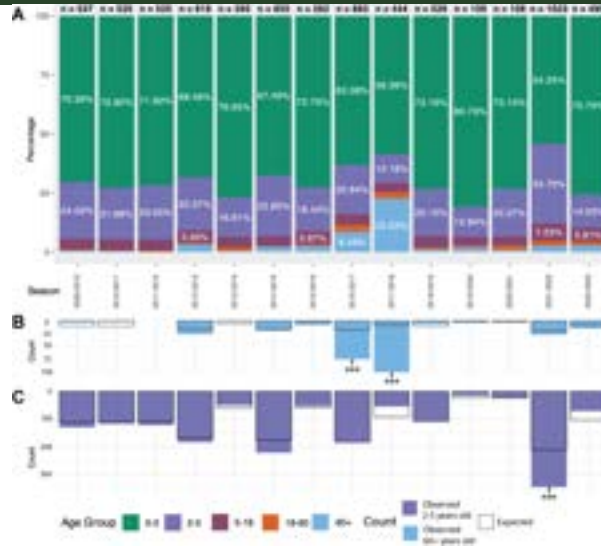


Figure 1. A. Age distribution of patients diagnosed with rotavirus over 14 consecutive seasons. B. Expected and observed sample counts of 60+ age group in different seasons. C. Expected and observed sample counts of 2-5 age group in different seasons. Tests: z-test for proportions, adjusted with Bonferroni correction (***, $p < 0.001$).

Figure 2

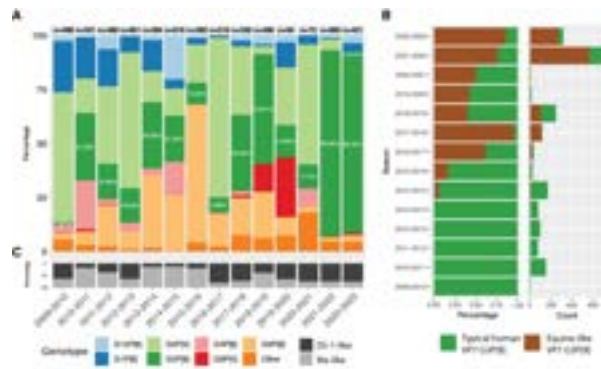


Figure2. A. Genotype distribution across seasons. B. Relative and absolute numbers of typical and equine-like G3 VP7 strains across seasons. C. Inferred proportion of DS-1-like and Wa-like strains per season. For “Other” genotypes no assumption of the genotype constellations were attempted, and therefore they were excluded from Figure 4C.

Anahtar Kelimeler: rotavirus epidemiology, rotavirus, equine-like G3P[8]

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-016

Bir Eğitim ve Araştırma Hastanesi Yoğun Bakım Ünitesi Hastalarının Kan Kültürlerinden İzole Edilen Karbapenem Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarında Beta Laktam Direnç Genlerinin ve Klonal İlişkinin Araştırılması

Canset Nur Aydoğan¹, Tuğba Fatsa², Gürhan Taşkın³, Tuğrul Hoşbul¹, Mehmet Tefvik Yavuz¹

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Sağlık Bilimleri Enstitüsü Moleküler Uygulama ve Araştırma Birimi

³Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi İç Hastalıkları Yoğun Bakım Kliniği

Giriş ve Amaç: *Acinetobacter baumannii*, özellikle yoğun bakım ünitelerinde hastane kökenli sepsis, pnömoni ve idrar yolu gibi enfeksiyonlarına neden olan, çok ilaca dirençli bir patojendir. Direnç mekanizmalarının anlaşılması, enfeksiyonların önlenmesi ve yönetimi için kritiktir. Bu çalışmada yoğun bakım hastalarının kan kültürlerinden izole edilen karbapenem dirençli *A. baumannii* izolatlarında karbapenemaz varlığını belirlemek, antimikrobiyal süveyansa katkıda bulunmak ve izolatlar arasındaki klonal ilişkiyi ortaya çıkarmak amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışma Sağlık Bilimleri Üniversitesi (SBÜ) Bilimsel Araştırma Projeleri Koordinatörlüğü tarafından desteklenmiştir (Tıpta Uzmanlık Projesi - Proje No: 2023-007). Çalışmaya, SBÜ Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda, Ocak 2020 – Ocak 2022 tarihleri arasında yoğun bakım servislerinde yatan hastaların kan kültürlerinden izole edilen 80 *A. baumannii* suşu dahil edildi. İzolatların antibiyotik duyarlılıkları VITEK®2 (Biomérieux, Fransa) sistemiyle belirlendi ve meropenem duyarlılıkları sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle çalışıldı. Çalışmada karbapenem direnç genlerinin (*bla*OXA-23, *bla*OXA-24, *bla*OXA-51, *bla*OXA-58, *bla*IMP, *bla*VIM, *bla*NDM) varlığı PCR ile araştırıldı. İzolatlar arasındaki klonal ilişki, M13 primeri kullanılarak Arbitrarily Primed PCR (AP-PCR) yöntemiyle araştırıldı. Bant görüntüleri GelJ v.2.0 programıyla analiz edildi. AP-PCR sonuçlarına göre baskın klonlardan bir izolat seçilerek, ticari firma aracılığıyla (Refgen Biyoteknoloji, Ankara) tüm genom dizilemesi yapıldı. İzolatın sekans tipi (ST) PubMLST veritabanı aracılığıyla belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma izolatlarının tamamının otomatize sistem ile karbapenemler, piperasilin-tazobaktam, siprofloksasin, levofloksasin, seftazidim için dirençli olduğu görüldü. Sıvı mikrodilüsyon sonuçlarına göre bütün izolatlar meropeneme dirençli bulunurken, meropenem için MİK50 ve MİK90 değerleri sırasıyla 128 ve >128 µg/ml olarak tespit edildi. PCR çalışmalarında izolatların tümü, intrasek olduğu bilinen OXA-51 geni için pozitif bulundu. İzolatların 25'inde (%31) OXA-23 geninin, 56'sında (%70) OXA-24 geninin pozitif olduğu tespit edildi. OXA-58, IMP, VIM, NDM direnç genleri izolatların hiçbirinde saptanmadı. AP-PCR çalışmasına ait bantların analizinde iki baskın klon olduğu görüldü. Kümeleşmenin fazla olduğu A klonundan bir izolatın MLST analizinde sekans tipi ST78 olarak tespit edildi. Bu çalışma, araştırdığımız kadarıyla Türkiye'de *A.baumannii* izolatlarında baskın olarak OXA-24 geninin tespit edildiği ilk çalışmadır. Çalışmalarda ST78'in özellikle İtalya'da ve Akdeniz ülkelerinde epidemik bir klon olarak

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

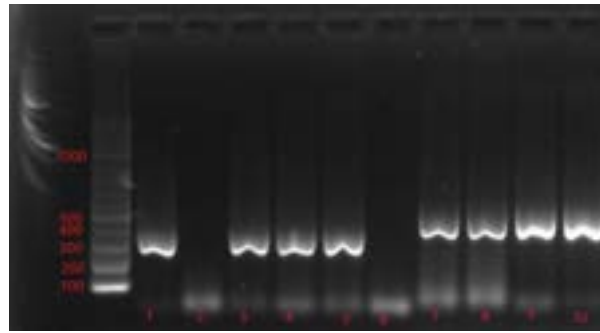
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



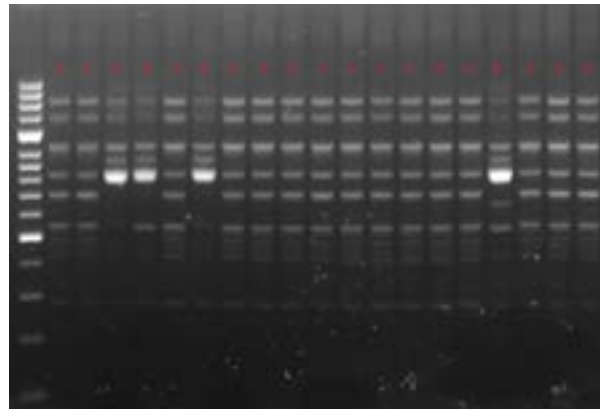
ortaya çıktığı görülmektedir. Ülkemizde bugüne kadar yapılan çalışmalarda ST78'e rastlanmamış olması, bu çalışmanın önemini daha da artırmaktadır. *A. baumannii*'nin çok ilaca dirençli izolatlarının tanımlanması, direnç genlerinin belirlenmesi ve epidemiyolojisinin incelenmesi, enfeksiyon kontrol önlemlerinin uygulanması ve tedavi stratejilerinin geliştirilmesinde kritik öneme sahiptir.

OXA-24 ve OXA-51 direnç genlerinin araştırılması



1,3,4,5 numaralı izolatlar; OXA-24 direnç geni pozitif. 7,8,9,10 numaralı izolatlar; OXA-51 direnç geni pozitif

AP-PCR çalışmasına ait elektroforez görüntüsü, A ve B klonları



Sıra 1: Büyüklük belirteci (100-2000 baz çifti); Sıra 2-20: Çalışma izolatları

AP-PCR çalışmasına ait dendogram görüntüsü

13-17 Kasım
2024

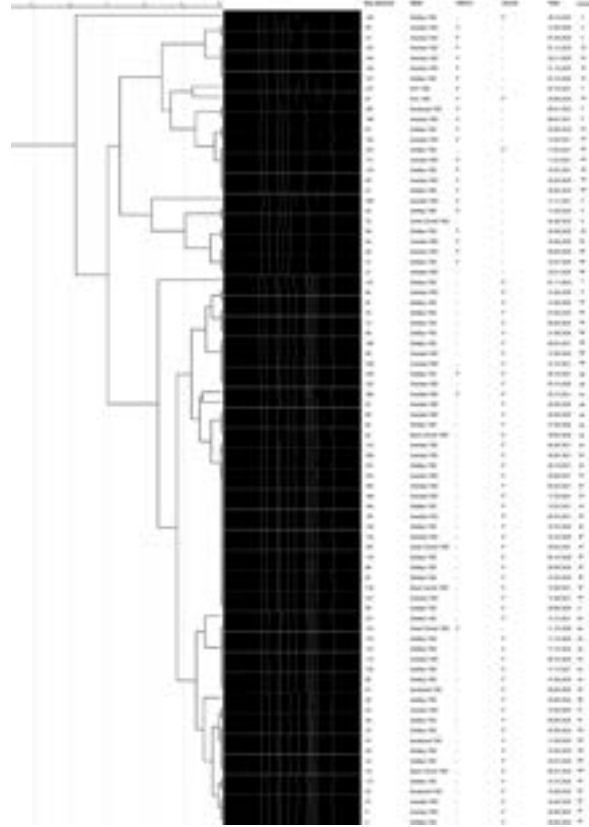
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: *Acinetobacter baumannii*, hastane enfeksiyonu, karbapenem direnci

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-017

Metisiline Dirençli Klinik *Staphylococcus aureus* İzolatlarında Antibiyotik Direncinin CRISPR/Cas9 Temelli Genom Düzenlemesi ile Baskılanması

Ayşegül Ateş¹, Cihan Taştan², Şafak Ermertcan¹

¹Ege Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, 35040, İzmir, Türkiye

²Üsküdar Üniversitesi, Mühendislik ve Doğa Bilimleri Fakültesi, Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü, 34662, İstanbul, Türkiye

Giriş ve Amaç: Antibiyotik direnci, küresel halk sağlığına ve sağlık sistemlerinin işleyişine yönelik en büyük tehditlerdendir. Özellikle çoklu ilaç direncine sahip bakterilerle mücadelede yenilikçi terapötik yaklaşımlara ihtiyaç duyulmaktadır. Direnç nedeniyle tedavide karşılaşılan zorluklar, tedavi seçeneklerinin kısıtlanıyor oluşu ve yenilikçi yaklaşım arayışı bu çalışmanın CRISPR/Cas9 antimikrobialeri çerçevesinde şekillenmesini sağlamıştır. Bu kapsamda Metisiline dirençli *Staphylococcus aureus*(MRSA)'da metisilin (*mecA*), gentamisin (*aacA*), siprofloksasin (*grlA*, *grlB*) direnç genlerinin CRISPR/Cas9 teknolojisiyle hedeflenmesi ve mikroorganizmanın antibiyotiklere duyarlı hale getirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Klinik MRSA izolatında *mecA*, *grlA*, *grlB*, *aacA* antibiyotik direnç gen bölgelerine özgü oligolar benchling.com'da tasarlanmış, lineer hale getirilen pCasSA (#98211, Addgene) plazmidine ligasyon yoluyla yerleştirilmiştir. Plazmid, kompetan MRSA kökenine elektroporasyon ile aktarılmıştır. Koloni PCR(Polimeraz zincir reaksiyonu) ile doğrulama sağlanmıştır. RT-PCR(Real-time PCR) ile *mecA*, *grlA*, *grlB*, *aacA* genlerinin ekspresyon oranlarındaki değişim Wild type (WT) kökenle karşılaştırılarak incelenmiştir. Direnç genlerinin baskılanmasının MRSA izolatının antibiyotik direnç tablosuna yansımaları disk difüzyon ve sıvı mikrodilüsyon ile değerlendirilmiştir. Knock-out(KO)-*mecA* kökeninde PBP2a ekspresyonundaki değişim Western Blot yöntemiyle incelenmiştir. KO kökeninde hedef bölgeleri kapsayan ~1200 bp'lik alanlar PCR ile çoğaltılarak sanger sekans dizi analizi ile incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Şekil 1'de gösterilen RT-PCR sonuçlarına göre KO izolat WT ile kıyaslandığında *mecA* gen ekspresyonunda 1.5 kat, *grlA* geninde 5.5 kat, *grlB* geninde 6 kat, *aacA* geninde 4 kat azalma belirlenmiştir. Antibiyotik duyarlılık test sonuçları değerlendirildiğinde MRSA izolatında metisilin, kinolon ve aminoglikozid direncinin kırılması sağlanmıştır. Klinik izolat ilgili antibiyotiklere dirençli kategorisinden duyarlı kategorisine geçmiştir. Western blot ile PBP2a'daki değişim incelendiğinde KO kökeninde PBP2a ekspresyonunda %70 oranında azalma saptanmıştır. Sanger sekans dizi analizinde *grlB* ve *aacA* genlerinde nokta mutasyonları, *grlA* ve *mecA* geninde 3 baz değişimi görülmüştür. Çalışma kapsamında MRSA kökeninde ilk kez metisilin dışında gentamisin ve siprofloksasin direnç genlerinin baskılabileceği gösterilmiştir. Ayrıca çalışma CRISPR/Cas9 teknolojisi sayesinde dirençli mikroorganizmalarda eş zamanlı birden fazla direnç geninin sekans spesifik olarak hedeflenerek antibiyotik direncinin kırılabileceğini göstermesi bakımından önemlidir. Gelecekte sekans spesifik, kişiye özgü CRISPR/Cas9 antimikrobialerinin enfeksiyon hastalıklarının tedavisinde kullanılabileceği düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

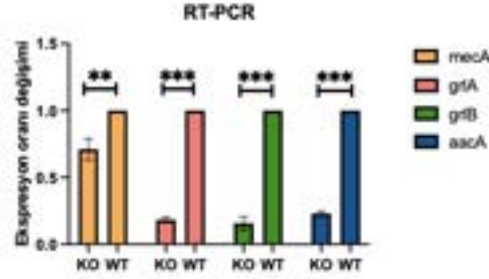
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. RT-PCR' da ilgili genlerin ekspresyon oranındaki değişimler



(KO:Knock-out, WT:Wild type, *: $p < 0.01$, ***: $p < 0.001$)

Anahtar Kelimeler: Antibiyotik direnci, Metisiline dirençli *Staphylococcus aureus*, CRISPR/Cas9 antimikrobiyalleri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-018

Bir Üniversite Hastanesi Yoğun Bakım Ünitelerinde Bakteriyemi Nedeni Olan Gram Negatif Bakterilerin Antibiyotik Direnç Profillerinin ve Antibiyotik Tüketiminin İncelenmesi (2018-2023)

Zeynep Sena Gönen Göl¹, Ömrüm Uzun², Gülşen Hazırolan¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

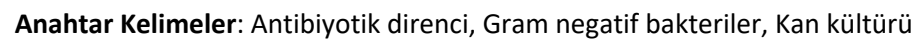
Giriş ve Amaç: Çalışmamızda yoğun bakım ünitelerinde(YBÜ) yatan hastaların kan kültürü örneklerinden izole edilen gram negatif bakterilerin antimikrobiyal direnç paternleri ve yoğun bakımlarda kullanılan antibiyotikler saptanarak; ampirik tedavi ve antibiyotik kullanım politikalarına katkıda bulunulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 2018-2023 yılları arasında Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi YBÜ'nde(Sekiz YBÜ,155 yatak) yatan hastaların kan kültürlerinde üreyen gram negatif bakterilerin antibiyotik direnç profilleri retrospektif olarak incelenmiştir. Çalışma döneminde antibiyotik tüketimi; yıllık periyotlarla, her bir antibiyotik için yoğun bakım ünitelerinde yatarak tedavi gören 1000 hasta günü başına tanımlanan tedavi gününe (DOT) göre standardize edilmiştir. Kan kültürlerinin inkübasyonu için BD BACTEC™ FX(BD,ABD) kan kültürü sistemi kullanılmıştır. Bakterilerin identifikasyonunda konvansiyonel yöntemler ve MALDI TOF MS (Bruker,Almanya) kullanılmıştır. İzolatların direnç paterni BD Phoenix M50 (Becton Dickinson,Sparks,MD,ABD) ve disk difüzyon testi ile belirlenmiş; meropenem karşı direnç saptanması halinde,doğrulama amacıyla gradiyent difüzyon yöntemi (BioMérieux,Fransa) kullanılmıştır. Kolistin duyarlılığı Sensititre™ mikrodilüsyon paneli ile saptanmıştır. Sonuçlar, EUCAST kriterlerine göre yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Beş yıllık süreçte; kan kültürlerinde saptanan en sık dört gram negatif bakteri sırası ile; *Klebsiella pneumoniae*(n=1038), *Acinetobacter baumannii* complex(n=562), *Pseudomonas aeruginosa*(n=412) ve *Escherichia coli*(n=371)'dir(Şekil 1). En düşük antibiyotik direnç oranları *E.coli* izolatlarında saptanmıştır. *K.pneumoniae* izolatlarında test edilen antibiyotiklerde, yüksek direnç oranları saptanmış; karbapenem direnci yıllar içinde artış göstererek 2023 yılında %74 oranına yükselmiştir. *P.aeruginosa* izolatlarında çoklu antibiyotik direnci söz konusudur ve karbapenem direnci yıllar içinde artmıştır. *A.baumannii* complex izolatlarında ise kolistin dışında test edilen antibiyotiklere %95'i aşkın direnç oranları tespit edilmiştir. İzolatların yıllara göre antibiyotiklere direnç oranları Şekil 2'de sergilenmiştir. Çalışmamızda YBÜ'nde en fazla kullanılan antibiyotiğin 232,46 DOT ile imipenem-meropenem olduğu görülmüştür(Şekil-3). Karbapenemlerin sık kullanımına paralel olarak da, YBÜ'nde karbapenem dirençli gram negatif bakteriler ile gelişen bakteriyemi olgularımız artmıştır. İkinci en sık kullanılan antibiyotik 113,12 DOT ile polimiksinler, üçüncü ise 106.01 DOT ile piperasilin tazobaktam olarak belirlenmiştir.

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-019

Investigation of *Brucella* Infected Body Fluids using Surface-enhanced Raman Spectroscopy and Machine Learning

Münevver Akdeniz¹, Zakarya Al-Shaebi¹, Fatma Mutlu Sarıgözel², Pınar Sağıroğlu², Mustafa Altay Atalay², Ömer Aydın¹

¹Department of Biomedical Engineering, Erciyes University, Kayseri, 38039, Turkey

²Department of Medical Microbiology, Faculty of Medicine, Erciyes Üniversitesi, 38039, Kayseri, Turkey

Introduction and purpose: *Brucella*, a gram-negative bacterium, is responsible for brucellosis, a zoonotic disease. The detection of *Brucella* is crucial for several reasons, primarily due to its impact on human and animal health, the potential for economic losses, and the importance of controlling its spread. Currently, culture from blood or other body fluids, serological tests, and PCR make up most of the techniques in use. However, these methods have several limitations, such as being expensive, time-consuming, requiring specialized personnel and biosafety. Surface-enhanced Raman Spectroscopy (SERS), enhances the Raman scattering signal of molecules that are attached to nanostructured metallic surfaces, has become a promising method for rapidly and precisely identifying bacteria and studying bodily fluids such as blood, and cerebrospinal fluid. SERS combined with machine learning enhances diagnostic accuracy by accurately differentiating between samples. In this study, we focused on the analysis of cerebrospinal fluid and blood serum infected with bacteria and brucella using SERS and machine learning techniques.

Materials and Methods: Bacteria-infected serum samples and cerebrospinal fluid with different titers (1-40, 1-80, 1-320 and 1-640) were collected from patients. SERS spectra from cerebrospinal fluid and blood serum infected with bacteria were obtained using silver nanoparticles (AgNPs) with 785 nm laser. The SERS spectra were classified using traditional machine learning algorithms such as random forest, support vector machine, and k-nearest neighbor.

Findings and Conclusion: The collected SERS spectra showed significant differences between the cerebrospinal fluid and blood serum samples infected with bacteria and *Brucella* compared to non-infected samples. The applied machine learning algorithms successfully analyzed the spectral data, distinguishing between infected and non-infected samples with high accuracy. In conclusion, this approach demonstrates the promise of combining SERS with machine learning for rapid and precise detection of bacterial infections in bodily fluids.

Keywords: Surface-Enhanced Raman Spectroscopy, *Brucella*, machine learning

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-020

Konjonktiva Örneklerinde Mikrobiyolojik Profil ve Antimikrobiyal Duyarlılık Sonuçları: Üç Yıllık Verilerimiz

Nurhilal Kundak¹, Tuba Müderris¹, Aslı Teker Günler², Süreyya Gül Yurtsever¹, Yeşim Tok¹, Bilal Olcay Peker², Selçuk Kaya¹

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İzmir Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Bakteriyel konjonktiva enfeksiyonlarında, geniş spektrumlu ampirik tedavi kullanımı yaygındır. Ampirik tedavide kullanılacak uygun antimikrobiyallerin belirlenmesinde güncel etken dağılımı ve antimikrobiyal direnç oranlarına ihtiyaç vardır. Bu çalışmada, konjonktiva sürüntü örneklerinde üretilen mikroorganizmalar ve antimikrobiyal duyarlılık oranları belirlenerek ampirik tedavide kullanılabilecek antimikrobiyal seçeneklerinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışma retrospektif olarak dizayn edilmiştir. 2021 – 2024 yılları arasında laboratuvarımıza gelen 168 konjonktiva sürüntü örneği çalışmaya dahil edilmiştir. Aynı hastaya ait aynı bakterinin tekrarlayan üremelerinden sadece bir üreme değerlendirmeye alınmıştır. Bakterilerin tanımlanması konvansiyonel yöntemler ve MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics) kullanılarak, antimikrobiyal duyarlılık testi ise Phoenix M50 (Bruker Daltonics) kullanılarak çalışılmıştır. Antimikrobiyal duyarlılık sonuçları EUCAST rehberine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Tüm örneklerin 48'inde (%28,5) üreme olduğu saptanmıştır. Üreme saptanan örneklerin 32'sine (%66) Gram boyama yapılmıştır. Gram boyama sonucunda hastaların üçünde gram negatif basil, altısında gram pozitif kok görülmüştür. Üreme saptanan tüm hastalarda üreyen mikroorganizma etken kabul edilmiş ve tedavi başlanmıştır. Üreme olan mikroorganizmaların %66'sını gram pozitif bakteriler, %25'ini gram negatif bakteriler ve %8,3'ünü mantarlar oluşmakta idi. En sık izole edilen mikroorganizma *Staphylococcus epidermidis* (25%) olup, bunu *Staphylococcus aureus* (%14,5) ve *Pseudomonas aeruginosa* (%12,5) izlemekte idi (Tablo 1). Konjonktiva enfeksiyonlarında topikal olarak kullanılabilen ajanlardan moksifloksasin, fusidik asit, gentamisin, amikasin ve eritromisin duyarlılık oranları sırasıyla *S. epidermidis* için %66, %41, %41, %83 ve %41; *Staphylococcus aureus* için %57, %100, %100, %100, %71 olarak bulunmuştur. *P. aeruginosa* için amikasin, siprofloksasin ve levofloksasin direnci saptanmamıştır (Tablo 2). Konjonktiva enfeksiyonu düşünülen hastalarda kültür alınıp/alınmaması tedavi başlanması kaçınılmazdır. Ampirik tedavide antimikrobiyal seçiminde, üremesi muhtemel mikroorganizma profili ve kümülatif antimikrobiyal duyarlılık sonuçlarının bilmesi önemlidir. Klinik uygulamada florokinolon grubu antimikrobiyaller geniş spektrumlu olmaları ve yüksek etki oranları nedeni ile ampirik tedavide en sık tercih edilen ajanlardır. Ancak son yıllarda göz enfeksiyonlarından izole edilen gram pozitif ve negatif bakterilerde bu antimikrobiyallere yüksek oranda direnç geliştiği bilinmektedir. Çalışmamızda da florokinolon grubu antimikrobiyallere karşı duyarlılık oranlarının düşük olduğu saptanmıştır. Maalesef



tedavide kullanılabilecek diğer topikal etkili ticari antimikrobiyallerin duyarlılık oranlarının da düşük olduğu belirlenmiştir. Piyasada damla formu bulunmayan tetrasiklin, trimetoprim/sulfametaksazol, klindamisin gibi antimikrobiyallerin duyarlılık oranlarının ise daha yüksek olduğu dikkat çekmektedir. Bunun yanı sıra *P. aeruginosa* enfeksiyonlarında amikasin ve kinolon grubu antimikrobiyallere direnç saptanmaması sevindiricidir.

Tablo 2. Antimikrobiyal duyarlılık oranları

	O X A	P A P	A M O X	A M C	S A M	T P Z	C X Z	C X M	C R O	C T X	F E P	C A Z	I P M	E T P	M E M	L E V	M O X	C I P	A K	C N	V A N	T E C	E	D A	T E	L i N	D A P	F A C	S X T	
Staphylococcus epidermidis (n=12)	%50															%66	%66	%66	%83	%41	%100	%100	%41	%75	%91	%100	%100	%41		%91
Staphylococcus aureus (n=7)	%57															%57	%57	%57	%100	%100	%100	%100	%71	%85	%85	%100	%100	%100		%85
Staphylococcus hominis (n=4)	%75															%75	%75	%75	%50	%100	%100	%100	%25	%75	%75	%100	%100	%75		%100
Streptococcus pneumoniae (n=2)	%50		%50					%50		%100	%100				%100	%100	%100			%100	%100	%100	%100	%100	%100	%100		%100		%66
Viridans streptococcus (n=3)	%66		%66					%33		%66	%100				%100						%100	%100		%100						

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	<i>Streptococcus spp.</i>	1				1	%2,08
	<i>Bacillus spp.</i>		1			1	%2,08
	<i>Toplam</i>	2	16	8	6	32	%66,6
Gram negatif bakteriler	<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1		3	2	6	%12,5
	<i>Klebsiella pneumoniae</i>		2	1		3	%6,25
	<i>Haemophilus influenzae</i>			1		1	%2,08
	<i>Achromobacter xylosoxidans</i>			1		1	%2,08
	<i>Moraxella nonliquefaciens</i>				1	1	%2,08
	<i>Toplam</i>	1	2	6	3	12	%25
Mantarlar	<i>Aspergillus species</i>	2				2	%4,16
	<i>Aspergillus fumigatus</i>	1				1	%2,08
	<i>Alternaria alternata</i>				1	1	%2,08
	<i>Toplam</i>	3			1	4	%8,3
						48	%100

Anahtar Kelimeler: Konjonktiva enfeksiyonu, Ampirik tedavi, Antimikrobiyal duyarlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-021

Metisilin Dirençli *Staphylococcus aureus* İzolatlarında Biyofilm Oluşumunun Genotipik ve Fenotipik Yöntemlerle Araştırılması, Glikopeptidlerin Biyofilm İnhibisyonu Üzerine Etkisi

Zeliha Seyfi Şanda¹, Demet Gür Vural²

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa, Türkiye

²Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Staphylococcus aureus*, klinik örneklerden sıklıkla izole edilen fırsatçı bir patojendir. Patojenitesinden sorumlu faktörlerden biri ise biyofilm üretimidir. Biyofilmler, antimikrobiyal tedavilere karşı direnç sağlayarak enfeksiyonların sürekliliğinde rol oynar. Bu çalışmada, metisilin dirençli *S. aureus* (MRSA) izolatlarının biyofilm üretimi, glikopeptit antibiyotiklerin minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) ve biyofilm inhibitör konsantrasyon (BİK) değerlerinin karşılaştırılması, biyofilm ilişkili *icaA*, *icaD* ve *bap* genlerinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 2020-2022 yılları arasında laboratuvarımıza gönderilen 40 kan (kan dolaşımı enfeksiyonu etkeni), 40 kateterden kan (kateter ilişkili kan dolaşımı enfeksiyonu etkeni), 50 eksüda örneğinden izole edilen 130 MRSA dahil edilmiştir. Tür düzeyinde tanımlama Vitek MS (BioMérieux, Fransa), metisilin direncinin belirlenmesi Vitek2 Compact (BioMérieux, Fransa) ve sefoksitin disk difüzyon yöntemiyle yapılmıştır. Biyofilm üretimi mikrotitrasyon plak yöntemiyle araştırılmış, biyofilm oluşturma yetenekleri 492 nm dalga boyundaki ELISA okuyucusunda ölçülerek, optik dansite sonuçları Chusri ve ekibinin biyofilm oluşum aktivitelerini değerlendirme ölçeği ile değerlendirilmiş, pozitif kontrol suşu olarak *S. aureus* ATCC 25923, negatif kontrol suşu olarak *S. aureus* ATCC 29213 kullanılmıştır. Glikopeptitlerin MİK değerleri (MİK aralığı:16-0,03125 µg/ml) sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle araştırılmıştır. Çalışma her izolat için iki kez tekrar edilmiştir. BİK değerleriye güçlü biyofilm üreten izolatlarda, mikrotitrasyon plağının kuyucuklarına steril cam boncuklar eklenerek araştırılmıştır. Boncuklar üzerinde biyofilm oluşumu sağlanmış, sonrasında boncuklar, glikopeptidlerin ayrı ayrı 4096 µg/ml konsantrasyonundan başlatılarak seri dilüsyonlu sıvı mikrodilüsyon plaklarına entegre edilip üremenin görülmediği en düşük konsantrasyon BİK olarak değerlendirilmiştir. Biyofilm ve BİK çalışmaları her izolat için üç kez tekrar edilmiştir. İzolatların DNA izolasyonu kaynatma yöntemiyle yapılmış, özgün primerler kullanılarak polimeraz zincir reaksiyonu (PZR) *icaA*, *icaD*, *bap* genlerinin varlığı araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların 81'inin (%62,31) biyofilm oluşturduğu, 30'unun (%23,08) güçlü biyofilm oluşturduğu görülmüştür. Tüm izolatlar MİK sonuçlarına göre vankomisin ve teikoplanine duyarlı olarak belirlenmiştir. Güçlü biyofilm üreten 30 izolatın, vankomisin ve teikoplanin BİK90 değerleri MİK90 değerlerinin 512 katı olarak gözlenmiştir. PZR sonrası yapılan elektroforez sonucunda biyofilm üreten 81 izolatın 78'inde (%96,3), güçlü biyofilm üreten 30 izolatın tamamında *icaA* ve *icaD* genleri tespit edilmiştir. *S. aureus* izolatlarında biyofilm üretiminin bu genler ile ilişkisi anlamlı bulunmuştur ($p<0,05$).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



bap geni ise izolatlarda pozitif olarak tespit edilememiştir. Biyofilmin antimikrobiyal ajanlara direnç sağlaması, biyofilm oluşturan MRSA'ların tedavisinde başarının azalmasına sebep olmaktadır. Bu sebeple MRSA'ların biyofilm geliştirme potansiyelleri taranmalı, tedavilerinde yeni stratejiler geliştirilmelidir.

Tablo I. Klinik örnek türüne göre biyofilm oluşturma profilleri

Örnek Türü	Toplam Örnek Sayısı n (%)	Biyofilm Oluşturan Örnek Sayısı n (%)	Güçlü Derecede Biyofilm Oluşturan Örnek Sayısı n (%)
Kan	40 (30,77)	25 (30,86)	9 (30)
Katıttan Kan	40 (30,77)	15 (18,52)	10 (33,33)
Eküide	50 (38,46)	41 (50,62)	11 (36,67)
Toplam	130 (100)	81 (100)	30 (100)

Tablo II. *S. aureus* izolatlarının MİK₅₀, MİK₉₀, BİK₅₀, BİK₉₀ ve MİK, BİK değer aralıkları

Glikopeptidler	MİK ₅₀ (µg/ml)	MİK ₉₀ (µg/ml)	BİK ₅₀ (µg/ml)	BİK ₉₀ (µg/ml)	MİK değer aralıkları (µg/ml)	BİK değer aralıkları (µg/ml)
Tüm izolatlar	Vankomisin	1	1	+	0,5-2	-
	Teikoplanin	1	2	-	0,25-2	-
Güçlü biyofilm oluşturan izolatlar	Vankomisin	1	1	256	0,5-1	64-4096
	Teikoplanin	1	2	256	0,5-2	32-4096

Anahtar Kelimeler: MRSA, Antimikrobiyal direnç, Biyofilm

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-022

Gram Negatif Bakterilerin Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Otomatize Sistem, Modifiye Sıvı Disk Elüsyon ve Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemlerinin Karşılaştırılması

Zeliha Seyfi Şanda¹, Safa Şanda², Kübra Hacıeminoğlu Ülker³

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa, Türkiye

²Bursa Uludağ Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa, Türkiye

³Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun, Türkiye

Giriş ve Amaç: Kolistin, çok ilaca dirençli gram negatif bakteri enfeksiyonlarında kullanılan bir antibiyotiktir. Kolistin duyarlılığının belirlenmesinde altın standart yöntem olarak sıvı mikrodilüsyon (SMD) yöntemi kullanılmaktadır. Ancak zahmetli ve zaman alıcı olması sebebiyle, alternatif yöntemler geliştirilmeye çalışılmaktadır. Bu çalışmada, kolistin duyarlılığının belirlenmesinde otomatize sistemin ve modifiye kolistin sıvı disk elüsyon (KSDE) yönteminin SMD yöntemiyle karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Nisan-Temmuz 2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza gönderilen klinik örneklerden elde edilen 91 adet gram negatif bakteri suşu dahil edilmiştir. İzolatların kolistin duyarlılığı PhoenixTM M50, SMD yöntemi ve modifiye KSDE yöntemi ile test edilmiştir. SMD yöntemi kolistin sülfat ile 0,125-64 µg/ml konsantrasyonları arasında çalışılmıştır. Modifiye KSDE yönteminde ise; Simner'in KSDE yöntemi modifiye edilerek 5 ml katyon ayarlı Mueller Hinton Broth bulunan, Enterobacterales ve Acinetobacter baumannii için bir, Pseudomonas aeruginosa için iki kolistin diski (10 µg) içeren tüplere, 0,5 McFarland standardı bulanıklığında 25 µl bakteri süspansiyonu eklenmiş, 35 C'de 16-20 saat inkübasyona bırakılmıştır. İnkübasyon sonrası bulanık tüpler dirençli, berrak tüpler duyarlı olarak yorumlanmıştır. Negatif kontrol olarak *Escherichia coli* ATCC 25922, pozitif kontrol olarak *E. coli* NTCC 13846 kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 91 izolat dahil edilmiştir. Dağılımları; *E. coli* (%2,2), *Enterobacter cloacae* (%3,3), *Klebsiella ozaenae* (%2,2), *Klebsiella pneumoniae* (%49,4), *A. baumannii* (%27,5), ve *P. aeruginosa* (%15,4). Bunların SMD ile 23'ü (%25,3) kolistin dirençli olarak tespit edilmiştir. İzolatlarda modifiye KSDE yöntemi ile kategorik uyum (KU) %96,7, çok büyük hata (ÇBH) oranı %2,2, büyük hata (BH) oranı %1,1, otomatize sistem ile KU %93,4, ÇBH oranı %3,29, BH oranı %3,29 olarak bulunmuştur. Modifiye KSDE yönteminde ÇBH veren iki, BH veren bir *K. pneumoniae*; otomatize sistemde ÇBH veren bir *A. baumannii*, iki *K. pneumoniae*; BH veren üç *K. pneumoniae* izolatı tespit edilmiştir. Kolistin duyarlılığını belirlenmesinde basit ve güvenilir yöntemlere ihtiyaç duyulmaktadır. Otomatize sistemin ISO standartlarına uygun KU'yu olmasına rağmen, ÇBH ve BH oranlarının yüksek olması dikkat çekmektedir. Modifiye KSDE yönteminde ise bu oranın azaldığı ve ISO standartlarına göre kabul edilebilir sınırlar içerisinde olduğu görülmektedir. *P. aeruginosa* izolatlarında yöntemler arasında uyumsuzluk saptanmamıştır. *A. baumannii* izolatlarında ise otomatize sistemde ÇBH veren bir izolat dışında tamamının uyumlu olduğu görülmüştür. Sonuçlarımız

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Simner ve ark.'nın çalışmasıyla benzerdir. Yine de, KSDE yönteminin daha fazla izolat ile çalışılarak yöntemin standardizasyonuna ihtiyaç vardır.

Tablo 1. Kolistin duyarlılığında sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle otomatize sistem ve modifiye sıvı disk elüsyon yönteminin karşılaştırılması

Yöntem	İsotipler	Duyarlı n (%)	Stenajlı n (%)	KU n (%)	ÇBH n (%)	BH n (%)
Phoenix™ MS2	Tüm İzolatlar	68 (74,7)	23 (25,3)	85 (93,4)	3 (3,29)	3 (3,29)
	Enterobacteriales	30 (57,7)	22 (42,3)	47 (90,4)	2 (3,85)	3 (5,77)
	A. baumannii	24 (96)	3 (4)	24 (96)	1 (4)	0
	P. aeruginosa	14 (100)	0	14 (100)	0	0
Modifiye Sıvı Disk Elüsyon	Tüm İzolatlar	68 (75,82)	22 (24,1)	88 (96,7)	2 (2,2)	1 (1,3)
	Enterobacteriales	32 (81,5)	20 (50,5)	49 (94,2)	3 (5,85)	1 (1,92)
	A. baumannii	23 (92)	2 (8)	23 (96)	0	0
	P. aeruginosa	14 (100)	0	14 (100)	0	0
Sıvı Mikrodilüsyon	Tüm İzolatlar	68 (74,7)	23 (25,3)			
	Enterobacteriales	31 (59,6)	21 (40,4)			
	A. baumannii	23 (92)	2 (8)			
	P. aeruginosa	14 (100)	0			

KU: Kategorik uyum, ÇBH: Çok büyük hata, BH: Büyük hata

Anahtar Kelimeler: Kolistin, BD Phoenix otomatize sistemi, Modifiye sıvı disk elüsyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-023

Boğaz Sürüntü Örneklerinde A Grubu Beta-Hemolitik Streptokokların Tespitinde Biogold Strep A Hızlı Antijen Testinin Etkinliğinin Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

Mehmet Emin Bulut, Uğur Tekbaş, Saliha Rabia Şahin, Hanife Tutan, Süleyman Pelit, Elif Aktaş

SBÜ Şişli Hamidiye Etfal Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: A grubu beta hemolitik streptokokların(GAS) çocuklarda farenjit vakalarının %20 ila 40'ından, yetişkinlerde ise %5 ila 15'inden sorumlu olduğu düşünülmektedir. GAS varlığında hastaya uygun tedavi zamanında verilmezse akut romatizmal ateş, poststreptokokal glomerülonefrit gibi mortalite riski yüksek komplikasyonlar görülebilmektedir. GAS varlığının hızlı tespit edilmesi, zamanında tedaviye başlama olanağı sağlar ve komplikasyonların önlenmesi açısından büyük değer taşır. Aynı zamanda GAS'ın dışlanması gereksiz antibiyotik kullanımını da engelleyecektir. Yapılan bu çalışma ile Biogold Strep A Card test etkinliğinin altın standart yöntem olan kültür sonuçlarıyla karşılaştırılarak değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza, 2022 Ocak ile 2023 Mayıs tarihleri arasında laboratuvarımıza gönderilen boğaz sürüntüsü örneklerinden 6188'i dahil edilmiştir. Örneklerle Biogold Strep A Card (Bioriver, Türkiye) testiyle eş zamanlı kültür yapılmıştır. Hızlı antijen testinin(HAT) duyarlılık, özgüllük ve doğruluğu değerlendirilmiştir. İdentifikasyon için basitrasın duyarlılığı, lateks aglütinasyon testleri, PYR ve matriks-aracılı lazer dezorpsiyon/iyonizasyon uçuş-zamanlı kütle spektrometresi(MALDI-TOF MS) kullanılmıştır. Moleküler yöntemle tanımlanmış bir klinik *Streptococcus pyogenes* izolatu kalite kontrolü amacıyla kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 6188 hastanın 2717'si(%43.9) kadın, 3471'i(%56.1) erkekti. Hastaların yaşları 1-87 arasında olup yaş ortalaması 11.8 ± 9.6 'dır. Kültür sonucu pozitif olan hastaların yaş gruplarına göre dağılımında; 29 hasta 5 yaş altında, 998 hasta 5-15 yaş arasında, 35 hasta ise 15 yaş üstü grupta yer almıştır. Biogold Strep A Card testinin kültüre göre duyarlılığı %75.6, özgüllüğü %93.1, pozitif prediktif değeri (PPD) %69.4, negatif prediktif değeri (NPD) %94.8, testin doğruluğu ise %90.1 olarak saptanmıştır. Kültür ve hızlı antijen testinin karşılaştırmalı sonuçları Tablo 1'de gösterilmiştir. Testin negatif prediktif değerinin oldukça yüksek olduğu gözlenmiştir. HAT pozitif kültür negatif test sonuçları A grubu ile ortak karbonhidrat antijenini ekspres eden kommensal streptokok türlerinin farinkste bulunmasından ya da standart kanlı agar plak kültüründe tanımlanması zor olan non-hemolitik A grubu streptokoklardan kaynaklanabilir. Sonuç olarak kliniklerde, HAT pozitif sonuçlanan hastalara antibiyotik tedavisinin erken başlanabilmesi ile komplikasyon gelişme olasılığı azalacaktır. Hastaların büyük çoğunluğunun komplikasyonların daha sık ve şiddetli olduğu 5-15 yaş grubunda bulunması, HAT kullanımını daha anlamlı kılmaktadır. Negatif sonuç alınan hastalarda ise gereksiz antibiyotik kullanımı engellenerek direnç gelişiminin de önüne geçilecektir. Ek olarak, HAT negatif sonuçlarda kültür yapılması, yanlış tanıya ve eksik tedaviye engel olacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1.Kültür ve Hızlı Antijen Testinin Karşılaştırmalı Sonuçları

		Kültür		Toplam
		Pozitif	Negatif	
Hızlı Antijen Testi	Pozitif	802	353	1155
	Negatif	260	4773	5033
Toplam		1062	5126	6188

Anahtar Kelimeler: Grup A Streptokok, Hızlı Antijen Testi, Tonsillofarenjit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-024

***Escherichia coli*, *Klebsiella pneumoniae*, *Pseudomonas aeruginosa* ve *Acinetobacter baumannii*
İzolatlarında Kolistin ve Polimiksin B Duyarlılığının Araştırılması**

Selda Doğan, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi

Giriş ve Amaç: Son zamanlarda çoklu ilaca dirençli gram-negatif basillerin artan insidansı, polimiksinler gibi gözardı edilmiş antibiyotiklerin yeniden kullanıma girmesine yol açmıştır. Bu çalışmada, genişlemiş spektrumlu betalaktamaz (GSBL) salgılayan *E. coli* ve karbapenem dirençli *K. pneumoniae*, *P. aeruginosa* ve *A. baumannii* izolatlarında Kolistin ve Polimiksin B'nin sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile in vitro duyarlılığının saptanması amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Nisan 2022-Haziran 2024 tarihleri arasında etken olarak izole edilen her mikroorganizmadan 100 suş olmak üzere toplam 400 klinik izolatta sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle kolistin ve polimiksin B duyarlılığı çalışılmıştır. Kolistin ve polimiksin B konsantrasyonu 0.25-128 µg/ml olacak şekilde ayarlandı. Kolistin sonuçlarının değerlendirilmesi EUCAST v.14.0'a göre, polimiksin B sonuçlarının değerlendirilmesi ise CLSI M100'e göre yapılmıştır. *E. coli* izolatlarında GSBL saptanması çift disk sinerji yöntemi ile *K. pneumoniae*, *P. aeruginosa* ve *A. baumannii* izolatlarında karbapenem direnci disk difüzyon yöntemi ve otomatize sistemle (Vitek 2, bioMerieux, Fransa) saptandı. Kalite kontrol amacıyla *E. coli* ATCC 25922 suşu kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda *E. coli*, *K. pneumoniae*, *P. aeruginosa* ve *A. baumannii* izolatlarının en sık saptandığı örnekler sırasıyla idrar, kan, idrar ve kan kültürlerinden izole edilmiştir. Suşların izole edildiği örnekler Tablo.1'de gösterilmiştir. Çalışmamızda kolistin ve polimiksin B duyarlılığı sırasıyla, *E. coli* izolatlarında %77 ve %83, *K. pneumoniae* izolatlarında %74 ve %75, *P. aeruginosa* izolatlarında %87 ve %86, *A. baumannii* izolatlarında %56 ve %69 olarak bulunmuştur. İzolatların kolistin ve polimiksin B duyarlılık sonuçları Tablo 2'de gösterilmiştir. Sonuç olarak çalışmamızda kolistin duyarlılığının en düşük olduğu izolatın *A. baumannii* olduğu görülmüştür. Bu yüzden çoklu ilaca dirençli bakterilerin neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde kolistin kullanımının artması nedeniyle, bu antibiyotiğe karşı direncin izlenmesi gerektiği sonucuna varılmıştır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1: Suşların izole edildiği örnekler

	<i>E. coli</i> (n)	<i>K. pneumoniae</i> (n)	<i>P. aeruginosa</i> (n)	<i>A. baumannii</i> (n)
Kan	12	41	10	79
Kateter	-	1	2	1
İdrar	75	23	27	1
Balgam	1	2	10	3
Derin trakeal aspirat	5	26	31	16
Bronkoalveolar lavaj	-	5	2	-
Yara	2	2	9	1
Abse	4	-	1	-
Steril vücut sıvıları	1	-	-	-
Kulak	-	-	8	-

Tablo 2: Tüm izolatların Kolistin ve Polimiksin B duyarlılığı

Mikroorganizma	Kolistin Duyarlılığı (%)	Polimiksin B Duyarlılığı (%)
<i>E. coli</i>	77	83
<i>K. pneumoniae</i>	74	75
<i>P. aeruginosa</i>	87	86
<i>A. baumannii</i>	56	69

Anahtar Kelimeler: Kolistin, Polimiksin B, Sıvı mikrodilüsyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-025

***Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Metallobetalaktamazların Tespiti için Edta'lı-Karbanp-Direkt Testin Araştırılması**

Leyla Genç, Şevval Arduç, Hanife Tutan, Mehmet Emin Bulut, Elif Aktaş Sepetci

Sbü Hamidiye Etfal Eğitim Ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Karbapeneme dirençli *Klebsiella pneumoniae*(CRKP) Dünya Sağlık Örgütü'nün öncelikli patojenler listesinde. Yeni ilaçların etkilerinin karbapenemaz türlerine göre değişmesi karbapenemaz türünün belirlenmesini önemli hale getirmiştir. Seftazidim-avibaktam direnciyle ilişkili olan metallobetalaktamaz(MBL) varlığının hızlı tespiti, antimikrobiyal duyarlılık testlerinin(ADT) yönlendirilmesinde oldukça önemlidir. Pasteran ve ark'ın tanımladığı karbaNP-direkt test mikrobiyoloji laboratuvarlarında karbapenemaz tespiti için yaygın olarak kullanılan "in-house" bir testtir. Çalışmamızın amacı, karbaNP-direkt testi EDTA ile modifiye ederek, EDTA'lı-karbaNP-direkt testin CRKP izolatlarında MBL tespitindeki kullanımını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Ocak 2022-Aralık 2023 arasında Şişli Hamidiye Etfal EAH mikrobiyoloji laboratuvarında izole edilen 172 CRKP izolatı dahil edilmiştir. İzolatlar, MALDI-TOF MS(VITEK-MS, BioMerieux, Fransa) ile tanımlanmıştır. ADT, VITEK COMPACT-2(BioMerieux, Fransa) sistemiyle EUCAST kriterlerine göre çalışılmıştır. Karbapenemaz genleri Biospeedy-Karbapenem-Direnci-qPCR(Bioeksen, Türkiye) kitiyle test edilmiştir. KarbaNP-direkt test, imipenem ve EDTA içeren üçüncü bir tüp eklenerek modifiye edilmiştir. İzolatlar karbaNP-direkt test ve EDTA'lı-karbaNP-direkt teste tabi tutulmuştur. EDTA'lı-karbaNP-direkt test; EDTA'sız tüp sarı ve EDTA'lı tüp kırmızı olduğunda pozitif, her iki tüp de sarı olduğunda negatif olarak değerlendirilmiştir(Şekil). OXA-48, KPC, NDM, VIM, IMP ve GES geni pozitif izolatlar kontrol olarak kullanılmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

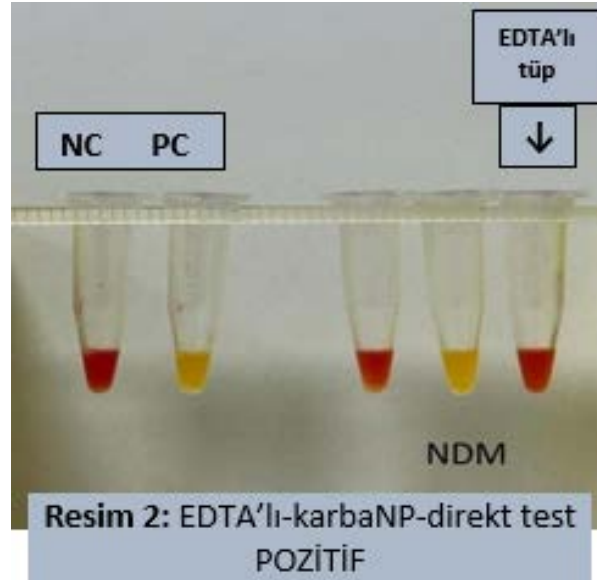
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

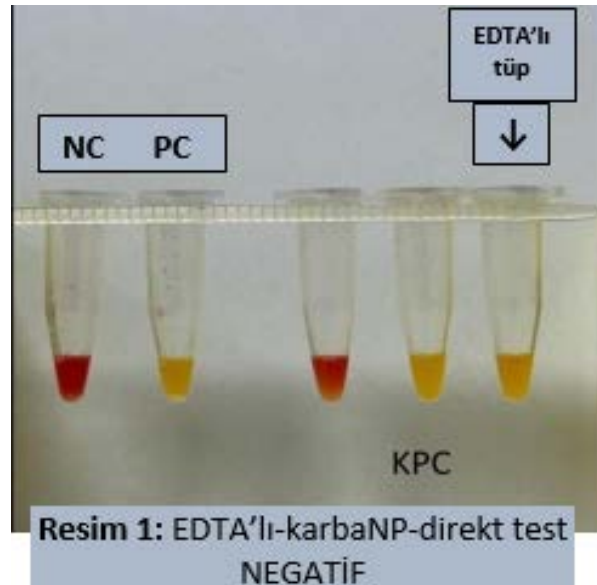
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EDTA'lı-karbaNP-direkt test POZİTİF



EDTA'lı-karbaNP-direkt test NEGATİF





Bulgular ve Sonuç: PCR, karbaNP-direkt, EDTA'lı-karbaNP-direkt test sonuçları Tablo'da gösterilmiştir. Kontrol izolatlarının hepsinde karbaNP-direkt test pozitifken, NDM, VIM, IMP kontrol izolatlarında EDTA'lı-karbaNP-direkt test pozitif bulunmuştur. KarbaNP-direkt testle 135(%78) izolatta karbapenemaz saptanırken, EDTA'lı-karbaNP-direkt testle 11 izolatta pozitiflik saptanmıştır(Resim). EDTA'lı-karbaNP-direkt testle pozitif bulunan 11 izolatın hepsinde yalnız NDM geni olduğu görülmüştür. OXA-48+NDM geni tespit edilen izolatlarda EDTA'lı-karbaNP-direkt testin negatif olduğu gözlenmiştir. Çalışmamızda karbaNP-direkt test ile karbapenemaz üreticisi olan izolatların büyük oranda tespit edildiği ve EDTA'lı-karbaNP-direkt test ile yalnız NDM üreten tüm izolatların belirlenebildiği tespit edilmiştir. EDTA'lı-karbaNP-direkt test ile kontrol izolatlarında diğer MBL karbapenemazlar(VIM, IMP) tespit edilirken, çalışma izolatlarında bu genler mevcut olmadığından değerlendirme yapılamamıştır. OXA-48+NDM geninin birlikte üretiminde EDTA'lı tüpte turuncu renk gözlenmiştir ancak test negatif olarak değerlendirilmiştir; MBL karbapenemazlar diğer karbapenemazlarla birlikte üretildiğinde hızlı tespiti için ileri çalışmalara ihtiyaç vardır. Bakteri üremesi ve identifikasyonu eş zamanlı olarak EDTA'lı-karbaNP-direkt testi yapılması, duyarlılık sonuçlarının çıkmasından bir gün önce yalnız MBL üreten izolatların tespitini sağlayarak seftazidim avibaktam direncinin öngörülmesine ve duyarlılık testlerinin uygun şekilde planlanmasına olanak sağlayacaktır.

Tablo. PCR, karbaNP-direkt, EDTA'lı-karbaNP-direkt test sonuçları

Karbapenemaz geni	PCR pozitifliği	KarbaNP pozitifliği	EDTA'lı-direkt- karbaNP pozitifliği
OXA-48	104	70	-
KPC	29	28	-
OXA-48+ KPC	5	3	-
NDM	11	11	11
OXA-48+ NDM	23	23	-
TOPLAM	172	135	11

Anahtar Kelimeler: karbapenemaz, metallobetalaktamaz, karbaNP

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-026

***Klebsiella pneumoniae* İzolatlarının Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Sıvı Disk Elüsyon, Hızlı Polimiksin NP ve Kolistin Agar Spot Tarama Testlerinin Araştırılması**

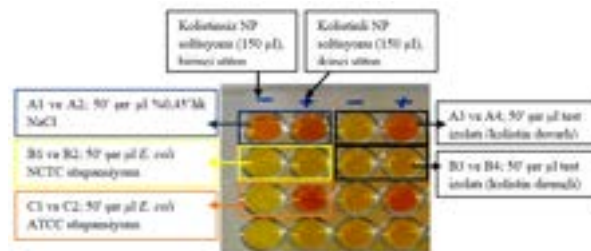
Seda Karataş¹, Ayşe Esra Karakoç², Mihriban Yücel²

¹Suruç Devlet Hastanesi

²Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Gram negatif bakteriler toplum ve hastane kaynaklı enfeksiyonların önemli etkenleridir. Antibiyotiklerin akılcı kullanımındaki uygunsuzluklar ve enfeksiyon kontrol, önleme uygulamalarının yetersiz olması antimikrobiyal direncin gelişmesine ve bakteriler arasında hızla yayılmasına neden olmaktadır. Gram negatif bakterilerdeki yüksek direnç oranları nedeniyle; bu bakteri enfeksiyonlarının tedavisinde kolistin kullanılmaktadır. Kolistin duyarlılığının hızlı ve doğru bir şekilde belirlenmesi önemlidir. Araştırmamızda; *Klebsiella pneumoniae* izolatlarının kolistin duyarlılığının belirlenmesinde sıvı mikrodilüsyon yöntemi (SMD) ile alternatif testler karşılaştırılarak performanslarının değerlendirilmesi ve rutin mikrobiyoloji laboratuvarlarında kullanılmak üzere kolay uygulanabilen, hızlı ve doğru sonuç elde edilebilen yöntemlerin belirlenmesi amaçlandı.

Hızlı polimiksin NP testi; mikroplak içerikleri ve değerlendirilmesi



Gereç ve Yöntem: Araştırmaya, Mayıs 2022-Haziran 2023 tarihleri arasında, S.B.Ü. Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na kabul edilen klinik örneklerden elde edilen 200 *Klebsiella pneumoniae* izolatı dahil edildi. Saf kültürleri elde edilen izolatların; 0.5 McFarland standardında bakteri süspansiyonu ile SMD, kolistin sıvı disk elüsyon (KSDE), kolistin agar spot tarama testleri ve 3.0-3.5 McFarland standardında bakteri süspansiyonu ile hızlı polimiksin NP (HPNP) çalışıldı. Her çalışmada *Escherichia coli* (ATCC 25922 ve NCTC 13846 mcr-1) kalite kontrol suşları kullanıldı. Sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile karşılaştırılarak alternatif testlerin performansları değerlendirildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

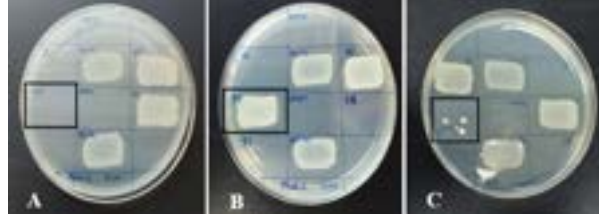
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

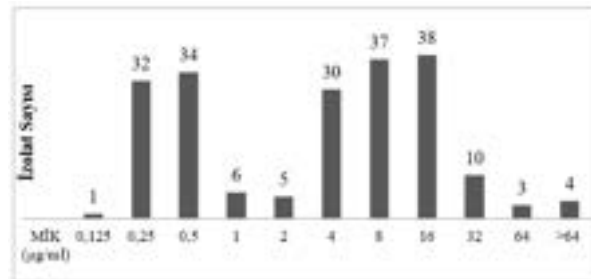


Kolistin agar spot tarama testi plaklarının değerlendirilmesi, A'da kare ile gösterilen izolat duyarlı, B'de gösterilen izolat dirençli, C'de >1 koloni üremesi olan izolat dirençli



Bulgular ve Sonuç: Kolistin agar spot tarama testi SMD yöntemi ile karşılaştırıldığında duyarlılık %99,1 ve özgüllük %98,71 olarak belirlendi. Kolistin agar spot tarama testinin kategorik uyum (KU), çok büyük hata (ÇBH) ve büyük hata (BH) oranları sırasıyla %99, %0,81 ve %1,28 olarak değerlendirildi. HPNP testinin KU, ÇBH, BH oranları sırasıyla %95,5, %0, %11,53 olarak hesaplandı. KSDE testinin temel uyum, KU, ÇBH ve BH oranları sırasıyla %95,5, %95, %8,19 ve %0 olarak belirlendi. Kolistin agar spot tarama, HPNP ve KSDE testlerinin maliyetleri düşük, hazırlanması, çalışılması ve değerlendirilmesi kolay bulundu. Özellikle HPNP testinin dört saatte sonuç vermesinin yöntemin avantajı olduğu değerlendirildi; ancak BH oranları kabul sınırlarının üzerinde bulundu. Örnek akışı yoğun olan laboratuvarlarda kolistin duyarlılığını belirlemek amacıyla çok sayıda örneğin tek plakta çalışılmasına olanak veren kolistin agar spot tarama testi kullanımının önerilebileceği; daha küçük ölçekli laboratuvarlarda ise uluslararası standartların önerdiği kolistin sıvı disk elüsyon testinin kullanımının değerlendirilebileceği düşünüldü. Ancak çalışmamızdaki yüksek ÇBH oranları nedeniyle sıvı disk elüsyon yöntemini kullanmadan önce farklı duyarlılık ve direnç düzeylerine sahip izolatları kullanarak yöntem verifikasyon çalışması yapılmasının kritik olduğu sonucuna ulaşıldı. *K. pneumoniae* izolatlarının moleküler karakterizasyonunun yapılamamış olması çalışmamızın sınırlamalarındandır.

İzolatların MİK dağılımı



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



KAST, KSDE, HPNP testlerinin performans değerlendirme sonuçları

	TU (%)	KU (%)	ÇBH (%)	BH (%)	Duyarlılık (%)	Özgüllük (%)
KAST	Hesaplanamaz	99	0,81	1,28	99,1	98,71
HPNP	Hesaplanamaz	95,5	0	11,53	100	88,46
KSDE	95,5	95	8,19	0	91,80	100

Kolistin agar spot tarama testi ile kategorik uyumsuz izolatlar

İZOLAT NO	SMD	SMD DUYARLILIK	KAST DUYARLILIK
	MİK (µg/ml)	KATEGORİSİ	KATEGORİSİ
38	8	R	S
41	2	S	R

KSDE testi ile temel ve/veya kategorik uyumsuz izolatlar

İZOLAT NO	SMD	KSDE	SMD	KSDE
	MİK(µg/ml)	MİK(µg/ml)	DUYARLILIK KATEGORİSİ	DUYARLILIK KATEGORİSİ
179	0,25	2	S	S
29	4	≤1	R	S
72	4	2	R	S
108	4	≤1	R	S
113	4	≤1	R	S
128	4	2	R	S
139	4	2	R	S
148	4	2	R	S
38	8	≤1	R	S
122	8	2	R	S
58	16	4	R	R
106	16	4	R	R
56	>64	≤1	R	S

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Kolistin sıvı disk elüsyon, Hızlı polimiksin NP, Kolistin agar spot tarama testi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-027

Seftazidim-Avibaktam Direnci Nereye Gidiyor?

Selahattin Ünlü, Betül Fatmanur Yıldırım, Melahat Gürbüz, Yeliz Çetinkol

Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji A.D.

Giriş ve Amaç: Son yıllarda çoklu ilaca dirençli Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. suşları yüksek morbidite/mortalite oranları ve tedavi seçeneklerinin sınırlı olması nedeniyle ciddi bir problem haline gelmiştir. Sefalosporin/beta-laktamaz inhibitörü kombinasyonu olan seftazidime-avibaktam (CZA) bu enfeksiyonların tedavisinde büyük gelişme sağlamışsa da kullanıma girmesinden kısa süre sonra dünya çapında CZA dirençli patojenler raporlanmıştır. Bu çalışmada laboratuvarımıza gönderilen örneklerde üreyen Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. izolatlarında CZA duyarlılığının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 01.07.2021-30.06.2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza gönderilen üç yıllık klinik örneklerden izole edilen 10506 Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. izolatı retrospektif olarak incelenmiştir. İzole edilen mikroorganizmaların tür düzeyinde tanımlanmaları ve antibiyotik duyarlılıkları VITEK 2 (bioMérieux, Fransa) otomatize sistemi kullanılarak belirlenmiştir. Çalışmaya hastadan üreyen ilk izolat dahil edilmiştir. Otomatize sistemde karbapenem grubu antibiyotiklere dirençli saptanan 1529 örnekte seftazidim-avibaktam (CZA) duyarlılığı disk difüzyon yöntemi ile test edilmiştir. Sonuçlar EUCAST (European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) sınır değer tablolarına göre yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya karbapenem dirençli 538 (%35,2)'i kadın, 991(%64,8)'i erkek olmak üzere 1529 hastanın örneği dahil edilmiştir. İncelenen suşların 1060 (%69,3)'ünün Enterobacterales ailesinden olduğu, 469 (%30,7)'unun ise *Pseudomonas* spp. olduğu belirlenmiştir. Çalışmaya dahil edilen örneklerin 614 (%40,2)'ünün yoğun bakım ünitelerinden gönderildiği saptanmıştır. Örnek türlerinin dağılımı incelendiğinde, örneklerin en sık %30 ile yara, %24,3 ile solunum yolu ve %23,9 oranı ile idrar örneklerinden izole edildiği görülmüştür. Çalışmaya dahil edilen izolatların CZA direnç oranlarına bakıldığında Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. için sırasıyla %38,4 ve %21,4 olarak saptanmıştır. CZA direnç oranı yıllara göre ayrı ayrı incelendiğinde ise Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. için 2021 yılında direnç saptanmazken, 2022 yılında sırasıyla %27 ve %26,1; 2023 yılında %46,6 ve %26,6; 2024 yılının ilk altı ayında ise %39,2 ve %14,8 olarak belirlenmiştir (Şekil 1). Yıllara göre saptanan bu değişimler, her iki grup için de istatistiksel olarak anlamlı bulunmuştur ($p<0,05$). Sonuç olarak, çalışmamız karbapenem dirençli Enterobacterales ve *Pseudomonas* spp. suşları için alternatif bir tedavi olan CZA'nın direncinde yıllara göre değişim dikkate alınmalıdır. Bu yüzden CZA'ya yönelik duyarlılık testleri laboratuvarlarda rutin olarak yapılmalı ve sonuçlar güncel olarak takip edilmelidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

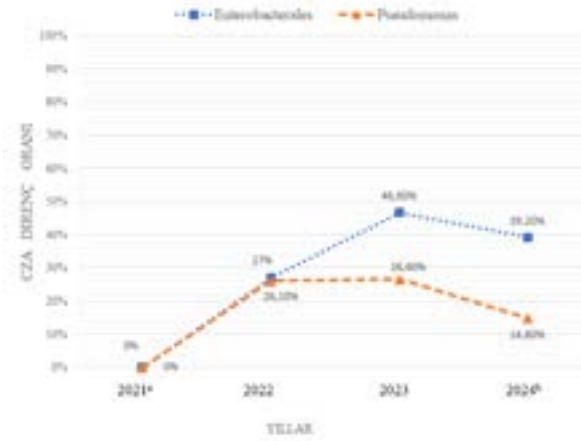
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Yıllara göre CZA direnç değişimi



a: Son 6 ay dahil edilmiştir. b: İlk 6 ay dahil edilmiştir.

Anahtar Kelimeler: Enterobacterales, *Pseudomonas* spp., Seftazidim-avibactam

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-028

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* Suşlarında Seftazidim-avibaktam, Fosfomisin ve Meropenem'in in vitro Sinerjistik Etkinliğinin Araştırılması

Büşra Güneysu Yazar, Mücahide Esra Koçoğlu, Tuncer Özekinci

İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* (KDKp) izolatlarının neden olduğu enfeksiyonların tedavisindeki zorluklardan dolayı antibiyotiklerin kombinasyon halinde kullanılması tercih edilmektedir. Bu çalışmada çeşitli klinik numunelerden izole edilen KDKp izolatlarında seftazidim-avibaktam ve fosfomisine direnç oranlarının belirlenmesi, karbapenem direncinin moleküler paterninin araştırılması ve seftazidim-avibaktam dirençli izolatlarda seftazidim-avibaktam'ın fosfomisin ve meropenem ile kombinasyonunun sinerjistik etkisinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Göztepe Prof. Dr. Süleyman Yalçın Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına 2019-2023 tarihleri arasında gönderilen, çeşitli klinik örneklerden izole edilen ve 100 KDKp izolatı çalışmaya dahil edilmiştir. İzolatların karbapenem direnç genleri (KPC, NDM, OXA-48, VIM, IMP, OXA-51, OXA-23/OXA-58) multipleks polimeraz zincir reaksiyonu ile araştırılmıştır. Fosfomisin duyarlılığının belirlenmesinde agar dilüsyon yöntemi, meropenem ve seftazidim-avibaktam duyarlılığının belirlenmesinde ise sıvı mikrodilüsyon yöntemi kullanılmıştır. Seftazidim-avibaktama dirençli bulunan 15 KDKp suşunda seftazidim-avibaktam ile meropenem ve seftazidim-avibaktam ile fosfomisin kombinasyonları dama tahtası yöntemi ile çalışılmıştır. Hesaplanan fraksiyonel inhibitör konsantrasyon indeksi (ΣFİK) sonucuna göre kombinasyonların in vitro sinerjistik etkisi analiz edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Suşların %49'u yoğun bakım ünitesinde yatan hastalardan izole edilmiştir. İzolatların %15'i seftazidim-avibaktama, %38'i de fosfomisine dirençli bulunmuştur. Direnç paternlerine bakıldığında izolatların 85'inde karbapenem direnç genlerinden en az biri saptanmıştır. Çalışılan izolatların %39'unun OXA-48, %10'unun KPC, %2'sinin NDM ve %1'inin OXA-51 olmak üzere 52 izolatın direnç genlerinden sadece birini taşıdıkları, %17'sinin OXA-48+KPC, %9'unun OXA-48+NDM, %3'ünün OXA-48+NDM+KPC, %2'sinin OXA-48+OXA-51, %1'inin OXA-48+OXA-23/58, %1'inin OXA-48+OXA-51+KPC olmak üzere 33 suşun birden fazla direnç geni taşıdığı tespit edilmiştir. İzolatların hiçbirinde IMP ve VIM enzimi saptanmamıştır. Seftazidim-avibaktam ile meropenem kombinasyon testinde %100 kısmi sinerjistik etki bulunup, izolatların ikisinde NDM, dokuzunda OXA-48+NDM, üçünde OXA-48+NDM+KPC karbapenemaz direnç geni tespit edilmiştir. Seftazidim-avibaktam ile fosfomisin kombinasyon testinde ise %33 kısmi sinerjistik etki bulunmuş ve kısmi sinerji saptanan izolatların birinde NDM, üçünde OXA-48+NDM karbapenemaz direnç geni saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hastanemizde KDKp izolatlarında OXA-48 geni yaygın olmakla birlikte %33 oranında birden fazla direnç genine sahip izolat saptanması ve %14 suşun metallobetalaktamaz (NDM) üretmesi dirençli suşlarda direnç paterninin belirlenmesinin önem arzettiğini göstermektedir. Seftazidim-avibaktam dirençli suşların tamamında meropenemli kombinasyonda kısmi sinerjik etki saptanırken fosfomisinli kombinasyonda suşların beşinde (%33) kısmi sinerjik etki saptanması, seftazidim-avibaktamın fosfomisin ile kombinasyonundan ziyade meropenem ile kombinasyonu ciddi KDKp enfeksiyonlarında bir tedavi seçeneği olarak önerilebileceği kanaati oluşturmuştur. İn vitro çalışmayla elde ettiğimiz sonuçlarımız, in vivo ve klinik çalışmalar ile desteklenmelidir.

Anahtar Kelimeler: *K. pneumoniae*, seftazidim-avibaktam, dama tahtası yöntemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-029

{*Stenotrophomonas maltophilia*} Klinik İzolatlarında Sefiderokol Duyarlılığının Araştırılması

Fatma Sena Türkdoğan, Deniz Bahar Akgün Karapınar, Betigül Öngen

İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Çok sayıda antibiyotiğe doğal dirençli olan *S. maltophilia*'nın neden olduğu infeksiyonlarda tedavi seçenekleri oldukça kısıtlıdır. Avrupa Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Komitesi (EUCAST)'nin kılavuzunda klinik sınır değerleri olan tek ajan trimetoprim-sülfametoksazoldür. Amerikan İnfeksiyon Hastalıkları Derneği (IDSA), klinik veriler kısıtlı olmakla birlikte orta-yüksek şiddette *S. maltophilia* infeksiyonlarının tedavisinde kombinasyon tedavisi seçeneklerinden biri olarak sefiderokol (FDC)'ü önermiştir. Bu çalışmada, tedavi rejimlerine katkı sunmak amacıyla *S. maltophilia* klinik izolatlarının FDC duyarlılıkları araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, çeşitli klinik örneklerden izole edilen 28 *S. maltophilia* izolatı dahil edilmiştir. Her hastanın yalnızca tek örneğinden ilk izole edilen izolatı seçilmiştir. İzolatların tanımlanması VİTEK-2 otomatize sistemiyle gerçekleştirilmiştir. FDC duyarlılığı, 30 µg FDC diskleri (Liofilchem/İtalya) kullanılarak disk difüzyon (DD) ve demiri azaltılmış katyon ayarlı Mueller-Hinton buyyon (Becton-Dickinson/ABD) hazırlanarak, 0,03-64 mg/l dilüsyon aralığında, sıvı mikrodilüsyon (SMD) yöntemiyle araştırılmıştır. EUCAST, ≥ 20 mm zon çaplarının FK-FD sınır değerinin ($S \leq 2$ mg/l) altındaki MİK değerlerine karşılık geldiğini ayrıca ECOFF değerlerinin MİK için 0,125 mg/l; disk zon çapı için 25 mm olduğunu belirtmektedir. Buna göre suşların FDC inhibisyon zon çapları ile MİK değerlerinin ilişkisi belirlenmiştir. Sonuçlar, EUCAST v.14'le birlikte FDC için duyarlı kategorisi (MİK ≤ 1 mg/l ve zon çapı ≥ 15 mm) belirtilen Amerika Klinik ve Laboratuvar Standartları Enstitüsü (CLSI) M100-ED34 kılavuzuna göre de yorumlanmıştır. Ayrıca, DD yönteminin altın standart SMD yöntemine göre performansı değerlendirilerek kategorik uyum (KU), büyük hata (BH) ve çok büyük hata (ÇBH) oranları belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: FDC için MİK değerleri $\leq 0,03-1$ mg/l aralığında belirlenmiş olup MİK50 0,125 mg/l; MİK90 1 mg/l olarak saptanmıştır. Tüm suşların FDC MİK değerleri FK-FD sınır değerinin altında, inhibisyon zon çapları ise >20 mm bulunmuştur (şekil). ECOFF'a göre MİK'i $<0,125$ mg/l olan 17 (%60,7) suş; zon çapı >25 mm olan 27 (%96,4) suş saptanmıştır. CLSI kriterlerine göre her iki yöntemle de duyarlılık oranı %100 bulunmuştur. SMD'ye göre DD yönteminin KU oranı %100 (28/28); BH oranı %0; ÇBH oranı %0 olarak belirlenmiştir. FDC, *S. maltophilia* infeksiyonları için etkili ve önemli bir tedavi seçeneğidir. FDC duyarlılığı için DD yöntemi, zor ve zaman alıcı aşamaları olan SMD yöntemine iyi bir alternatif olabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

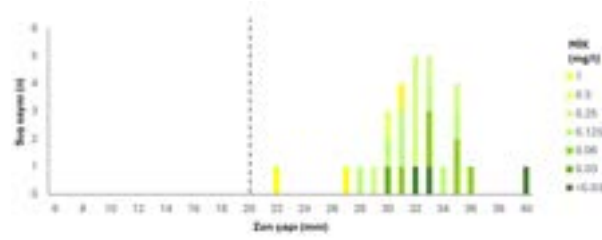
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sefiderokol inhibisyon zon çapları ve MİK değerleri ilişkisi



Anahtar Kelimeler: Sıvı mikrodilüsyon, Sefiderokol, *Stenotrophomonas maltophilia*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-030

Kolistin Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarının Tedavisinde Uygun Faj-Antibiyotik Kombinasyonunun Araştırılması ve Faj Direnç Gelişimi

Hilal Başak Erol, Banu Kaşkatepe

Ankara Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Bakterilerin doğal düşmanları olan fajlardan yararlanan bakteriyofaj (faj) tedavisi, çoklu ilaca dirençli bakteriyel enfeksiyonlarda artış nedeniyle yeniden gündeme gelmiştir. Antibiyotik ile kombinasyon halinde faj uygulaması ("faj-antibiyotik sinerjisi" (FAS)) antibiyotik direncinde devam eden artışın üstesinden gelmek için potansiyel bir strateji olarak görülmektedir. Çalışmamızda *Acinetobacter baumannii* (*A. baumannii*) fajlarının kolistin ile kombinasyonlarının dirençli *A. baumannii* izolatları üzerindeki etkinliği test edilmiştir. Çalışmada aynı zamanda, bakterilerin fajlara karşı geliştirdiği faj direnç gelişimi de araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bakteriyofaj-antibiyotik etkileşimleri dama tahtası yöntemi kullanılarak incelenmiştir. Çalışmada, daha önce izole edilmiş olan litik karakterde iki *A. baumannii* fajının [H1 ve I2] kolistin ile üç kolistin dirençli *A. baumannii* (C12, C26 ve M3) izolatına karşı etkinlikleri belirlenmiştir. Bunun için, steril 96 kuyucuklu mikropalaklara, yatay sıralarda kolistinin (0,25-128 µg/mL) iki kat seri dilüsyonları ve dikey sıralarda her bir fajın için 1012-103 POB/mL (plak oluşturan birim) konsantrasyon aralıkları hazırlanarak sırası ile eklenmiştir. Antibiyotik ve fajlar arasındaki sinerji, fraksiyonel inhibitör konsantrasyon indeksinin (FIC_i) hesaplanmasıyla belirlenmiştir. Faj direnç gelişimi, etkin faj konsantrasyonu ile bakteriye ardışık olarak çift tabaka agar yöntemi uygulanması sonucu, lizis bölgelerinde üreyen bakteri kolonilerinin faj duyarlılıklarına bakılarak tespit edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma sonucunda kolistinin C12 bakterisi için minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değeri, her bir faj-antibiyotik birlikte uygulamasıyla 128'den 8'e düşmüştür. FIC_i değeri, 0,06 ve 0,125 olarak hesaplanmıştır. C26 bakterisi için kolistin MİK değeri 8'den, H1 ve I2 fajı ile birlikte sırasıyla 2 ve 4 değerine düşmüştür. FIC_i değeri, 0,25 ve 0,5 olarak hesaplanmıştır. M3 bakterisi için kolistinin MİK değeri 8'den, H1 ve I2 faj ile birlikte sırasıyla 2 ve 0,5'e düşmüştür. FIC_i değeri, 0,25 ve 0,0125 olarak hesaplanmıştır. Düşük konsantrasyonlarda faj uygulaması ile direnç gelişiminde gecikme belirlenmiştir. Çalışmamızda dirençli *A. baumannii* izolatlarına karşı tüm fajlar kolistin ile sinerji göstermiştir. Faj-antibiyotik birlikte kullanım stratejilerinin geliştirilmesi ile düşük konsantrasyonlarda kullanımları sağlanmakta ve böylece direnç gelişiminin önüne geçmede etkin bir yaklaşım oldukları görülmektedir. Bu nedenle bakteriyel enfeksiyonlar ile mücadelede, faj-antibiyotik kombinasyonlarının kullanılmasının tekli tedaviden daha iyi bir yaklaşım olduğu düşünülmektedir.

Anahtar Kelimeler: *Acinetobacter baumannii*, antibiyotik direnci, bakteriyofaj terapi.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-031

Anti-HCV Pozitif Saptanan Hastaların, HCV RNA ve HCV Genotip Sonuçlarının Klinikleriyle Birlikte Değerlendirilmesi

Banu Hümeysra Keskin¹, Şermin Baykoca², Bekir Tunca³, Emel Çalışkan², Şükrü Öksüz²

¹Zonguldak Kadın Doğum ve Çocuk Hastalıkları Hastanesi, Zonguldak

²Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, Düzce

³Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji, Düzce

Giriş ve Amaç: Anti-HCV, hepatit C virüsü (HCV) tanısı için tarama testi olarak kullanılmakta ancak yanlış pozitiflikler gözlenebilmektedir. Çalışmada beş yıllık Anti-HCV sonuçları incelenerek yalancı pozitifliğe sebep olabilecek ek hastalıkları ve HCV RNA pozitif saptanan hastalarda ise genotip sonuçlarını, tedavi rejimlerini ve tedaviye yanıtlarını değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Haziran 2018-Haziran 2023 tarihleri arasında çeşitli kliniklerden istenen 36759 hastaya ait anti-HCV tetkik sonucu geriye dönük olarak incelendi. Anti-HCV sonucu pozitif olan hastaların HCV-RNA sonuçları ve HCV enfeksiyonu tanı durumu kaydedildi. Anti-HCV pozitif, HCV RNA sonucu negatif olan hastaların ek hastalıkları kaydedildi. Anti-HCV pozitif, HCV-RNA pozitif ya da HCV enfeksiyonu tanıli hastalarda ise HCV genotip, tedavi rejimi ve tedaviye yanıt durumu değerlendirildi. Laboratuvarımızda hasta serumlarında anti-HCV seropozitifliği kemilüminesans mikropartikül immün yöntem ile çalışan Architect anti-HCV kiti (Abbott, ABD) kullanılarak saptandı. HCV-RNA'nın kantitatif tespiti ve HCV genotiplerinin tanımlanması Bosphore HCV (Anatolia Geneworks, Türkiye) kitleri kullanılarak Real-Time PCR cihazında (Anatolia Geneworks, Türkiye) gerçekleştirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan 36759 hastanın 551'inde (%1,5) anti-HCV sonucu pozitif olup, 20471'i (%55,7) kadın, 16288'i(%44,3) erkek hasta idi. Yaşa göre anti-HCV pozitiflik oranına bakıldığında 35 yaş üstü olanlarda bu oran %2 (435/21236), 35 yaş altında ise %0,7 (116/15223) olup, anti-HCV pozitifliği 35 yaş üstündeki hastalarda 35 yaş altındakilere göre istatistiksel anlamlı olarak daha yüksek oranda bulunmuştur (p<0,001). Anti-HCV sonucu pozitif olan 202 hastanın HCV RNA pozitifliği ya da bilinen HCV enfeksiyonu tanısı bulunmaktaydı (Grup1), 214 hastanın ise HCV RNA negatif ve bilinen tanısı yoktu (Grup 2). Bu iki grubun Anti-HCV değerlerine göre dağılımı Tablo 1'de gösterilmiştir. Anti-HCV sonucu pozitif, HCV RNA negatif olan ve bilinen HCV enfeksiyonu tanısı olmayan hastaların ek hastalıkları Tablo 2'de gösterilmiştir. Anti-HCV s/co değeri 10-15 arasında olan bir hastanın malignite ve kronik hepatit B enfeksiyonu tanısı vardı. HCV RNA sonucu pozitif saptanan 96 hastanın 70'inin HCV genotiplerinin cinsiyete göre dağılımı Tablo 3'te gösterilmiştir. Tedavi rejimi bilinen 57 hastanın 31'ine glekaprevir+pıbrentasvir, 18'ine ritonavir+ombitasvir+paritaprevir+dasabuvir, 7'sine sofosbuvir+ledipasvir, bir hastaya ise sofosbuvir+velpatasvir+voksilaprevir tedavileri uygulanmış olup bir yıl sonucunda kontrol HCV RNA test sonuçları hepsinin negatif olarak bulunmuştur. Sonuç olarak düşük değerlerdeki anti-HCV pozitifliklerine yalancı pozitiflik dışında takipli hastalarda da rastlanabileceği akılda

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



tutulmalı, yüksek değerlerdeki pozitifliklerde ise ek hastalıklar göz önünde bulundurulmalı, sonuçlar HCV RNA ile doğrulanmalıdır.

tablo 2

Tablo 2. Anti-HCV sonucu pozitif ile HCV RNA sonucu negatif ve bilinen HCV enfeksiyonu tanımlayan hastaların ek hastalıkları (n=114)

Ek Hastalıklar	n (%)
Hipertansiyon	38 (33,3)
Diabetes mellitus	24 (21,1)
Midegri	22 (19,3)
Hipertirodism	17 (15,0)
Kronik böbrek yetmezliği	16 (14,0)
Atrofik kolit	13 (11,4)
Pankreatit	10 (8,8)
Gebelik	9 (7,9)
Kronik viral hepatit B	8 (7,0)
Kronik viral hepatit C	8 (7,0)
Autizm-KOAH	8 (7,0)
Kalp yetmezliği	5 (4,4)
Ankilozan spondilit	4 (3,5)
Covid-19	4 (3,5)
Düğümlü hepatit (otomünöz vb.)	3 (2,6)
Bipolar bozukluk	3 (2,6)
Lökemi planası	2 (1,8)
Belirli	2 (1,8)
Epilepsi	2 (1,8)
Hipertirodism	2 (1,8)
Hipertirodism	2 (1,8)
Hipertirodism	2 (1,8)
Hipertirodism	2 (1,8)
Pankreatit	1 (0,9)
HCV	1 (0,9)
Mutlak olarak	1 (0,9)
Sistemik lupus eritematozus	1 (0,9)
Ek hastalığı olmayanlar	114 (100,0)

tablo 3

Tablo 3. HCV RNA pozitif hastaların HCV genotip dağılımı ve klinik etkisi (n=70)

Cinsiyet	HCV genotip sonucu n (%)			p değeri
	1b	3	1a	
Kadın	41 (88,4)	3 (14,3)	-	0,001
Erkek	19 (31,6)	6 (85,7)	3 (100)	
Toplam	60 (100)	9 (100)	3 (100)	

Tablo 1

Tablo 1. Anti-HCV değeri pozitif hastaların HCV RNA sonucu ve HCV enfeksiyonunun durumu

Anti-HCV değeri (S/CO)	HCV RNA sonucu pozitif ya da HCV taşıyıcı hastalar n (%)	HCV RNA sonucu negatif ve HCV taşıyıcı olmayan hastalar n (%)	p
1-3	30 (14,3)	338 (37,4)	<0,001
4-10	38 (18,3)	37 (4,1)	<0,001
11-15	106 (50,5)	1 (0,1)	<0,001
16-20	25 (12,1)	-	-
21+	4 (1,9)	-	-
P	<0,001	<0,001	-
Median (min-max)	10,8 (4,4-22,1)	2,4 (0,1-12,0)	-
Toplam	203	374	-

*S/CO: Standardized optical density

Anahtar Kelimeler: Anti-HCV, HCV genotip, HCV RNA

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-032

2024 Parvovirüs B19 Salgını Olgularımız

Elif Alaçam, Ayça Arzu Sayiner

Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji ABD, İzmir

Giriş ve Amaç: Parvovirus-B19, Parvoviridae ailesinde yer alan bir DNA virusudur. Solunum yolu sekresyonları başta olmak üzere kan transfüzyonu, organ nakli ve transplasental yol ile bulaşabilmektedir. Ateş, döküntü, eklem ağrısı gibi semptomları olan çocukluk çağı hastalıklarından “eritema enfeksiyozum”un etkenidir. Hamilelerde, özellikle ilk trimesterde enfeksiyon gelişirse fetüste hidrops fetalis ve konjenital anemi gelişebilir. Bağışıklığı baskılanmış veya kronik hematolojik bozuklukları olan kişilerde (orak hücreli anemi, talasemi gibi) anemi, kronik enfeksiyon ya da önemli komplikasyonlar gelişebilir. Enfeksiyonun tanısı, serolojik testlerle ve/veya polimeraz zincir reaksiyonu yöntemi kullanılarak viral DNA’nın belirlenmesi ile yapılır. Bu çalışma ile 2024 yılında Avrupa’da da artış gösteren Parvovirus-B19 olguları nedeniyle enfeksiyona dikkat çekmeyi amaçladık ve laboratuvarımıza viral DNA testi için gönderilen örneklerdeki prevalansı değerlendirdik.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde 01.01.2024-30.06.2024 döneminde klinik olarak Parvovirus-B19 enfeksiyonundan şüphelenilen ve artus Parvo B19 RG PCR kit (Qiagen, Almanya) ile viral DNA araştırılan hastalar değerlendirilmiştir. Laboratuvarımıza 31 hastadan tekrarlayan örnekleri de içerecek şekilde toplam 38 örnek gelmiş olup 14 hastada pozitiflik saptanmıştır. Hastaların demografik ve klinik verileri hastane bilgi yönetim sisteminden elde edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Bulgular: Parvovirus-B19 enfeksiyonundan şüphelenilip PCR istemi yapılan toplam 31 hasta (ortalama yaş: 16,5 (2-77), kadın/erkek : 21/17) saptanmıştır. Ondört hastada (%45,1) ise Parvovirus-B19 DNA saptanmıştır. Üç hasta belli aralıklarla (14 gün-2 ay) takip edilmiş, viral yük değişimleri Tablo 1’de belirtilmiştir. Çalışılan materyallerden bir tanesi amniyon sıvısı olup diğerleri serum örnekleridir. Non-immün hidrops fetalis saptanan gebeden alınan amniyon sıvısı örneği, annenin serumu ile eş zamanlı karşılaştırılarak çalışılmıştır. Üç hastanın tekrarlayan örnekleri değerlendirildiğinde, iki hastada viral yükün düştüğü, bir hastada ise arttığı belirlenmiştir. Dokuz hastada immünsüpresyon, bir hastada gebelik mevcut olup dört hastada ise altta yatan sağlık sorunu bulunmamaktadır. Viral enfeksiyonun hemogram değerlerine etkisi altta yatan immünsüpresyon nedeniyle net olarak değerlendirilememiştir. Sonuç: Merkezimizde 2024 yılının ilk 6 ayı, geçmiş yılların aynı dönemi ile karşılaştırıldığında Parvovirüs-B19 olgularında anlamlı artış saptanmış ve salgın olarak değerlendirilmiştir. Hastanemizde 2021 yılının aynı döneminde 20 hasta çalışılmış, birinde pozitiflik saptanmıştır. 2022 yılında çalışılan hasta yoktur. 2023 yılının aynı döneminde ise test yapılan 14 hastada pozitiflik saptanmamıştır. 2024 yılı olgularımızın %80’inde altta yatan immünsüpresyon bulunmaktadır. Bir gebede konjenital enfeksiyon saptanmıştır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo1. Hastaların klinik, laboratuvar özellikleri ve risk faktörleri

Hasta Özellikleri	Yaş	Cinsiyet	Öykü	Klinik (n=10)		Risk Faktörleri	Ölüm Oranları*
				Enfeksiyon	Diğer		
1.1.1. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.2. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.3. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.4. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.5. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.6. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.7. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.8. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.9. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.10. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.11. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.12. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.13. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.14. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.15. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.16. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.17. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.18. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.19. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10
1.1.20. (n=10)	10	K	Enfeksiyon, diğerleri ile ilişkili	28.00	10.00	Enfeksiyon	10

Anahtar Kelimeler: Parvovirus B19, eritema enfeksiyozum, hidrops fetalis

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-033

Gastroenteritli Olgularda Adenovirüs ve Rotavirüs Sıklığının Araştırılması: 5 Yıllık Değerlendirme

Melahat Gürbüz, Cengiz Demir, Selahattin Ünlü, Yeliz Çetinkol

Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji A.D.

Giriş ve Amaç: Rotavirüs ve adenovirüs viral gastroenterit ilişkili başlıca patojenler olarak bildirilmiştir. Rotavirüs, dünya çapında genellikle bebeklerde ve küçük çocuklarda akut gastroenteritin başlıca etiyolojik ajanıdır. Adenovirüsler, bebeklerde akut gastroenteritin potansiyel bir nedenidir ve dünya çapındaki vakaların %2-6'sını oluştururlar. Bu çalışmada, 5 yıllık süreçte gastroenterit semptomları olan hastalarda rotavirüs ve adenovirüs prevalansının saptanması ve patojenlerin cinsiyet, yaş, mevsim ve yıllara göre dağılımının retrospektif olarak belirlemesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi Sağlık Uygulama ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına 01.01.2019-31.12.2023 tarihleri arasında beş yıllık süre içerisinde çeşitli servis ve polikliniklerden akut gastroenterit ön tanısıyla gönderilen 10486 gaita örneğinde adenovirüs ve rotavirüs varlığı retrospektif olarak değerlendirilmiştir. İnsan dışkı örneğinde adenovirüs ve rotavirüsün kalitatif olarak tespiti için immunokromotografik yöntem ile çalışan Rotavirus ve Adenovirus Combo Rapid Test Cassette (Feces)(Microcult, Biotech, Çin) kiti kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada test edilen 10486 örneğin, 1205'inde (%11,5) rotavirüs, 268'inde (% 2,6) ise adenovirüs pozitif olarak saptanmıştır. Hastaların yaş gruplarına göre dağılımına bakıldığında hem rotavirus pozitifliği 730 (% 60,6) hasta ile hem de adenovirüs pozitifliği 169 (%63,1) hasta ile en sık 2-5 yaşlar arasında tespit edilmiştir. Rotavirus pozitifliği en düşük 18 yaş üstündeki grupta bulunurken bu yaş grubunda adenovirus pozitif hasta tespit edilmemiştir. Rotavirus ve adenovirus görülme sıklığında yaş grupları arasında istatistiksel olarak anlamlı fark saptanmıştır ($p=0.001$)(Tablo 1).Örneklerin gönderildiği kliniklerin dağılımı incelendiğinde; hem rotavirusun (%79,3) hem de adenovirusun (%69,4) en sık çocuk acile başvuran hastalardan tespit edildiği görülmüştür. Bu çalışmada beş yıllık laboratuvar verileri incelenmiş ve en yüksek rotavirus pozitifliği %29,4 oranında 2023 yılında tespit edilirken adenovirus pozitifliği %38,1 oranında 2019 yılında bulunmuştur (Tablo 1). Çalışmamızda retrospektif olarak değerlendirdiğimiz 10486 hasta örneğinde rotavirus-adenovirus birlikte pozitif hasta sayısı ise 57 (%0,5) olarak bulunmuştur.Yıllara göre veriler incelendiğinde 2020 ve 2021 yıllarında anlamlı bir düşüş olduğu görülmüştür ve bunun sebebi Covid-19 pandemisi olarak değerlendirilmiştir.Mevsimlere göre dağılım araştırıldığında; rotavirusun en sık ilkbahar ve kış aylarında adenovirüsün ise yaz aylarında pozitif olarak tespit edildiği görülmüştür(Tablo 2, Şekil 1). Demografik olarak bölgesel verilerin bilinmesi yapılacak sağlık politikalarının planlanmasında, hastalığın epidemiyolojik öneminin saptanmasında ve hastalığın izlenmesinde önemli katkılar sağlayacaktır. Gereksiz antibiyotik kullanımının önlenmesi açısından viral gastroenterit etkenlerinin tanısı epidemiyolojik açıdan oldukça önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

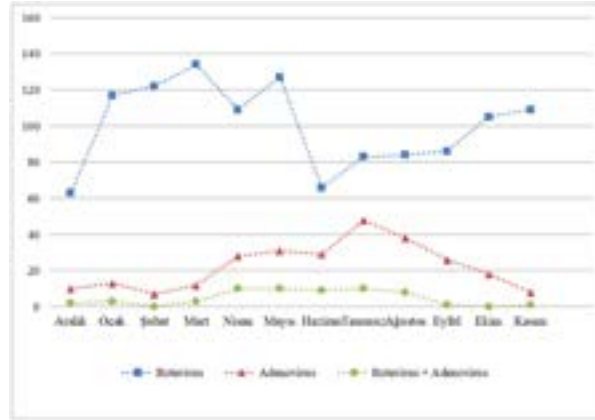
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Rotavirus, adenovirus ve rotavirus-adenovirus birlikte pozitifliğinin aylara göre dağılımı (n).





Tablo 1. Rotavirüs (RV) ve adenovirüs (AdV) antijen pozitif olan örneklerin dağılımı

		RV	AdV	p
		n=1205 (%)	n=268 (%)	
Yaş (Ort ± Std)		2.54 ± 6.99	2.77 ± 7.04	0,831
Cinsiyet	Erkek	691 (57,3)	144 (53,7)	0,348
	Kadın	514 (42,7)	124 (46,3)	
Yaş Grupları	0-1	326 (27,1)	63 (23,5)	0,001
	2-5	730 (60,6)	169 (63,1)	
	6-13	129 (10,7)	32 (11,9)	
	14-18	15 (1,2)	4 (1,5)	
	>18	5 (0,4)	0 (0)	
	Çocuk acil	955 (79,3)	186 (69,4)	
Geldiği Bölüm	Çocuk poliklinik	116 (9,5)	30 (11,2)	0,009
	Çocuk servis	125 (10,4)	52 (19,4)	
	Yetişkin acil	6 (0,5)	0 (0)	
	Yetişkin poliklinik	2 (0,2)	0 (0)	
	Yetişkin servis	1 (0,08)	0 (0)	
	2019	288 (23,9)	102 (38,1)	
Yıllar	2020	127 (10,5)	24 (9)	0,001
	2021	157 (13)	37 (13,8)	
	2022	279 (23,2)	62 (23,1)	
	2023	354 (29,4)	43 (16)	
RV- AdV	Birlikte pozitif	57 (4,7)	57 (21,3)	0,001

Tablo 2. Rotavirus ve adenovirus pozitifliğinin aylara göre dağılımı

Aylar	Rotavirus			Adenovirus		
	Pozitif	Test sayısı	p	Pozitif	Test sayısı	p
	n (%)	n		n (%)	n	
Kış	302 (13,8)	2184	-	30 (1,4)	2189	-

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Aralık	63 (9,3)	680	0,005*	10 (1,5)	683	0,857
Ocak	117 (15,9)	737	0,237	13 (1,8)	738	0,452
Şubat	122(15,9)	767	0,223	7 (0,9)	768	0,330
İlkbahar	370 (14,6)	2536	-	71 (2,8)	2537	-
Mart	134 (16)	836	0,385	12 (1,4)	836	0,030*
Nisan	109 (13,2)	827	0,381	28 (3,4)	828	0,403
Mayıs	127 (14,5)	873	0,978	31 (3,6)	873	0,275
Yaz	233 (7,6)	3070	-	115 (3,7)	3070	-
Haziran	66 (8,2)	807	0,606	29 (3,6)	807	0,844
Temmuz	83 (7,8)	1067	0,852	48 (4,5)	1067	0,296
Ağustos	84 (7)	1196	0,556	38 (3,2)	1196	0,386
Sonbahar	300 (11,1)	2696	-	52 (1,9)	2690	-
Eylül	86 (8,6)	1004	0,040*	26 (2,6)	1004	0,227
Ekim	105 (12,3)	855	0,411	18 (2,1)	849	0,738
Kasım	109 (13)	837	0,184	8 (0,9)	837	0,059
Toplam	1205 (11,5)	10486	-	268 (2,6)	10486	-

*p<0.05 istatistiksel olarak anlamlı kabul edilmiştir

Anahtar Kelimeler: Rotavirus, Adenovirus, Gastroenterit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-035

Serotypes and Toxin Variants of Clinical STEC Strains Isolated From Patients with HUS in Türkiye

Elif Okumuş¹, Aynur Karadenizli², Elif Bahat Özdoğan³, Kenan Bek²

¹Van Eğitim ve Araştırma Hastanesi

²Kocaeli Üniversitesi Tıp Fakültesi

³Karadeniz Teknik Üniversitesi Tıp Fakültesi

Introduction and purpose: STEC infections are common all over the world. It is a serious public health problem as it can cause serious diseases such as hemorrhagic colitis and HUS. Determination of serotypes and toxin profiles of STEC have an importance to estimate their disease-causing potential and predict epidemiological changes.

Materials and Methods: Forty-six children diagnosed with HUS in different regions of Türkiye were included in this study. Isolates were investigated for Stx variants and O serotypes by conventional PCR method.

Findings and Conclusion: Of the patients 25 (54.3%) were in the 0-2 age group. Of the isolates 82.6% were non-O157 serotype. Most detected serotype was O145. Among the serotypes, 28.3% were non-typeable group. Of the strains 8 (17.4%) were Stx1 alone, 26 (56.5%) were Stx2 alone, and 12 (26,1%) were Stx1 and Stx2. The Stx genes occurred in 7 combinations; the most common was stx2a alone (56.5%). Apart from the serotypes known to cause HUS, different serotypes could lead to HUS. Although Stx1 is known to be a very rare cause of HUS, It was observed to cause HUS in the patients at a significant rate. We thought that Stx2a was most frequently associated with HUS among the Stx2 variants

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

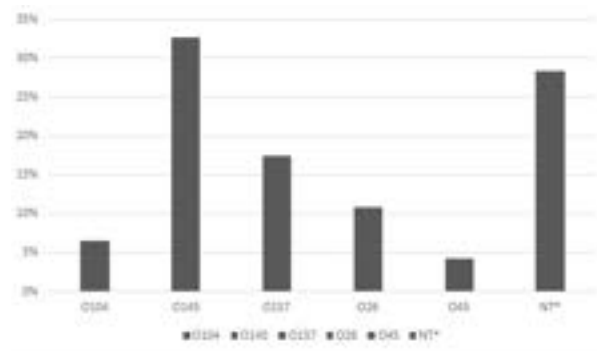
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**

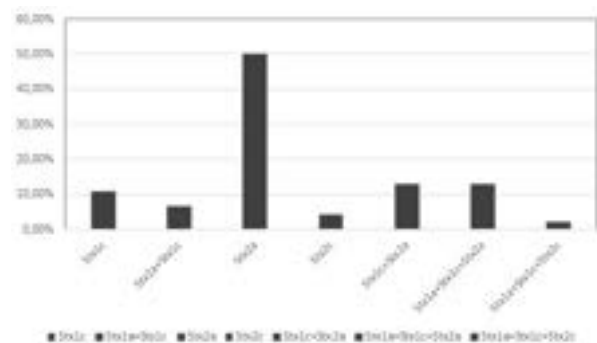


Distrubution of O serotypes of Isolates



Distrubution of O serotypes of Isolates

Distrubution of Stx variants of Isolates



Distrubution of Stx variants of Isolates

Keywords: STEC, HUS, Shiga toxin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-036

Pseudomonas aeruginosa Suşlarında Biyofilm Düzeyi ve Antibiyotik Duyarlılıklarının Araştırılması

Sümeyye ÖZEL¹, Salim Yakut¹, Fadile Yıldız Zeyrek¹

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD,

Giriş ve Amaç: Günümüzde antimikrobiyallere dirençli mikroorganizmaların giderek artması bakteriyel enfeksiyonların tedavisinde ciddi sorunlara neden olmaktadır. Antimikrobiyal maddelere karşı direncin önemli nedenlerinden birisi de bakterilerin oluşturduğu biyofilm tabakasıdır. Biyofilm tabakasının içinde yaşayan mikroorganizmalar antimikrobiyal ajanlara ve dezenfektanlara karşı planktonik formlara oranla 1000 kata kadar daha dirençli olabilmektedir. Bu çalışmada, hastaneye başvuran hastalardan izole edilen *Pseudomonas aeruginosa* suşlarında biyofilm aktivitesi ve antibiyotik duyarlılıklarının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Mart 2022-Haziran 2024 tarihleri arasında, çeşitli poliklinik (91), servis (54) ve yoğun bakım ünitelerinden (102) mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen klinik örneklerden izole edilen 247 suş çalışmaya dahil edilmiştir. İzolatlar MALDI-TOF-MS (Vitek MS, bioMerieux, Fransa) cihazı kullanılarak tanımlandı. Antibiyotik duyarlılık testleri Vitek2 (bioMerieux, Fransa) ile çalışıldı ve EUCAST standartlarına göre değerlendirildi. Artmış dozda duyarlı olarak saptanan sonuçlar duyarlı kategorisinde değerlendirilmiştir. Tryptik soy broth (TSB) içinde -80 °C'de saklanan 247 suş çözöldükten sonra ardışık iki gün boyunca Mueller Hinton agar'a [MHA (RTA, Türkiye)] pasajlanarak 37°C'de 24 saat inkübe edildi. Saf olarak izole edilen örneklerden Kristal violet mikropalak yöntemiyle biyofilm aktivitesi araştırıldı. Biyofilm oluşumu, spektrofotometre (Thermo Fisher Scientific, ABD) ile 550 nm'de absorbans ölçülerek belirlendi. Negatif kontrol olarak distile su kullanıldı. Tüm izolatlar iki kez çalışıldı. Biyofilm oluşumları Chusri ve arkadaşları tarafından bildirilen ve Tablo 1'de gösterilen negatif kontrol absorbans değerine dayalı ölçeğe göre değerlendirildi.

Tablo 1. Mikroorganizmaların biyofilm formasyon aktivitelerini değerlendirme ölçeği

OD: Optik Dansite Değeri	Adezyon	Biyofilm derecesi
OD kontrol > OD MB	Nonadhere (Yapışma olmayan)	0
OD kontrol < OD MB < 2 OD kontrol	Zayıf Adhere (Zayıf yapışma)	I
2 OD kontrol < OD MB < 4 OD kontrol	Orta Derecede Adhere (Orta)	II



	derecede yapışma)	
4 OD kontrol < OD MB	Güçlü Adhere (Güçlü yapışma)	III

OD: Optik dansite, OD MB: Mikroorganizma Biyofilminin Optik Dansitesi Adhere: Biyofilm oluşturma düzeyi

Bulgular ve Sonuç: Bu çalışmada kullanılan suşların izole edildiği örneklerin dağılımı dış kulak yolu sürüntü örneği (72), derin trakeal aspirat (57), idrar (45), kan (32), balgam (17), yara (14), bronkoalveolar lavaj (6), apse (2), kateter (1) ve assit mayı (1) şeklindedir. Suşların %30'unda herhangi bir biyofilm aktivitesi saptanmazken, %66,4'ünde biyofilm aktivitesi zayıf adhere, %3,2'sinde ise orta derece adhere olarak belirlendi. *P. aeruginosa* suşlarının biyofilm formasyon aktiviteleri Tablo 2'de gösterilmiştir. Bu çalışmada biyofilm aktivitesi 0 olan suşlarda en etkili antibiyotikler sırasıyla Seftazidim-avibaktam ve amikasin olurken, biyofilm aktivitesi I olan suşlarda ise en etkili antibiyotikler sırasıyla amikasin ve seftazidim-avibaktam olarak bulunmuştur. Biyofilm aktivite derecesi arttıkça piperasilin-tazobaktam, seftazidim, sefepim, seftazidim-avibaktam, imipenem ve amikasin duyarlılıklarında azalma gözlenmiştir. *P. aeruginosa* suşlarında biyofilm aktivitelerine göre antibiyotik duyarlılık oranları Tablo 3'te gösterilmiştir. Sonuç olarak bu çalışmada izolatların %70'inin biyofilm oluşturduğu, biyofilm derecesi arttıkça antibiyotik duyarlılığının azaldığı (meropenem, siprofloksasin, levofloksasin hariç) görülmüştür.

Tablo 2: *P. aeruginosa* suşlarının OD değerleri ve biyofilm formasyon aktiviteleri

Mikroplaka	Negatif Kontrol OD	Standart Sapma(SP)	Biyofilm derecesi 0 suş sayısı	Biyofilm derecesi I suş sayısı	Biyofilm derecesi II suş sayısı	Biyofilm derecesi III suş sayısı
1-44. suşlar	0,069	0,005	0	41	3	0
45-90. suşlar	0,079	0,001	23	20	2	1
91-130. suşlar	0,079	0,014	16	23	1	0
131-176. suşlar	0,059	0,0007	8	37	1	0
177-223. suşlar	0,062	0,007	5	41	1	0
224-247. suşlar	0,095	0,056	22	2	0	0
Toplam 247 suş			74 (%30)	164 (%66,4)	8 (%3,2)	1 (%0,4)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



P. aeruginosa suşlarında biyofilm aktivitelerine göre antibiyotik duyarlılık oranları

	Duyarlılık oranı (%) / Biyofilm derecesi 0 suş sayısı	Duyarlılık oranı (%) / Biyofilm derecesi I suş sayısı	Duyarlılık oranı (%) / Biyofilm derecesi II suş sayısı	Duyarlılık oranı (%) / Toplam suş sayısı
Piperasilin- tazobaktam	64,4 / 73	59,4 / 155	33,4 / 9	60 / 237
Seftazidim	75,7 / 74	67 / 160	33,3 / 9	68.5 / 242
Sefepim	74 / 65	68 / 147	37,5 / 8	68.6 / 220
Seftazidim- avibaktam	96,7 / 30	73,4 / 49	-	82.2 / 79
İmipenem	60 / 65	53,5 / 144	50 / 8	55.2 / 217
Meropenem	71,5 / 74	72,5 / 160	77,7 / 9	72.4 / 243
Amikasin	82,5 / 74	80 / 160	77,7 / 9	80.6 / 243
Siprofloksasin	63,5 / 74	56,6 / 159	66,6 / 9	59 / 242
Levofloksasin	64,7 / 17	57,9 / 57	75 / 4	60.2 / 78

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas aeruginosa*, Biyofilm, Antibiyotik direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-037

Karbapenem Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarında Kolistin Ve Sefiderokol Etkinliği

Feyza Balcı¹, Nilgün Kansak¹, Sebahat Aksaray²

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Haydarpaşa Numune Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, İstanbul

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Hamidiye Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul

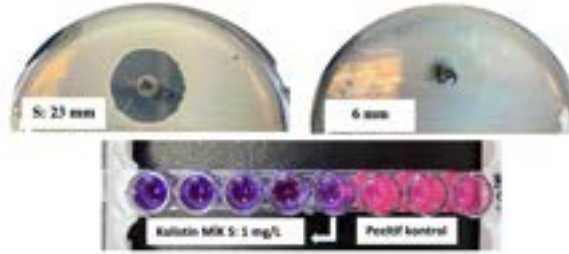
Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli *Acinetobacter baumannii* (CRAB) enfeksiyonları sınırlı tedavi seçenekleri ve kritik hastalarda yüksek mortalite oranları nedeniyle başa çıkılması zor enfeksiyonlardır. Halen kolistinin genellikle kombine kullanımı ana seçenektir. DSÖ CRAB enfeksiyonlarının tedavisi için yeni antibiyotiklerin geliştirilme çalışmalarına öncelik verilmesi gerektiğini bildirmiştir. Yakın zamanda karbapenem dirençli gram negatif bakteri enfeksiyonlarının tedavisi için sefiderokol FDA tarafından onaylanmıştır. Çalışmamızda merkezimizde izole edilen CRAB izolatlarında kombinasyon halinde kullanılabilen kolistin ve sefiderokol duyarlılık oranlarının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Haziran 2023-Haziran 2024 tarihleri arasında yatan hastalara ait klinik örneklerden izole edilen karbapenem dirençli 53 A. baumannii izolatı dahil edilmiştir. İzolatlar MALDI-TOF MS (bioMérieux, Fransa) ile tanımlanmış, antibiyotik duyarlılıkları Vitek-2 otomatize sistemi (bioMérieux) ile yapılmıştır. Kolistin duyarlılığı sıvı mikro dilüsyon (SMD) temelli Diagnostics MIC COL (Diagnostics i.n.c., Slovakya) kiti ile firma önerileri doğrultusunda çalışılmıştır. Sefiderokol duyarlılığı 30 µg disk (Thermo Scientific™ Oxoid™, Amerika) kullanılarak disk difüzyon yöntemiyle tespit edilmiştir. Sonuçlar 18-20 saat inkübasyon sonrası değerlendirilmiştir. Kalite kontrolünde *P. aeruginosa* ATCC 27853 ve *E. coli* ATCC 25922 suşları kullanılmıştır. Kolistin ve sefiderokol duyarlılık sonuçları EUCAST v.14.0 önerileri doğrultusunda değerlendirilmiştir. Kolistin için MİK ≤ 2 mg/L olan izolatlar duyarlı, >2 mg/L olan izolatlar dirençli olarak yorumlanmıştır. Hem EUCAST (≥17 mm) hem CLSI (≥15 mm) önerileri doğrultusunda sefiderokol zon çapı sınır değerinin üzerinde olan izolatlar duyarlı kabul edilmiş; sınır değerinin altında olan izolatlar duyarlı-orta duyarlı-dirençli kategorisinde yer alabileceği için yorumlanamamıştır (Resim-1). Çalışmanın devamında SMD ile MİK çalışılması ve tam genom analizi yapılması planlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların tamamı kolistin duyarlı bulunmuştur. Otuz altı izolat sefiderokol duyarlı bulunmuştur. Diğer izolatlar için zon çapı sınır değerinin altında olduğundan duyarlılık sonucu kategorize edilememiştir (Tablo-1). Ulusal Sağlık Sızmetleri ile ilişkili Enfeksiyon Sürveyans Ağı 2022 raporuna göre A. baumannii izolatlarında kolistin direnci %12,5 olarak bildirilmiştir. Çalışmamızda kolistin dirençli izolat saptanmaması sevindiricidir. CRAB enfeksiyonlarında kombinasyon dahilinde kullanımı önerilen sefiderokol duyarlılık testlerinde; farklı disk ve ticari besiyerine göre değişen duyarlılık sonuçları alınmaktadır. Bizim çalışmamızda da 53 izolatın %32'sinde disk difüzyon ile sonuç değerlendirilememiştir. Henüz ülkemizde klinik kullanımda olmayan sefiderokol duyarlılığının rutinde değerlendirilebilmesi için gerek disk difüzyonun dirençli izolatları tespitindeki yetersizliği, gerekse referans SMD'nin hazırlama ve

standardizasyon zorluğu nedeniyle hazır ticari SMD temelli testlere ve/veya otomatize sistemlere adapte sefiderokol içeren kitlere ihtiyaç vardır.

Resim-1 Sefiderokol disk difüzyon ve MIC COL kolistin duyarlılık sonuçları



Tablo-1 İzolatların Kolistin ve Sefiderokol Duyarlılık Sonuçları

Antibiyotik	Kolistin SMD		Sefiderokol Disk difüzyon (30 µg)		
Kategori	Duyarlı (≤ 2 mg/L)	Dirençli (>2 mg/L)	Duyarlı		Değerlendirilemeyen
			EUCAST ≥17 mm	CLSI ≥15 mm	
<i>A. baumannii</i>	53 %100	0	36 %67,9		17
<i>P. aeruginosa</i> ATCC 27853	1 mg/L		25 mm		
<i>E. coli</i> ATCC 25922	0,5 mg/L		27 mm		

Anahtar Kelimeler: Kolistin, Sefiderokol, *Acinetobacter baumannii*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-038

Pozitif Sinyal Veren Kan Kültürü Şişelerinden Karbapenemaz Üreten {Enterobacterales}'in Hızlı Tespiti ve Karbapenemaz Karakterizasyonunda Fenotipik Temelli Yeni Bir Yöntem: DBLIMplus

Tuğba Ayvalık, Emel Sesli Çetin

Süleyman Demirel Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı, ISPARTA

Giriş ve Amaç: Journal of Clinical Microbiology'de 2020'de yayınlanan Bianco ve arkadaşlarının çalışmasında, karbapenemaz üreten Enterobacterales (KPE) suşlarının pozitif kan kültürü (KK) şişelerinden doğrudan hızlı tespiti için kurgulanan doğrudan beta-laktam inaktivasyon metodu (dBLIM) ile KPE'nin 6 saatte %99'un üzerinde duyarlılıkla tespit edilebildiği gösterilmiş, karbapenemaz karakterizasyonu yapılmamış olması çalışmanın sınırlılığı olarak bildirilmiştir. Çalışmamızda, dBLIM'in kombinasyon disk testine dayalı fenotipik yöntemlerle birlikte kullanımının (dBLIMplus) KPE suşlarının pozitif KK şişelerinden hızlı tespitinde ve karbapenemaz karakterizasyonunda etkinliğinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastane kaynaklı enfeksiyona yol açan 60 adet *Escherichia coli* ve *Klebsiella pneumoniae* suşu [BD MAXTM Check-Points CPO testi (Becton Dickinson and Company, ABD) ile belirlenmiş 15'er adet; A, B, D sınıfı karbapenemaz pozitif ve karbapenemaz negatif] dBLIMplus'ın validasyonu için seçildi. Beş günlük inkübasyondan sonra üreme sinyali vermeyen aerobik KK şişelerine 0,5 ml 103 CFU/ml test edilecek bakteri aktarıldı, KK cihazında (Render BC128, Çin) inkübasyona bırakıldı. Pozitifleşen KK şişelerine dBLIMplus uygulandı. Bu yöntemde kademeli santrifüjlemeyle bakteri süspansiyonu elde edildi. D73C-MASTDISCS® Combi Carba Plus (Mast Diagnostics, Liverpool, Birleşik Krallık) diskleri mikrosantrifüj tüplerine yerleştirildi, üzerlerine 200µl süspansiyondan eklendi. Paralel olarak 1,0 McFarland standardında 200µl *E. coli* ATCC 25922 suşu Mueller-Hinton agar (MHA) plağına yayılıp, disklerle eş zamanlı 35±2°C'de 2 saat inkübe edildi. Inkübasyondan sonra süspansiyondan çıkarılan diskler MHA plağına yerleştirilerek 4 saat inkübe edildi (Şekil 1). 6-12-18. saatlerde inhibisyon zon çapları plağın önünden ölçülerek dBLIMplus değerlendirme zon çapı kriterleri belirlendi (Şekil 2). dBLIMplus'ın rutin laboratuvar da kullanılabilirliğini değerlendirmek için 100 adet *E. coli* ve *K. pneumoniae* klinik suşuna dBLIMplus uygulandı.

Şekil 1. Pozitif sinyal veren kan kültürü şişelerine dBLIMplus uygulama basamakları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-039

New Delhi Metallo-beta-laktamaz Pozitif *Klebsiella pneumoniae* Suşlarına Seftazidim-avibaktam-Aztreonam, Meropenem-Kolistin Kombinasyonlarının ve Tek Başına Sefiderokolün in vitro Etkinliğinin Araştırılması

Gülşah Kaygısız, Emel Sesli Çetin

Süleyman Demirel Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Isparta, Türkiye

Giriş ve Amaç: New Delhi Metallo-beta-laktamaz (NDM) pozitif *Klebsiella pneumoniae*'nin artan oranlarda izole edilmesi ve bu izolatlarla oluşan enfeksiyonların tedavisinde standart bir algoritma bulunmaması, etkili terapötik seçeneklerin araştırılması için ihtiyaç yaratmıştır. Infectious Diseases Society of America (IDSA) tarafından önerilen tedavi seçenekleri arasında seftazidim-avibaktam-aztreonam kombinasyonu ve sefiderokol monoterapisi bulunmaktadır. Çalışmamızda, NDM pozitif *K. pneumoniae* izolatlarına seftazidim-avibaktam-aztreonam, meropenem-kolistin kombinasyonlarının ve tek başına sefiderokolün etkinliğinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Süleyman Demirel Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı Laboratuvarında çeşitli klinik örneklerden etken olarak izole edilerek gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu [BD MAX (Becton Dickinson and Company, ABD)] ile NDM pozitif olduğu tespit edilen 63 *K. pneumoniae* izolatı değerlendirilmiştir. İzolatların seftazidim-avibaktam, aztreonam, meropenem ve kolistin duyarlılıkları sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile [Sigma-Aldrich (ABD)]; sefiderokol duyarlılığı Kirby-Bauer disk difüzyon yöntemi ile [30 µg Oxoid (İngiltere)] test edilmiş ve duyarlılık durumları European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) tarafından belirlenen güncel sınır değerlere göre değerlendirilmiştir. Seftazidim-avibaktam-aztreonam ve meropenem-kolistin kombinasyonlarının NDM pozitif *K. pneumoniae* izolatlarına etkinliği dama tahtası yöntemiyle test edilmiştir. Farklı karbapenemaz genlerini içeren 5 izolata karşı (2 NDM+OXA-48, 1 NDM, 1 NDM+OXA-48+KPC, 1 NDM+OXA-48/VIM/IMP) seftazidim-avibaktam-aztreonam ve meropenem-kolistin kombinasyonlarının konsantrasyon ve zaman ile ilişkili olarak sağladıkları bakterisidal aktivite zamana bağlı öldürme testiyle değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: New Delhi Metallo-beta-laktamaz pozitif *K. pneumoniae* izolatlarının tamamı (%100) seftazidim-avibaktam, aztreonam ve meropeneme, %77,8'i sefiderokole, %54'ü kolistine dirençli bulunmuştur (Tablo 1). Dama tahtası testi sonuçlarına göre seftazidim-avibaktam-aztreonam kombinasyonu izolatların tamamına (%100) sinerjistik etkileşim gösterirken; meropenem-kolistin kombinasyonu izolatların %57,1'ine sinerjistik, %25,4'üne aditif, %17,5'ine tanımlanamayan etkileşim göstermiştir (Tablo1). Zamana bağlı öldürme testinde seftazidim-avibaktam-aztreonam kombinasyonu izolatların tamamına sinerjistik aktivite göstermiş ve çeşitli saatlerde bakterisidal etkinlik gözlenmiştir (Şekil 1). Meropenem-kolistin kombinasyonu zamana bağlı öldürme testinde izolatların 4'üne sinerjistik aktivite göstermiş ve çeşitli saatlerde bakterisidal etkinlik görülmüştür. Bir izolata (NDM+OXA-48 pozitif)

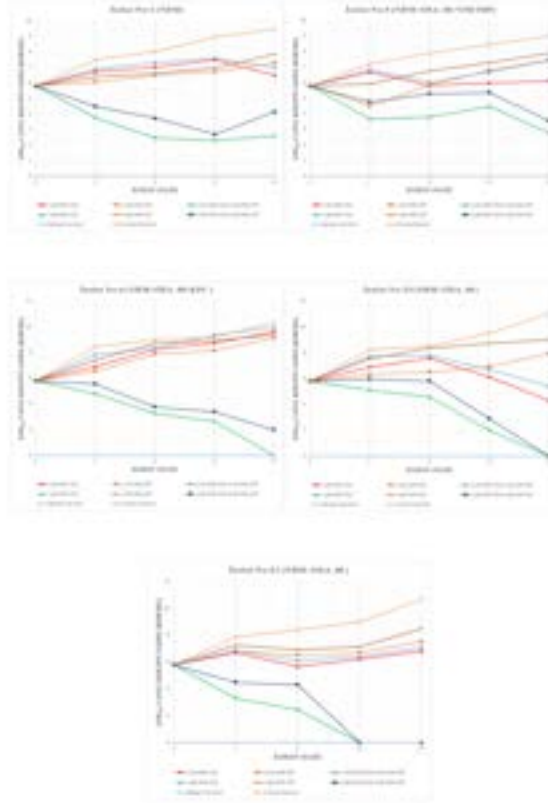
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Canlı koloni sayısı logaritma-10 tabanında hesaplanarak verilmiştir. CZA, seftazidim-avibaktam; AZT, aztreonam

Şekil 2. Tek başına meropenem ve kolistinin ve meropenem-kolistin kombinasyonunun 1/4xMİK ve 1/8xMİK konsantrasyonları ile yapılan zamana bağlı öldürme testleri sonuçları

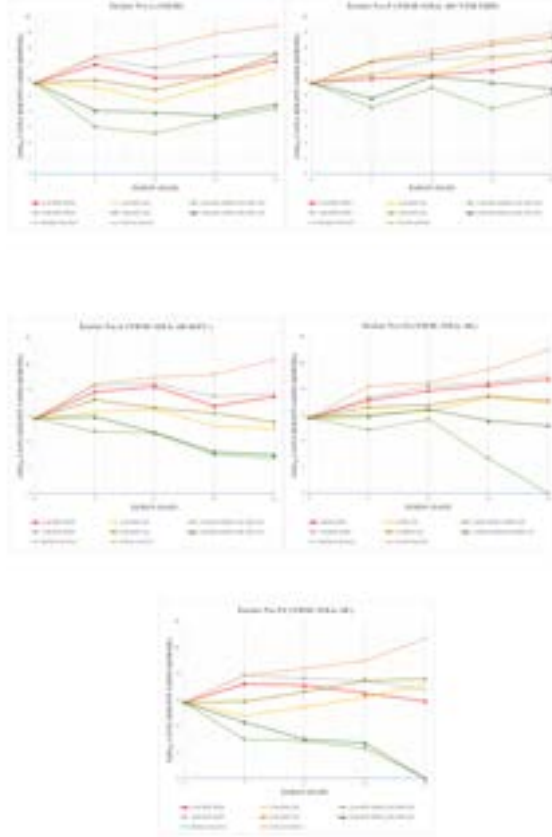
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Canlı koloni sayısı logaritma-10 tabanında hesaplanarak verilmiştir. MEM, meropenem; COL, kolistin

Anahtar Kelimeler: New Delhi Metallo-beta-laktamaz pozitif *K. pneumoniae*, seftazidim-avibaktam-aztreonam, dama tahtası testi

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-040

Klinik Örneklerden İzole Edilen Cytomegalovirus (CMV) Suşlarında Antiviral Direncin Real Time PCR Yöntemiyle Araştırılması

Pınar Gün¹, Sibel Aydoğan², Bircan Kayaaslan², Gülsüm Özet², Mehmet Sezgin Pepeler², Bedia Dinç²

¹Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi

²Ankara Bilkent Şehir Hastanesi

Giriş ve Amaç: Cytomegalovirus (CMV) enfeksiyonu sağlıklı kişilerde genellikle asemptomatik seyrederken, immün sistemi henüz gelişmemiş ya da baskılanmış kişilerde ciddi hastalıklara neden olabilir. Bu çalışmada hematoloji ve kemik iliği transplantasyon (KİT) servislerinde takip edilen hastalardan izole edilen CMV suşlarında antiviral ilaç direnciyle ilişkilendirilen mutasyonların araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Erişkin Hematoloji ve KİT servislerinde takip edilen, CMV viral yükü 1000 IU/ml ve üzeri olan hastalardan daha önce CMV tedavisi almış 34 kişi hasta grubu olarak, CMV tedavisi almamış 10 kişi de kontrol grubu olarak, toplam 44 hasta dahil edildi. Hastalardan CMV UL97-UL54 Genleri Mutasyon Saptama Kiti (RUO), (Bioeksen, Türkiye) kullanılarak real-time PCR yöntemiyle ilaç direnci araştırması yapıldı. Kullanılan kitte UL97 (H520Q, A594V, C603W, L595S) ve UL54 (A987G, L802M, P522S, T700A) genleri içerisinde yer alan antiviral direnç mutasyonları belirlendi ve mutant ve wild tipleri RT-PCR ile tespit edebilecek şekilde her mutasyon için 2 adet tasarım işlemi gerçekleştirildi. Mutasyonların Wild ve Mutant tiplerini tanımlayan tasarımları multipleks çalışması ile direnç paneli oluşturuldu. Panelin mutasyonları tespit edebilirliğini değerlendirmek için mutant ve wild tiplere özgü sentetik DNA materyalleri oluşturulup test edildi. PCR sonuçlarını doğrulamak amacıyla 5 hasta örneği (hasta no; 8,22,35,36,42) Oxford Nanopore Technologies® MinION™ sekans sistemi ile Native Barcoding Kiti kullanılarak dizilendi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 44 hastanın 25'i KİT alıcısı, 19'u ise hematoloji poliklinik ve servislerinde takip edilen hastalardı (Şekil 1). Tüm hastalarda C603W, L595S, A987G, L802M, P522S, T700A vahşi tip suş pozitif bulundu, hiçbir hastada mutant tip suş saptanmadı (Şekil 2). H520Q ve A594V değerlendirmesinde; çalışmaya dahil edilen hastaların hiçbirinde mutant suş saptanmazken vahşi tip suş varlığı da gösterilemedi. Olası sorunları dışlamak için test tekrar çalışıldı. İkinci çalışmada da bütün örnekler negatif saptanınca H520Q ve A594V mutasyonları değerlendirme dışı bırakıldı (Şekil 3). Shotgun sekans analizi yapılan hastalarda direnç ilişkili mutasyon saptanmamış olup saptanan tüm değişiklikler polimorfizm yönünde değerlendirildi. Sonuç olarak çalışmaya dahil edilen hiçbir hastada araştırılan mutasyonlar saptanmadı. Ülkemizde yapılmış diğer CMV antiviral ilaç direnci araştırmaları dizi analizi yöntemleri kullanılarak gerçekleştirilmiştir. Çalışmamız real-time-PCR yöntemiyle CMV antiviral ilaç direnci araştırılan Türkiye'deki ilk çalışmadır. Bu çalışma hastanemizde CMV ilaç direncinin çalışılabilmesine yönelik bir ön çalışmadır. Çalışmamızın devamında kullanılan kitin eksikliğinin giderilmesi planlanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1

KİT yapılmış hastaların ait veriler						
Birlik No	Enfeksiyonun Tanıya Göre	Yaş (Yıl)	CRP (mg/dl)	ESR (mm/s)	Antibiyotik Türü	İlaçlar Başlangıçta Verildi
80	AKT 178	62	340	11.2	3-3	AKT 178/179
81	AKT 188	62	301	11.2	3-3	AKT 178/179
82	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
83	AKT 178	62	301	11.2	3-3	AKT 178/179
84	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
85	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
86	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
87	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
88	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
89	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
90	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
91	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
92	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
93	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
94	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
95	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
96	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
97	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
98	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
99	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
100	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
101	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
102	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
103	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
104	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
105	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
106	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
107	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
108	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
109	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
110	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
111	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
112	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
113	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
114	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
115	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
116	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
117	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
118	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
119	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
120	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
121	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
122	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
123	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
124	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
125	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
126	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
127	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
128	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
129	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
130	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
131	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
132	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
133	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
134	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
135	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
136	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
137	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
138	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
139	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
140	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
141	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
142	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
143	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
144	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
145	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
146	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
147	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
148	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
149	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
150	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
151	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
152	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
153	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
154	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
155	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
156	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
157	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
158	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
159	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
160	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
161	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
162	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
163	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
164	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
165	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
166	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
167	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
168	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
169	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
170	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
171	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
172	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
173	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
174	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
175	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
176	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
177	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
178	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
179	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
180	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
181	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
182	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
183	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
184	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
185	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
186	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
187	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
188	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
189	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
190	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
191	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
192	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
193	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
194	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
195	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
196	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
197	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
198	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
199	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179
200	AKT 178	62	1130	11.2	3-3	AKT 178/179

Antiviral direnç testi çalışılan hastaların özellikleri

Şekil 2

13-17 Kasım
2024

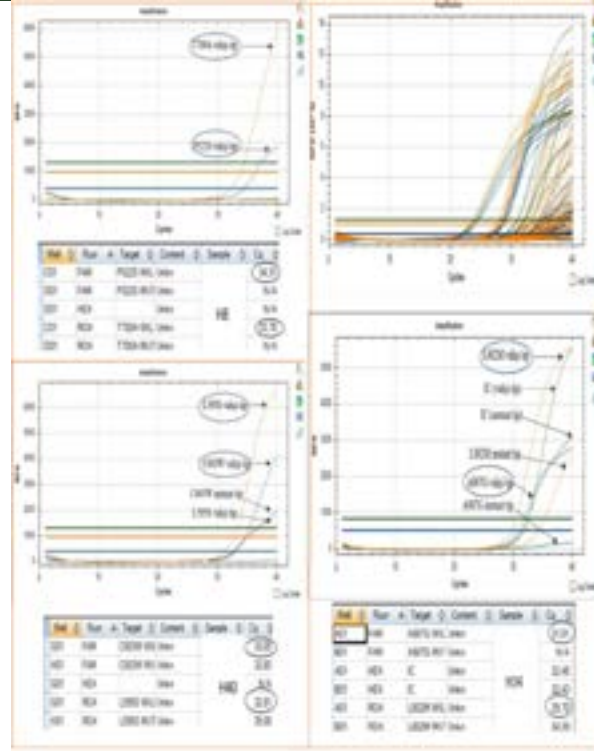
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

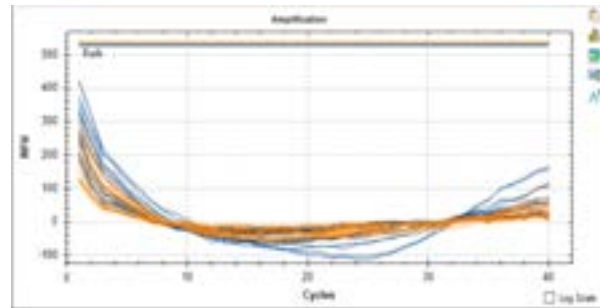


12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



P522S, T700A vahşi tip pozitif hasta (hasta no:8), L595S, C603W vahşi tip pozitif hasta (hasta no:40),
A987G vahşi tip ve L802M vahşi tip pozitif hasta (hasta no:34)

Şekil 3



H520Q ve A594V vahşi tip/mutant tip negatif

Anahtar Kelimeler: CMV, gansiklovir, antiviral direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-041

HCV RNA ve HCV Genotiplerinin Dağılımı: On Yıllık Tek Merkezli Retrospektif Bir Çalışma

Gökçe Sucuer Akarca, Zeynep Nazlıkaya Erdem, Sinem Akçalı

Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Hepatit C virüsü (HCV), kronik hepatit tablosuyla ilişkili siroz ve hepatosellüler karsinom gibi ileri dönem komplikasyonlara yol açması nedeniyle dünya genelinde önemli bir halk sağlığı sorunudur. Günümüzde HCV'nin 8 farklı genotipi belirlenmiş olup tedaviye verilen yanıt, genotipe bağlı olarak değişebilmekte ve viral genotip tayini; antiviral tedavinin belirlenmesi, süresi ve tedaviye yanıtın takibinde önemlidir. Çalışmamızda son on yılda anti-HCV pozitif olan hastaların, laboratuvarımıza HCV RNA ve HCV genotip tayini için gönderilen örnekleri incelenerek, yıllar içindeki dağılımlarının ve servislerimizdeki sıklıklarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD Seroloji Laboratuvarı'na 01.04.2014 - 31.03.2024 tarihleri arasında Anti-HCV istemi ile gönderilen 183.998 örnek incelenmiştir. Anti HCV (+) olarak saptanan 3104 örnek arasından, aynı hastaya ait tekrarlayan örnekler çalışma dışı bırakılarak 1157 örneğin, HCV RNA ve HCV genotiplendirme sonuçları retrospektif olarak değerlendirilmiştir. HCV-RNA'nın kantitatif tespitinde Artus HCV QS-RGQ (Qiagen, Almanya) ve HCV genotiplerinin tanımlanmasında HCV Genotype Plus Real-TM (Sacace Biotechnologies, İtalya) kitleri kullanılmıştır. Sonuçların istatistiksel analizinde SPSS 21.0 ve Joinpoint Regression Programı (sürüm 5.2.0.) kullanılmış olup $p < 0,05$ değerleri istatistiksel olarak anlamlı kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 1157 hastanın 340'ında (%29.4) HCV RNA pozitif saptanmış olup 214'ünde genotip tayini yapılmıştır. Yıllar içerisinde hastanemizde görülen genotip dağılımları Tablo1'de verilmiştir. Hastalar arasında en yaygın genotip %83.2 ile genotip 1b olarak belirlenmiş, bunu sırasıyla genotip 1a, genotip 3, genotip 2 ve genotip 4 izlemiştir. Ülkemizde en sık görülen genotip olan 1b, hastanemizin son on yıllık döneminde de en sık tespit edilen genotip olarak belirlenmiştir. HCV RNA saptanma oranları 2014 yılından günümüze kadar istatistiksel olarak anlamlı bir azalma eğilimi göstermiştir ($p < 0.01$) (Şekil1). Servislere göre HCV RNA pozitiflik oranları değerlendirildiğinde hastanemizin Gastroenteroloji servisinde anlamlı bir yükseklik görülmüştür ($p < 0.01$) (Tablo2). Toplumun HCV enfeksiyonu konusunda bilinçlenmesiyle ve erken teşhis için tarama programlarına katılımının artmasıyla birlikte, etkili tedavi seçeneklerinin ve yönetim stratejilerinin uygulanması sonucunda HCV enfeksiyonu sıklığında düşüş beklenmektedir. Çalışmamızda da yıllar içinde HCV enfeksiyonlarının azalma eğiliminde olduğu görülmektedir. Farklı HCV genotiplerinin antiviral tedaviye yanıtının değişkenlik gösterdiği ve her genotipin kendine özgü bir tedavi rejimine ihtiyaç duyduğu literatürde vurgulanmaktadır. Pangenotip direkt etkili antivirallerin tedavide kullanılmadığı durumlarda antiviral tedavi planının belirlenmesinde ve epidemiyolojik veri elde etmede genotip tayini kritik bir rol oynamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

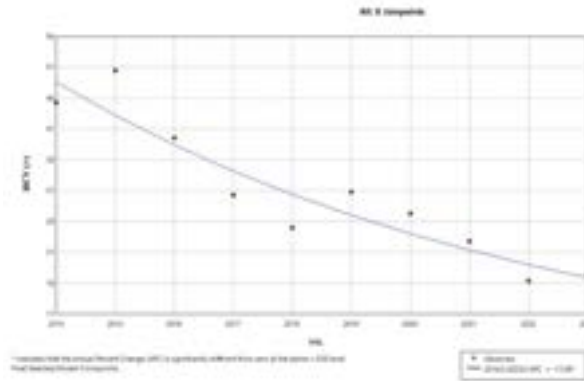
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



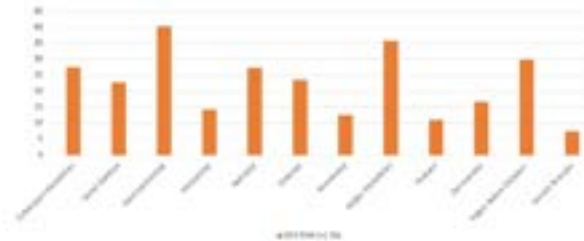
Tablo1. Hepatit C virüs genotiplerinin yıllara göre dağılımı.

YIL	GENOTİP 1				GENOTİP 2		GENOTİP 3		GENOTİP 4		TOPLAM
	Genotip1a		Genotip1b		n	%	n	%	n	%	
	n	%	n	%							
2014	3	13	20	87	0	0	0	0	0	0	23
2015	1	3	30	91	1	3	1	3	0	0	33
2016	3	9.1	27	81.8	1	3	2	6	0	0	33
2017	3	9.7	25	80.7	1	3.2	1	3.2	1	3.2	31
2018	2	7.1	23	82.1	1	3.6	2	7.2	0	0	28
2019	0	0	9	100	0	0	0	0	0	0	9
2020	0	0	9	90	1	10	0	0	0	0	10
2021	3	15	17	85	0	0	0	0	0	0	20
2022	5	33.3	8	50.0	0	0	2	13.4	0	0	15
2023	0	0	10	83.3	0	0	2	16.7	0	0	12
TOPLAM	20	9.3	176	80.2	5	2.3	10	4.7	1	0.5	214

Şekil1. Yıllara göre HCV RNA (+) saptanma oranlarındaki eğilim.



Tablo2. Servislere göre HCV RNA pozitifliğinin görülme sıklığı.



Anahtar Kelimeler: Anti-HCV, Hepatit C virüs, HCV genotip

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-042

Bir Üniversite Hastanesinde Pandemi ve Sonrası Dönemi Kapsayan İki Yıllık Süreçte Respiratuvar Sinsityal Virüs Epidemiyolojisi

Oğuzhan Yağdı, Harun Ağca, İmran Sağlık, Beyza Ener

Bursa Uludağ Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa.

Giriş ve Amaç: Respiratuvar Sinsityal Virüs (RSV) solunum yolu enfeksiyonlarına neden olmakta ve yüksek riskli popülasyonlarda ciddi morbidite ve mortaliteye sebep olmaktadır. Sendromik panel testleri ile aynı örnekten tek seferde çok sayıda solunum yolu patojeni Polimeraz Zincir Reaksiyonu (PCR) ile araştırılabilmektedir. Bu çalışmada RSV'nin toplum sağlığı açısından sıklığını belirlemek, mevsimsel, yıllık seyrini ortaya koymak, yaş ve cinsiyete göre dağılımını göstermek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, 01.01.2022-31.12.2023 tarihleri arasında Bursa Uludağ Üniversitesi Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi poliklinik ve kliniklerinde solunum yolu enfeksiyonu bulguları nedeniyle nazofaringeal sürüntü alınmış Sendromik Panel (Biofire Respiratory Panel 2.1 Plus-Multiplex PCR) ile RSV pozitifliği saptanan hastaların verileri retrospektif olarak incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada 2022 yılında örneklerin 94'ünde (%5,6), 2023 yılında ise 124'ünde (%4,6) RSV pozitifliği saptandı (Tablo 1). RSV pozitifliğinin oransal olarak en yaygın olduğu yaş grubu 0-1 yaş iken, bunu 2-5 yaş grubunun takip ettiği, 65 yaş üstü vaka sayılarında ise geçmiş yıllara kıyasla bir artış olduğu saptandı (Tablo 1). Aylara göre RSV pozitifliğinin en fazla olduğu ayın her iki yılda da Aralık olduğu tespit edildi (Şekil 1). Yıllara göre bakıldığında; 2022 yılında RSV pozitif 94 hastanın 42'sinde (%44,7) etken yalnızca RSV iken, 2023 yılında RSV pozitif 124 hastanın 46'sında (%37) tek etkenin RSV olduğu, RSV'ye en sık eşlik eden virüsün her iki yılda da Rinovirüs /Enterovirüs olduğu saptandı. (Tablo 2). Pandemi döneminde alınan tedbirler nedeniyle, 2022 yılının ilk yarısında sadece 10 vakada RSV pozitifliği görülmesine karşın, pandemi tedbirlerinin pek çoğunun 2022 Haziran itibarıyla ortadan kaldırılmasından sonra, RSV pozitifliğinde belirgin bir artış gözlenmiştir. Çalışma süresi Ocak-Haziran ve Temmuz-Aralık aylarını içeren dört farklı periyotta incelendiğinde, 2022 yılı ilk altı aylık periyoda kıyasla diğer periyodlarda RSV sayısında istatistiksel olarak anlamlı bir fark bulunmuştur. Ko-enfeksiyon etkenlerinden en yaygın görülen etken her iki yılda da aynı iken, 2023 yılında en yaygın ikinci etkenin 11 vaka ile SARS CoV-2 olarak bulunması dikkat çekicidir. Sonuç olarak SARS CoV-2 pandemisi nedeniyle RSV de dahil olmak üzere solunum yolu virüslerinin epidemiyolojik özellikleri değişmiş olmakla birlikte, pandemi tedbirlerinin pek çoğunun 2022 yaz döneminde kaldırılmasıyla RSV sayı ve sıklığında bir artış gözlenmiştir. Erişkin ve gebelerde aşılama imkanının bulunması nedeniyle RSV epidemiyolojisi giderek artan bir önem kazanmaktadır.

Tablo 1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	0-1 Y.A.	2-9 Y.A.	10-19 Y.A.	20-49 Y.A.	50-69 Y.A.	TOPLAM
DEĞİŞİKLİK SAYISI	221	484	389	441	339	1874
DEĞİŞİKLİK SAYI BAŞI	34 (%15.4)	27 (%5.6)	33 (%8.5)	2 (%0.4)	1 (%0.3)	10 (%0.5)
KADIN	10 (%4.6)	14 (%2.9)	11 (%2.8)	3 (%0.7)	2 (%0.6)	41 (%2.2)
ERKEK	11 (%5.0)	11 (%2.3)	11 (%2.8)	1 (%0.3)	1 (%0.3)	47 (%2.5)
DEĞİŞİKLİK SAYISI	361	347	407	508	441	2064
DEĞİŞİKLİK SAYI BAŞI	19 (%5.3)	14 (%4.0)	11 (%2.7)	22 (%4.3)	11 (%2.5)	120 (%5.8)
KADIN	10 (%2.8)	14 (%4.0)	6 (%1.5)	11 (%2.2)	10 (%2.3)	51 (%2.5)
ERKEK	26 (%7.2)	21 (%6.0)	5 (%1.2)	11 (%2.1)	1 (%0.2)	64 (%3.0)

Yaş Gruplarına ve Cinsiyete Göre RSV Pozitifliği (Tabloda verilen yüzde ifadeleri pozitif örneklerin istek yapılan kişi sayısına oranını göstermektedir.)

Şekil 1



Aylara Göre Solunum Paneli İstek Sayısı ve RSV Pozitifliği

Tablo 2

RESPIRATUAR SİNSİTYAL VİRÜSE EŞLİK EDEN VİRAL ETKENLER	2021	2022
ADENOVİRUS	18	7
CORONAVİRUS 229E	0	3
CORONAVİRUS HKU1	0	2
CORONAVİRUS NL63	2	0
CORONAVİRUS OC-43	0	3
HUMAN METAPNEUMOVİRUS	2	3
INFLUENZAE A(H1N1) 1999	1	0
INFLUENZAE A(H1)	0	0
INFLUENZAE B	0	2
PARAINFLUENZAE VİRUS 1	1	0
PARAINFLUENZAE VİRUS 2	1	0
RHİNOVİRUS ENTEROVİRUS	27	18
SARS COV-2	1	11

Yıllara Göre Respiratuvar Sinsityal Virüse Eşlik Eden Viral Etkenler

Anahtar Kelimeler: RSV, Pandemi, Epidemiyoloji

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-043

ILC2 Hücrelerinin CD8 T Hücrelerinin Proliferasyonu, Sitokin Üretimi Ve Sitotoksitesi Üzerindeki Etkisinin İncelenmesi

Zeynep Eş Köse, Fay Celeste Magnusson

İstanbul Medipol Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

Giriş ve Amaç: Doğuştan gelen lenfoid hücreler grup 2 (ILC2), ağırlıklı olarak bariyer dokularında bulunan ve tip 2 sitokinler üreterek doku hasarına hızla yanıt veren doğuştan gelen bağışıklık hücreleridir. ILC2 hücrelerinin epitelyal türevli alarminler IL-33 veya IL-25 tarafından aktivasyonunun, kanserde birbirine zıt ILC2 aracılı bağışıklık tepkilerini ortaya çıkardığı gösterilmiştir. CD8+ T hücreleri, IFN-gama üretimi yoluyla inflamasyonu teşvik eden ve perforin, Granzim B gibi sitotoksik moleküller yoluyla tümör hücrelerini doğrudan öldüren, önemli anti-tümör efektörleridir. Bunların aktivasyonu ve efektör fonksiyonları, ILC2 hücreleri de dahil olmak üzere doğuştan gelen bağışıklıktan etkilenmektedir. IL-33 ve IL-25 ile aktiveleştirilen ILC2 hücreleri, CD8+ T hücrelerinin anti-tümöral tepkisi üzerinde sırasıyla anti-tümöral ve pro-tümöral olmak üzere birbirine zıt etkilere sahiptir. Bu çalışmanın amacı, IL-25 ile aktiveleştirilen ILC2 hücrelerinin CD8+ T hücrelerinin proliferasyon ve IFN-gama üretimi ve sitotoksik molekül salınımı üzerindeki etkisini in vitro ortak kültür analizleri kullanılarak araştırılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, ILC2 hücrelerinin IL-25 ile aktivasyonu ve CD8+ T hücreleri ile etkileşimi in vitro ortamda incelenmiştir. CD8+ T hücreleri, IL-25 ile aktiveleştirilmiş ILC2 hücrelerinin varlığında veya yokluğunda anti-CD3 ve anti-CD28 antikorları ile aktive edilmiştir. CFSE ile boyanmış CD8+ T hücreleri, ILC2 hücreleri ile 1:1 oranında 3 gün inkübe edilmiştir. ILC2 hücreleri tarafından salgılanan çözünür faktörlere karşı hücreden hücreye temasın etkisini değerlendirmek için ILC2 hücrelerinin 24 saat kültüründen elde edilen süpernatant (ILC2SN) CD8+ T hücrelerine eklenmiştir. Üçüncü gün, CD8+ T hücrelerinin çoğalması akış sitometrisi ile CFSE azalması üzerinden değerlendirilmiştir. CD8+ T hücrelerinin sitokin üretimi, hücrelerin PMA/iyonomisin ve Brefeldin A ile yeniden uyarılmasından sonra anti-IFN-gama, anti-perforin ve anti-Granzim B ile boyanarak akış sitometrisi ile analiz edilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

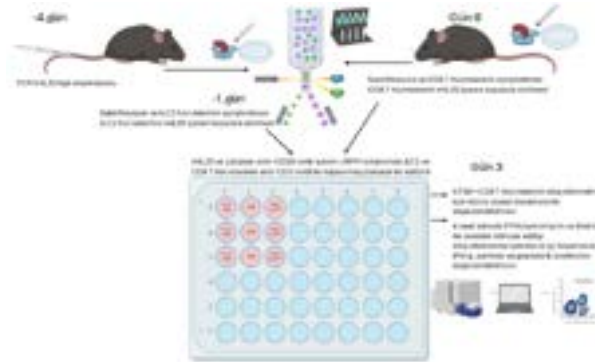
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Deney Şeması



Deneylerin amacını ve tasarımını gösteren şema

Akan hücre ölçerde sitotoksosite analizi için hazırlanan örnekler ve kullanılan immüno Floresan boyalar

Sıra No	Örnek	Antikor
1	ILC2 + CD8 T	PEcy7 ile konjuge anti-IFN γ , APC ile konjuge anti-Perforin, FITC konjuge anti-Granzim B
2	ILC2 süpernatantı (ILC2SN) + CD8 T	PEcy7 ile konjuge anti-IFN γ , APC ile konjuge anti-Perforin, FITC konjuge anti-Granzim B
3	CD8 T	PEcy7 ile konjuge anti-IFN γ , APC ile konjuge anti-Perforin, FITC konjuge anti-Granzim B
4	ILC2 + CD8 T – İzotip	Rat IgG2a,k APC Isotype Control; Rat IgG1,k PEcy7 Isotype Control; Mouse IgG2a FITC Isotype Control
5	ILC2 süpernatantı + CD8 – İzotip	Rat IgG2a,k APC Isotype Control; Rat IgG1,k PEcy7 Isotype Control; Mouse IgG2a FITC Isotype Control
6	CD8 – İzotip	Rat IgG2a,k APC Isotype Control; Rat IgG1,k PEcy7 Isotype Control; Mouse IgG2a FITC Isotype Control

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

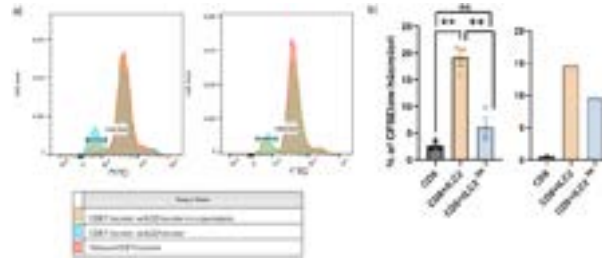
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, ILC2 hücrelerinin, doğrudan hücreler arası temas yoluyla CD8 T hücrelerinin çoğalmasında önemli ölçüde artırdığı gösterilmiştir. Ancak kültür analizi uygun zamanda yapılmadığı için ILC2 hücrelerinin CD8 T hücrelerinin sitokin üretimi üzerinde herhangi bir etkisi saptanamamıştır. ILC2 hücrelerinin bağışıklık sistemi içindeki karmaşık düzenleyici rollerinin altını çizen ve IL-25/ILC2 ekseninin, CD8 T hücrelerinin efektör tepkisini şekillendirmedeki rolüne ilişkin önemli bilgiler sağlayan çalışmamız, bildiğimiz kadarıyla literatürdeki ilk çalışma olarak önem arz etmektedir. Doğuştan gelen ve adaptif bağışıklık tepkileri arasındaki etkileşimi modüle eden yeni hedefleri ortaya çıkaran verilerimiz, kanser immün terapileri veya otoimmünite gibi birçok alanda terapötik uygulama alanları bulacağını düşünmekteyiz.

ILC2 hücrelerinin veya bunların salgılanan çözünebilir faktörlerinin CD8 T hücrelerinin çoğalması üzerindeki etkisi



A) Anti-CD3 ve anti-CD28 antikorları (sol panel) ile uyarılmış veya uyarılmamış (sağ panel) toplam hücrelerin CFSE (FITC) boyaması. B) Anti-CD3 ve anti-CD28 antikorları ile uyarılan (sol panel) veya uyarılmayan (sağ panel) toplam CD8 hücreleri arasında çoğalan CD8 T hücrelerinin (CFSE düşük hücreleri) yüzdesinin çubuk grafiği. Şekil, ILC2 hücrelerinin, CD8 T hücrelerinin çoğalmasını önemli ölçüde artırdığını göstermektedir. Bununla birlikte, CD8 T hücrelerinin proliferasyonu veya ILC2SN ile kültürü yapılan CD8 T hücrelerinin proliferasyonu arasında anlamlı bir sonuç elde edilemedi, bu da ILC2 hücrelerinin CD8 T hücreleri üzerindeki proliferasyon etkisi için hücreler arası temasın gerekli olduğu anlamına gelmektedir.

ILC2 hücrelerinin veya bunların salgıladığı çözünebilir faktörlerin, CD8 T hücrelerinin sitokin üretimi üzerindeki etkisi

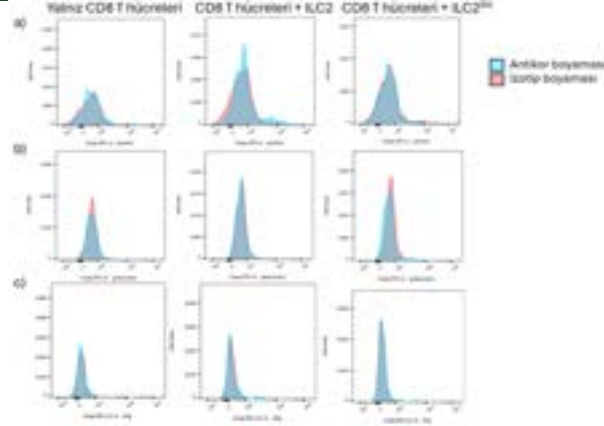
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



A) CD8 T hücrelerinin perforin üretimini gösteren bir histogram grafiği. B) CD8 T hücrelerinin Granzim B üretimini gösteren bir histogram grafiği. C) CD8 T hücrelerinin IFN-g üretimini gösteren bir histogram grafiği. Şekilde gösterildiği gibi izotip boyama veya antikor boyama arasında fark yoktur. Bu nedenle tek başına, ILC2 hücreleriyle ya da ILC2SN ile kültürü yapıldığında, CD8 T hücreleri tarafından sitokin üretimi görülmedi. Sonuç olarak, 3. günde ILC2 hücreleri ve bunların salgıladığı faktörler, CD8 T hücrelerinin perforin, Granzyme B veya IFN-g sitokin üretimi üzerinde fark edilebilir bir etkiye sahip değildi.

Anahtar Kelimeler: CD8 T hücreleri, Doğuştan gelen lenfoid hücreler, Proliferasyon ve sitotoksosite

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-044

Hipervirülan {*Klebsiella pneumoniae*} Makrofaj Yanıtından Kaçış Mekanizmaları

Zeynep Ece Kuloğlu¹, Özgür Albayrak³, Ahmet Hayrettin Mertoğlu⁴, Füsün Can²

¹Koç Üniversitesi İşbankası Enfeksiyon Hastalıkları Araştırma ve Uygulama Merkezi (KUISCID)

²Koç Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Departmanı

³Koç Üniversitesi Translasyonel Tıp Araştırma Merkezi

⁴Koç Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Hipervirülan *Klebsiella pneumoniae* (hvKp) önemli bir global tehdit oluşturmaktadır ve enfeksiyon patogeneğinde bilinmeyen pek çok mekanizma vardır. Bu çalışmanın amacı hvKp ile enfekte makrofajlarda bağışıklık ve otofaji yanıtlarının incelenmesidir.

Gereç ve Yöntem: THP-1 monositlerden elde edilen makrofajlar, 1:50 MOI'de klasik *Klebsiella pneumoniae* (cKp), NTUH-K2044 (hvKp) ve ATCC 700831 izolatları ile enfekte edilmiştir. Enfeksiyondan bir saat sonra hücre dışı bakteriler 250 µg/ml gentamisin eklenerek öldürülmüştür. 30 dakika sonra gentamisin konsantrasyonu 50µg/ml'ye düşürülmüştür. Enfeksiyonun 8 ve 16. Saatlerinde de 50µg/ml gentamisin eklenerek hücre dışı bakteri üremesi baskılanmıştır. Enfeksiyonun 1,3, 6, 12 ve 24. saatlerinde makrofajlar parçalanarak lizatlar TSA'ya ekilip hücre içi bakteri miktarı hesaplanmıştır. Seçilen saatlerde enfekte makrofajlar zombi-NIR ile boyanarak canlılık akış sitometrisi ile ölçülmüştür. Seçilen saatlerde TNF-α ve IL-1β konsantrasyonları ELISA yöntemi ile ölçülmüştür. Otofaji ilişkili LC3, p62 belirteçlerinin mRNA ve protein düzeyinde değişimi sırasıyla qPCR ve Western blot ile ölçülmüştür. ATG5 ve Kaspaz 3 belirteçlerinin mRNA düzeyinde değişimleri qPCR ile ölçülmüştür.

Bulgular ve Sonuç: cKp ve hvKp'nin başlangıç inokulum miktarı 10⁷ CFU/ml iken enfeksiyonun 24 saatinde hücre içi hvKp1.8x10¹² CFU/ml, cKp ise 2.3x10⁹ CFU/ml olarak ölçülmüştür (p=0.002). Yine 24. saatte makrofaj sitotoksitesi ise %61,35 (cKp) ve %25,9 (hvKp) olarak belirlenmiş ve cKp ile enfeksiyon sonrası salgılanan IL-1β 1482 pg/ml, TNF-α 2380 pg/ml, hvKp sonrası IL-1 B 623 pg/ml, TNF-α 1417 pg/ml olarak ölçülmüştür (IL-1β p=0.02, TNF-α p=0.029). Otofaji markerlarından ATG5 mRNA ekspresyon oranı hvKp enfeksiyonu sonrası 12. Saatte 23.43'ten, 24. Saate 0.1778'e azalmıştır (p=0.02). Kaspaz 3 mRNA oranı hvKp enfeksiyonu sonrası 12. Saatte 105.0'dan 24. Saate 0.6438'e azalmıştır (p=0.0571). cKp enfeksiyonu sonrası her iki belirteç için de anlamlı bir değişiklik bulunmamıştır. Buna ek olarak WB testinde hvKp ile 3 ve 6. Saatlerde LC3-II/LC3-I dönüşümü gözlemlenmemiştir. hvKp'nin makrofajlar tarafından fagositoz sonrası hücre içinde sağkalım oranı cKp'ye göre daha yüksek, ancak IL-1β ve TNF-α salınımını uyarımı düşüktür. Bu, hvKp'nin immün modülatör etkisi ile ilişkili olabilir. hvKp izolatlarının otofaji sırasında oluşturulan fagozomun lizozom ile birleşmesini engellediği bulunmuştur.

Anahtar Kelimeler: Hipervirülan *Klebsiella pneumoniae*, Makrofaj yanıtları

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-045

COVID-19 ve Makrofaj Yönlendirmesinde ADA İzoenzimlerinin Etkisi

Tuğçe Bozkurt¹, Abdurrahman Şimşek¹, Muhammed Ali Kızmaz¹, Eren Çağan², Hülya Köse¹, Ali Eren Işkın¹, Tuğba Şenbuz¹, Ayşe Melda Payaslıoğlu⁴, Mehmet Karadağ⁵, Emin Halis Akalın⁶, Sara Şebnem Kılıç³, Ferah Budak¹

¹ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı

² Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı

³ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Pediatrik İmmünoloji ve Romatoloji Anabilim Dalı

⁴ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

⁵ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Göğüs Hastalıkları Anabilim Dalı

⁶ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: COVID-19; Aralık 2019'da Çin/Wuhan'da ortaya çıkan tüm dünyayı etkisi altına alan pandemik hastalıktır. SARS-CoV-2, bulaşıcılığı yüksek, ağır klinik tablolara sebep olabilen enfeksiyon etkenidir. Adenozin deaminaz (ADA) özellikle lenfoid dokularda bulunan, immün sistem fonksiyonlarını etkileyebilen, ADA1 ve ADA2 (CECR1) izoenzimlerine sahip bir enzimdir. ADA1 T hücre proliferasyonunu, ADA2 ise monositlerin farklılaşmasını etkileyebilmektedir. Farklı hastalık şiddetine sahip COVID-19 vakalarında ADA enzim aktivitesinin araştırılması, bu hastalardan sitokin/kemokin profillerin incelenmesi, ADA'nın COVID-19 hastalık şiddeti ve M1/M2 polarizasyonu üzerinde nasıl bir rol aldığı incelenerek hastalığın immunpatogenezinde makrofajların potansiyel rollerinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 41 Ağır pnömoni, 36 hafif pnömoni, 37 a/presemptomatik ve 6 kritik seviye yetişkin COVID-19 vakası ve 40 sağlıklı kontrol çalışmaya alınmıştır. Enzim aktivitesi, Giusti ve Galanti tarafından belirlenen kolorimetrik yöntemle saptanmıştır. 6 sağlıklı kontrolden elde edilen PKMH ve monositler ile eş-kültür deneyleri yapılmıştır. Eş-kültür sonrası elde edilen süpernatantlar ve COVID-19 hasta serumları, ELISA yöntemi ile incelenerek M1 ve M2 ilişkili sitokin/kemokin profilleri ortaya konmuştur. Ayrıca Akan Hücre Ölçer analizleri ile M1 ilişkili (CD80+ CD86+), M2 ilişkili (CD200R+ CD206+) ve M1-M2 mix (CD206+ CD86+) makrofajların değerlendirmesi yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: ADA enzim aktiviteleri incelendiğinde en yüksek değeri kritik COVID-19 vakaları oluşturmaktadır. Hücre kültürü çalışmalarından elde edilen verilere göre, COVID-19 grubunda toplam ADA aktivitesinin, %79'unu ADA2'nin oluşturduğu gözlemlendi. Bu sonuç hem kritik (%72) hem de ağır vakalarda

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

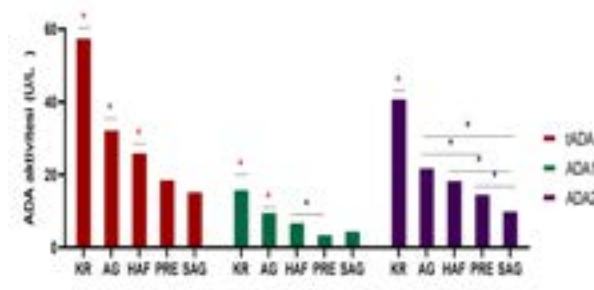
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

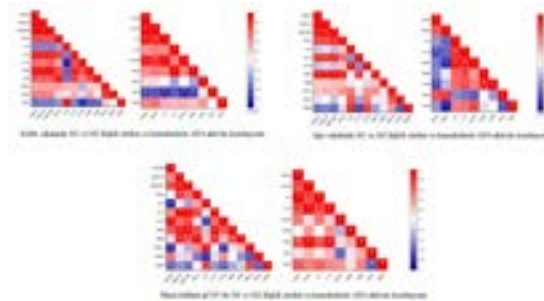


(%68) ki şartlara oldukça benzer olduğu görülmüştür. Sitokin/kemokin çalışmalarında; IL-6, TNF- α , IL-12, IFN- γ , GM-CSF, ROS, iNOS, arjinaz, IL-4, IL-10 ve M-CSF'de kritik ve ağır vakalarda artış gözlenmiştir. Hücre kültürü deneylerimizde ise; kritik, ağır vakalar ve in vitro COVID-19 grubunda, ADA2'in M2 ilişkili sitokin ve kemokinlerle pozitif korelasyon gösterdiği bulunmuştur. Bunun yanında, AHÖ incelemelerinde CD206+ CD86+ M1-M2 mix makrofajlar COVID-19 grubunda anlamlı derecede yüksek bulunmuştur. Sonuç olarak; ADA2'nin makrofaj polarizasyonunu ile doğrudan bağlantılı olabileceğine dair bulgular elde edilmiştir. Ağır COVID-19 vakalarında makrofajların M1'den M2'e yönelik bir polarizasyon gösterdiği, fakat daha çok M1-M2 karışık fenotipte heterojenik bir yapı göstermekte olduğuna dair kanıtlar elde edilmiştir. Bu durum, COVID-19'da, ADA2'in makrofaj polarizasyonuna etkisini ve hastalık süreciyle muhtemel ilişkisini gösterebilir.

COVID-19 Vaka Grupları; Total ADA, ADA1 ve ADA2 Serum Enzim Aktivitesi



Vaka Gruplarında M1 ve M2 ilişkili Sitokin ve Kemokinlerin ADA Aktivite Korelasyonu



Hücre kültürü gruplar arası M1/M2 profilinin AHÖ analizi

13-17 Kasım
2024

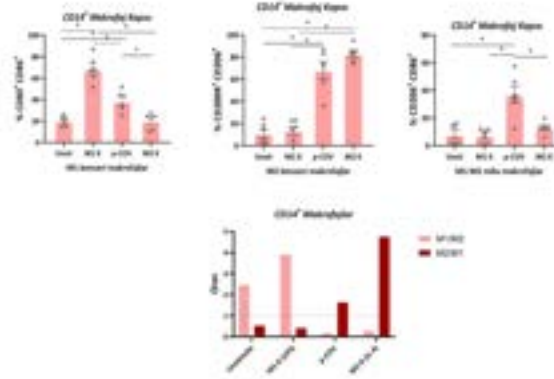
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Adenozin deaminaz, ADA2, COVID-19

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-046

Çeşitli Klinik Örneklerden İzole Edilen Çoklu Dirençli *Acinetobacter baumannii* İzolatlarının Kolistin MIC Değerlerinin Otomatize Sistem ve Mikrodilüsyon Yöntemi ile Karşılaştırılması

Funda Şahin, Sadık Akgün, Gülnur Tarhan

Adıyaman Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Giderek artan direnç tedavide kullanılan birçok antibiyotiği kullanılamaz hale getirmiştir. Dolayısıyla, dirençli suşların tedavisinde kullanılan kolistin duyarlılığını doğru bir şekilde bildirilmesi büyük önem arz etmektedir. Kolistin duyarlılığını tespit etmek için şu ana kadar kabul edilmiş tek referans yöntem "Sıvı Mikrodilüsyon (SMD)" yöntemidir. Kullanılan bu yöntem altın standart olarak kabul edilse de günümüzde alternatif yeni yöntem arayışları devam etmektedir. Çalışmamızın amacı, kolistin A. baumannii' nin in vitro aktivitesinin saptanması için BD PhoenixTM100 (Becton Dickinson, ABD) sistemi ile sıvı mikrodilüsyon yöntemini değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 1000 Çoklu İlaça Dirençli (ÇİD) A. bounmanii kompleks suşu dahil edilmiştir. Dahil edilen izolatların kolistin duyarlılığı otomatize sistemiyle belirlenmiş olup tüm örneklerin kolistin duyarlılığı SMD yöntemi ile de çalışılmıştır. Kalite kontrolü, kolistin duyarlı ATCC 25922 Escherichia coli ve kolistin dirençli E. coli NCTC 13846 (mcr-1 pozitif) suşları ile gerçekleştirildi. Tüm veriler, SPSS (Statistical Package for Social Sciences) versiyon 21.0 programında (IBM Corp., ABD) değerlendirildi. Çalışmadaki tanımlayıcı veriler kategorik verilerinde n ve % değerleriyle gösterildi. Gruplar arası kategorik değişkenlerin karşılaştırılmasında Kappa analizi uygulandı. Sürekli değişkenlerin normal dağılıma uygunluğu Kolmogorov-Smirnov testi ile değerlendirildi. Analizlerde istatistiksel anlamlılık düzeyi p<0.05 olarak kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: İncelenen örneklerin 575' si balgam (%57,5), 205' i kan (%20,5), 126' sı yara (%12,6), 82' si idrar (%8,2), 8' i boğaz sürüntüsü (%0,08), 4' ü BOS (%0,04) örneğidir. Otomatize sistemde izolatların 64 tanesi (%6,4), SMD yönteminde ise 131 tanesinde kolistin dirençli olarak saptanmıştır (%13,1). İki yöntem karşılaştırıldığında otomatize sistem için kategorik uyum (KU) oranı %97,2, büyük hata (BH) oranı %6,2, çok büyük hata (ÇBH) oranı da %13,9 olarak saptanmıştır. Otomatize sistemiyle incelenen izolatların MİK50 ve MİK90 değerleri sırasıyla 1 µg/ml ve 2 µg/ml olup, SMD yöntemi ile elde edilen sonuçların MİK50 ve MİK90 değerleri sırasıyla 0,5µg/ml ve 2 µg/ml olarak bulunmuştur. Kolistin gittikçe artan kullanım alanı ve bu antibiyotiğin direnç oranlarının azımsanmayacak düzeyde olduğu, otomatize sistemle dirençli suşların da gözden kaçabileceği unutulmamalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SMD rutinde pratik bir yöntem olmadığı için tercih edilmemektedir. Buna rağmen rutin mikrobiyoloji laboratuvarlarında kolistin direncinin belirlenmesi için henüz basit ve doğru fenotipik saptama yöntemleri tanımlanmamıştır. Otomatize sistem sonuçlarına bakıldığında dirençli izolat sayısının daha az olduğu görülmektedir. Sonuç olarak otomatize sistemlerin beklentileri tam olarak karşılamadığı görülmektedir.

Anahtar Kelimeler: *Acinetobacter baumannii*, Antimikrobiyal duyarlılık, Kolistin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-047

Morganella morganii Yaklaşan Bir Tehlike mi?

Nuray Arı¹, Sümeyra Kayalı¹, Hatice Handan Akbulut²

¹Fırat Üniversitesi Tıp Fakültesi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Elazığ, 23200, Türkiye

²Fırat Üniversitesi Tıp Fakültesi İmmünoloji Anabilim Dalı, 23200, Elazığ, Türkiye

Giriş ve Amaç: Mikroorganizmalar antibiyotiklere karşı giderek daha dirençli hale gelmektedir. Dirençli mikroorganizmalarla oluşan enfeksiyonlar; mortaliteyi ve sağlık harcamalarını arttırmaktadır. Gram-negatif basil olan *Morganella morganii*, tarihsel olarak yaz ishalinde rol oynayan klinik olarak önemsiz bir mikroorganizma olarak kabul edilmiştir. Çoğunlukla hastane enfeksiyonlarından izole edilen, bağırsak florasında yaygın olarak bulunan fırsatçı bir patojendir. *M. morganii*'nin peritonit, septik artrit, sepsis, enfektif endokardit ve bilateral keratit gibi çeşitli enfeksiyonlar yaptığı bilinmektedir. İnvaziv *M. morganii* enfeksiyonları genellikle uygun ampirik antibiyotik tedavisinin olmaması nedeniyle yüksek ölüm oranları ile ilişkilidir. *M. morganii*, intrinsek AmpC direnç geni nedeniyle ampisilin, amoksisilin, birinci ve ikinci nesil sefalosporinlerin çoğuna karşı doğal dirence sahiptir. Ayrıca son yıllarda karbapenem grubuna karşı artmış direnç bildirilmektedir. Bu nedenle laboratuvarımızda tespit edilen *M. morganii* izolatlarının yıllara göre antibiyotik duyarlılıklarını incelemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Fırat Üniversitesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında Eylül 2020-Eylül 2024 tarihleri arasında çeşitli klinik örneklerden izole edilen *M. morganii* suşları dahil edildi. Tür düzeyinde tanımlama ve antimikrobiyal duyarlılık testleri için klasik yöntemlere ilave olarak yarı otomatize BD Phoenix sistemi (BectonDickinson, ABD) kullanıldı. Dirençli olan suşlar disk (Bioanalyse, Türkiye) ile doğrulandı. Zon çaplarının değerlendirilmesi için European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) önerileri kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada toplam 125 *M. morganii* izolatının yıllara göre antibiyotik duyarlılığı araştırıldı. Bu izolatların 53 (%42) tanesi kadın hastaya, 72 (%58) tanesi erkek hastaya aitti. Bakterilerin 65 (%52)'si yara örneğinden, 47 (%38)'si idrar örneğinden, 6 (%5)'si kan örneğinden, geri kalanlarsa (%5) trekea ve diğer örneklerden izole edildi. Bölüm olarak en çok örneğin geldiği yerler sırasıyla; yoğun bakım, üroloji, plastik cerrahi ve enfeksiyon hastalıklarıydı. Yıllara göre antibiyotik duyarlılığı tablo birde sunulmuştur (Tablo 1). *M. morganii* fırsatçılığı ve antibiyotik direncinin artması dünya çapında giderek daha fazla bildirilmektedir. Bakteri intrinsek ve edinilmiş çoklu ilaç direnç genlerini bulundurmaktadır. Bu durum artan morbidite ve mortaliteye neden olmakta, tedavisini güçleştirmektedir. Bizim çalışmamızda yıllara göre artan direnç oranlarına rastlanmamıştır. Yıllara göre antibiyotik duyarlılığına baktığımızda; kinolon grubuna karşı duyarlılığın arttığı görüldü. Amikasin ve piperasilin/tazobaktam'a karşı direncin olmadığı, karbapenemlere karşı duyarlılığın yüksek olduğu (imipenem için yüksek düzey duyarlılık), yıllar içerisinde anlamlı farkın olmadığı görüldü.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

	2020- 2021	2021- 2022	2022- 2023	2023- 2024
n	n=16	n=20	n=50	n=39
Antibiyotikler	S+I %	S+I %	S+I %	S+I %
Seftriakson	67%	65%	91%	97%
Siprofloksasin	25%	65%	36%	44%
Levofloksasin	20%	65%	36%	44%
Gentamisin	64%	65%	58%	74%
Amikasin	100%	100%	100%	100%
Trimetoprim/Sulfametoksazol	25%	60%	52%	33%
Piperasilin/Tazobaktam	100%	85%	96%	100%
İmipenem	86%	55%	60%	78%
Meropenem	94%	70%	94%	100%
Ertapenem	60%	55%	94%	90%

Morganella morganii izolatının yıllara göre antibiyotik duyarlılığı

Anahtar Kelimeler: *M. morganii*, Antibiyotik duyarlılığı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-048

{*Streptococcus mutans*} İzolatlarının Genom Dizilerinin Diş Çürüğü İlişkisi Yönünden İncelenmesi

Merve Yıldırım Üçüncü¹, Musa Kazım Üçüncü², İlker Karacan³, Nursen Topcuoğlu¹

¹İstanbul Üniversitesi Diş Hekimliği Fakültesi Temel Tıp Bilimleri Anabilim Dalı

²Altınbaş Üniversitesi Diş Hekimliği Fakültesi Restoratif Diş Tedavisi Anabilim Dalı

³İstanbul Medeniyet Üniversitesi Mühendislik ve Doğa Bilimleri Fakültesi Moleküler Biyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: İnsan ağız mikrobiyotasının kommensal bir üyesi olan *Streptococcus mutans*, diş çürüğünün ana mikrobiyal etiyolojik etkeni kabul edilmektedir. Çalışmamızda *S. mutans*'ın genotipik özelliklerinin yetişkinlerde diş çürüğüyle olan ilişkisini belirleyebilmek için, diş çürüğü bulunan ve bulunmayan bireylerin tükürüklerinden izole edilen *S. mutans* izolatlarının genom dizilerinin incelenmesi ve karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Cariogram programına göre yüksek diş çürüğü aktivitesine sahip olduğu belirlenen 13 ve çürüksüz 12 bireyin uyarılmış tükürük örneklerinden kantitatif kültür teknikleriyle elde edilen *S. mutans* suşlarının tür düzeyinde kesin tanısı PCR analizi ile konmuş ve 25 izolat tüm genom dizileme teknikleri kullanılarak analiz edilmiştir. Bunun için elde edilen DNA örneklerinden Illumina DNA Prep kit ile hazırlanan kütüphaneler Illumina NextSeq 2000 cihazında dizilenmiştir. Her örnek için de novo genom birleştirmesi (assembly) Unicycler programı kullanılarak gerçekleştirilmiş ve her örnek için birleştirilen genom dizileri "kontig" olarak kaydedilmiştir. Kontig kümelerinin *S. mutans*'a ait olup olmadığını doğrulamak için her örnek autoMLST programı ile analiz edilmiştir. De novo genom birleştirilmesi ile üretilen dizilerin, çeşitli coğrafi bölgelerden izole edilmiş *S. mutans* genom dizileri ile filogenetik karşılaştırması yapılmıştır. Ayrıca, ATCC 25175 izolat genomu referans alınarak mutasyon analizi yapılmış, her mutasyonun genler/proteinler üzerindeki etkileri Snpeff v4.3 kullanılarak belirlenmiştir. Birleştirilmiş genom dizileri, içerdikleri genler açısından incelenmek üzere pan-genom analizine tabi tutulmuştur. Farklı coğrafyalardan seçilen izolatların genomları bu çalışmadaki örnekler ile birlikte değerlendirilerek çekirdek genler tanımlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Pangenom analizi sonucunda toplam 2904 protein kodlayan gen dizisi tespit edilmiş, çalışmada dizilenen tüm genomlarda tespit edilen çekirdek gen sayısının ise 1563 olduğu bulunmuştur. lanA geninin, yüksek çürük aktivitesi bulunan gruptan izole edilen suşlarda, çürüksüz gruptan izole edilen suşlara göre anlamlı derecede yüksek bulunduğu tespit edilmiştir ($p < 0,05$). Her iki grup arasında *S. mutans* tüm genom dizilerinde filogenetik açıdan bir ayrışma görülmemiştir. ATCC 25175 suşu referans alınarak yapılan mutasyon analizi sonucunda toplam 50584 mutasyon tespit edilmiştir. *S. mutans*'ın habitatı nedeniyle yüksek mutasyon oranına sahip bir mikroorganizma olduğu ve bazı virülans genlerinin yüksek çürük aktivitesine sahip bireylerden izole edilen suşlarda daha yaygın olabileceği saptanmıştır.

Pangenom analizinden elde edilen gen varlık/yokluk matrisi verilerine dayalı olarak oluşturulan filogenetik ağaç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Varlık/yokluk verileri, şeklin sağ tarafında bir ısı haritası olarak görselleştirildi (Isı haritasındaki koyu ve beyaz çizgiler sırasıyla varlık ve yokluk durumunu temsil etmektedir). K: Kontrol, S: Deney grubu

Deney ve kontrol gruplarında 'lanA' gen dizisinin varlık/yokluk durumu

Gen adı	Açıklama	Kontrol (n=12)	Deney (n=13)	Duyarlılık	Spesifite	Olasılık oranı	p
lanA	Lantibiotic mutacin- 1140	0	5	38,46153846	100	inf (sonsuz)	0.03*

*p<0.05 Fisher Exact Test (two tailed)

Anahtar Kelimeler: Diş çürüğü, *Streptococcus mutans*, Tüm genom dizileme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-049

Hemodiyaliz Hastalarında Yeni Bir Tehdit: *Ochrobactrum anthropi*

Selda Kömeç¹, Onur Özalp²

¹Çam ve Sakura Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Çam ve Sakura Şehir Hastanesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: *Ochrobactrum anthropi* (*Brucella anthropi*-2020), β -laktam antibiyotiklere karşı yaygın direnç gösteren non-fermenter, aerobik, gram-negatif bir basildir. Toprak, bitkiler, böcekler, hayvanlar ve insanlar gibi çeşitli ortamlarda kolonize olabilir. Virülansı zayıf olduğundan genellikle immünsüprese hastalarda enfeksiyona neden olur. *O. anthropi*'nin neden olduğu fırsatçı/nozokomiyal enfeksiyonlara ilişkin raporlar son on yılda artmıştır. *O. anthropi*'nin silikona yapışma yeteneği sayesinde kateterle ilişkili enfeksiyonlarda rol oynayabildiği bildirilmektedir. Literatürde, *O. anthropi*'ye bağlı enfeksiyonlar sıklıkla kateterle ilişkili bakteriyemi olarak bildirilmişken, endoftalmi, üriner enfeksiyonlar, menenjit, endokardit, osteokondrit, osteomyelit, hepatik, pelvik ve pankreatik apse de bildirilmiş enfeksiyonlar arasındadır. Çalışmamızda hastanemizde 44 aylık süreçte *O. anthropi*'ye bağlı gelişen üreme ve enfeksiyonları derleyerek sunmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda 01 Ocak 2021 - 01 Ağustos 2024 tarihleri arasındaki, herhangi bir kültüründe *O. anthropi*'ye bağlı üremesi olan 21 yatan hasta incelendi. Tüm hastalar içinde enfeksiyon etkeni kabul edilen yedi bakteriyemi hastası çalışmaya dahil edildi. Bakteri tanımlaması, matriks destekli lazer desorpsiyon/ionizasyon kütle spektrometrisi (MALDI-TOF MS) (Bruker Microflex LT/SH Smart MS) ve antibiyogramlar BD Phoenix M50 (European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing-EUCAST PK-PD sınır değerler) kullanılarak yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: Numune türüne göre üreme sayıları Tablo 1'de gösterilmiştir. Kan kültürlerinde üremesi olan yedi hasta dışındaki tüm hastaların üremeleri kolonizasyon olarak kabul edildi. *O. anthropi*'nin enfeksiyon etkeni kabul edildiği hastaların altısının (%85.7) yaşı ≥ 65 idi. Kronik böbrek yetmezliği (KBY) olan altı (%85.7) hastanın odağı hemodiyaliz kateteri ve KBY'si olmayan bir hastanın (%14.3) odağı batın içi olarak saptandı. KBY, diabetes mellitus ve hipertansiyon altı hastada (%85.7) mevcuttu. Hastalara ait özellikler Tablo 2'de sunulmuştur. Antibiyogram yapılan beş suşun sonuçları Tablo 3'de verilmiştir. Tedavi için karbapenem ve/veya kinolon kullanıldı, bir hasta dışında kür sağlandı. 30 günlük mortalite %14.3 olarak bulundu. Hastaların hastane yatış sürelerinin uzaması ve komorbidite varlığı, farklı mikroorganizmalarla gelişen enfeksiyonları karşımıza çıkarmaktadır. MALDI-TOF gibi modern tanı yöntemleri, daha önce tanımlanamayan bakterileri teşhis etmede önemli bir rol oynayabilmektedir, bu sebeple de enfeksiyon etkeni olan yeni türler görülmeye başlanmaktadır. Kateter ilişkili enfeksiyonların etiolojisinde *O. anthropi* unutulmamalı ve gerekli enfeksiyon kontrol önlemleri alınmalıdır. MALDI TOF ile tanımlamanın yetersiz olduğu bazı durumlarda tanımlama için moleküler yöntemler de önerilmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



O. anthropi'nin yayılımı, risk faktörleri ve genetik yapısı hakkında daha kapsamlı epidemiyolojik çalışmalar yapılması, bu bakterinin daha iyi anlaşılmasına katkı sağlayacaktır.

Tablo 1: Numunelere göre *O. anthropi* üreme sayıları

Numune türü	Kültürde üreme sayısı
Kan	10
İdrar	1
İkret	1
Takrime	1
Toplam	13

Tablo 2. *Ochrobactrum anthropi*'ye bağlı bakteriyemi geçiren hastaların özellikleri

Yaş	Cinsiyet	Talip edildiği servis	Primer yangı nedeni	Ekli diğer bakteriyemiler	Talibi	İkdam
68	Kadın	Endokrin	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY, SH, RT	İmpetigo	Eile
61	Erkek	Endokrin ve Kardiyoloji	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY, SH, RT, KTY, KUR	Leishmaniasis	Eile
70	Kadın	Genel Tıbbi Servis	Epigastrik bölgeden aspirasyonu	SH, RT	İmpetigo	Eile
71	Kadın	Endokrin ve Kardiyoloji	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY, SH, RT, KUR	İmpetigo	Eile
51	Erkek	Endokrinoloji	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY, SH, RT	Leishmaniasis	Eile
60	Erkek	Taliboloji	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY, SH, RT, kan akışına bağlı enfeksiyon	İmpetigo	Talibiye 8 gün
67	Erkek	Taliboloji	HD kateterize bağlı kan akışına bağlı enfeksiyon	KZY	İmpetigo + Leishmaniasis	Eile

Notlar: HD: Hemodializ, KZY: Kanlı zehirlenme, SH: Shunt enfeksiyonu, RT: Respiratör enfeksiyonu, KTY: Kanlı tıbbi enfeksiyon, KUR: Kanlı enfeksiyon

Tablo 3: Antibiyotik duyarlılık sonuçları

	Ampisilin	İmpetigo	Leishmaniasis	İmpetigo	Epigastrik enfeksiyon	İdrar	İkret	Epigastrik enfeksiyon
Hasta 1	0	0	SH	0	0	0	0	SH
Hasta 1	0	0	0	0	0	0	0	0
Hasta 1	0	0	SH	0	0	0	0	SH
Hasta 1	0	0	SH	0	0	0	0	SH
Hasta 1	0	0	SH	0	0	0	0	SH

Notlar: SH: Shunt enfeksiyonu, KZY: Kanlı zehirlenme, RT: Respiratör enfeksiyonu, KTY: Kanlı tıbbi enfeksiyon, KUR: Kanlı enfeksiyon

Anahtar Kelimeler: *Ochrobactrum anthropi*, kateter ilişkili enfeksiyon, bakteriyemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-050

Kistik Fibrozisli Çocuk Hastalarda *Pseudomonas aeruginosa*: Antibiyotik Toleransı, Hipermutasyon, Biyofilm ve Pulsed Field Jel Elektroforezi (PFGE)/Multilokus Sekans (MLST) Tiplendirme

Öznur Gürpınar Tosun¹, Alper Tekeli², İştah Dolapçı², Elmas Ebru Yalçın³, Beste Özsezen³, Nagehan Emiralioğlu³, Deniz Doğru³, Uğur Özçelik³, Özgen Eser¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Çocuk Göğüs Hastalıkları Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Kistik fibrozis(KF), yaklaşık 3000 çocukta bir görülen otozomal resesif kalıtım gösteren bir hastalıktır. Bu hastalarda *Pseudomonas aeruginosa* (Pa); virülans faktörleri, antibiyotiklere direnç mekanizması ve biyofilm oluşturma yeteneği nedeniyle en sık izole edilen mikroorganizmadır. Bu çalışmada, KF çocuk hastalarının klinik takibi yanı sıra bu hastalarda üreyen Pa izolatlarının virülans özellikleri, antimikrobiyal direnç, biyofilm varlığının araştırılması ve izolatların moleküler epidemiyolojik ilişkisinin ortaya konulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hacettepe Üniversitesi İhsan Doğramacı Çocuk Hastanesi Göğüs Hastalıkları Bilim Dalında takip edilmekte olan toplam 151 KF hastasının solunum yolu enfeksiyonu veya kontrol amacıyla hastaneye başvurusu sırasında alınan klinik örneklerinde üreyen Pa izolatları prospektif olarak toplanmış, eş zamanlı klinik bulguları izlenmiştir. Bakteri tanımlaması, MALDI-TOF MS (ruker Daltonics GmbH, Bremen, Germany) ile yapılmış konvansiyonel yöntemlerle doğrulanmıştır. Antimikrobiyal duyarlılık testleri sıvı mikrodilüsyon, direnç genlerinden blaVIM,blaNDM,blaKPC ve blaIMP ve hipermutasyon genlerinden mutS ve mutL PCR ile araştırılmıştır. İzolatların antibiyotik tolerans ve hipermutasyon özelliği fenotipik yöntemlerle, biyofilm yapımı kristal viyole yöntemiyle incelenmiştir. Moleküler epidemiyolojik ilişki, PFGE ve MLST yöntemleri ile değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada hastaların 73'ü erkek, ortalama yaşları 17.1 olarak tespit edilmiştir. Hastalara ait demografik ve klinik özellikler görsel 1 ve 2'de gösterilmiştir. Antimikrobiyal direnç oranları; tobramisin %11,2, seftazidim %6,6, levofloksasin %5,3, kolistin %3,3, meropenem %1,9 ve PİP+TAZ %1,9 olarak saptanmıştır(Tablo 1). Antimikrobiyal direnç genlerinden blaVIM 16(%10,6) izolatta bulunurken blaNDM, blaKPC ve blaIMP pozitifliği tespit edilmemiştir. Zon içi üreme gösteren 30(%19,9) izolatın tolerans testi pozitif saptanmıştır. Fenotipik olarak hipermutatör olduğu tespit edilen 10(%6,6) izolatın direnç geni mutL %94, mutS %92,7 oranında pozitif bulunmuştur. Biyofilm oluşumu, izolatların 21'inde güçlü, 54'ünde orta ve 33(%21,9)'ünde zayıf pozitif saptanmıştır. KF'li çocuk hastalarda sıklıkla bronşektazi varlığında kronik enfeksiyon tablosunun hakim olduğu, hastaların tedavi olarak en sık inhaler tobramisini tek başına veya florokinolon ile birlikte aldığı saptanmıştır. Bu hastalarda saptanan Pa izolatlarında antimikrobiyal direnç oranlarının düşük, biyofilm yapımının yüksek olduğu belirlenmiştir. PFGE ve MLST yöntemleri ile yapılan moleküler tiplendirme sonucunda Pa izolatlarının genel olarak farklı pulsotip ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



sekans tipinde olduğu, bu nedenle aynı merkezde takip edilen KF'li hastaların birbirleri arasında Pa açısından çapraz bulaş olmadığı tespit edilmiştir.

Hastalara ait demografik ve klinik özellikler 1

	Sayı (n)	Yüzde (%)
Cinsiyet		
Erkek	75	48,3
Kadın	78	51,7
Ortalama Yaş	17,3	—
Altut Pulmoner Hastalıkları	49	30,4
İnflü	35	67,3
Ağır	17	32,7
Örnek Yeri		
Orofarıngeal virüs	39	21,8
Salgın	118	78,2
İk Enfeksiyon/Kronik Enfeksiyon		
İk Enfeksiyon	39	21,8
Kronik Enfeksiyon	92	60,8
Ortalama <i>Pseudomonas</i> Sayısı	38 ay	—



İk kez *P. aeruginosa* izole edilen 59 hastada tercih edilen eradikasyon tedavileri. IT: İnhaler Tobramisin, IT+OS: İnhaler Tobramisin ve oral siprofloksasin, İK: İnhaler Kolistin, S+A: Seftriakson ve Amikasin, M+A: Meropenem ve Amikasin, P+A: Piperasilin ve Amikasin, S+A+A: Sefiksim ve Amikasin, İK+OS: İnhaler kolistin ve Oral Siprofloksasin.

Hastalara ait demografik bilgiler ve ilk kez *P. aeruginosa* izole edilen 59 hastada tercih edilen eradikasyon tedavileri

Hastalara ait demografik ve klinik özellikler 2

13-17 Kasım
2024

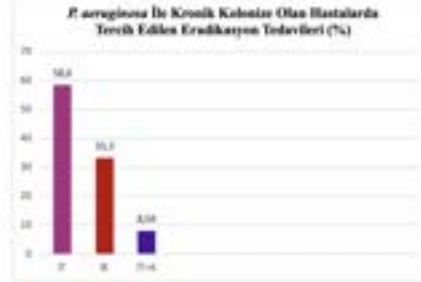
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

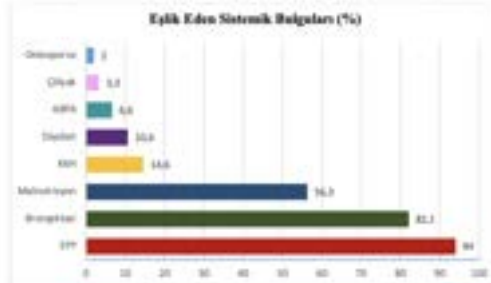
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



P. aeruginosa ile kronik kolonize olan 87 hastada tercih edilen eradikasyon tedavileri. IT: Inhalation Tobramycin, IK: Inhalation Colistin, IT+K: Inhalation Tobramycin ve Colistin.



Çalışmaya dahil edilen hastalarda tespit edilen eşlik eden sistem bulgularının yüzdelik dağılımı (n=151). EPV: Ekzokrin Pankreas Yetersizliği, KKKH: Kronik Karaciğer Hastalığı, ABPA: Alerjik Bronkopulmoner Aspergilloz.

P. aeruginosa ile kronik kolonize olan 87 hastada tercih edilen eradikasyon tedavileri ile çalışmaya dahil edilen hastalarda tespit edilen eşlik eden sistem bulgularının yüzdelik dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

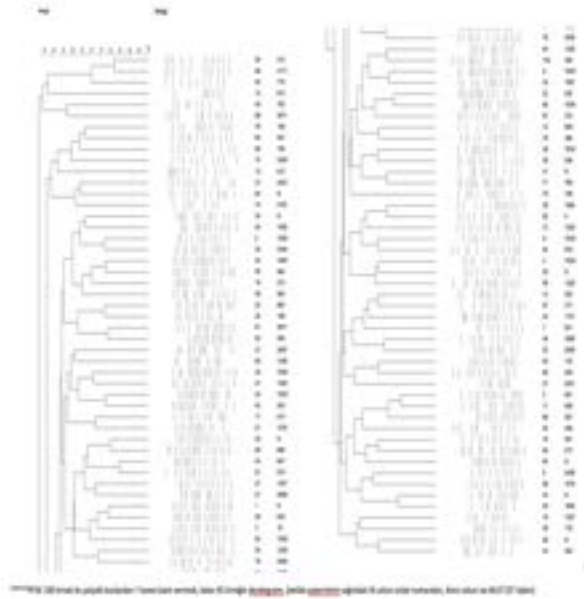
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



PFGE ve MLST Sonuçları



Antimikrobiyal direnç oranları

Antimikrobiyal ilaç	Mik ₅₀ (µg/ml)	Mik ₉₀ (µg/ml)	Mik Dağılımı (µg/ml)	Direnç (%)
Tobramisin	0,5	1	0,125-64	11,2
Meropenem	0,25	0,5	0,06-64	1,9
Seftazidim	2	4	0,001-8	6,6
Levofloksasin	0,5	1	0,001-8	5,3
Kolistin Sülfat	1	2	0,06-64	3,3
PiP+TAZ	2	4	0,0125-256	1,9

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas aeruginosa*, Kistik Fibrozis, Moleküler Tiplendirme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-051

Çeşitli Klinik Örneklerden Elde Edilen *Streptococcus pyogenes* İzolatlarında Quadripleks Gerçek Zamanlı PCR Yöntemi ile Belirlenen {emm} Serotip Dağılımının Hastaların Klinik Durumuyla İlişkilendirilmesi

Büşra Saygın, Fatma Gülay Korukluoğlu, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir SUAM

Giriş ve Amaç: Dünya çapında yaygın olan *S. pyogenes* enfeksiyonları, insanları etkileyen bakteriyel patojenler arasında önemini korumaktadır. Bu çalışmada; boğaz ve boğaz dışı örneklerden elde edilen *S. pyogenes* izolatlarında emm tip dağılımının belirlenmesi ile yerel epidemiyolojik verilere güncel katkı sağlanması, emm tipleri ile klinik tablolar arasındaki ilişkinin incelenmesi ve mevsimsel aşı kapsayıcılığının araştırılması amaçlanmıştır. Olası bir *S. pyogenes* kaynaklı salgında hem hızlı sonuç alma hem de maliyet etkin bir yaklaşım sağlaması nedeniyle quadripleks gerçek zamanlı Polymerase Chain Reaction (PCR) yöntemi ile emm tiplendirmesinin kapsayıcılığı araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Şubat 2024-Mayıs 2024 tarihleri arasında gerçekleştirilen çalışmada; 68 boğaz ve 38 boğaz dışı örnekten elde edilen toplam 106 *S. pyogenes* izolatında, Centers for Disease Control and Prevention (CDC) protokolüne göre tasarlanan quantitative PCR (qPCR) kiti ile emm tiplendirme yapıldı ve yaygın görülen 20 emm tipi araştırıldı. Tiplendirmeyi temsilen qPCR ile saptanan her emm tipinden birer izolatta ve PCR ile emm tipi belirlenemeyen 31 izolatta dizileme yapıldı. İzolatların penisilin, eritromisin, klindamisin, tetrasiklin, levofloksasin ve trimetoprim-sülfametoksazol (SXT) duyarlılıkları disk difüzyon yöntemi ile belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların %81,1'i çocuk, invaziv grup A streptokok hastalarının ise %64,8'i erişkindi. Tüm izolatlar penisiline duyarlı iken tetrasikline %12,3, eritromisine %2,8 ve klindamisine %1,9 oranında direnç saptandı. qPCR ile *S. pyogenes* izolatlarının %70,8'inde emm tipi belirlendi. Tiplendirmeyi temsilen yapılan dizileme sonuçları qPCR sonuçları ile uyumlu bulundu. Dizileme verileri de dahil edildiğinde; *S. pyogenes* izolatlarının %16'sında emm tipi belirlenemedi. Saptanan 12 farklı emm tipinin tamamı 30 valanlı aşıda mevcut olup emm tipi belirlenen 89 *S. pyogenes* izolatı için bu aşının kapsayıcılığı %100 olarak saptandı. *S. pyogenes* izolatlarındaki baskın emm tipi emm3 iken; emm2, emm6 ve emm89 da diğer sık tespit edilen emm türlerini oluşturdu. Kızıl tanılı hasta izolatında qPCR ile emm1 saptanırken, bakteriyemi tanısı olan iki hasta izolatında emm1 ve emm2 tespit edildi. Hızlı, maliyet etkin ve pek çok laboratuvar alt yapısına uygun bir yöntem olan qPCR ile emm tiplendirmesinin güvenilir bir şekilde gerçekleştirileceği ve bu yöntemin olası *S. pyogenes* salgınlarının yönetimine katkı sağlayacağı belirlenmiştir. Primer ve prob tasarımlarının ülkemizde dolaşımda olan *S. pyogenes* izolatlarına yönelik yapılmasıyla qPCR kitinin tiplendirme duyarlılığının artacağı öngörülmüştür. Yerel epidemiyolojik verilerimizin sürekliliğinin sağlanması için laboratuvar temelli aktif bir süveyans sisteminin geliştirilmesi gerektiği sonucuna ulaşılmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Çalışmaya dahil edilen hastaların temel özellikleri

Değişken Tipi		N	%
Yaş	Çocuk (2-18)	86	81,1
	Erişkin (19-81)	20	18,9
Cinsiyet	Kadın	63	59,4
	Erkek	43	40,6
Başvuru yeri	Acil servis	54	51
	Poliklinik	40	37,7
	Servis	12	11,3
İzolat tipi	Boğaz	68	64,1
	Boğaz dışı	38	35,9

qPCR ile emm tiplendirme sonuçları

Tüm isolatların emm tip dağılımı	Boğaz isolatlarının emm dağılımı	Boğaz dışı isolatların emm dağılımı																																																																																																															
<table><tr><th>emm tipi</th><th>N</th><th>%</th></tr><tr><td>emm3</td><td>20</td><td>29,3</td></tr><tr><td>emm2</td><td>16</td><td>21,9</td></tr><tr><td>emm28</td><td>10</td><td>16</td></tr><tr><td>emm6</td><td>10</td><td>16,7</td></tr><tr><td>emm1</td><td>3</td><td>4</td></tr><tr><td>emm27</td><td>3</td><td>4</td></tr><tr><td>emm8</td><td>2</td><td>3,7</td></tr><tr><td>emm29</td><td>2</td><td>3,7</td></tr><tr><td>emm77</td><td>2</td><td>3,7</td></tr><tr><td>emm12</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>emm118</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>Toplam</td><td>76</td><td>100</td></tr></table>	emm tipi	N	%	emm3	20	29,3	emm2	16	21,9	emm28	10	16	emm6	10	16,7	emm1	3	4	emm27	3	4	emm8	2	3,7	emm29	2	3,7	emm77	2	3,7	emm12	1	1,8	emm118	1	1,8	Toplam	76	100	<table><tr><th>emm tipi</th><th>N</th><th>%</th></tr><tr><td>emm3</td><td>16</td><td>21,9</td></tr><tr><td>emm2</td><td>10</td><td>13,8</td></tr><tr><td>emm28</td><td>9</td><td>12,5</td></tr><tr><td>emm6</td><td>9</td><td>12,5</td></tr><tr><td>emm1</td><td>2</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm27</td><td>2</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm29</td><td>2</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm8</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>emm12</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>emm77</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>emm118</td><td>1</td><td>1,8</td></tr><tr><td>Toplam</td><td>76</td><td>100</td></tr></table>	emm tipi	N	%	emm3	16	21,9	emm2	10	13,8	emm28	9	12,5	emm6	9	12,5	emm1	2	2,8	emm27	2	2,8	emm29	2	2,8	emm8	1	1,8	emm12	1	1,8	emm77	1	1,8	emm118	1	1,8	Toplam	76	100	<table><tr><th>emm tipi</th><th>N</th><th>%</th></tr><tr><td>emm3</td><td>4</td><td>10,3</td></tr><tr><td>emm2</td><td>4</td><td>10,3</td></tr><tr><td>emm28</td><td>2</td><td>5,1</td></tr><tr><td>emm6</td><td>2</td><td>5,1</td></tr><tr><td>emm1</td><td>1</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm27</td><td>1</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm29</td><td>1</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm77</td><td>1</td><td>2,8</td></tr><tr><td>emm8</td><td>1</td><td>2,8</td></tr><tr><td>Toplam</td><td>18</td><td>100</td></tr></table>	emm tipi	N	%	emm3	4	10,3	emm2	4	10,3	emm28	2	5,1	emm6	2	5,1	emm1	1	2,8	emm27	1	2,8	emm29	1	2,8	emm77	1	2,8	emm8	1	2,8	Toplam	18	100
emm tipi	N	%																																																																																																															
emm3	20	29,3																																																																																																															
emm2	16	21,9																																																																																																															
emm28	10	16																																																																																																															
emm6	10	16,7																																																																																																															
emm1	3	4																																																																																																															
emm27	3	4																																																																																																															
emm8	2	3,7																																																																																																															
emm29	2	3,7																																																																																																															
emm77	2	3,7																																																																																																															
emm12	1	1,8																																																																																																															
emm118	1	1,8																																																																																																															
Toplam	76	100																																																																																																															
emm tipi	N	%																																																																																																															
emm3	16	21,9																																																																																																															
emm2	10	13,8																																																																																																															
emm28	9	12,5																																																																																																															
emm6	9	12,5																																																																																																															
emm1	2	2,8																																																																																																															
emm27	2	2,8																																																																																																															
emm29	2	2,8																																																																																																															
emm8	1	1,8																																																																																																															
emm12	1	1,8																																																																																																															
emm77	1	1,8																																																																																																															
emm118	1	1,8																																																																																																															
Toplam	76	100																																																																																																															
emm tipi	N	%																																																																																																															
emm3	4	10,3																																																																																																															
emm2	4	10,3																																																																																																															
emm28	2	5,1																																																																																																															
emm6	2	5,1																																																																																																															
emm1	1	2,8																																																																																																															
emm27	1	2,8																																																																																																															
emm29	1	2,8																																																																																																															
emm77	1	2,8																																																																																																															
emm8	1	2,8																																																																																																															
Toplam	18	100																																																																																																															

Dizi analizi verileri dahil edildiğinde izolatların emm tip dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



emm tipi	N	%
emm3	22	24,7
emm2	17	19,1
emm6	13	14,6
emm89	12	13,5
emm4	8	9
emm1	3	3,4
emm12	3	3,4
emm87	3	3,4
emm118	3	3,4
emm28	2	2,2
emm77	2	2,2
emm82	1	1,1
Toplam	89	100

Anahtar Kelimeler: *Streptococcus pyogenes*, emm tiplendirme, gerçek zamanlı PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-052

Kolistin Duyarlılık Testlerinde Hangi Test Kullanılmalı?

Tuğçe Özyol Atkaya, Rukiye Berkem

S.B.Ü. Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi

Giriş ve Amaç: Çoklu ilaca dirençli gram negatif bakterilerin neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde kolistin kullanılmaktadır. Artan direnç nedeniyle kolistin duyarlılığının belirlenmesi gerekmektedir. Rutin laboratuvar uygulamalarında sıklıkla tercih edilen disk difüzyon ve gradient strip yöntemi kolistin duyarlılık testleri için önerilmemektedir. Yarı otomatize antibiyotik duyarlılık sistemlerinde ise hata oranları kabul edilebilir düzeylerde değildir. EUCAST (Avrupa Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Komitesi, European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) ve CLSI (Klinik ve Laboratuvar Standartları Enstitüsü, Clinical and Laboratory Standards Institute) kolistin antibiyotik duyarlılık testlerinde sıvı mikrodilüsyon yöntemini önermektedir. Ancak bu yöntemin klinik laboratuvarlarda kullanımı pratik değildir. Sıvı mikrodilüsyon yöntemi emek ve zaman yoğun bir yöntemdir. Teknik hataların olabilmesi laboratuvarlarda daha kolay, doğru sonuç veren ve rutin iş akışına dahil edilebilir test yöntemlerini gerekli kılmaktadır. Bu amaçla çalışmamızda; laboratuvar yapımı sıvı mikrodilüsyon, ticari bir broth mikrodilüsyon testi olan UMİC ve kolistin disk elüsyon yönteminin kullanımı değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda 14 klinik izolat (*K. pneumoniae*, *A. baumannii* ve *P. aeruginosa*) ve kolistine duyarlı olan bir ATCC *E. coli* 25922 ve kolistine dirençli olan bir NCTC *E. coli* 13846 suşu çalışılmıştır. Testler 24 saatlik taze kültürden, %5 KKA' da üreyen kolonilerden aynı gün Sıvı Mikrodilüsyon, UMİC Kolistin testi (Bruker Daltonics, Almanya) ve Disk elüsyon yöntemleri ile çalışılmıştır. Test sonuçları EUCAST 2024 (v 14.0)'e göre Sıvı Mikrodilüsyon testi altın standart kabul edilerek değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda *K. pneumoniae* (n=6) , *A. baumannii* (n=6) ve *P. aeruginosa* (n=2) izolatı değerlendirildi. İzolatların elde edildiği klinik örnek ve MİK sonucu bilgileri Tablo 1'de gösterilmiştir. Değerlendirdiğimiz 14 izolatın dokuzu kolistin duyarlı beşi dirençli idi. Beş dirençli izolatın dördü UMİC (Bruker Daltonics,Almanya) ile, beşi disk elüsyon ile de dirençli bulunmuştur. Testler arası uyum oranları Tablo 2'de gösterilmiştir.Kolistin duyarlılık testlerinde kabul edilebilir kategorik ve temel uyum düzeyleri farklı oranlarda bildirilmektedir. Bizim çalışmamızda UMİC (Bruker Daltonics, Almanya) testinin temel uyumu %90'ın altında kategorik uyumu ise %90'ın üzerindedir. Çok büyük hata oranı %7,5'in üzerinde, büyük hata oranı ise %7,5'in altındadır. Disk elüsyon testinin temel uyumu ve kategorik uyumu %90'ın üzerindedir. Çok büyük hata ve büyük hata oranı %7,5'in altındadır. Çalışmamızda kısıtlı örnek sayısı ile gerçekleştirilmiştir. Testlerin rutin kullanıma uygunluğunun değerlendirilmesi için; tekrarlanabilirlik gibi performans özellikleri sınır değere yakın, daha fazla sayıda izolatla değerlendirilmelidir .

Test Sonuçları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



No	Örnek Türü	Mikroorganizma	Braket MİK	Katp.	Sıvı MİK	Katp.	Disk Elüsyon MİK	Katp.
1	Kan	<i>E. pneumoniae</i>	0,25	S	1	S	<2	S
2	Kan	<i>E. pneumoniae</i>	0,125	S	1	S	<2	S
3	TA	<i>E. pneumoniae</i>	2	S	4	R	4	R
4	DİK	<i>E. pneumoniae</i>	4	R	8	R	>4	R
5	Sonda	<i>E. pneumoniae</i>	16	R	32	R	>4	R
6	Sonda	<i>E. pneumoniae</i>	>64	R	>64	R	>4	R
7	Kan	<i>A. baumannii</i>	0,125	S	0,25	S	<1	S
8	Kan	<i>A. baumannii</i>	0,5	S	1	S	<1	S
9	TA	<i>A. baumannii</i>	1	S	0,5	S	<1	S
10	Kan	<i>A. baumannii</i>	0,125	S	0,25	S	<1	S
11	Sonda	<i>A. baumannii</i>	0,125	S	0,25	S	<1	S
12	Sonda	<i>A. baumannii</i>	>64	R	64	R	>4	R
13	TA	<i>P. aeruginosa</i>	0,25	S	0,25	S	<1	S
14	TA	<i>P. aeruginosa</i>	0,25	S	0,5	S	<1	S
15	ATCC	<i>E. coli</i> 25922	0,25	S	0,5	S	<1	S
16	NCTC	<i>E. coli</i> 13046	4	R	4	R	4	R

Tablo 2. Test Uyumları

Test Uyumları

	EMC (Braket Elüsyon, Absorpsi)	Disk Elüsyon
Temel Uyum	≥ x 100 %83	≥ x 100 %100
Kategori Uyum	≥ x 100 %82	≥ x 100 %100
Cok Büyük Hata	≥ x 100 %50	≥ x 100 %40
Büyük Hata	≥ x 100 %40	≥ x 100 %40

Anahtar Kelimeler: Kolistin, sıvı mikrodilüsyon, disk elüsyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-053

**Hastanede Yatan Hastalarda Genişlemiş Spektrumlu Beta-Laktamaz Üreten Enterobacterales' in
Neden Olduğu Bakteriyemi ile Sürveyans Kültürleri Arasındaki Uyumun Araştırılması: 5 Yıllık
Retrospektif Bir Çalışma**

Meltem Ayaş¹, Neval Yurttutan Uyar², Sesin Kocagöz³

¹Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi, Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu, Tıbbi Laboratuvar Teknikleri Programı, İstanbul.

²Acıbadem Labmed Laboratuvarları, İstanbul.

³Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul.

Giriş ve Amaç: Genişlemiş spektrumlu beta-laktamaz üreten Enterobacterales (GSBL-E)' e bağlı kan dolaşımı enfeksiyonları, artan hastane maliyetleri, yatış süresi ve hasta mortalitesi ile ilişkilendirilmiştir. GSBL-E kolonizasyonu, bu enfeksiyonlara yakalanmak için ciddi bir risk faktörüdür. Bununla birlikte, GSBL-E kolonizasyonu için rutin hasta taramalarının ilgili enfeksiyonu öngörmedeki rolü belirsizdir. Bu çalışmada hastanede yatan hastalarda rektal tarama izolatları ile kan kültüründe GSBL-E izolatlarının uyumunun analizi hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda 2019 Haziran- 2024 Haziran tarihleri arasında Acıbadem Sağlık Grubu hastanelerinde yatmakta olan 652 hastanın ardışık olarak alınan kan kültür ve rektal sürüntü kültürüne ait veriler retrospektif olarak incelenmiştir. Her hastanın yalnızca ilk pozitif kan kültürü sonuçlarına ilişkin veriler dahil edilmiştir. Hastaya birden fazla sürveyans rektal sürüntü kültürü yapıldıysa, yalnızca kan kültürü pozitifliği sırasında mevcut olan en son sonuçlar dikkate alınmıştır. Rektal sürüntü örnekleri GSBL aranması için Chromagar ESBL (Biomérieux, Fransa) besiyerlerine ekilmiş, 37°C'de bir gecelik inkübasyonun ardından, agar plaklarında üreyen koloniler Maldi Tof MS microflex LT/SH Biotyper (Bruker, Almanya) cihazı ile tanımlanmıştır. Kökenlerin antibiyotik duyarlılık ve GSBL testleri EUCAST (European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) rehberi önerileri doğrultusunda sırasıyla, disk difüzyon ve çift disk sinerji testleri ile gerçekleştirilmiştir. Kan kültürü şişeleri, pozitif bir sonuç elde edilene kadar veya 5 güne kadar otomatik BacT/Alert 3D sistemi (bioMérieux, Fransa) veya BD BACTEC FX sistemi (Becton Dickinson, ABD) kullanılarak aerobik ve anaerobik koşullar altında 37 °C'de inkübe edilmiştir. Kan kültürlerinde üreyen mikroorganizmalar EUCAST önerilerine göre, laboratuvarımızın rutin prosedürlerimize göre değerlendirilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: 652 hastanın 309' unun sürveyans kültüründe GSBL üreten Enterobacterales pozitif, 343' ünde ise negatif bulunmuştur. Sürveyans kültürü pozitif olan 309 hastanın 64' ünde (%20,7), sürveyans kültüründeki aynı GSBL üreten Enterobacterales'in neden olduğu bakteriyemi gelişmiştir. Buna karşılık, sürveyans kültürleri negatif olan 343 hastanın 47' sinde (%13,7) ESBL üretmeyen Enterobacterales kaynaklı bakteriyemi gelişmiştir. GSBL üreten Enterobacterales'in varlığı veya yokluğuyla ilgili olarak, 111 (%17) hastada sürveyans ve kan kültürleri arasında uyumlu sonuçlar elde edilmiştir. Sonuç olarak çalışmamızda kolonizasyon ve bakteriyemi arasında uyumlu veriler elde edilmiş olsa dahi bu veriler şu anda GSBL-E için rutin taramayı desteklememektedir. Kolonizasyondan enfeksiyona yol açan ana belirleyicileri tanımlamak için klinik sonuçlarla birlikte kolonize hastalardan oluşan büyük kohortların analizine ihtiyaç vardır.

Anahtar Kelimeler: GSBL, Sepsis, Sürveyans kültürü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-054

{*Stenotrophomonas maltophilia*}’da Trimetoprim/sülfametoksazol Duyarlılığı Ve Biyofilm Oluşumunun Araştırılması

Hatice Özdemir, Ahmet Çalışkan

Pamukkale Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: *Stenotrophomonas maltophilia* gram-negatif çoklu ilaç direncine neden olabilen bakteriyel patojendir. Biyofilm oluşturarak solunum cihazları, kataterler ve protezler gibi tıbbi cihazlarda kolonize olup nazokomiyal enfeksiyonlara neden olur. Çalışmamızda *Stenotrophomonas maltophilia*’nın trimetoprim/sülfametoksazol (SXT)’e duyarlı ve dirençli izolatları arasında biyofilm yapma dereceleri fenotipik olarak araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2018 – Aralık 2024 tarihleri arasında Pamukkale Üniversitesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı’na farklı klinik birimlerden gönderilen 50 *Stenotrophomonas maltophilia* izolatı çalışmaya alındı. Örneklerden saf kültür halinde elde edilen Gram negatif basıl görünümünde olan bakteriler Phoenix ID/MIC (Becton Dickinson, ABD) veya MALDI Biotyper Sirius (Bruker, Almanya) otomatize identifikasyon sistemi ile tanımlanmıştır. Antibiyotik duyarlılığı Kirby Bauer disk difüzyon yöntemiyle araştırılmıştır. Biyofilm varlığı Stepanovic ve arkadaşlarının önerileri doğrultusunda modifiye edilerek mikrotitrasyon plak yöntemiyle araştırıldı. Negatif kontrol için sadece broth konularak, pozitif kontrol için *S. epidermidis* ATCC 35984 suşu test edildi. Farklı klinik ve örnek türlerinden toplam 50 izolat çalışmaya dahil edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, 50 *Stenotrophomonas maltophilia* izolatı değerlendirilmiştir. İzolatların 23’ü (%46) yoğun bakım ünitelerinden, 26’sı (%52) çeşitli servis birimlerinden ve 1’i (%2) poliklinikten elde edilmiştir. Örneklerin dağılımı ise 6 yara kültürü, 8 kan kültürü, 29 solunum yolu örneği ve 7 diğer örnek (BOS, idrar vb.) şeklindedir. Antimikrobiyal Duyarlılık: İzolatların SXT duyarlılığı incelenmiş; 5 izolat (%10) dirençli, 33 izolat (%66) orta duyarlı ve 12 izolat (%24) duyarlı olarak bulunmuştur. Biyofilm Oluşumu: Biyofilm oluşum değerlendirmesi optik dansite (OD) ölçümlerine göre yapılmıştır. Negatif kontrol OD’sine üç standart sapma eklenerek çalışma için cut-off değeri (OD_c) belirlenmiştir. Sonuçlara göre, OD < OD_c olanlar biyofilm negatif, OD_c < OD < 2xOD_c olanlar zayıf pozitif, 2xOD_c < OD < 4xOD_c olanlar orta pozitif ve OD > 4xOD_c olanlar güçlü pozitif biyofilm oluşturuca olarak değerlendirilmiştir. İzolatların %76’sı (38 izolat) güçlü pozitif, %6’sı (3 izolat) orta pozitif, %12’si (6 izolat) zayıf pozitif biyofilm oluşturmuş ve %6’sı (3 izolat) biyofilm oluşturmamıştır. SXT Duyarlılığı ve Biyofilm İlişkisi: •SXT’ye dirençli olan 5 izolatın tamamı güçlü düzeyde biyofilm oluşturmıştır. •SXT’ye duyarlı 12 izolatın 11’i (%91,7) güçlü biyofilm oluştururken, 1’i (%8,3) orta düzeyde biyofilm oluşturmıştır. •SXT’ye orta duyarlı 33 izolatın 3’ü (%9,1) biyofilm oluşturmamış, 6’sı (%18,2) zayıf düzeyde, 2’si (%6,1) orta düzeyde ve 22’si (%66,7) güçlü düzeyde biyofilm oluşturmıştır. Sonuç: Bu çalışmada değerlendirilen *Stenotrophomonas maltophilia* izolatlarının %10’u SXT’ye dirençlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

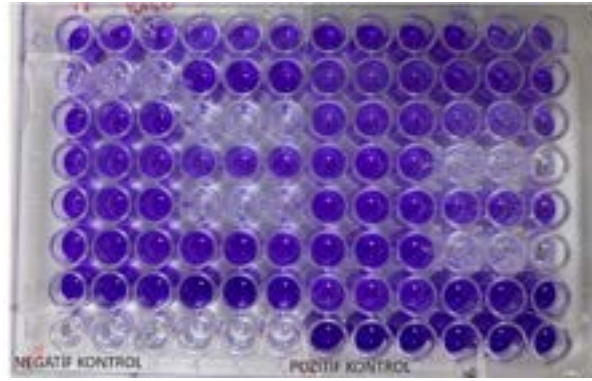
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Suşların %94'ü biyofilm oluşturma kapasitesine sahiptir ve bu durum, bakterinin çevresel koşullara adaptasyonunu ve direnç mekanizmalarını güçlendiren önemli bir faktör olarak değerlendirilmelidir.

Mikrotitrasyon plağında biyofilm oluşumu



Anahtar Kelimeler: *Stenotrophomonas maltophilia*, biyofilm, antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-055

İnsan ve Rodentlerde Belirlenen *Leptospira* Türlerinin Multilocus Sequence Typing (MLST) Yöntemi ile Genotiplendirilmesi ve Karşılaştırılması

Bekir Çelebi¹, Meral Turan¹, Alparslan Cerit¹, Yusuf Yılmaz¹, Elmas Eminoğlu¹, Mehmet Ali Öktem², Cahit Babür¹, Ferhat Matur³, Ahmet Karataş⁴, Mustafa Sözen⁵, Bernard Davoust⁶, Oleg Mediannikov⁶, Pierre Edouard Fournier⁶

¹Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları Dairesi Başkanlığı Ulusal Yüksek Riskli Patojenler Referans Laboratuvarı, Ankara/Türkiye

²Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi Mikrobiyoloji Anabilim İzmir, Türkiye.

³Dokuz Eylül Üniversitesi Fen Fakültesi Biyoloji Bölümü İzmir, Türkiye.

⁴Nigde Ömer Halisdemir Üniversitesi Fen Fakültesi Biyoloji Bölümü, Niğde, Türkiye

⁵Zonguldak Bülent Ecevit Üniversitesi Biyoloji Bölümü, Zonguldak, Türkiye

⁶Institut Hospitalo-universitaire Méditerranée Infection, Marseille, France

Giriş ve Amaç: Leptospiroz insanlarda çoklu organ yetmezliği, şiddetli sepsis tablosu veya gribal enfeksiyona benzer semptomlarla seyreden, zoonotik, su kaynaklı, tropikal ve subtropikal bölgelerde endemik bir hastalıktır. İnsanlar, rezervuar hayvanların kontamine ettiği sulardan enfekte olurlar. Türkiye'de leptospiroz ile ilgili çalışmalar sıklıkla hayvanlarda yapılan seroepidemiyolojik çalışmalar ile insanlarda olgu sunumları niteliğindedir. Bu çalışmada, rodentlerdeki *Leptospira* türlerinin ve insan vakalarında belirlenen *Leptospira* türlerinin MLST yöntemi ile tiplendirilmesi ve genotipik karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu amaçla, patojen *Leptospira* türlerini belirleyen Lip32 real-time PCR ile ülkemizin değişik bölgelerinden leptopiroz şüpheli insan kan örneklerinde ve Burdur, Giresun ve Yozgat illerinde toplanan rodentlerin böbrek dokularında *Leptospira* sp. pozitif belirlen DNA örnekleri çalışmada kullanıldı. MLST için *Leptospira* sp. pozitif örneklerinin altı gen bölgesinin (*Leptospira* MLST scheme3; adk, icdA, LipL32, rrs2, secY, ve LipL41) konvansiyonel PCR'ı uygulandı ve parsiyel DNA sekansları elde edildi. Birleştirilen DNA sekansları ve pubmlst.org'dan indirilen referans leptospira DNA sekansları kullanılarak filogenetik ağaç oluşturularak insanlardaki ve rodentlerdeki *Leptospira* türleri serovar düzeyine kadar belirlendi ve genotipik ilişkileri ortaya konuldu.

Bulgular ve Sonuç: Lip32 real-time PCR ile rodentlerin böbrek dokusunda Giresun ilinde %54 (27/50), Burdur ilinde %14 (7/50) ve Yozgat ilinde %8 (4/50) *Leptospira* sp. pozitifliği belirlendi. *Leptospira* sp. pozitif 30 rodent ve 48 insan DNA örneği MLST analizinde kullanıldı. Çoğunluğu Doğu ve Güneydoğu illerinden olmak üzere pozitif insan örneklerin %56 sı (27/48) *Leptospira kirschneri* (serovar Vanderheiden, serovar Mozdak, Resim B) olarak belirlendi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

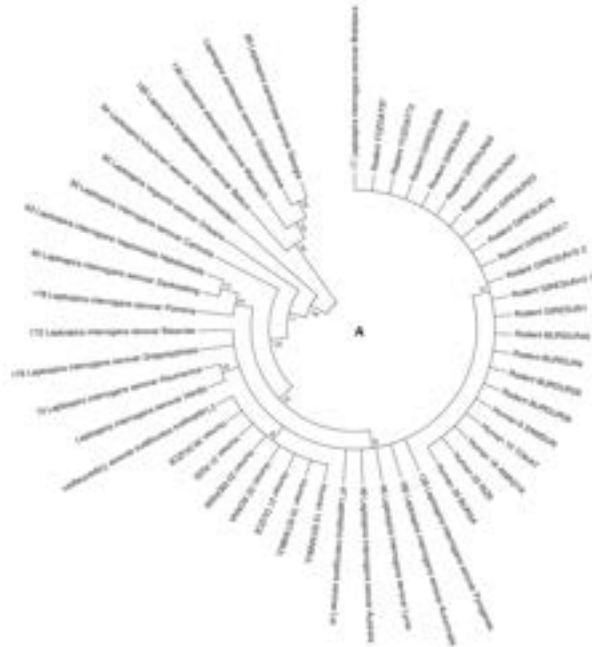
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Karadeniz, Akdeniz ve Marmara bölgesi illerinden, pozitif insan örneklerinin %27'sinde (13/48) *Leptospira interrogans* (serovar Bratislava, serovar Copenhageni-Resim A) gözlenirken, pozitif örneklerin %16'sında (8/48) *Leptospira borgpeterseni* sadece Batı Karadeniz bölgesinde gözlemlendi (Resim B). *Leptospira* pozitif rodent örneklerinin % 73'ünde (22/30) *L. interrogans* (serovar Bratislava, Resim A) Burdur, Yozgat ve Giresun illerinde belirlenirken, %23'ünün (8/30) *L. borgpeterseni* olduğu gözlemlendi ve sadece Giresun ilindeki rodent örneklerinde sınırlıydı (Resim C). MLST flogenetik analizde insan ve rodent *L. interrogans* serovar Bratislava örneklerinin birbiri ile identik olduğu gözlenirken, sadece Batı Karadeniz bölgesinde rodent ve insan örneklerinde belirlenen *L. borgpeterseni* türlerinin genotipik olarak farklı olduğu belirlendi. Bu çalışmada ülkemizde insan örneklerinde *L. kirschneri*, *L. interrogans* ve *L. borgpeterseni*, rodent örneklerinde ise *L. interrogans* ve *L. borgpeterseni* referans bir yöntem olan MLST ile moleküler olarak belirlendi.

Resim A



Resim B

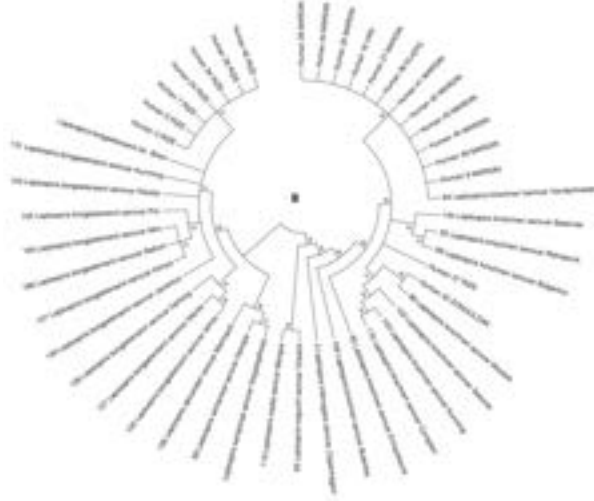
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

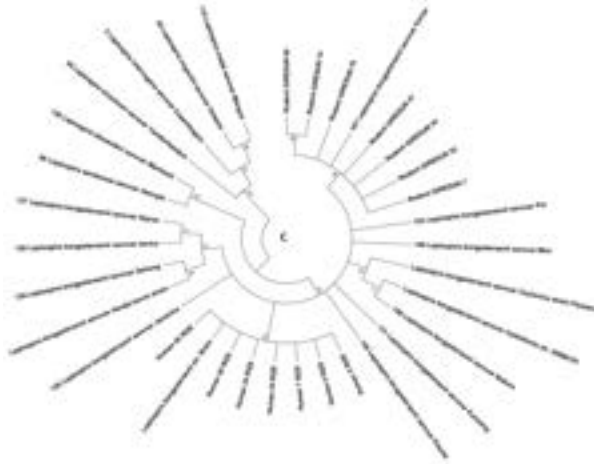
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Resim C



RESİM A-B-C: İnsan ve rodentlerde belirlenen *Leptospira* türlerinin referans *Leptospira* türlerine göre konumunu vurgulayan 6 (adk, icdA, LipL32, rrs2, secY, ve LipL41) gen bölgesinin (Resim A-B) ve 5 (adk, LipL32, rrs2, secY, ve LipL41) gen bölgesinin (Resim C) temel alındığı filogenetik ağaç. Resim A; *L. interrogans* grup 6 gen bölgesinin 2799 bp final data seti kullanıldı, Resim B: *L. kirschneri*, ve *L. borgpeterseni* grup 6 gen bölgesinin 2798 bp final data seti kullanıldı, Resim C; *L. borgpeterseni* grup 5 gen bölgesinin 2244 bp final data seti kullanıldı.

Anahtar Kelimeler: Leptospira, MLST, Genotiplendirme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-056

Mersin’de Boğmaca Vakalarındaki Endişe Veren Artış

Can Berk Kurt¹, Miraç Derya Gündükboy¹, Taylan Bozok¹, Necdet Kuyucu², Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Boğmaca, *Bordetella pertussis*’ in neden olduğu son derece bulaşıcı bir solunum yolu bakteriyel enfeksiyonudur ve dünya çapında, özellikle bebeklerde önemli bir morbidite ve mortalite nedenidir. Yüksek küresel aşı uygulamalarına rağmen boğmaca vakalarının dünya çapında yeniden artışa geçtiği gözlenmektedir. Boğmaca hastalığının yayılımında, özellikle çocuklarda, her üç ila beş yılda bir döngüsel artışlar gözlenmektedir. Çalışmamızda 17.12.2020 - 20.08.2024 tarihleri arasında solunum yolu şikayetleri ile başvuran hastalarda *B. pertussis* enfeksiyonu vakalarının dağılımını ve demografik özelliklerini belirlemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada Mersin Üniversitesi Hastanesi’ne 17.12.2020-20.08.2024 tarihleri arasında akut solunum yolu enfeksiyonu semptomları ile başvuran hastalardan alınmış 3230 nazofaringeal sürüntü örneği multipleks polimeraz zincir reaksiyonu (M-PZR) temelli sendromik panel kiti ile analiz edildi. M-PZR testi için hastalardan alınan nazofaringeal sürüntü örnekleri kullanıldı. M-PZR *Bordetella pertussis*’i de içeren Bosphore Solunum Patojenleri v8 Panel kiti (Anatolia Genetworks, Türkiye) ile 26 etken Real-Time PCR cihazında çalışıldı. Hasta bilgilerine bilgi işlem sisteminden kayıtların incelenmesi sonucu ulaşıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen toplam 3230 hastanın 24’ü (%0.7) M-PZR ile *B. pertussis* pozitif saptandı. Pozitif saptanan hastaların 10’u (%41,7) erkek, 14’ü (%58,3) kadın olup; ortalanca yaş 5 ay (min-max: 1 ay- 57 yıl) olarak bulundu. Hastaların 21’si (%87,5) çocuk, 3’ü (%12,5) erişkin hasta idi (Şekil -1). Hastaların 6’sı (%25) ayaktan tedavi alırken, 18’inin (%75) yatarak tedavi aldı. 2021-2024 yılları arasında dağılıma bakıldığında 2023 de üç, 2024’de 21 vaka tespit edilmiştir (Şekil-2). Vakaların %75’i (18) ilkbahar ve yaz aylarında tespit edilmiştir (Şekil-3). Yatarak tedavi alan çocuk hastaların yedisi (%41,2’i) nin aşısız olduğu belirlenmiştir. Hastalara klaritromisin tedavisi uygulanmış, sadece KLL’li bir erişkin hasta eks olmuştur. Bu çalışmada Mersin bölgesinde *B. pertussis* enfeksiyonunun 2024 yılı bahar ve yaz ayında özellikle 0-3 ay arası çocuklarda artış gösterdiği saptanmıştır. Boğmaca vaka sayılarında dünya genelinde olduğu gibi bölgemizde de yüksek oranda artış olduğu görülmüştür. Bu artışın en önemli nedenleri arasında COVID-19 salgını sırasında çocukluk çağı aşılarına olan güvenin azalması, kıt kaynakların başka yerlere aktarılması ve hizmet kesintileri nedeniyle çocukluk çağı aşılarının zamanında yapılamaması sayılabilir. Ayrıca COVID-19 salgını sırasında boğmacadan sorumlu patojen olan *B. pertussis*’in dolaşımının azalması nedeniyle bağışıklık uyarımının eksikliği, artan nüfus duyarlılığına yol açarak döngüsel zirveleri büyüttmüş olabileceği düşünülmektedir.

Şekil 1

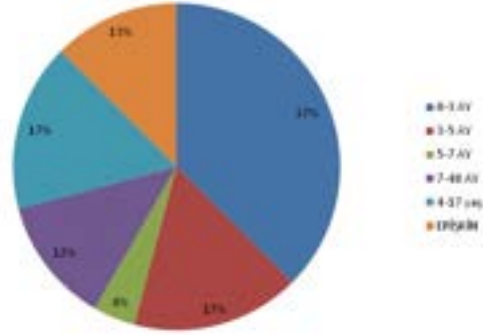
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

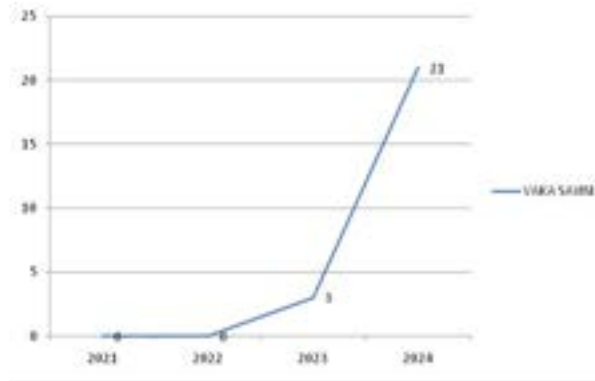
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Boğmaca vakaların yaş gruplarına göre dağılımı

Şekil 2



Yıllara göre boğmaca vaka sayıları

Şekil 3

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Boğmaca vakalarının mevsimlere göre dağılımı

Anahtar Kelimeler: Boğmaca, *Bordetella pertussis*, Multipleks-PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-057

VITEK®2 AST-XN21 Kartının Kolistin Duyarlılık Sonuçlarının Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi ile Karşılaştırılması

Ayça Aydın Uysal¹, Alper Tünger²

¹Marmara Üniversitesi Pendik Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Çoklu ilaç dirençli bakteri enfeksiyonlarında son basamak tedavide kullanılan ve yan etki potansiyeli itibarıyla akılcı kullanımı büyük önem taşıyan kolistin duyarlılık profilinin belirlenebilmesi önemlidir. EUCAST kolistin duyarlılığı belirlemede kullanılabilecek tek yöntem olarak sıvı mikrodilüsyonu (BMD) önermektedir. Yöntemin zor uygulanabilir olması sebebiyle, EUCAST onayı olmayan otomatize sistemler bazı laboratuvarlarda duyarlılık sonuçlarının raporlanmasında kullanılmaktadır. Çalışmamızda kan kültürlerinden izole edilen *Klebsiella pneumoniae* suşlarında, VITEK®2 AST-XN21 ile BMD uyumunun değerlendirilmesi ve VITEK®2 AST-325 kartı sonuçlarıyla karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: EÜTF Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Bakteriyoloji laboratuvarına gelen kan kültürü örneklerinden izole edilen; 50 *K. pneumoniae* suşu (25 kolistine dirençli, 25 kolistine duyarlı) çalışmaya dahil edilmiştir. Yöntem üretici firmanın önerileri doğrultusunda uygulanmıştır. Duyarlılık ve MİK sonuçları BMD ile dört gözlü tablolarla karşılaştırılarak sensitivite, spesifite, kategorik uyum (CA), büyük ve çok büyük hata oranları (ME-VME) değerlendirilmiştir. Kontrol suşları olarak EUCAST önerileri doğrultusunda *Escherichia coli* ATCC 25922 ve *E. coli* NCTC 13846 kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: VITEK®2 AST-XN21 kartı ile standart suşlar için belirlenen kolistin MİK değerleri: *E. coli* ATCC 25922 için 0,5 mg/L (BMD: 1 mg/L); *E. coli* NCTC 13846 için ≥ 8 mg/L (BMD: 4 mg/L)'dir. Yöntem, çalışma grubunda kolistin direncini %66 belirlemiştir. Testin duyarlılık sonuçlarının BMD ile karşılaştırılması Tablo1.'de gösterilmiştir. Yöntem için sensitivite %100, spesifite %68, CA %84, ME %32, VME sıfır olarak hesaplanmıştır. Aynı örneklem grubunda VITEK®2 AST-325 kart kullanılarak yapılan bir çalışmada, ikisi kolistin dirençli, biri duyarlı olan üç suşun duyarlılık sonuçları BMD ile uyumsuz saptanmıştır. AST-XN21'in bu üç suş için BMD ile uyumlu sonuç verdiği görülmüştür. VITEK®2 AST-325 ve AST-XN21 sonuçlarının BMD'ye göre belirlenen istatistiksel değerleri Tablo2.'de karşılaştırılmıştır. AST-XN21 kartıyla duyarlılığın arttığı ve VME değerinin sıfırlandığı göz önüne alınmakla birlikte; özgüllük, CA, ME değerlerinde BMD uyumunun azaldığı dikkat çekmiştir. Otomatize sistem ile belirlenen kolistin duyarlılıklarının doğrulanmadan raporlanması EUCAST ve CLSI tarafından önerilmemektedir. Yapılan çalışma sonuçları da VITEK®2 AST-XN21 kartının ISO 20776-2:2021 standartlarına göre yeterli uyumu sağlamadığı yönündedir. Bu sonuçlara göre otomatize sistem sonuçlarının direkt olarak raporlanması hala mümkün görünmemektedir. Farklı ticari ürünlerle ve daha büyük örneklem gruplarıyla yapılacak çalışmaların artması, literatürde bilgi birikimi sağlayıp güvenilir kitler oluşturulmasına katkıda bulunabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1. VITEK®2 AST-XN21 duyarlılık sonuçlarının sıvı mikrodilüsyon sonuçlarıyla karşılaştırılması

		Sıvı Mikrodilüsyon		Toplam(n)
		Dirençli (n)	Duyarlı (n)	
VITEK®2 AST-XN21	Dirençli (n)	25	8	33
	Duyarlı (n)	0	17	17
Toplam (n)		25	25	50

Tablo2. VITEK®2 AST-325 ve AST-XN21 sonuçlarının BMD'ye göre belirlenen istatistiksel değerlerinin karşılaştırılması

	VITEK®2 AST-325	VITEK®2 AST-NX21
Sensitivite (%)	92	100
Spesifite (%)	96	68
CA (%)	94	84
ME (%)	4	32
VME (%)	8	0

CA: kategorik uyum, ME: büyük hata, VME: çok büyük hata

Anahtar Kelimeler: kolistin, otomatize antimikrobiyal duyarlılık sistemleri, VITEK®2

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-058

Kistik Fibrozisli Hastalardan İzole Edilen *Pseudomonas aeruginosa* Suşlarının Biyofilm Oluşumu ve Tedavide Kullanılan Antibiyotikler ile İlişkisi

Zeynep Güngördü Dalar¹, Nevriye Gönüllü²

¹Biruni Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İstanbul Üniversitesi-Cerrahpaşa, Cerrahpaşa Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Kistik Fibrozis (KF), sindirim sistemi, endokrin ve solunum sistemi gibi birçok sistem ile ilişkili yüksek mortaliteye sahip beyaz ırkta sık görülen otozomal resesif genetik bir hastalıktır. Tekrarlayan pulmoner hastalık, morbidite ve mortalitenin en önemli nedenidir. KF hastalarında görülen *Pseudomonas aeruginosa* (*P.aeruginosa*)'ya bağlı kronik solunum yolu enfeksiyonları, biyofilm oluşumu ile karakterize enfeksiyonlara en iyi örneklerden biridir. Akciğer enfeksiyonlarının önlenmesine veya tedavi edilmesine yönelik antimikrobiyal tedaviler hastaların yaşam sürelerinin artışında önemli rol oynamaktadır. Ancak, rutin in vitro antimikrobiyal duyarlılık testleri, sadece planktonik hücrelere ait duyarlılığı belirleyebilmekte, biyofilm varlığında ise yeterli olmamaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda, KF'li hastaların solunum yolu örneklerinden izole edilen *P.aeruginosa* suşlarının biyofilm oluşumu, 96 kuyucuklu mikropaklarda ve bu plağa uygun pegleri (çıkıntılar) içeren kapaklarla değerlendirilmiştir. Biyofilm oluşturan suşların, güncel tedavide kullanılan beta-laktam, aminoglikozid, makrolid, kinolon ve polimiksin grubu antibiyotiklere karşı planktonik hücrelerde sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile minimum inhibitör konsantrasyonları (MİK) ve biyofilm ortamında minimum biyofilm eradikasyon konsantrasyonları (MBEK) belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: KF'li hastalardan izole edilen 110 *P.aeruginosa* suşunun 70'i (%64) mukoid koloni yapısında olup, non-mukoid suşlardan daha yüksek oranda olduğu saptanmıştır. Suşların 92 tanesi (%21'i zayıf, %36'sı orta, %27'si güçlü) biyofilm oluşturmıştır. Siprofloksin, amikasin, tobramisin ve azitromisin biyofilm üzerine en etkili antibiyotikler olarak belirlenmiştir. Seftazidim, meropenem, aztreonam, levofloksasin ve kolistine karşı suşların, biyofilm ortamında tamamen dirençli hale geldiği görülmüştür. Biyofilm ortamında tüm antibiyotiklerde antimikrobiyal direncin belirgin olarak arttığı belirlenmiştir ($p<0,0001$). Sonuç olarak, izole edilen mikroorganizmanın biyofilm oluşturma özelliğinin belirlenmesi ve daha sonra bu dikkate alınarak antimikrobiyal duyarlılıklarının saptanması için MBEK değerlerinin belirlenmesinin tedavi başarısı açısından daha faydalı bir yaklaşım olacağı kanaatindeyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

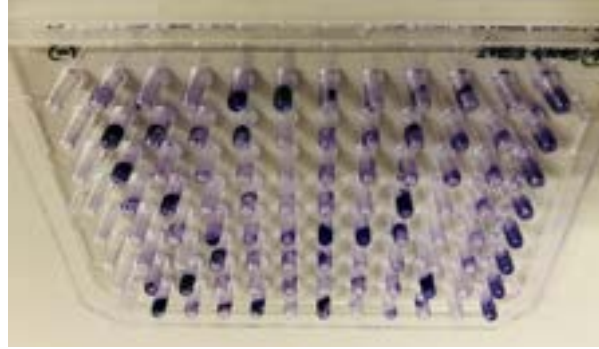
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

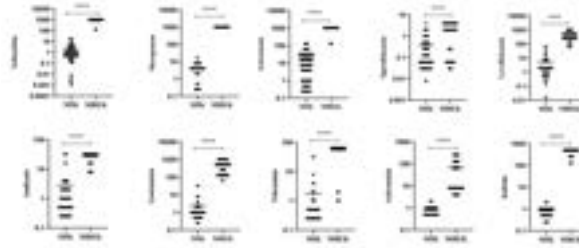


Kristal viyole ile boyanmış peglerin yandan görüntüsü.



(1.Sütun: Sterilite kontrol, sütun 2-10 klinik KF suşları, 11.sütun *P.aeruginosa* ATCC 27853, 12.sütun: Biyofilm pozitif kontrol *P.aeruginosa* 47085)

MİK ve MBEK değerlerinin karşılaştırılması



Anahtar Kelimeler: Kistik Fibrozis, *Pseudomonas aeruginosa*, Biyofilm

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-059

{*Corynebacterium*} Türlerinde Daptomisin ve Vankomisin Yüksek Düzey Direncinin Hızlı Ortaya Çıkışının İn Vitro Değerlendirilmesi

Tuğba Küçükbahar¹, Ekin Kırbaş¹, Öznur Gürpınar¹, Serhat Ünal², Banu Sancak¹, Özgen Eser¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Ankara

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

Giriş ve Amaç: *Corynebacterium* enfeksiyonlarında daptomisin ve vankomisin son basamak tedavi seçenekleridir. Bu izolatlar sıklıkla vankomisin ve daptomisine duyarlı olmasına rağmen uzun süreli daptomisin maruziyetinde yüksek düzey daptomisin direnci gelişme riski ortaya çıkmaktadır. Bu çalışmada, yüksek düzey daptomisin ve vankomisin direnci gösteren fenotiplerin saptanması ve yüksek düzey dirençli fenotiplerin stabilitesinin araştırılması hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ocak 2022- 2023 tarihleri arasında çeşitli klinik örneklerden [BOS(s=2), kateter idrar(s=1), doku(s=22), derin trakeal aspirat(DTA)(s=2), kan(s=85), kateter(s=12), kateter ucu(s=12), kist sıvısı(s=2), periton sıvısı(s=3), plevra sıvısı(s=6), püy(s=3)] izole edilmiş 150 adet *Corynebacterium* spp. izolatı dahil edilmiştir. Tüm izolatlar daptomisin/vankomisin gradiyent test yöntemiyle MİK değerleri belirlenmiştir, yüksek düzey daptomisin ve vankomisin direncini saptamak amacıyla, 5 ml triptik soy buyyonda 0,5 McFarland standart bulanıklığında iki süspansiyon hazırlanmıştır. Birinci tüplere daptomisin, ikinci tüplere vankomisin gradiyent test şeritleri yerleştirilmiştir. Çalkalayıcıda 24saat 35°C'de inkübasyon sonrası gradiyent test yöntemiyle daptomisin ve vankomisin duyarlılıkları belirlenmiştir. İkinci aşamada, daptomisin ve vankomisine duyarlı bulunmayan izolatlarda direnç stabilitesini saptamak amacıyla bakteriler 10 gün süreyle ardışık pasajlanarak günlük olarak gradiyent test yöntemiyle daptomisin/vankomisin MİK değerleri belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Daptomisine yüksek düzeyde direnç geliştirdiği belirlenen 56 izolatın tür dağılımı *C. striatum*(s=48), *C. afermentans*(s=5), *C. coyleae*(s=1), *C. aurimucosum*(s=1), *C. contusum*(s=1) olarak saptanmış olup bu izolatların örnek dağılımı; kan(s=25), kateter(s=5), kateter ucu(s=3), BOS(s=1), DTA(s=2), periton sıvısı(s=3), plevra sıvısı(s=2), püy(s=3), doku(s=11) ve kist sıvısı(s=1) olarak belirlenmiştir. Bu izolatlarda daptomisine maruziyet öncesi; daptomisin MİK aralığı= 0,094-0,75µg/mL, MİK₅₀=0,19µg/mL, MİK₉₀=0,38µg/mL olarak belirlenmiş olup dirençli suş saptanmamıştır(Tablo 1). Maruziyet sonrası ise daptomisin için; MİK₅₀=96µg/mL, MİK₉₀>256µg/mL olarak saptanmıştır. İzolatlarda maruziyet sonrası vankomisin için; MİK₅₀=0,50µg/mL, MİK₉₀=1µg/mL olarak saptanmış, yalnız üç izolatın [*C. striatum*(s=2), *C. amycolatum*(s=1)] vankomisine yüksek düzeyde direnç geliştirdiği ve hepsinin kan kültüründen elde edildiği belirlenmiştir. Bu üç izolatın vankomisin maruziyeti öncesi; vankomisin gradiyent test yöntemiyle MİK değerleri 0,5µg/mL olarak saptanmıştır(Tablo 1). Daptomisin yüksek düzey direnç saptanan 56 izolatın 39'unun direnç fenotipi 10 gün boyunca stabil şekilde [10.günde MİK >256µg/mL;

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



s=21 ve MİK=256µg/mL; s=3] devam ederken 17 izolatın direnç fenotipinin stabil olmadığı tespit edilmiştir. Vankomisin yüksek düzey direnç saptanan üç izolatın direnç fenotipinin stabilitesi incelendiğinde bu izolatların ikinci pasaj sonrası direncini kaybettiği belirlenmiştir. Sonuç olarak, *Corynebacterium* türlerinde in vitro yüksek düzey daptomisin direnci saptanmış ve bu direncin stabil olduğu gözlemlenmiştir. Bu nedenle, *Corynebacterium* enfeksiyonlarının tedavisinde daptomisin kullanırken direnç gelişimi açısından dikkatli olunmalıdır.

Tablo 1. *Corynebacterium* spp. izolatlarının daptomisin/vankomisin gradiyent testle belirlenmiş MİK aralığı, MİK₅₀, MİK₉₀

Tüm İzolatlar	Daptomisin MİK (µg/mL)	
	Maruziyet Öncesi (s=150)	Maruziyet Sonrası (s=94)
MİK aralığı	0,094-0,75	0,125- >256
MİK ₅₀	0,19	96
MİK ₉₀	0,38	>256
	Vankomisin MİK (µg/mL)	
	Maruziyet Öncesi (s=150)	Maruziyet Sonrası (s=82)
MİK aralığı	0,19-1	0,25-16
MİK ₅₀	0,50	0,50
MİK ₉₀	0,75	1

Anahtar Kelimeler: {*Corynebacterium*}, vankomisin, daptomisin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-060

Boğmaca Vakaları Artıyor mu?

Arjen Ulaba, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD

Giriş ve Amaç: Boğmaca, *Bordetella pertussis*'in neden olduğu her yaştaki duyarlı bireyi etkileyen özellikle çocuklukta ağır seyreden bulaşıcı bir solunum sistemi enfeksiyonudur. Hastalığı geçirmiş olmak ve aşılanmak ömür boyu bağışıklık bırakmadığından ileri çocukluk dönemi, adolesan ve yetişkinlerde boğmaca vakaları görülmekte bu da primer aşı şemasını tamamlamayan çocuklar için risk oluşturmaktadır. İnsana adapte *B.parapertussis*, boğmaca benzeri, sıklıkla daha hafif seyreden solunum yolu enfeksiyonuna neden olur. Bu çalışmada *B.pertussis* ve *B.parapertussis* saptadığımız hastaların demografik özellikleri, mevsimsel dağılım, klinik özellikleri, aşılama durumları, mortalite oranlarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2019-Haziran 2024 tarihleri arasında hastanemize solunum yolu enfeksiyonu şikayetleri ile başvuran 3649 hastadan alınan nazofaringeal sürüntü örnekleri *B.pertussis* ve *B.parapertussis* genlerinin tespiti amacıyla FilmArray Multiplex PCR (BioFire, Biomérieux) yöntemi ile test edildi. İstemleri olmadığından örneklerden *B.pertussis* ve *B.parapertussis* izolasyonu ve tanımlamasına yönelik spesifik kültür çalışılmadı. Hastaların tüm bilgileri HBYS'den elde edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: 3649 örneğin 34'ünde *B.pertussis*, 11'inde *B.parapertussis* olmak üzere toplam 45 hastaya klinik bulgularıyla birlikte boğmaca/boğmaca benzeri hastalık tanısı konulmuştur. Yıllara ve aylara göre vakaların dağılımı Şekil 1 ve 2'de, genel özellikleri Tablo 1'de verilmiştir. Başvuru sırasında hastaların 35'inde öksürük, 22'sinde solunum sıkıntısı, 11'inde ateş, 5'inde kusma, 5'inde konvülsiyon, 2'sinde morarma, 2'sinde hemoptizi, birinde göğüs ağrısı, birinde bayılma, birinde beslenme güçlüğü ve birinde ishal vardı. Hastaların üçü ayaktan, 31'i serviste takip edilmiş, 11 hasta ise yoğun bakım ünitesine yatırılmış ve bunlardan 5'i hayatını kaybetmiştir. Hayatını kaybeden hastaların özellikleri Tablo 2'de verilmiştir. Aşılanma durumlarına bakıldığında, bilgisine ulaşılan 39 hastanın sadece 7'sinin aşılarının tam olduğu saptanmıştır. Hastaların tek ya da ko enfeksiyon durumları: 45 hastanın 9'unda tek etken (*B.pertussis* veya *B.parapertussis*); birinde *M.pneumoniae*, 22'sinde bir viral etken, 12'sinde iki viral etken, 2'sinde ise üç viral etken ek olarak saptandı. Sonuç olarak boğmaca vakalarında yıllara göre önemli oranda bir artış olduğu 2024 yılının ilk altı ayında bir önceki yıla göre vaka sayısının iki kat arttığı şiddetli vakaların tamamının aşısız olduğu tespit edilmiştir. Ayrıca *B.parapertussis* saptadığımız 11 vaka içerisinde mortal seyreden iki hastadan birinin tam doz aşı olması, *B.parapertussis* bağlı enfeksiyonların da şiddetli ve öldürücü seyredebileceğini göstermiştir. Aşılama oranlarının azalmasıyla boğmaca vakalarının arttığına ve parapertusis vakalarının aşıya rağmen öldürücü seyredebileceğine, aynı zamanda pertussis vakalarında tek doz aşının bile mortaliteden koruduğuna dikkat çekilmek istenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

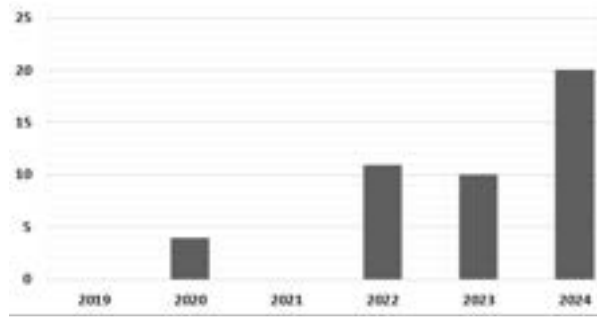
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

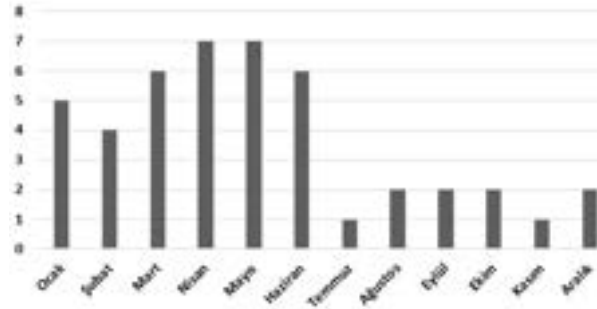
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Yıllara göre boğmaca vaka sayıları



Şekil 2. Aylara göre boğmaca vakalarının dağılımı



Tablo 1. Hastaların özellikleri

Özellikler	Ortanca	(Min, Max)
Laboratuvar değerleri		
Lökosit	14.415	(3.600, 57.270)
Lenfosit	6.800	(867, 36.820)
Crp(mg/dl)	0.25	(0.002, 12.35)
Yatış süresi (gün)	7	(0, 33)
Lab sonuç verme süresi (dakika)	69	(49, 791)
Demografik özellikler		
Yaş (ay)	8	(1, 848)
Cinsiyet	Sayı	Yüzde
Kadın	22	48,89
Erkek	23	51,11

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. Ölen hastaların özellikleri

Vaka no	Etken	Yaş(ay)	Lökosit sayısı(mm ³)	Lenfosit sayısı/(mm ³)	Aldığı tedavi	Aşı durumu
16	<i>B.pertussis</i>	27	57.270	36.820	AZT	Aşısız
18	<i>B.pertussis</i>	25	51.730	27.180	AZT	Aşısız
29	<i>B.pertussis</i>	1	26.600	18.260	Exchange CTX	Aşı takvimi başlamamış
36	<i>B.parapertussis</i>	24	14.700	7.110	SAM TZP AZT	4 doz aşı
45	<i>B.parapertussis</i>	3	43.340	9.477	TZP MEM STX Exchange	Aşısız

AZT:Azitromisin, CTX:Sefotaksim, MEM:Meropenem, SAM:Ampisilin-sulbaktam,SXT:Trimetoprim-sulfametoksazol, TZP:Piperasilin-tazobaktam

Anahtar Kelimeler: *B.pertussis*, PCR, *B.parapertussis*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-061

***Brucella melitensis* Suşlarında İn Vitro Antibiyotik Duyarlılığının Araştırılması**

Üsâme Ünlü¹, Salim Yakut¹, İbrahim Halil Şahin², Fadile Yıldız Zeyrek¹

¹Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Şanlıurfa, Türkiye

²Bitlis Eren Üniversitesi, Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu, Bitlis, Türkiye

Giriş ve Amaç: Bruselloz, genellikle enfekte hayvanlarla temas, pastörize edilmemiş süt/süt ürünleri veya havadaki patojenler yoluyla bulaşan *Brucella* cinsi bakterilerden kaynaklanır. Son yıllarda Bruselloz vakalarında görülen artış, etkili tedavilere olan ihtiyacı arttırmıştır. Bruselloz için antibiyotik seçiminde hasta bilgileri, ilaç bulunabilirliği ve yerel direnç kalıpları gibi faktörler göz önünde bulundurulmalıdır. Uygun antibiyotik tedavisinin ardından akut, komplikasyonsuz brusellozda tam iyileşme beklenir. Bu çalışmada *Bucella melitensis* suşlarının in vitro antibiyotik direncinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ağustos 2022-Temmuz 2024 tarihleri arasında Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi Araştırma ve Uygulama Hastanesi ile Bitlis Devlet Hastanesi'nde çeşitli klinik örneklerden etken olarak izole edilen 60 *Brucella melitensis* izolatı dahil edilmiştir. Suşların 58'i kan kültürü, biri abse kültürü biri de yara kültüründen izole edilmiştir. İzolatların cins düzeyinde tanımlanması MALDİ-TOF-MS (Biomerieux, Fransa) ile, tür düzeyinde tanımlama için ise multiplex PCR yöntemi (Qiagen, Almanya) kullanıldı. PCR yönteminde kalite kontrol suşu olarak *Brucella melitensis* Ether (ATCC 23458) suşu kullanıldı. Antibiyotik duyarlılık testi Mueller-HintonFastidious (MH-F) agarda disk difüzyon yöntemi (DDT) ile çalışıldı. Kalite kontrol suşu olarak *S. pneumoniae* ATCC 49619 suşu kullanıldı. Çalışmaya alınan 60 suş için siprofloksasin(CIP), levofloksasin(LEV), gentamisin(GN), tetrasiklin(TE), rifampisin(RD) ve trimetoprim-sülfametoksazol(SXT) antibiyotikleri çalışıldı. Kırk sekiz saatlik inkübasyon sonrasında antibiyotik zon çapları ölçülerek, EUCAST v.14.0'a göre değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Bu çalışmada PCR ile tüm izolatlar *B. melitensis* olarak saptanmıştır. Tüm suşlar gentamisin, tetrasiklin, rifampisin, siprofloksasin, levofloksasin ve trimetoprim-sulfametoksazole duyarlı olarak bulunmuştur. ADT sonuçları Tablo 1'de verilmiştir. Sonuç olarak çalışmamızda test edilen antibiyotiklere karşı direnç tespit edilmemiş olmasına rağmen *Brucella melitensis* izolatlarında duyarlılık profillerinin belli aralıklarla izlenmesi, antibiyotik direncinin kontrolünün sağlanmasına olanak sağlayacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: *B. melitensis* izolatlarının antibiyotik duyarlılıkları

Antibiyotik	Duyarlı (n / %)	Artmış dozda duyarlı (n / %)	Dirençli (n / %)
Gentamisin	60 / 100	-	-
Rifampisin	60 / 100	-	-
Tetrasiklin	60 / 100	-	-
Siprofloksasin	-	60 / 100	-
Levofloksasin	-	60 / 100	-
Trimetoprim- sulfametoksazol	60 / 100	-	-

Anahtar Kelimeler: *Brucella melitensis*, Antibiyotik direnci, Disk difüzyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-062

Hipermukoviskoz *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarının Virülans ve Direnç Genlerinin Uzun Okuma Yapan Dizileme Teknolojisi İle Belirlenmesi

Şeyda Şilan Okalin¹, İ. Mehmet Ali Öktem²

¹Dokuz Eylül Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, Tıbbi Mikrobiyoloji

²Dokuz Eylül Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: Sağlık hizmeti ile ilişkili kan dolaşım enfeksiyonuna neden olan *Klebsiella pneumoniae*, çeşitli virülans ve direnç genlerini taşımakta ve enfekte olan hastalarda morbiditeyi ve mortaliteyi arttırmaktadır. Bu çalışmanın amacı; sağlık hizmeti ile ilişkili kan dolaşım enfeksiyonu etkeni hipermukoviskoz *K. pneumoniae* izolatlarının virülans ve direnç genlerinin saptanmasıdır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ocak 2018-Aralık 2020 tarihleri arasında Dokuz Eylül Üniversitesi Uygulama ve Araştırma Hastanesi Merkez Laboratuvarı'nda kan kültürlerinden izole edilen *K. pneumoniae* izolatları dahil edildi. Hipermukoviskoz fenotip string testi ve antimikrobiyal direnç profili disk difüzyon yöntemi ile EUCAST kriterlerine göre değerlendirildi. Hipermukoviskoz *K. pneumoniae* izolatlarındaki karbapenem direnç genleri ve *rmpA/rmpA2* virülans genleri PCR yöntemi ile araştırıldı. Hipermukoviskoz *K. pneumoniae* izolatları arasındaki klonal yakınlığı belirlemek üzere PFGE (Pulsed-Field Gel Electrophoresis) yapıldı. Örneklerin tüm genom dizisi Oxford Nanopore (MinION) platformu ile belirlendi. Dizileme işlemi tamamlandıktan sonra "guppy basecaller" ile fast5 formatı fastq formatına dönüştürüldü. Örneklerin ait olduğu sekans tipleri (ST) Center For Genomic Epimemology (CGE) kullanılarak belirlendi. Kromozom üzerindeki direnç genleri; ResFinder veri tabanı, virülans genleri ise Virulence Factor Database (VFDB) kullanılarak belirlendi. Plazmidlerin replikon grupları PlasmidFinder veri tabanı ile belirlendi. Plazmid üzerindeki direnç genleri ResFinder veri tabanı ile virülans genleri hem VFDB hem de BacWGSTdb (Bacterial Whole Genome Sequence Typing Database) ile analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 244 *K. pneumoniae* izolatından onu string testi sonucunda hipermukoviskoz olarak tanımlandı. Bu izolatlardan biri karbapenem, biri β -laktam dirençli olarak saptandı. Yapılan PCR'da hipermukoviskoz iki izolatta *rmpA/rmpA2* virülans genleri, karbapenem dirençli izolatla *blaOXA-48* geni tanımlandı. PFGE sonuçlarına göre hiçbir hipermukoviskoz *K. pneumoniae* izolatının yakın ilişkili olmadığı görüldü. Örneklerin izole edildiği yıl, direnç profili ve *rmpA/rmpA2* gen pozitifliğine bakılarak seçilen beş örneğin tüm genom dizisi belirlendi. ST analizine göre DEUKp9961_18 örneği ST1322'ye, DEUKp1212_19 örneği ST268'e, DEUKp4822_20 örneğin ST461'e, DEUKp6718_20 örneği ST14'e, DEUKp5889_19 örneği ST29'a ait bulundu. VFDB ile belirlenen virülans genleri Tablo 1'de, ResFinder ile belirlenen direnç genleri Tablo 2'de, Plazmid ve plazmidler üzerindeki virülans ve direnç genleri Tablo 3'de gösterilmiştir. Plazmidler aracılığıyla direnç ve virülans genleri yayılmakta, her geçen gün dirençli hipermukoviskoz *K. pneumoniae* sayısı artmaktadır. Dirençli hipermukoviskoz *K. pneumoniae* ile

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



ilişkili enfeksiyonlar yüksek mortalite ile sonuçlanmaktadır. Bu nedenle dirençli ve virülansı yüksek bu izolatların rutin laboratuvar çalışmalarında takibi önem taşımaktadır.

Tablo 1. VFDB ile belirlenen virülans genleri

Örnekler	Virülans Faktörleri	VFDB ile belirlenen virülans genleri
DEUKp9961_18	Tip 3 Fimbria Tip I Fimbria Aerobaktin Enterobaktin Salmochelin Yersiniabaktin Kapsül regülatör T6SS	<i>mrkABCDFHIJ</i> <i>fimABCDEFGHIK</i> <i>iutA</i> <i>entABCDEFs, fepABCDG, fes</i> <i>iroEN</i> <i>fyuA, ybtAEPQsX, irp1, irp2</i> <i>rscAB</i> <i>clpV/tssH, dotU/tssL, hcp/tssD, ompA, tssF, tssG, vasE/tssK, vgrG/tssI, vipA/tssB, vipB/tssC, icmF/tssM, sciN/tssJ, clpV, dotU, impF, impH, sciN, icmF, impA, impJ</i>
DEUKp1212_19	Tip 3 Fimbria Tip I Fimbria Aerobaktin Enterobaktin Salmochelin	<i>mrkABCDFHIJ</i> <i>fimABCDEFGHIK</i> <i>iutA</i> <i>entABCDEFs, fepABCDG, fes</i>

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	Yersiniabaktin	<i>iroEN</i>
	Kapsül regülatör	<i>fyuA, ybtAEPQSUX, irp1, irp2</i>
	T6SS	<i>rcaAB</i>
		<i>clpV/tssH, dotU/tssL, hcp/tssD, ompA, tssF, tssG, vasE/tssK, vgrG/tssI, vipA/tssB, vipB/tssC, icmF/tssM, sciN/tssJ, tle1, tli1, clpV, dotU, impF, impH, sciN, icmF, impJ</i>
DEUKp4822_20	Tip 3 Fimbria	<i>mrkABCDHFHJ</i>
	Tip I Fimbria	<i>fimABCDEFGHJK</i>
	Aerobaktin	<i>iutA</i>
	Enterobaktin	<i>entABCEFS, fepABCDG, fes</i>
	Salmochelin	<i>iroEN</i>
	Yersiniabaktin	<i>irp2</i>
	Kapsül regülatör	<i>rcaAB</i>
	T6SS	<i>clpV/tssH, dotU/tssL, hcp/tssD, ompA, tssF, tssG, vasE/tssK, vgrG/tssI, vipA/tssB, vipB/tssC, icmF/tssM, sciN/tssJ, tle1, tli1, clpV, dotU, impF, impH, sciN, icmF, impA, impG, impJ, vgrG</i>
DEUKp6718_20	Tip 3 Fimbria	
	Tip I Fimbria	<i>mrkABCDHFHJ</i>
	Aerobaktin	<i>fimABCDEFGHJK</i>

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	Enterobaktin	<i>iutA</i>
	Salmochelin	<i>entABCDEFS, fepABCDG, fes</i>
	Yersiniabaktin	<i>iroCEN</i>
	Kapsül regülatör	<i>irp1, irp2, ybtU</i>
	T6SS	<i>rscAB</i>
		<i>clpV/tssH, dotU/tssL, hcp/tssD, ompA, tssF, tssG, vasE/tssK, vgrG/tssI, vipA/tssB, vipB/tssC, icmF/tssM, impA/tssA, sciN/tssJ, tle1, clpV, dotU, impF, impH, sciN, impA, vgrG</i>
DEUKp5889_19	Tip 3 Fimbria	<i>mrkABCDHFHJ</i>
	Tip I Fimbria	<i>fimABCDEFGHJK</i>
	Aerobaktin	<i>iutA</i>
	Enterobaktin	<i>entABCDEFS, fepABCDG, fes</i>
	Salmochelin	<i>fyuA, ybtAEPQSUX, irp1, irp2</i>
	Yersiniabaktin	<i>rscAB</i>
	Kapsül regülatör	<i>clpV/tssH, dotU/tssL, hcp/tssD, ompA, tssF, tssG, vasE/tssK, vgrG/tssI, vipA/tssB, vipB/tssC, clpV, dotU, impF, impH, sciN, icmF, impA, impG, impJ</i>
	T6SS	

Tablo 2. ResFinder veri tabanı ile belirlenen direnç genleri



Antimikrobiyal r	DEUKp9961_1 8	DEUKp1212_1 9	DEUKp4822_2 0	DEUKp6718_2 0	DEUKp5889_1 9
Ampisilin	-	<i>bla</i> _{SHV-11} <i>bla</i> _{SHV-13} <i>bla</i> _{SHV-70} <i>bla</i> _{CTX-M-15}	-	<i>bla</i> _{SHV-106}	-
Trimetoprim, Siprofloksasin, Nalidiksik asid, Kloramfenikol	<i>oqxB</i> , <i>oqxA</i>	<i>oqxB</i> , <i>oqxA</i>	<i>oqxB</i> , <i>oqxA</i>	<i>oqxB</i> , <i>oqxA</i>	<i>oqxB</i> , <i>oqxA</i>
Seftriakson, Sefepim, Seftazidim, Sefotaksim, Aztreonam	-	<i>bla</i> _{SHV-13} <i>bla</i> _{SHV-70} <i>bla</i> _{CTX-M-15}	-	<i>bla</i> _{SHV-106}	-
Sefalotin	-	<i>bla</i> _{SHV-11}	-	-	-
Piperasilin, Amoksisilin, Tikarsilin	-	<i>bla</i> _{SHV-11} <i>bla</i> _{SHV-13} <i>bla</i> _{SHV-70} <i>bla</i> _{CTX-M-15}	-	<i>bla</i> _{SHV-106}	-
Fosfomisin	<i>fosA</i>	<i>fosA5</i>	<i>fosA</i>	<i>fosA</i>	<i>fosA</i>
Bilinmeyen β- laktam	<i>bla</i> _{SHV-204}	-	<i>bla</i> _{SHV-187}	<i>bla</i> _{SHV-28}	<i>bla</i> _{SHV-187}

Tablo 3. Plazmid tipleri, plazmidler üzerinde bulunan virülans ve direnç genleri

Örnekler	Plazmid	Virülans Genleri (VFDB)	Virülans Genleri (BacWGSTdb)	Direnç Genleri (ResFinder)
DEUKp9961_18	-	-	-	-
DEUKp1212_19	IncFIA (HI1)-IncR		-	<i>aac(3)-IId</i> , <i>aph(6)-Id</i> , <i>aph(3")-Ib</i> <i>qnrB1</i> , <i>sul2</i> , <i>dfrA14</i> , <i>bla</i> _{TEM-1A} , <i>bla</i> _{CTX-M-15}

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	Col(pHAD28)	-	-	-
DEUKp4822_20	Col(pHAD28), Col I 440 I	-	-	-
DEUKp6718_20	IncL	-	-	<i>bla</i> _{OXA-48}
	IncFIB(K)-IncHI1(K)	<i>iucABCD</i>	<i>iucABCD</i>	<i>catA1</i>
	IncFIB(pNDM_Mar)- IncHI1(pNDM_MAR)-	<i>iutA</i>	<i>iutA</i>	<i>armA</i> , <i>msr(E)</i> , <i>mph(E)</i> , <i>sul2</i> , <i>catB3</i> , <i>bla</i> _{OXA-1} , <i>aac(6')</i> - <i>lb-cr</i>
	IncR	-	-	-

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	IncFIB(K), IncR, Col(pHAD28)			
DEUKp5889_19	repB	<i>iucABCD</i> <i>iutA</i> <i>iroBCDN</i> <i>rmpA</i>	<i>iucABCD</i> <i>iutA</i> <i>iroBCDN</i> <i>rmpA, rmpA2</i>	-

Anahtar Kelimeler: Hipermukoviskoz *Klebsiella pneumoniae*, Oxford Nanopore, Virülans ve direnç genleri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-063

Gastrik Biyopsi Örneklerinde *Helicobacter pylori* Saptanması, Klaritromisin ve Levofloksasin Direncinden Sorumlu Mutasyonların Araştırılması

Ülker Çuhacı¹, Bengül Durmaz², Mahmut Tayyar Kalcıoğlu³, Serdal Çelik³, Tülay Zenginkinet⁴, Özgür Bahadır⁵, Katre Cemre Atıcı¹, Oğuz Arı⁶, Rıza Durmaz⁶

¹Yüksek İhtisas Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi mikrobiyoloji AD.

²Lokman Hekim Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi mikrobiyoloji AD.

³Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi, Kulak Burun Boğaz AD.

⁴Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi, Patoloji AD.

⁵Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi, Gastroenteroloji AD.

⁶Yıldırım Beyazıt Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi mikrobiyoloji AD.

Giriş ve Amaç: *Helicobacter pylori* suşlarında antibiyotik direnci gittikçe artmaktadır. Fenotipik yöntemlerle antibiyotik direnç testlerinin yapılması zaman almakta ve düşük duyarlılık gibi yetersizlikleri bulunmaktadır. Klaritromisin ve levofloksasin direncinden sorumlu mutasyonları saptamaya yönelik moleküler yöntemlerin duyarlılığı ve özgüllüğü %95'in üzerindedir. Bu çalışmada moleküler yöntemler kullanılarak klinik örneklerde *H. pylori* varlığı yanında klaritromisin ve levofloksasin direncinden sorumlu mutasyonların belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: İstanbul Medeniyet Üniversitesi Göztepe Eğitim ve Araştırma Hastanesinde duodenal gastrit nedeniyle endoskopi uygulanan 185 hastanın mide biyopsi örneğinden *Helicobacter* enfeksiyonu yönünden patoloji sonucu pozitif olan 108 tanesi çalışmaya dahil edildi. Patoloji sonucu pozitif olan 108 hastanın 55'i (%50,92) erkek, 53'ü (%49,07) kadındı. Hastaların yaş aralıkları 20-78 yıl arasında değişmektedir. Çalışma için etik kurul onayı alınmıştır (ETİK Kurul numarası:2022/0192 ve 30.03.2022 tarihli). Örneklerden deparafinizasyon ve DNA izolasyon işlemleri GeneMATRIX Doku ve Bakteri DNA Pürifikasyon kiti (EURx, Polonya) kullanılarak gerçekleştirildi. *H. pylori* tanısı için 16S rDNA ve klaritromisin direncinin saptanması için 23S rRNA üzerinde bu dirence yol açan mutasyon varlığını araştırmak amacıyla geliştirilmiş Multipleks Real Time-PCR kiti olan DiaRD-Hpkla kiti (Diagen Biyoteknoloji, Ankara, Türkiye) kullanıldı. Levofloksasin direnci için gyrA gen bölgesindeki mutasyonları kapsayan primerler ile PCR amplifikasyonu yapıldı. Takiben Sanger dizileme ile mutasyon varlığı araştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen ve patolojisi pozitif olan 108 örnekten 71'inde (%65,7) *H. pylori* pozitif olarak belirlendi. Otuz yedi örnekte internal kontrol pozitif olmasına rağmen *H. pylori* spesifik PCR ile negatif sonuç alındı. Bu durum histopatoloji sonuçlarının hatalı pozitifliği ve/veya örnekteki hedef bakteri miktarının kitin saptayabileceği analitik duyarlılığın altında kalmış olması ile açıklanabilir. Pozitif örneklerin 61'inde (%85,9) klaritromisin direnci ile ilgili mutasyon saptanmadığı halde, 10'unda (%14,1) dirençten sorumlu mutasyon belirlendi. *H. pylori* pozitif 71 örneğin 48'inde gyrA gen bölgesinde mutasyon analizi yapıldı.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bunların 13'ünde (%27,13/48) levofloksasin direnci ile ilişkili mutasyonlar saptandı. Mutasyonların yedisi kodon 87, altısı kodon 91 ile ilişkili idi. Direnç ile ilgili mutasyonların dağılımı tabloda verilmiştir. Sonuç: Kullanılan DiaRD-Hpkla kiti klinik örneklerde *H. pylori* varlığı ve klaritromisin direnci ile ilişkili mutasyonları kısa sürede saptamada etkili olabileceğini göstermektedir. Ancak elde edilen sonuçların daha fazla örneklerle teyit edilmesine ihtiyaç vardır. Suşların üçte birinde saptanan levofloksasin direnci dikkat çekicidir. Çalışmanın sonuçları enfeksiyonun kısa sürede tanımlanması ve dirençten sorumlu mutasyonların belirlenmesinde moleküler yöntemlerin katkısını desteklemektedir.

GyrA gen bölgesinde Levofloksasin direncinden sorumlu mutasyonlar

GyrA gen bölgesinde Levofloksasin direncinden sorumlu mutasyonlar:

Dirençli Örnekler	Mutasyonlar	
	Kodon 87	Kodon 91
1	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild type (Asparat GAT)
2	Sessiz mutasyon (N87N) (AAT → AAC)	D91G (Asparat → Glisin)
3	Sessiz mutasyon (N87N) (AAT → AAC)	D91G (Asparat → Glisin)
4	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild Type (Asparat GAT)
5	Sessiz mutasyon (N87N) (AAT → AAC)	D91N (Asparat → Asparajin)
6	Sessiz mutasyon (N87N) (AAT → AAC)	D91G (Asparat → Glisin)
7	Wild Type (Asparajin AAT)	D91N (Asparat → Asparajin)
8	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild Type (Asparat GAT)
9	Wild Type (Asparajin AAT)	D91N (Asparat → Asparajin)
10	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild Type (Asparat GAT)
11	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild Type (Asparat GAT)
12	N87I (Leüzin)	Wild Type (Asparat GAT)
13	N87K (Asparajin → Lizin)	Wild Type (Asparat GAT)

Anahtar Kelimeler: *H. pylori*, Levofloksasin, Direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-064

OXA-48 Üreten *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Karbapenem Direncinin Tespitinde EUCAST Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testinde Temosilin Sınır Değerlerinin Kullanılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı¹, Sedanur Okumuş¹, Banu Sancak²

¹Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Klebsiella pneumoniae*; hastane kaynaklı enfeksiyonların başta gelen etkenlerinden biridir. Genişlemiş spektrumlu beta-laktamaz (GSBL) üreten *K.pneumoniae* izolatları ile meydana gelen enfeksiyonların tedavisinde karbapenem grubu ilaçlar büyük önem taşımaktadır. Karbapenem direnci ile ilişkili en önemli mekanizmalardan biri karbapenemaz enzimleridir. Sınıf D karbapenemazlar grubunda yer alan OXA-48 ülkemizde *K.pneumoniae* izolatları arasında yaygın olarak saptanmaktadır. Karbapenemaz enzimlerinin varlığının en kısa sürede tespit edilmesi enfeksiyon kontrol önlemleri açısından önemlidir. Bu çalışmada OXA-48 pozitif *K.pneumoniae* izolatlarının temosilin diski kullanarak hızlı antibiyotik duyarlılık testi (HADT) ile erken saptanması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiş olan kan kültür örneklerinden izole edilen ve PZR yöntemi ile OXA-48 pozitif olarak saptanan 30 karbapenem dirençli *K. pneumoniae* izolatı ve OXA-48 negatif 5 karbapenem duyarlı *K. pneumoniae* izolatı çalışmaya dahil edilmiştir. Her bir izolat için 0.5 McFarland bulanıklığında hazırlanan süspansiyonlardan dilüsyon sonrasında 5 ml insan kanı eklenmiş kan kültür şişelerine ekilmiştir. Kan kültürü sistemi olarak Autobio BC 60 (Autobio, Çin) kan kültür şişeleri kullanılmıştır. Kan kültür şişelerinden pozitif üreme sinyali alınmasını takiben şişe cihazdan çıkarılmış, meropenem, imipenem ve temosilin diskleri kullanılarak HADT, EUCAST önerileri doğrultusunda gerçekleştirilmiştir. Sonuçların değerlendirilmesi temosilin, imipenem ve meropenem için HADT EUCAST sınır değerlerine göre yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: OXA-48 üreten karbapenem dirençli izolatlar için elde edilen sonuçlar değerlendirildiğinde; Meropenem için 4., 6., ve 8. saatlerde izolatların sırasıyla %96'sı, %100'ü, %100'ü dirençli olarak saptanmıştır. Temosilin için 4. saat dahil olmak üzere izolatların %100'ü dirençli olarak saptanmıştır. İmipenem için 4., 6., ve 8. saatlerde izolatların sırasıyla % 60'ı, % 36'sı, % 23'ü dirençli olarak saptanmıştır. OXA-48 üretmeyen ve karbapenem duyarlı olan 5 izolat için 4., 6., ve 8. saatlerde meropenem ve temosilin (yüksek dozda) duyarlı olarak saptanmıştır. Günümüzde tedavi protokollerinde, karbapenemaz enzimi tiplerinin belirlenmesi ve buna uygun olarak antibiyotik kullanılması büyük önem taşımaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dolayısıyla OXA-48 varlığını araştıran ve kısa sürede sonuç alınmasını sağlayan temosilin-HADT yönteminin klinik mikrobiyoloji laboratuvarlarında kullanımının önemli olacağı düşünülmüştür. KAYNAK Fernandez-Caso B, Lumbreras-Iglesias P, Rodico MR, Fernandez J, Rodriguez-Lucas C. Usefulness of inclusion of ertapenem and temocillin screening breakpoints in the EUCAST rapid antimicrobial susceptibility testing (RAST) for rapid detection of OXA-48-producing *Klebsiella pneumoniae* directly from positive blood cultures. J Antimicrob Chemother 2024; 79: 462–466.

Anahtar Kelimeler: karbapenemaz, temosilin, oxa-48

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-065

Derin Öğrenme Tabanlı Dizi Tasarımı ile Antimikrobiyal Peptit İşlevselliği ve Üretilebilirliğinin Artırılması

Ayşenur Soytürk Pata¹, Aycan Gündoğdu², Özkan Ufuk Nalbantoğlu¹

¹Erciyes Üniversitesi Genom ve Kök Hücre Merkezi, Biyoinformatik Sistemler Biyolojisi

²Erciyes Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Antibiyotik direnç mekanizmalarından etkilenmeden, bakterilerin hücre duvarı veya zarı üzerinde hasar oluşturarak antibakteriyel etki gösteren peptitlerin önemi giderek artmaktadır. Ancak karmaşıklık, heterolog sistemlerde düşük seviye ekspresyon, sınırlı çözünübilirlik ve sıcaklık duyarlılığı gibi dezavantajlar doğal peptitlerin büyük ölçekli üretimini engellemekte olup bu durum sentetik peptitleri önemli bir alternatif yapmaktadır. Bu çalışmada doğal dizilerin muadili olabilecek, sentetik antimikrobiyal peptit dizilerini hem yapısal hem de fonksiyonel olarak daha kararlı hale getirilmesi için derin öğrenme temelli sezgisel bir optimizasyon yönteminin geliştirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışma kapsamında, peptit dizilerinin optimizasyonu için Metropolis-Hastings temelli bir sezgisel yaklaşım geliştirilmiştir. Peptitlerin amino asitlerinin bir derin öğrenme algoritmasıyla sırayla değiştirilerek, peptitin yapısı bozulmadan kararlı hale getirilmesi sağlanmıştır. Yeni dizinin çözünübilirlik, esneklik ve kararsızlık indeksi hesaplanmış; mevcut peptitten daha iyi olması veya Metropolis kriterine uygun olması durumu geçerlilik kriteri olarak kabul edilmiştir. Mutant dizi belirlenen iterasyon sayısı boyunca, rastgele seçilen yeni bir konumun tasarlanmasıyla optimizasyon sürecinde tekrar kullanılmıştır. Optimize edilecek diziler tüm protein uzayında değil, yapının korunması amacıyla işlevsel proteinlerin bulunduğu alt uzayda aranmıştır. Hedef fonksiyon f , proteinin işlevsel özelliklerini değerlendiren ve birden fazla parametreyi optimize eden bir kara kutu fonksiyonu olarak tanımlanmıştır. Çözünübilirlik NetSolP gibi bir yapay sinir ağı ile belirlenmiş olup kararsızlık indeksi deneysel verilere dayanan bir formülle hesaplanmıştır. Esneklik önceden belirlenmiş amino asit değerleri kullanılarak kayan pencere yöntemiyle hesaplanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma sonucunda üç peptit doğal formuna göre daha kararlı olacak şekilde tasarlanmıştır. Bunlar; insan bağırsak hücreleri tarafından üretilen ve antimikrobiyal özellik gösteren “Defensin, alpha 5” ile Gram-pozitif bakterilere karşı etkili olan “Nisin A” ve “Plectasin”’dir. Kararlı formda tasarlanan peptitlerin, doğal peptitlere göre geliştirilmiş biyofiziksel özellikleri Tablo 1’de sunulmuştur. Doğal ve çalışmada kararlı hale getirilmiş tasarımların 3 boyutlu yapısal tahmini ve karşılaştırması OmegaFold ile gerçekleştirilmiştir (Şekil 1).



Sonuç olarak bu çalışma kapsamında, doğal formlarından daha karalı olacak şekilde üç adet antimikrobiyal peptit tasarlanmıştır. Yenilenmiş formların doğal dizilere ve yapılara oldukça yakın olduğu gösterilmiştir. Geliştirilen yöntemin in silico ortamda güçlü antimikrobiyal peptitler oluşturmada kullanılabileceği ve dolayısıyla yöntemin peptitlerin biyoteknolojik amaçlı kullanımında önemli bir sorunun çözülmesine katkı sunma potansiyeli taşıdığı değerlendirilmiştir.

Şekil 1



Çalışmada geliştirilen yöntem kullanılarak iyileştirilmiş biyofiziksel özelliklere sahip diziler ile Defensin alpha 5, Nisin A ve Plectasin peptitlerinin doğal yapılarının OmegaFold çıktıları

Tablo 1

	Doğal Peptit Özellikleri			Tasarlanan Peptit Özellikleri		
	Çözünübilirlik	Esneklik	Kararsızlık indeksi	Çözünübilirlik	Esneklik	Kararsızlık indeksi
Defensin, alpha 5	0.70875	0.87	33.34	0.85570	1.0	5.57
Nisin A	0.47770	0.93	70.83	0.79135	0.97	12.13
Plectasin	0.61770	0.91	11.8	0.77171	0.99	7.57

Doğal Peptitlerin Ölçümleri ve Önerilen Yöntem Kullanılarak Tasarlanan Peptidlerin Ölçümleri

Anahtar Kelimeler: Protein Tasarımı, Antimikrobiyal Peptidler, Derin Öğrenme

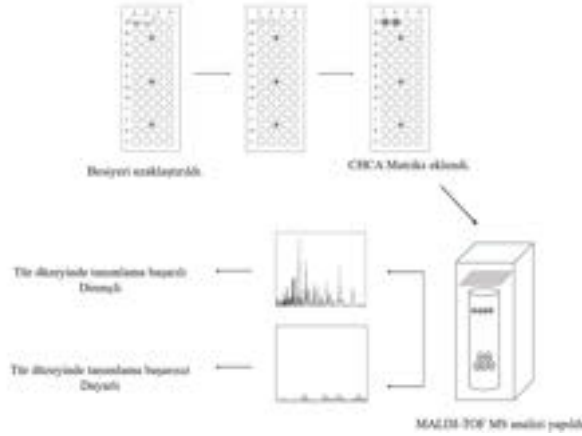
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Referans sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile 100 *Klebsiella pneumoniae* suşunun %46'sı kolistin dirençli geri kalanı ise duyarlı bulunmuştur. Aynı suşlar DOT-MGA yöntemi ile değerlendirildiğinde 4. saatlik inkübasyondan sonra yöntemsel olarak geçerli bulunan (üreme kontrolü kuyucuğunda >%90 kesinlikle identifikasyon saptanan) 87 suştan 68'i kategorik olarak uyumlu bulunmuştur (%78.16). 5. saatte 94 geçerli suştan 88'i (%93.61) ve 6. saatte ise 99 geçerli suştan 94'ü (%94.94) referans yöntemle kategorik olarak uyumlu bulunmuştur. Referans sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile diğer 100 *Klebsiella pneumoniae* suşunun %36'sı meropeneme dirençli, %10'u orta duyarlı, %54'ü ise duyarlı olarak bulunmuştur. DOT-MGA testinde orta duyarlılık saptamak mümkün olmadığı için orta duyarlılar dirençli kategorisinde değerlendirmeye alınmıştır. Bu değerlendirme sonucunda 4. saatte 94 geçerli suştan 83'ü (%88.29), 5. saatte 99 geçerli suştan 86'sı (%86.86) ve 6. saatte 100 geçerli suştan 87'si (%87) kategorik olarak uyumlu bulunmuştur. DOT-MGA, optimizasyon zorluklarına rağmen antimikrobiyal direncin rutinde hızlı olarak saptanabilmesi için umut verici bir test gibi görünmektedir. Testin klinik uygulama için standardizasyona yönelik genetik özelliği çeşitli suşların kullanıldığı ileri çalışmalara ihtiyaç vardır.

Anahtar Kelimeler: DOT-MGA, Antibiyotik direnci, MALDI-TOF MS

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-067

Klinik Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae İzolatlarında Antibiyotik Direncinin Prevalansı ve Direnç Mekanizmalarının Araştırılması

Mervenur Demir, Gülşen Hazırolan

Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae türleri ağız, üst solunum yolu, bağırsak ve kadın genital mikrobiyotasında bulunan zorunlu anaerobik gram-negatif bakterilerdir ve insanlarda çeşitli enfeksiyonlara neden olabilirler. Ülkemizde bu bakterilerin antibiyotik duyarlılık durumuyla ilgili veri sınırlıdır. Çalışmamızın amacı hastanemizdeki klinik örneklerden izole edilen Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae türlerinin antibiyotik direnç profilinin ve direnç mekanizmalarının belirlenmesidir.

Gereç ve Yöntem: 01.07.2018-31.06.2023 tarihleri arasında laboratuvarımıza gelen klinik örneklerden izole edilen Prevotellaceae (n=76) ve Fusobacteriaceae (n=34) izolatları çalışmaya alınmıştır. İzolatlar MALDI-TOF-MS ile tanımlanmıştır. Ampisilin, sefoksitin, piperasilin/tazobaktam, meropenem, klindamisin, metronidazol ve tigesiklin duyarlılık testi agar dilüsyon yöntemiyle çalışılmıştır. MİK değerleri CLSI M100 Ed34'e sınıflandırılmıştır. Antibiyotik direnç genlerinin (cfxA, ermF, tetQ, nim) saptanmasında gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (RT-PCR) kullanılmıştır. Nim genlerinin alt tipi DNA dizi analiziyle belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Laboratuvarımızda püye (n=66), doku (n=17), kan (n=14), periton sıvısı (n=7) ve plevra sıvısı (n=6) örneklerinden toplam 110 izolat üretilmiştir. Üreyen bakteriler, *Fusobacterium* spp. (n=34), *Prevotella* spp. (n=38), *Segatella* spp. (n=29), *Hoyleseella* spp. (n=8) ve *Hallella bergensis* (n=1) olarak tanımlanmıştır (Tablo 1). *Prevotella* spp.'de ampisiline %78.9, klindamisine %57.9 oranında direnç saptanmıştır (Tablo 2). *Segatella* spp.'de bu oranlar sırasıyla %58.6 ve %44.8 bulunmuştur. *Fusobacterium* spp.'de %8.9 oranında ampisilin direnci saptanmıştır. Dört *Hoyleseella* spp.'de klindamisin direnci, iki *Hoyleseella* spp. ve bir *H. bergensis*'de ampisilin direnci tespit edilmiştir. Test edilen diğer antibiyotiklere karşı direnç saptanmamıştır. Beta-laktamaz testi *Prevotella* spp.'de %76.3 (n=29), *Segatella* spp.'de %51.7 (n=15), *Fusobacterium* spp.'de %8.9 (n=3), iki *Hoyleseella* spp. ve bir *H. bergensis*'de pozitif bulunmuştur. CfxA, ermF ve tetQ genleri sırasıyla *Prevotella* spp.'de %86.8, %71.1, %60.5; *Segatella* spp.'de %51.7, %58.6, %27.6 ve *Fusobacterium* spp.'de %8.9, %5.9, %11.8 oranlarında saptanmıştır (Tablo 3). Nim geni yalnızca iki *P. bivia* izolatında tespit edilmiştir. DNA dizi analizi ile bu genlerin alt tipinin nimK olduğu belirlenmiştir. Prevotellaceae ailesine ait türlerde yüksek düzeyde ampisilin ve klindamisin direnci saptanması bu antibiyotiklerin duyarlılık sonucu olmadan kullanılmaması gerektiğini düşündürmektedir. Bu türlerde ampisilin direnci, beta laktamaz aktivitesi ve cfxA geni varlığı arasında anlamlı bir ilişki olduğu görülmüştür. Klindamisin dirençli izolatların %92.3'ünde (n=36) ermF geni saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



TetQ geni taşıyan izolatlarda tigesiklin direnci saptanmamıştır. Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae türlerine ait bazı izolatlar fenotipik direnç göstermeden antibiyotik direnç genlerini taşımaktadır [ermF(n=14), cfxA(n=7), nim(n=2)]. Çalışmamızın kısıtlılığı tanımlama sonuçlarının 16S rRNA analiziyle doğrulanmamış olmasıdır. Prevotella spp.'de nim geni saptanması bölgemiz ve ülkemizde elde edilmiş ilk veridir. Çalışmamız ile Prevotellaceae ve Fusobacteriaceae türlerinin antibiyotik direnç profili ve mekanizmalarına ait veri sağlanmıştır.

Tablo 1

Tür	Püly/Akne	Doku	Kan	Periton sıvısı	Flavra sıvısı	Toplam
<i>Fusobacterium</i> spp.	15	4	7	1	4	34
<i>Prevotella</i> spp.	21	8	5	3	1	38
<i>Legatella</i> spp.	20	4	1	3	1	29
<i>Neisseria</i> spp.	0	1	1	-	-	2
<i>Nuttallia bergensis</i>	1	-	-	-	-	1
Toplam	66	17	14	7	6	130

Bakteri türlerinin izole edildikleri örnek türlerine göre dağılımı

Tablo 2

Tür (izolat sayısı)	AMP	FOX	TZP*	MEM	CM	MFT	TGC
Fusobacteriaceae							
<i>Fusobacterium</i> spp. (n=34)	AMP: <0.00-0.4 MIC ₅₀ : <0.06 MIC ₉₀ : 1 %R: 0.0	FOX: <0.00-4 MIC ₅₀ : 0 MIC ₉₀ : 0 %R: 0	TZP: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MEM: <0.00-0.06 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	CM: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MFT: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	TGC: <0.00-0.125 MIC ₅₀ : 0.125 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0
Prevotellaceae							
<i>Prevotella</i> spp. (n=38)	AMP: <0.00-125 MIC ₅₀ : 16 MIC ₉₀ : 64 %R: 78.9	FOX: 0.25-16 MIC ₅₀ : 0 MIC ₉₀ : 16 %R: 0	TZP: <0.00-4 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 1 %R: 0	MEM: <0.00-0.25 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	CM: <0.00-10 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MFT: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	TGC: <0.00-0.125 MIC ₅₀ : 0.125 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0
<i>Legatella</i> spp. (n=29)	AMP: <0.00-8 MIC ₅₀ : 64 MIC ₉₀ : 64 %R: 58.6	FOX: 0.5-16 MIC ₅₀ : 0 MIC ₉₀ : 0 %R: 0	TZP: <0.00-4 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 1 %R: 0	MEM: <0.00-0.06 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	CM: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MFT: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	TGC: <0.00-0.125 MIC ₅₀ : 0.125 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0
<i>Neisseria</i> spp. (n=2)	AMP: <0.00-0.4 MIC ₅₀ : 0 MIC ₉₀ : 0 %R: 0	FOX: <0.00-0 MIC ₅₀ : 0 MIC ₉₀ : 0 %R: 0	TZP: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	MEM: <0.00-0.06 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	CM: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MFT: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	TGC: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.125 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0
<i>Nuttallia bergensis</i> (n=1)	AMP: <0.00-4 MIC ₅₀ : 4 MIC ₉₀ : 4 %R: 0	FOX: <0.00-4 MIC ₅₀ : 4 MIC ₉₀ : 4 %R: 0	TZP: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	MEM: <0.00-0.06 MIC ₅₀ : 0.06 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0	CM: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	MFT: <0.00-0.5 MIC ₅₀ : 0.5 MIC ₉₀ : 0.25 %R: 0	TGC: <0.00-1 MIC ₅₀ : 0.125 MIC ₉₀ : 0.06 %R: 0

Kısaltmalar: AMP, ampicilin; FOX, sefalosporin; TZP, tigesiklin; MEM, meropenem; CM, klindamisin; MFT, metronidazol; TGC, tigeciklin; MIC, minimal inhibitör konsantrasyonu; R, direnç.
*Tigesiklin 4 mg/ml, 2400 konsantrasyonda olmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bakteri türlerine göre antibiyotik duyarlılık testi sonuçları

Tablo 3

Tür (sıralı sayı)	İzolat sayısı	β -laktamaz (%)	çlax	amok	kan	sis
Fusobacteriaceae						
<i>Fusobacterium</i> spp. (n=94)	1	1	+	-	+	-
	1	1	-	-	+	-
	1	1	-	-	-	-
	1	0	+	+	+	-
	1	0	+	-	-	-
	1	0	-	+	+	-
	28	0	-	-	-	-
Pozitif izolasyon toplamı (%)		3 (3.2)	3 (3.2)	3 (3.2)	4 (4.2)	0 (0)
Prevotellaceae						
<i>Prevotella</i> spp. (n=33)	1	1	+	+	+	+
	16	16	+	+	+	-
	8	7	+	+	-	-
	5	4	+	-	+	-
	5	4	+	-	-	-
	1	0	-	+	+	+
	1	0	-	+	+	-
	3	0	-	+	-	-
	1	0	-	-	+	-
Pozitif izolasyon toplamı (%)		26 (78.8)	10 (30.3)	27 (75.8)	23 (69.7)	2 (6.1)
<i>Legionella</i> spp. (n=25)	5	5	+	+	+	-
	5	5	+	+	-	-
	3	3	+	-	+	-
	2	1	+	-	-	-
	7	1	-	+	-	-
	7	0	-	-	-	-
Pozitif izolasyon toplamı (%)		16 (64.0)	10 (40.0)	17 (68.0)	9 (36.0)	0 (0)
Neisseriaceae						
<i>Neisseria</i> spp. (n=4)	1	1	+	+	-	-
	1	1	+	-	-	-
	2	0	-	+	-	-
	1	0	-	+	+	-
	3	0	-	-	-	-
Pozitif izolasyon toplamı (%)		3 (75.0)	3 (75.0)	4 (100.0)	1 (25.0)	0 (0)
<i>Haemophilus</i> spp. (n=1)	1	1	+	+	+	-

Antibiyotik direnç genleri ve beta-laktamaz pozitiflik durumunun bakteri türlerine göre dağılımı

Anahtar Kelimeler: antibiyotik direnci, *Prevotella*, *Fusobacterium*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-068

OprD Eksikliği Olan ve Olmayan *Pseudomonas aeruginosa* Klinik İzolatlarında Meropenem ile Çeşitli Antimikrobiyal Kombinasyonların İn Vitro Etkileşimleri

Tuba Müderris¹, Ufuk Akbayır², Rıza Durmaz³, Selçuk Kaya¹, Tuba Dal³, Ziya Cibali Açıkgöz³, Ayşegül Aksoy Gökmen¹

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi, Tıp fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji ana bilim dalı

²Diyarbakır Bismil Devlet hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarı

³Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Tıp fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji ana bilim dalı

Giriş ve Amaç: *Pseudomonas aeruginosa* enfeksiyonlarında direnç oranlarının yüksek olması, tedavi seçeneklerini kısıtlamıştır. Antimikrobiyal direnç, efflux pompalarının aşırı ekspresyonu, porin üretiminin azalması, antibiyotik etkisizleştirici enzimlerin üretimi ve direnç genlerinin kazanılması/mutasyonu gibi çok sayıda karmaşık direnç mekanizmasının etkileşimi sonucunda gelişir. Ancak bu direnç mekanizmalarının antimikrobiyal tedaviyle etkileşimi halen tam olarak bilinmemektedir. OprD porin antibiyotik alımında rol oynar ve karbapenemlerin bağlanma bölgelerini içerir. OprD porin sentezindeki azalma karbapenem direncine yol açabilir. Bu çalışmada, *P. aeruginosa* klinik izolatlarında meropenem (MEM) ile kolistin (CT), ertapenem (ETP) ve fosfomisin (FF) kombinasyonlarının in-vitro sinerjistik etkileşimleri ile OprD porin azalması üretimi (DPAÜ) arasındaki ilişkinin ortaya konulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya alınacak izolatlar daha önce DPAÜ, MexAB-OprM, MexCD-OprJ, MexXY-OprM efflux pompa aşırı ekspresyonu, karbapenemaz varlığı bilinen ve pulsed-field gel electrophoresis ile klonal ilişkileri belirlenmiş *P. aeruginosa* izolatları içerisinde seçilmiştir. Sadece DPAÜ olan izolatlar ile direnç mekanizması saptanmamış izolatlar çalışmaya dahil edilmiştir. Çalışmaya 20 DPAÜ olan (grup 1) ve 20 DPAÜ olmayan (grup 2) toplam 40 izolat dahil edilmiştir. Bakteri tanımlama Bruker-MALDI-TOF ile antimikrobiyal duyarlılık ise Phoenix otomatize sistem kullanılarak saptanmıştır. Minimum inhibitör konsantrasyon (MİK), MEM, CT ve ETP için sıvı dilüsyon yöntemi ile FF için ise agar dilüsyon yöntemi kullanılarak belirlenmiştir. Antimikrobiyal kombinasyonların in-vitro sinerjistik etkileşimleri dama tahtası yöntemi ve fractional inhibitory concentration index (FICI) kullanılarak değerlendirilmiştir. FICI şu şekilde yorumlandı: $\leq 0,5$, $>0,5 - \leq 1,0$, $>1,0 - \leq 4,0$, $>4,0$ sırasıyla sinerjistik, additif, indifferent ve antagonistik etki.

Bulgular ve Sonuç: Grup-1 izolatlarda MEM/CT, MEM/ETP, MEM/FF antimikrobiyal kombinasyonlarında sinerjistik etkileşim sırasıyla %45, %5, %15 olarak bulunurken, Grup-2 izolatlarda sırasıyla %30, %5 ve %10 olarak saptanmıştır. Her iki grupta MEM/CT antimikrobiyal kombinasyonunda antagonist etki saptanmamıştır. Grup1/2 izolatlarda MEM/ETP ve MEM/FF kombinasyonlarında antagonist etkileşim sırasıyla; %20/%20 ve %35/%50 olarak saptanmıştır (Tablo1). Antimikrobiyal kombinasyonlardaki etkileşimlerin direnç fenotiplerine ve DPAÜ varlığına göre dağılımı Tablo2’de gösterilmiştir. Antimikrobiyal kombinasyonlardan en fazla sinerji MEM/CT kombinasyonunda görülmüş olup, kombinasyonda izolatların tümünde CT, neredeyse tamamında ise MEM MİK değerlerinin düştüğü saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



(Tablo3). Grup1/2 izolatlar arasında her üç antimikrobiyal kombinasyon için sinerjistik etkileşim oranlarında bir fark saptanmamıştır. Bu nedenle test edilen antimikrobiyal kombinasyonların in-vitro etkileşimi ile DPAÜ varlığı arasında bir ilişki saptanamamıştır. Sonuç olarak direnç mekanizması, antimikrobiyal etkileşim ilişkisinin tam olarak anlaşılabilmesi için dinamik konsantrasyonların etkisine yönelik geniş kapsamlı çalışmalara ihtiyaç vardır.

Tablo 1. İzolatların özellikleri ve test edilen antibiyotik kombinasyonlarının in vitro etkileşimleri

TA; trakeal aspirat, BAL; bronkoalveolar lavaj, ETA; endotrekeal aspirat, MDR; multi drug resistance, XDR; extensive drug resistance, CTZ; seftazidim, CPM; sefepim, AZT; aztreonam, PIP; piperasillin, PPT; Piperasillin/tazobaktam, TIC; tikarsillin, GEN; gentamisin, AMI; amikasin, TOB; tobramisin, IMI; imipenem, CIP; siprofloksasin, OFL; ofloksasin, MEM; meropenem, ETP; ertapenem, FF; fosfomisin, CT; kolistin, PFGE; pulse field gel electrophoresis, S; sinerji, I; indifferens, ADD; additif, ANT; antagonist, FICI; Fractional inhibitory concentration index.

Tablo 2. Antimikrobiyal kombinasyonlardaki etkileşimlerin direnç fenotiplerine ve OprD down regülasyonunun varlığına göre dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



		MEROPENEM				ERTAPENEM				FF			
		S	I	ADD	ANT	S	I	ADD	ANT	S	I	ADD	ANT
Ertapenem 64 mg	MEM	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	ETP	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	FF	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	CT	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
Ertapenem 64 mg	MEM	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	ETP	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	FF	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	CT	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100

MDR; multi drug resistance, XDR; extensive drug resistance, MEM; meropenem, ETP; ertapenem, FF; fosfomisin, CT; kolistin, S; sinerji, I; indifferens, ADD; additif, ANT; antagonist

Tablo 3. İzolatların tek başına ve kombinasyondaki minimal inhibitör kombinasyon değerleri

		MEROPENEM				ERTAPENEM				FF			
		S	I	ADD	ANT	S	I	ADD	ANT	S	I	ADD	ANT
Ertapenem 64 mg	MEM	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	ETP	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	FF	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	CT	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
Ertapenem 64 mg	MEM	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	ETP	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	FF	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100
	CT	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100	100

MİK; Minimal inhibitör konsantrasyon, MEM; meropenem, ETP; ertapenem, FF; fosfomisin, CT; kolistin

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas aeruginosa*, Opr D porin, in vitro antimikrobiyal etkileşim

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-069

Enterobacterales İzolatlarında Kolistin Direncinin Fenotipik ve Genotipik Yöntemlerle Araştırılması

Kübra Hacıeminoğlu Ülker, Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Asuman Birinci

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun

Giriş ve Amaç: Kolistin, çoklu ilaç direncine sahip gram negatif bakterilerin tedavisinde son seçenek olarak kullanılan bir antimikrobiyaldir. Kolistin duyarlılığının tespitinde zor ve zaman alıcı sıvı mikrodilüsyon (SMD) yönteminden başka seçenek olmaması sebebiyle kolistin duyarlılığının belirlenmesinde daha hızlı sonuç veren yöntemlere ihtiyaç duyulmaktadır. Çalışmamızda Enterobacterales izolatlarında kolistin direncinin, yeni geliştirilen hızlı polimiksin bromkrezol, resazurin bazlı kolistin sıvı disk elüsyon (KSDE) ve nitrat redüktaz bazlı KSDE testleriyle belirlenmesi ve plazmid aracılı kolistin direnç genlerinin varlığının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza gönderilen klinik örneklerden izole edilen, çoklu ilaç dirençli (ÇİD) ve yaygın ilaç dirençli (YİD) Enterobacterales izolatları arasından kolistin duyarlılığı SMD yöntemiyle belirlenmiş, 140 kolistin dirençli ve 75 kolistin duyarlı Enterobacterales izolatı çalışmaya dahil edilmiş, bu izolatlarda yeni geliştirilen testlerin performansı değerlendirilmiştir. Hızlı polimiksin bromkrezol testi, glukoz metabolizması ile Enterobacterales üremesinin 4 saatte saptandığı kolorimetrik temelli yeni bir testtir. Resazurin bazlı KSDE ve nitrat redüktaz bazlı KSDE testleri ise; kolistin sıvı disk elüsyon yönteminden geliştirilmiş yeni testlerdir. Resazurin bazlı KSDE testi metabolik olarak aktif bakteri hücrelerinin mavi resazurini, mor/pembe resofurine indirgeme, nitrat redüktaz bazlı KSDE testi ise bakterilerin nitratı nitrite indirgeme esasına dayanan, 6 saatte sonuç veren kolorimetrik temelli testlerdir. Ayrıca bu izolatlarda polimeraz zincir reaksiyonu (PZR) ile kolistin direnç genleri mcr-1, mcr-2, mcr-3, mcr-4 ve mcr-5'in varlığı araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzolatlar en sık idrar (%29,77), kan (%27,91) örneklerinden elde edilmiş ve tür dağılımı *Klebsiella pneumoniae* (%88,4), *Escherichia coli* (%9,3) ve *Enterobacter cloacae* (%2,3) şeklindedir. Hızlı polimiksin bromkrezol, resazurin bazlı KSDE ve nitrat redüktaz bazlı KSDE testlerinin sonuçları referans SMD ile karşılaştırıldığında sırasıyla kategorik uyum %98,6, %91,2 ve %88,37; duyarlılık %99,3, %86,4 ve %82,1; özgüllük %97, %100 ve %100 olarak belirlenmiştir. Bu testlerin kategorik uyum, çok büyük hata, büyük hata, duyarlılık, özgüllük, pozitif ve negatif prediktif değerleri Tablo 1'de sunulmuştur. Resazurin ve nitrat redüktaz bazlı KSDE testlerinde uyumsuz sonuç veren izolatların %96,5'i *K.pneumoniae*'dir. Bu testlerdeki uyumsuz sonuçların heterodirenç kaynaklı olabileceği düşünülmektedir. PZR sonuçları değerlendirildiğinde izolatlarda mcr genleri saptanmamıştır. Dirençli Enterobacterales izolatlarında 4-6 saatte sonuç veren hızlı kolistin duyarlılık testlerinin yüksek duyarlılık, özgüllük, PPD ve NPD oranları verdiği ve bu testlerin SMD yöntemine bir alternatif olabileceği görülmüştür. Ayrıca kolistin direncinin hızla yayılmasından sorumlu mcr genlerinin izolatlarımızda saptanmamış olması da sevindiricidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. Referans SMD yöntemine göre hızlı polimiksin bromkrezol, rezasurin bazlı KSDE ve nitrat redktaz bazlı KSDE testlerinin kategorik uyum, ok byk hata, byk hata, duyarlılık, zgllk, pozitif prediktif deęer, negatif prediktif deęer oranları

	Hızlı Polimiksin Bromkrezol Testi	Rezasurin Bazlı KSDE Testi	Nitrat Redktaz Bazlı KSDE Testi
Kategorik Uyum (KU)	% 98,6	% 91,2	% 88,37
ok Byk Hata (BH)	% 0,46	% 8,8	% 11,6
Byk Hata (BH)	% 0,93	% 0	% 0
Duyarlılık	% 99,3	% 86,4	% 82,1
zgllk	% 97	% 100	% 100
Pozitif Prediktif Deęer (PPD)	% 98,5	% 100	% 100
Negatif Prediktif Deęer (NPD)	% 98,6	% 80	% 75

Anahtar Kelimeler: Kolistin, Enterobacterales, Hızlı antimikrobiyal duyarlılık testi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-070

Clinical Impact and Molecular Profile of Carbapenem-Resistant Hypervirulent *Klebsiella pneumoniae*

Cansel Vatansever¹, Jale Boral¹, Selin Belge¹, Nihan Kardan¹, Bade Tanyolaç¹, Ghazal Shahrokhi¹, Anı Akpınar¹, Güz Ekinci¹, Emir Ural¹, Burcu İşler³, Önder Ergönül⁴, Fusun Can²

¹Koç University – İş Bank Center for Infectious Diseases (KUISCID), Istanbul, Turkey

²Department of Medical Microbiology, School of Medicine, Koç University, Istanbul, Turkey

³Centre for Clinical Research, Faculty of Medicine, The University of Queensland, Herston, Brisbane, Australia

⁴Department of Infectious Diseases and Clinical Microbiology, School of Medicine, Koç University, Istanbul, Turkey

Introduction and purpose: Carbapenem-resistant hypervirulent *Klebsiella pneumoniae* (CR-hvKp) represents a growing threat to public health due to its enhanced virulence and resistance to multiple antibiotics. This study aims to evaluate the clinical and molecular characteristics of CR-hv K.pneumoniae infections.

Materials and Methods: The study was conducted from January 2015 to June 2024 across fifteen hospitals in Turkey. CR-KP isolates were screened for hypervirulence genes (aerobactin iutA/iucA, mucoid phenotype-A rmpA/rmpA2, peg344) and carbapenemase genes (OXA-48, KPC, NDM-1). Isolates positive for iutA and carrying rmpA and/or rmpA2 were classified as hypervirulent. *C. elegans* killing assays and string tests were conducted to assess virulence phenotypes. Whole-genome sequencing was performed using the Illumina NovaSeq platform. Patient demographic data were recorded.

Findings and Conclusion: Among 1,879 *K.pneumoniae* infections, 718 (38.2%) were diagnosed as CR-KP infections. In total, 122 isolates (4.72%) were classified as hypervirulent. Among the hvKp isolates, 14 (11.4%) were peg344 positive. The male-patient ratio was higher in the hvKp and cKp groups (61% and 58%, respectively). The median age was 70 years (IQR 21–99) in the hvKp group and 65 years (IQR 21–92) in the cKp group. Mortality rates did not differ significantly between the groups (58% vs. 51%, $p = 0.377$). Bloodstream infections were prevalent in both hvKp and cKp groups (70% vs. 75%). All isolates tested negative for the string test. HvKp isolates exhibited higher toxicity in the *C. elegans* lethality test compared to cKp. Ceftazidime-avibactam resistance was a statistically significant relation with hvKp ($p < 0.001$; 51% hvKp and 29% cKp). OXA-48 and NDM-1 positivity were significantly associated with hvKp ($p < 0.001$ and $p = 0.008$). The prevalence of OXA-48 and NDM-1 was higher in hvKp (79% and 29%) than in cKp (63.4% and 18.6%). KPC positivity was significantly inverse associated with hvKp and the prevalence of KPC was higher in cKp (5.4%; $p = 0.008$). The CR-hvKp infections have been increasing driven by the successful acquisition of carbapenemase genes. This trend is particularly concerning given the enhanced virulence of these strains. Ongoing surveillance and targeted interventions are urgently needed, especially for

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



patients who have carbapenem resistant infection, to manage and mitigate the impact of CR-hvKp infections.

Host and bacterial characteristics of patients infected with carbapenem-resistant hvKp and cKp

	hvKp N=122	cKp N=596	P value
Host Factors			
Age (median,range)	70 (99-21)	65 (92-21)	0,015
Female gender	38%	61%	0,621
Bacteremia	70%	75%	0,227
ICU	75%	78%	0,466
Diabetes	23,50%	29,60%	0,234
Mortality	58%	51%	0,16
Resistance			
Ceftazidime avibactam resistance	51,30%	28,6%	<0,001
Carbapenemases			
KPC	1,6%	5,4%	0,088
OXA-48	79%	63,4%	<0,001
NDM	29%	18,6%	0,008

Keywords: hypervirulent *K.pneumoniae*, carbapenem-resistant, OXA-48 and NDM-1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-071

***Stenotrophomonas maltophilia* İzolatlarında Smqnr, Sul Genleri ve İntegron Taşıyıcılığının Araştırılması**

Gülşah Altan¹, Erva Rakıcı², Osman Birol Özgümüş², Devrim Dündar¹

¹Kocaeli Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Stenotrophomonas maltophilia* özellikle bağışıklık sistemi baskılanmış hastalarda ve riskli hasta gruplarında ciddi enfeksiyonlara neden olabilen fırsatçı patojendir. (*S. maltophilia*)'nın neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde kullanılan antibiyotiklere karşı direnç gözlenebilmektedir. Direnç mekanizmaları arasında membran geçirgenliğinde azalma, atım pompalarının aşırı ekspresyonu ve yatay gen transferi yer almaktadır. Bu çalışmada *S. maltophilia*'da bazı antibiyotik direnç genlerinin (sul, sul2 ve Smqnr), integronların (sınıf 1, 2, 3) ve izolatlar arasındaki klonal benzerliğin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Kocaeli Üniversitesi Uygulama ve Araştırma Hastanesi bakteriyoloji laboratuvarında çeşitli klinik örneklerden izole edilen 34 *S. maltophilia* izolatı dahil edildi. Disk difüzyon yöntemiyle izolatların antibiyotik (levofloksasin, minosiklin, SXT) duyarlılık testleri yapıldı. Kontrol suşu olarak *E. coli* ATCC 25922 kullanıldı. Sonuçlar CLSI kriterlerine göre değerlendirildi. PCR ile direnç genleri (sul, sul2, Smqnr) ve integraz genleri (intl1, intl2, intl3) araştırıldı. İntegraz geni pozitif saptanan izolatlarda gen kasetlerinin belirlenmesi için PCR ile değişken bölgeler tarandı. İzolatların klonal benzerliğinin araştırılmasında PFGE yöntemiyle elde edilen bant profillerinin dendrogram analizi yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: Üç izolat levofloksasine, iki izolat SXT'ye, bir izolat minosikline dirençliydi. Yirmi bir izolatta Smqnr geni, üç izolatta sul1 geni saptandı. sul2 geni tespit edilmedi. sul1 geni taşıyan izolatların tamamında sınıf 1 integron gen kasetine rastlandı. intl2 ve intl3 genleri saptanmadı. Tüm izolatlar 33 farklı genotipe sahipti. Dendrogram analizinde baskın bir salgın suşu tespit edilmedi. sul1 geni ve sınıf 1 integron taşıyan iki izolatın aynı klonda olduğu gözlemlendi. Suşlarda sınıf 1 integron tespit edilmesi, *S. maltophilia*'nın yakın ve akraba diğer türler arasında yatay gen transferini düşündürmektedir. *S. maltophilia* izolatlarındaki antibiyotik direnç genlerinin ve integronların araştırılması önemli bir konudur. Özellikle hastane enfeksiyonlarında sıkça karşılaşılan bu bakterinin direnç mekanizmalarının anlaşılması, tedavi stratejilerinin geliştirilmesi açısından kritik öneme sahiptir. Sonuç olarak, bu patojenin direnç genlerini kazanma mekanizmalarının, kazandıkları integronların taşıdığı antibiyotik direnç gen kasetlerinin, DNA dizi analizlerinin ve izolatların moleküler epidemiyolojik yöntemlerle takiplerinin direnç gelişiminin kontrol altına alınması için yapılacak birçok çalışmaya önemli bilgiler katacağı düşünülmektedir.

Anahtar Kelimeler: *Stenotrophomonas maltophilia*; antibiyotik direnci; integron; PFGE; klonal ilişki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-072

Pandemi Sonrası Dönemde Sendromik Panel İle Tespit Edilen *Bordetella* Vakaları

Zeinep Chavouz Ametoglou, Harun Ağca

Bursa Uludağ Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa.

Giriş ve Amaç: *Bordetella pertussis*' in neden olduğu boğmaca hastalığı, yirminci yüzyılın başlarında dünya çapında bebek ölümlerinin başlıca nedeniydi. 1940'lı ve 1950'li yıllarda boğmaca aşısının gelişmiş ülkelerde uygulanmaya başlanması, bu hastalığın büyük ölçüde ortadan kaldırılmasını sağlamıştır. Ancak; boğmaca hastalığı, aşı kapsamının yüksek olduğu ülkelerde bile yeniden görülmeye devam etmektedir. Özellikle 1990'ların ortalarında, tam hücreli boğmaca aşısından aselüler boğmaca aşısı formülasyonuna geçilmesiyle bu durum daha da hızlanmıştır. *B. pertussis* suşlarındaki mutasyonlar aşıya rağmen vakaların görülmesine yol açabilmekte, gelişmiş tanı teknikleri de vakaların saptanma oranlarının artmasını sağlamaktadır. Son zamanlarda dünya genelinde boğmaca vakalarının artması nedeniyle, hastanemizdeki artan vakalara dikkat çekmek için bu bildiri hazırlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 1 Eylül 2023 ile 30 Temmuz 2024 tarihleri arasında Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboruarına klinik ve poliklinik hastalarından gönderilen nazofaringeal sürüntü örneklerinde, Sendromik Panel (Biofire Respiratory Panel 2.1 Plus-Multiplex PCR) ile *Bordetella pertussis* saptanan hastaların verileri retrospektif olarak incelenmiştir. Hastaların yaşı, cinsiyeti, klinik bulguları ve tedavi süreçleri, *B. pertussis*'e eşlik eden patojenler açısından incelendi.

Bulgular ve Sonuç: Toplam istek yapılan 2865 örnekten 28' inde (% 0,98) *Bordetella pertussis* saptandı. 28 vakanın 19'u erkek (%67.86), iken medyan yaş değeri 22,6 yıl (n=28; yaş aralığı: 0-72 yıl) olarak bulundu (Şekil 1). Örneklerin 15'inde bir, 13'ünde birden fazla mikroorganizma tespit edildi. En sık eşlik eden etken Rinovirus/Enterovirus' tü (n=9). Ocak ayı, bakterinin en sık tespit edildiği dönemdi (n=8) (Şekil 2). Tüm vakaların kliniği boğmaca hastalığı ile uyumlu olup, tamamında öksürük şikayeti vardı. Hastalara azitromisin veya klaritromisin tedavisi uygulanmıştı. Hastaların 15'inin immünsüpresif tedavi aldığı, buna ek olarak 3 hastanın solunumsal sıkıntılar nedeniyle takip edilmesi dikkat çekiciydi. Hastanemizde 2020 yılından bu yana *Bordetella pertussis* PCR testi çalışılmaktadır. 2023 Eylül ayına kadar hiç *Bordetella pertussis* pozitifliği saptanmamışken, Eylül 2023'ten bu yana çoğunluğu pediyatrik yaş grubunda olmak üzere 28 pozitif vaka tespit edilmiştir. Dünya Sağlık Örgütü' nün Mart 2023 itibarıyla Pandemiye sonlandırmasından itibaren vakaların ortaya çıkması dikkat çekicidir. Tanı testlerindeki gelişmeler, tanı imkanlarının yaygınlaşması, immünsüprese hasta sayısındaki artış veya aşının hedef bölgesinde ortaya çıkmış olabilecek bir mutasyon varlığı gibi sebeplerle vaka sayısının artmış olabileceği düşünüldü. *Bordetella pertussis* vakalarının azaltılması için daha ayrıntılı veriye ve artış sebebini ortaya çıkartacak daha ileri çalışmalara ihtiyaç vardır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

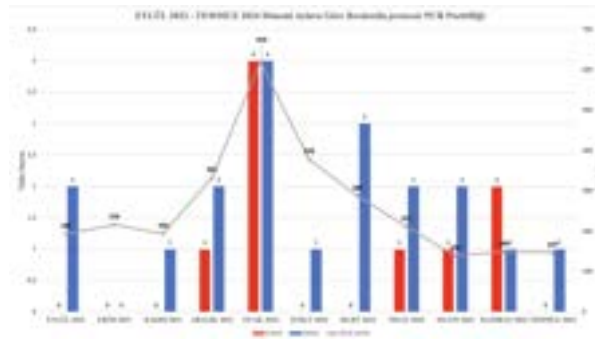


Şekil 1



Yaş Gruplarına Göre Hasta Sayısı

Şekil 2



2023-2024 Yılı Aylara Göre Bordetella pertussis PCR Pozitifliği

Anahtar Kelimeler: Pandemi, *Bordetella*, Sendromik Panel

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-073

Acil Servise Başvuran Hastalara Sepsis Tanısı Koymada Biyobelirteçler Tanısal Yönetişime Katkıda Bulunabilir Mi?

Ayşegül Binay¹, Aslı Bozer², Murat Doğuş Günel², Sinan Genç³, Müge Günalp Eneyli³, Erdinç Devrim⁴,
Ebru Evren¹, Zeynep Ceren Karahan¹

¹Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İbn-i Sina Hastanesi Merkez
Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Ankara, TÜRKİYE

²Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Biyoistatistik Anabilim Dalı, Ankara, TÜRKİYE

³Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Acil Tıp Anabilim Dalı, Ankara, TÜRKİYE

⁴Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Biyokimya Anabilim Dalı, İbn-i Sina Hastanesi Merkez Biyokimya
Laboratuvarı, Ankara, TÜRKİYE

Giriş ve Amaç: Sepsis hastalarında doğru antibiyotik tedavisine erkenden başlanması sağ kalım üzerine etkili en önemli faktördür. Tanıda altın standart olan kan kültürlerinin sonuçlanma süresinin uzun olması nedeniyle sepsis tanısını kısa sürede koyma/dışlamada biyobelirteçlerin kullanımı araştırılmaktadır. Tanısal yönetişimin amacı, doğru hastaya doğru zamanda doğru testin uygulanması ile elde edilecek sonuçların hasta yararına kullanılması ve gereksiz test istemlerinin azaltılması sonucunda sağlık masraflarının azaltılmasıdır. Bu çalışmanın amacı, halihazırda rutinde kullanılan biyobelirteçlerin tek başına veya birlikte kullanımının acil servise başvuran kritik hastalarda sepsis tanısını koyma/dışlamada tanısal yönetişime katkısının araştırılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: 1.1.2023-31.12.2023 tarihleri arasında AÜTF Acil Servisine başvuran sepsis ötanılı hastalardan en az iki set kan kültürü gönderilen 201 farklı hastanın albümin-ALB, C-reaktif protein-CRP, laktat-LAC, lenfosit sayısı-LENFO, lökosit sayısı-LÖK, nötrofil/lenfosit oranı-NLR, nötrofil sayısı-NÖT, prokalsitonin –PCT ve eritrosit dağılım genişliği-RDW değerleri hastane bilgi sisteminden retrospektif olarak incelenmiştir. Her hastadan sadece ilk kan kültür seti (447 set) değerlendirmeye alınmıştır. Biyobelirteçlerin kan kültürü pozitifliğini öngörmeye tek başına ve toplu olarak etkinliği SPSS-27 programı kullanılarak lojistik regresyon denkleminde elde edilen olasılıkların ROC analizinde değerlendirilmesiyle incelenmiş, tahmin edilen olasılıkların sınır değeri 0,05 olarak alınmıştır. $p < 0,05$ istatistiksel olarak anlamlı kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların 96'sı kadın (yaş ortalaması 71,3), 105'i (yaş ortalaması 70,8) erkekti. 181 hastanın kan kültüründe üreme oldu. Kan kültürü sonuçlarına göre hastalarda değerlendirilen biyobelirteç değerleri Tablo-1'de verilmiştir.İncelenenler arasında ayırt edici bir biyobelirteç bulunamaması üzerine biyobelirteçlerin birlikte değerlendirilmesinin kültürde üremeyi öngörüp öngöremeyeceğini belirlemek için hesaplanan tahmin edilen olasılıklar üzerinden ROC analizi yürütülerek her bir biyobelirtecine dahil olduğu ROC analizi uygulanmıştır. Kan kültürü sonuçlarını öngörmek için, bağımsız olarak anlamlı değişkenlerin sabitleri ve katsayıları ile aşağıdaki gibi bir denklem oluşturulmuştur: P (Üreme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

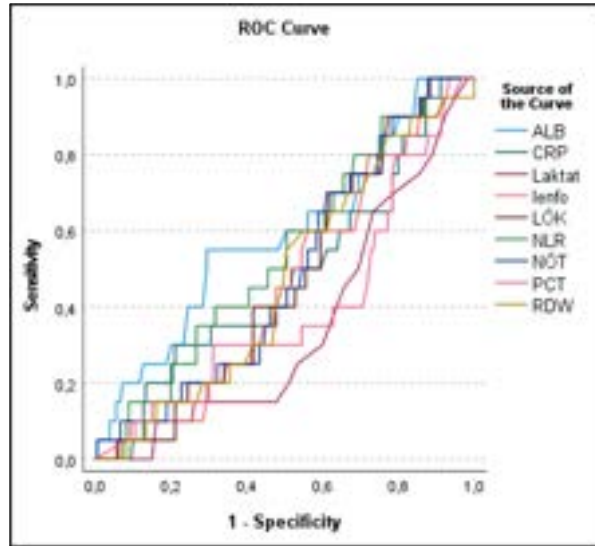
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



olmayan)=1/(1+e^{-(-3.003-0.002PCT+0.001CRP+0.007WBC-0.001NÖT-0.003RDW-0.375LENFO+0.006NLR-0.510LAC+0.056ALB))}Denkleimde elde edilen olasılıklar ROC analizinde kullanıldığında kültür sonucunu öngörmede biyobelirteçlerin tek başına ayırt edici gücü zayıf bulunmuştur. Biyobelirteçlerin birlikte kullanımının kültür sonucunu öngörmede ayırt ediciliği %70,7 (orta düzeyde), duyarlılığı %60, özgüllüğü %80 bulunmuştur. (Tablo-2, Şekil-1). Rutinde kullanılan biyobelirteçlerin hiçbiri sepsis öntanısı olan hastalarda kültürde üremeyi öngörmede tek başına ve birlikte yeterli değildir. Kan kültürü alımı gereken/gerekmeyen hastaları güvenli şekilde ayıracak bir biyobelirteç kombinasyonu bulunamamıştır. Klinik skorelama sistemleri ile laboratuvar sonuçlarının birlikte kullanımı ve/veya yeni biyobelirteçlerin geniş çalışmalarla değerlendirilmesi, sepsisin hızlı tanısının konmasında ve kan kültüründen yarar sağlayacak/sağlamayacak hastaların belirlenmesinde yararlı olabilir.

Şekil-1. Değerlendirilen biyobelirteçlere ait ROC eğrileri





Tablo-1. Kültürde üreme olan ve olmayan hastaların değerlendirilen biyobelirteçlere ait değerlerinin karşılaştırması

Biyobelirteç	Tüm hastalar	Kültürde üreme var	Kültürde üreme yok	p*
	Ortanca (Min-Maks)	Ortanca (Min-Maks)	Ortanca (Min-Maks)	
ALB (g/L)	32,5 (13,4-45,8)	32,5 (13,4-45,8)	35,65 (25,2-45,6)	0,217
CRP (mg/mL)	137,00 (2,7-414)	140,00 (2,7-414)	123,50 (25,2-310)	0,755
LAC (mmol/L)	1,60 (0,2-18)	1,7 (0,2-18)	1,25 (0,6-3,8)	0,026
LENFO (x10 ⁹ /L)	0,80 (0,03-23,42)	0,81 (0,03-23,42)	74,50 (0,19-2,63)	0,522
LÖK (x10 ⁹ /L)	11,29 (0,11-79,84)	11,44 (0,11-79,84)	10,06 (2-32,24)	0,685
NLR	10,73 (0,04-172,2)	10,73 (0,04-172,2)	11,16 (2,29-49,18)	0,537
NÖT (x10 ⁹ /L)	9,73 (0,02-874)	10,17 (0,02-874)	8,67 (1,23-89,2)	0,851
PCT (ng/mL)	2,01 (0,05-100)	2,81 (0,05-100)	59,50 (0,09-100)	0,138
RDW (%)	16,00 (11,7-23,9)	16,00 (11,9-23,9)	16,00 (11,7-19,8)	0,685

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



*Mann-Whitney U testi kullanılarak hesaplanmıştır. ALB: Albümin, CRP: C-reaktif protein, LAC: Laktat, LENFO: Lenfosit sayısı, LÖK: Lökosit sayısı, NLR: Nötrofil/lenfosit oranı, NÖT: Nötrofil sayısı, PCT: Prokalsitonin, RDW: Eritrosit dağılım genişliği

Tablo-2. ROC analizi sonuçları

Değişken	AUC	p	%95 GA	Sınır Değer	Youden	Duyarlılık	Özgüllük
Tahmin Edilen Olasılık	0,707	0,001	0,581-0,834	0,146	0,401	0,600	0,801
ALB	0,587	0,222	0,449-0,719	35,5	0,252	0,550	0,702
CRP	0,478	0,754	0,346-0,612	236,50	0,090	0,30	0,79
LAC	0,349	0,009	0,235-0,462	0,5	0,017	1,00	0,017
LENFO	0,459	0,467	0,339-0,574	0,4850	0,076	0,80	0,276
LÖK	0,474	0,628	0,361-0,584	6,715	0,127	0,90	0,227
NLR	0,54	0,498	0,420-0,664	4,99	0,149	0,90	0,249
NÖT	0,488	0,830	0,370-0,605	1,1750	0,077	0,950	0,127
PCT	0,397	0,135	0,268-0,531	0,850	-0,230	0,40	0,370
RDW	0,47	0,649	0,354-0,591	14,55	0,082	0,850	0,232

AUC: Eğri altında kalan alan, ALB: Albümin, CRP: C-reaktif protein, LAC: Laktat, LENFO: Lenfosit sayısı, LÖK: Lökosit sayısı, NLR: Nötrofil/lenfosit oranı, NÖT: Nötrofil sayısı, PCT: Prokalsitonin, RDW: Eritrosit dağılım genişliği

Anahtar Kelimeler: sepsis, biyobelirteç, tanısal yönetim

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-074

**Doğu Anadolu ve Orta Anadolu Bölgesinde Bazı İllerde (Erzurum, Amasya, Kayseri, Malatya ve Elâzığ)
Doğal Yaşam Kemiricilerinde Patojenik bacter**

Türlerinin Varlığının Araştırılması

Berken Gür², Ferhat Matur⁴, Ceylan Polat⁵, Muhsin Çoğal¹, Ortaç Çetintaş¹, Sercan Irmak¹, Kürşat Kenan Kalkan³, Mustafa Sözen³, İbrahim Mehmet Ali Öktem²

¹Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi

²Dokuz Eylül Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Zonguldak Bülent Ecevit Üniversitesi Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Zooloji Anabilim Dalı

⁴Dokuz Eylül Üniversitesi Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Zooloji Anabilim Dalı

⁵Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

⁶Dokuz Eylül Üniversitesi Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Zooloji Anabilim Dalı

⁷Balıkesir Üniversitesi, Bilim ve Teknoloji Uygulama ve Araştırma Merkezi

Giriş ve Amaç: Leptospiroz günümüzde en sık görülen bakteriyel zoonozlardandır. Hastalığın etkeni patojenik *Leptospira* türü bakterilerdir. Antarktika kıtası dışında tüm kıtalarda bu bakterilerin varlığı gösterilmiştir. Patojenik *Leptospira* türleri birçok memelide enfeksiyon yapabilir de hastalığın doğadaki temel konağı kemiricilerdir. Bakteri konağın vüdocuna çeşitli yollar ile girdikten sonra kan dolaşımı yoluyla böbreklere gelir ve proksimal tübül epiteline kolonize olur. Asemptomatik olarak enfekte olan konağın kolonizasyonu sonrası idrar yoluyla sürekli atılım gerçekleşir. İnsanlar en sık kontamine materyalin mukozalar veya bütünlüğü bozulmuş deri ile teması ile enfekte olur. İnsanlarda asemptomatik veya hafif hastalık tablosundan hayatı tehdit eden Weil Hastalığı veya pulmoner kanama gibi geniş bir yelpazede hastalık yapabilmektedir. Patojenik *Leptospira* türü bakterilerin doğal yaşamdaki varlığının ve yayılımının gösterilmesi ileride oluşabilecek salgınlara karşı önlem alınması için önemlidir. Ülkemizde bu konuda yapılan çalışmalar kısıtlıdır.

Gereç ve Yöntem: 2016 yılında Erzurum, Amasya, Kayseri, Malatya ve Elazığ illerinde doğal yaşam alanlarından toplanmış *Apodemus* spp., *Microtus* spp., *Mus* spp., *Chionomys* spp., *Cricetulus* spp., *Crocidura* spp., *Meriones* spp. ve *Mesocricetus* spp. türlerinden oluşan toplam 211 adet kemiriciye ait böbrek örneklerinden guanidin-tiyosiyanat-fenol-kloroform yöntemi ile nükleik asitlerin ekstraksiyonu ve saflaştırılması gerçekleştirildi. Elde edilen nükleik asitler, genellikle patojenik *Leptospira* türlerinde bulunan SecY genini hedef alan 285 bazlık bir bölgeyi hedefleyen primerlerle polimeraz zincir tepkimesi yöntemi ile *Leptospira* spp. açısından tarandı. Pozitif saptanan örnekler SecY geni üzerinde bulunan 549 bazlık bir bölgeye özel primerler kullanılarak doğrulandı. Bu bölgenin PCR ürünleri filogenetik analiz ve tür tayini için sanger dizileme yöntemi kullanılarak nükleotit dizi analizi yapıldı.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Yapılan testler sonucunda Amasya bölgesinden toplanan 80 örnekten beşi pozitif saptandı. Bu örneklerin üçü *Microtus* spp., ikisi *Mus macedonicus* kemiricilerinden olduğu görüldü. Sanger dizileme yöntemi ile çoğaltılan bölgelerin dizi analizi yapıldıktan sonra pozitif örneklerin yapılan filogenetik ağaçta *Leptospira interrogans* dizileri ile birlikte gruplandığı görüldü. Birçok ülkede kemiricilerde ve çevresel materyalde çalışmalar yapılarak *Leptospira* ve diğer zoonoz etkenlerinin varlığı ve dağılımı araştırılmaktadır. Türkiye’de ise bu çalışmaların sayısı yetersizdir. Beş farklı il ve yedi farklı bölgeden toplanan birçok kemirici türüne ait örneklerin bulunduğu bu çalışmayla birlikte Türkiye’nin Amasya ilinden toplanan 80 kemiricinin beşinde patojenik *Leptospira* varlığı gösterildi. *Leptospira* spp. ve diğer zoonoz etkenlerinin Türkiye’deki dağılımının ve varlığının tespiti için daha çok çalışma yapılması gerekir.

Anahtar Kelimeler: *Leptospira*, PCR, Dizi analizi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-075

Gaziantep İlinde Yaşayan Türk Vatandaşları Ve Suriyeli Göçmenlerin Burun Sürüntü Örneklerinden İzole Edilen Metisilin Dirençli *S. aureus* İzolatları Klonal Olarak İlişkili Mi?

Zekiye Bakkaloğlu¹, Özlem Ünalı¹, Serap Süzük Yıldız²

¹Sağlık Bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Dairesi Başkanlığı, Ankara

²SBÜ, Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Klinik Mikrobiyoloji, Ankara

Giriş ve Amaç: Metisiline dirençli *Staphylococcus aureus* (MRSA) halk sağlığı için büyük bir küresel tehdittir. Savaş, kıtlık, iklim değişikliği, göç nedeniyle artan uluslararası seyahat ve kitlesel nüfusun yer değiştirmesiyle birlikte çok ilaca dirençli bakteriler sınır ötesine yayılabilmektedir. Savaştan dolayı Suriyeliler başta Türkiye olmak üzere dünyanın birçok ülkesine göç etmişlerdir. Bu çalışmanın amacı, Gaziantep ilinde yaşayan Türk vatandaşları ve Suriyeli göçmenlerin burun sürüntü örneklerinden izole edilen MRSA izolatlarının klonal dağılımını ve aralarındaki klonal ilişkiyi ortaya koymaktır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Suriyeli göçmenlerin Türkiye’de en sık yaşadığı illerden biri olan Gaziantep’te aile sağlık merkezlerine (ASM) ve göçmen sağlığı merkezlerine (GSM) Ağustos-Ekim 2020 tarihleri arasında başvuran, son 6 ayda antibiyotik kullanmamış ve hastaneye yatış öyküsü olmayan gönüllülerin burun sürüntü örneklerinden izole edilen MRSA izolatları dahil edilmiştir. Tümünde mecA geni bulunan 31 MRSA izolatının klonal ilişkisi Pulsed-Field Gel Elektroferez (PFGE) Yöntemi ile CHEF-DR III sistemi (Bio-Rad Laboratories, Belgium) kullanılarak araştırılmıştır. Bant profilleri BioNumerics version 7.5 yazılımı (Applied Maths, Sint-Martens-Latem, Belgium) kullanılarak analiz edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Gaziantep ASM ve GSM'lere başvuran gönüllülerden alınan 784 burun sürüntüsü örneklerinden izole edilen 63 izolat MRSA olarak saptanmıştır (% 8). MRSA izolatlarının PFGE yöntemiyle 11 farklı PFGE grubu ve 23 pulsotipi belirlenmiştir (Şekil 1). 31 MRSA izolatın 24’ünün küme içinde olduğu saptanmıştır. Küme oluşturan izolatlar dört grup içinde yer almakta olup küme genişliği 2-12 arasında değişmektedir. İzolatların kümeleşme oranı %77,4 olarak saptanmıştır. PFGE profilleri arasındaki benzerlik oranı ≥ 85 olarak ele alındığında; tiplendirilen izolatların yedisi klonal olarak ilişkili bulunmayan yani özgün (uniq) profil gösterirken 24 izolat, klonal olarak ilişkili olan dört grup içinde sınıflandırılmıştır. En büyük kümeyi oluşturan G grubundaki ASM ve GSM'lere başvuranlardan izole edilen suşlar klonal olarak ilişkili bulunmuştur. Özgün olarak değerlendirilen yedi izolatın ASM'lere başvuranlardan izole edildiği gözlenmiştir. Sonuç olarak, bu çalışmanın bulguları Türk vatandaşları ile Suriyeli göçmenlerden izole edilen MRSA izolatları arasında klonal ilişki olduğunu göstermiştir. Bu ilişki, komşu ülkelerin coğrafi konumundan da kaynaklanıyor olabileceği gibi MRSA suşları toplum içinde yayılıyor da olabilir. Bu çalışma bir ön çalışma gibi değerlendirilebilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

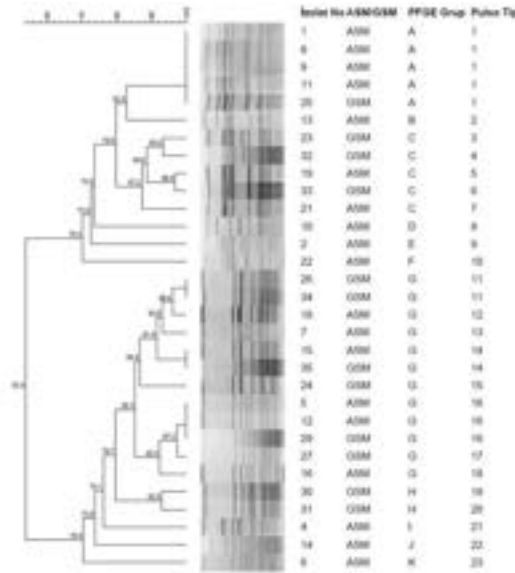
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Çok merkezli ve periyodik olarak yapılan çalışmalarla klonal dağılımlar daha iyi ortaya konabilir. Hem göçmenleri hem de ev sahibi toplulukları korumak için enfeksiyonun yayılmasının önlenmesi ve kontrol planlarının uygulanması için yararlı bilgiler sağlayabilir.

Şekil 1: MRSA İzolatların klonal ilişkisini gösteren dendrogram ve PFGE bant profilleri



Anahtar Kelimeler: MRSA, PFGE, Moleküler epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-076

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Enterobacter* Spp. Türlerinin Beta Laktam Direnç Fenotiplerinin Karakterizasyonu

SümeYYe Zengin, Pınar Sağıroğlu, Mustafa Altay Atalay

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Enterobacter* spp. *Escherichia coli* ve *Klebsiella pneumoniae*'dan sonra Enterobacterales ailesi içinde en sık izole edilen tür olarak karşımıza çıkmaktadır. Bu türler Dünya Sağlık Örgütü tarafından halk sağlığı için ciddi tehdit oluşturan ve yeni terapötiklerin geliştirilmesi için öncelikli kabul edilen çoklu ilaç direncine sahip ESKAPE patojenleri içerisinde yer almaktadır. Bu çalışmada *Enterobacter* türlerinin β -laktam direnç profillerinin (ESBL, AmpC, Karbapenemaz) fenotipik olarak karakterize edilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Nisan 2023-Mayıs 2024 tarihleri arasında klinik örneklerden izole edilen sefalosporin direnci saptanan 24 *Enterobacter* spp. dahil edilmiştir. Kökenlerin, sefepim, piperasilin-tazobaktam, ertapenem, meropenem, amikasin, siprofloksasin duyarlılıkları disk difüzyon yöntemi (OXOID, Birleşik Krallık), ertapenem, meropenem, meropenem-vaborbaktam, ceftazidim-avibaktam duyarlılıkları gradient stript test (Biomeriux, Fransa) ve kolistin duyarlılığı sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile çalışılmıştır. GSBL tarama ve doğrulama testlerinde Çift Disk Sinerji (sefotaksim, seftriakson, amoksisilin-klavulonat), Kombinasyon Disk (sefotaksim/sefepim+ klavulonik asit, (Mast Group, Birleşik Krallık)) testleri kullanılmıştır. AmpC tarama için sefoksitin ve sefepim disk, doğrulama için Mast AmpC Detection Set (Mast Group, Birleşik Krallık) kullanılmıştır. Karbapenemaz tarama için ertapenem ve meropenem disk, doğrulama için Modifiye Karbapenem İnaktivasyon Yöntemi (mCIM), kullanılmıştır. mCIM testi sonucu pozitif çıkan karbapenemaz üreticilerinin Ambler sınıflamasında temosilin, aztreonam, meropenem-vaborbaktam, seftazidim-avibaktam duyarlılıklarından yararlanılmıştır (Resim 1,2). Kalite kontrol izolatları olarak *K.pneumoniae* ATCC 700603, *K.pneumoniae* ATCC BAA-1705, *E.coli* ATCC 25922 ve *E.coli* NCTC 13846 kullanılmıştır. Testlerin değerlendirilmesinde EUCAST kriterleri baz alınmıştır.

Resim 1. Beta Laktamaz Tespitinde Kullanılan Yöntemler

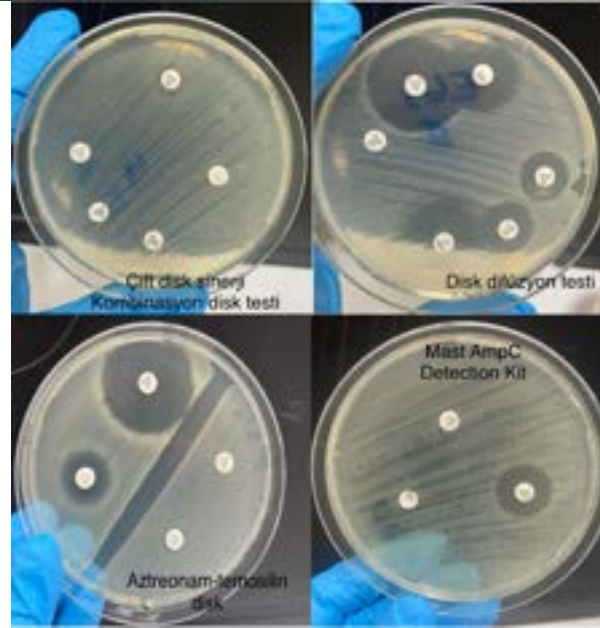
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

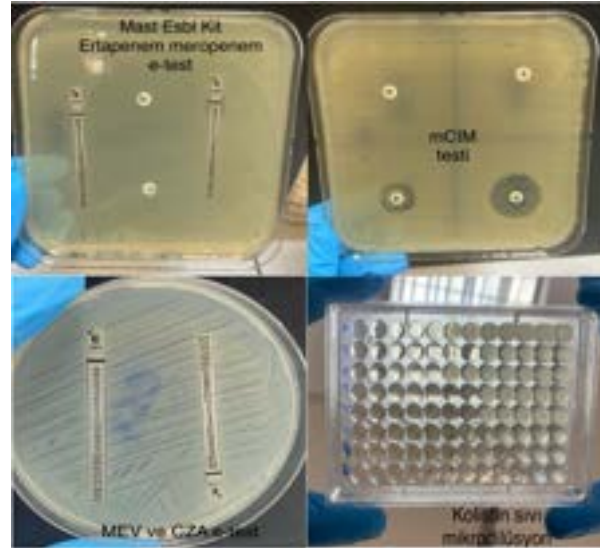
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Resim 2. Beta Laktamaz Tespitinde Kullanılan Yöntemler





Bulgular ve Sonuç: Kolistin (%87.5) ve amikasin (%83.3) en iyi duyarlılık oranına sahip antibiyotikler iken yeni nesil beta laktamaz inhibitör kombinasyonlarının düşük duyarlılık oranları dikkat çekicidir. (Tablo 1 ve 3) İzolatların %16.6'sı (n=4) GSBL, %41.6'sı (n=10) AmpC, %62.5 'i (n=15) karbapenemaz üreticisi bulunmuştur. Karbapenemaz üreten 15 izolatın %26.6 (n=4) sınıf B, %20'si(n=3) sınıf D, %46.6'sı (n=7) sınıf B ve D karbapenemaz üreticisi olduğu saptanmıştır. Bir izolat yapılan fenotipik değerlendirmeler ile sınıflandırılmamış olup kökenlerde Sınıf A karbapenemaz tespit edilememiştir. (Tablo 2). Çalışmamıza dahil edilen *Enterobacter* türlerinde beta laktam direncinde AmpC beta laktamaz ve karbapenemaz üretimi baskın mekanizmalar olarak bulunmuştur. Kökenlerin yüksek oranda AmpC üreticisi olması ertapenemin karbapenemaz saptamadaki duyarlılığını doğrudan etkilemiştir. Ambler sınıflamasına göre kökenlerde Metallobetalaktamaz üretimi ön plandadır. Bu durum yeni nesil beta laktamaz inhibitör kombinasyonlarının tedavide kullanımını sınırlamaktadır. *Enterobacter* türlerinde yapılan fenotipik ve genotipik çalışmaların sayısının artması bu kökenlerle oluşan enfeksiyonların kontrol ve tedavisinde önemli rol oynayacaktır.

Tablo 1. *Enterobacter* spp.'de Antibiyotik Duyarlılık Oranları (%)

FEP	TZP	*ERT	*MEM	*MEV	*CZA	*COL	AK	CIP
20.8	0	25	37.5	37.5	50	87.5	83.3	50

FEP:Sefepim, TZP:Piperasilin-Tazobaktam, ERT:Ertapenem, MEM:Meropenem, MEV:Meropenem-Vaborbaktam, CZA:Seftazidim-Avibaktam, COL:Kolistin, AK:Amikasin, CIP:Siprofloksasin

*MIK sonuçlarına göre yorumlanmıştır.

Tablo 2. *Enterobacter* spp'de Beta Laktamazların Fenotipik Olarak Sınıflandırılması

GSBL	AmpC	Karbapenemaz n=15(%62.5)				
		Yalnız sınıf B	Yalnız sınıf D	Sınıf B+D	Sınıf A	Diğer Mekanizma
n=4(%16.6)	n=10(%41.6)	n=4(%16.6)	n=3(%12.5)	n=7(%29.1)	n=0	n=1(%4.1)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3. MİK50 VE MİK90 DEĞERLERİ

ANTİBİYOTİK TÜRÜ	MİK50	MİK90
ERTAPENEM	4	12
MEROPENEM	8	12
MEROPENEM- VABORBAKTAM	12	>64
SEFTAZİDİM- AVİBAKTAM	1.5	>256
KOLİSTİN	1	2

Anahtar Kelimeler: AmpC, *Enterobacter*, Beta laktam

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-077

Karbapenemaz Varlığının Matriks ile Desteklenmiş Lazer Desorpsiyon/İyonizasyon Uçuş Zamanı Kütle Spektrometresi (MALDI-TOF MS) Yöntemi ile Değerlendirilmesi

Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu¹, Aslı Çakar¹, Gülşen Hazirolan¹, Zeynep Ceren Karahan², Neşe İnan³,
Cumhur Özkuyumcu¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

²Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

³SBÜ Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji EAH, Ankara

Giriş ve Amaç: Karbapeneme dirençli *Klebsiella pneumoniae*(KDKp) yüksek morbidite ve mortalite oranlarıyla ilişkili önemli bir sağlık sorunudur.Bu nedenle, mikrobiyoloji laboratuvarlarında KDKp'nin hızlı tespiti oldukça önemlidir. Matriks ile desteklenmiş lazer desorpsiyon/iyonizasyon uçuş zamanı kütle spektrometresi(MALDI-TOF-MS) ile karbapenemaz varlığının tespiti hızla gelişen ve yaygınlaşan bir yöntemdir.Bu çalışmada, KDKp izolatlarında karbapenemaz genlerinin dağılımı araştırılmıştır.Ayrıca izolatlardaki karbapenemaz varlığı, MALDI-TOF-MS kullanılarak hidrolize karbapenem bozunma ürünlerinin ve blaKPC ile ilişkili pKpQIL_p019 proteininin 11.109 Da'lık pikinin tespitine dayalı iki farklı yöntemle değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Temmuz 2022-Aralık 2023 tarihleri arasında Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi,Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi İbn-i Sina Hastanesi ve SBÜ Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim Araştırma Hastanesine başvuran farklı hastaların steril vücut sıvısı, kan ve doku örneklerinde üreyen 184 KDKp izolatı alınmıştır.İzolatların tür tanımlaması MALDI-TOF-MS(Bruker Daltonics,Almanya) ile yapılmış ve konvansiyonel yöntemlerle doğrulanmıştır. İmipenem ve meropenem karşı antimikrobiyal duyarlılık testleri sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile gerçekleştirilmiştir. İmipenem ve/veya meropenem EUCAST(Klinik Sınır Değerleri Tablosu v.14.0) kriterlerine göre dirençli olan izolatlarda blaKPC,blaNDM,blaIMP,blaVIM,blaOXA-48 genlerinin varlığı ve blaKPC bulunduran izolatlarda p019 geni varlığı polimeraz zincir reaksiyonu(PZR) yöntemiyle araştırılmıştır. blaKPC bulunduran KDKp izolatlarında MALDI-TOF-MS ile hidrolize meropenem bozunma ürünlerinin tespiti için; 20mM Tris-HCl'de seyreltilmiş meropenem, 20mM Tris-HCl/150mM NaCl tamponunda 4McF yoğunlukta hazırlanmış KDKp izolatı ile 35 ± 2°C'de 3 saat inkübe edilmiştir.pKpQIL_p019 proteininin 11.109Da pikinin tespiti için, izolatlar etanol-asetonitril-formik asit karışımında süspanse edilip intakt protein ekstraksiyonu sağlanmıştır.Her iki karışım da santrifüj edilmiş(13000rpm-3dk) ve üstteki sıvıdan 1 mikrolitre alınarak MALDI-TOF-MS ile analiz edilmiştir. Kristalizasyon α-siyano-4-hidroksisinnamik asit(HCCA) ile gerçekleştirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: 184 KDKp izolatının %72,2(s=133)'sinde blaOXA-48, %35,9(s=66)'unda blaNDM, %16,3(s=30)'ünde blaKPC, %27,7(s=51)'sinde blaOXA-48+ blaNDM, %0,5(s=1)'inde blaOXA-48+ blaKPC genleri tespit edilmiştir. blaIMP ve blaVIM varlığı hiçbir izolatta gözlenmemiş olup, yedi izolatta araştırılan direnç genlerinden herhangi biri saptanmamıştır. blaKPC bulunduran 30 KDKp izolatının %90(s=27)'inde

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

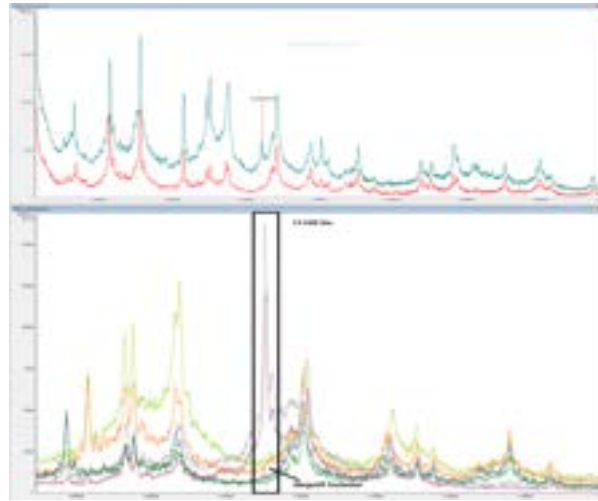
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

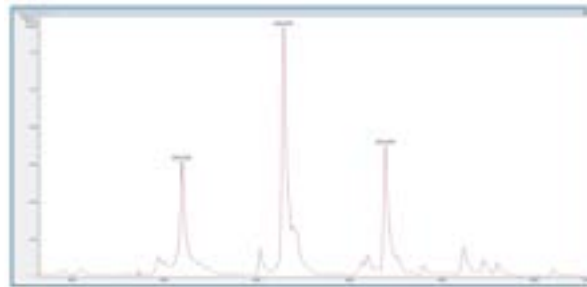


11109Da piki, %96,7(s=29)'sinde hidrolize meropenem bozunma pikleri tespit edilmiştir.(Şekil 1-3) 11109Da piki bulunduran izolatların hepsinde p019 geni saptanırken, pik bulundurmeyen izolatlarda saptanmamıştır.Bu çalışma, MALDI-TOF-MS'in karbapenemaz üreten *Klebsiella pneumoniae* izolatlarının hızlı ve güvenilir bir şekilde tespit edilmesinde etkili bir yöntem olduğunu göstermektedir.p019 geni bulunduran plazmidlerin görülme sıklığının ve blaKPC ile birlikteliğinin ülkeler arasında farklı olduğu bilinmektedir.Bu çalışma, bildiğimiz kadarıyla ülkemizdeki durumu gösteren ilk çalışmadır. Çalışmamızın verileri p019 geni ve blaKPC ilişkisini değerlendirmek amacıyla ülkemizde yapılacak araştırmalara ihtiyaç olduğunu göstermektedir.

Şekil 1: 11109 Da pikiyle temsil edilen pKpQIL_p019 proteinini içeren ve içermeyen izolatların kütle spektrumları



Karbapenem duyarlı *Klebsiella pneumoniae* ile inkübe edilmiş meropenemin kütle spektrumu



Şekil 2: Karbapenem duyarlı *K. pneumoniae* ile inkübe edilmiş meropenemin kütle spektrumu:
383 m/z (meropenem), 405 m/z (meropenem sodyum tuzu), 427 m/z (meropenem dihidrojen tuzu)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

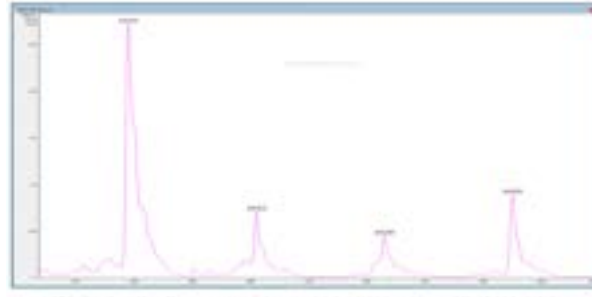
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



KDKp ile inkübe edilmiş meropenemin bozunma ürünlerinin kütle spektrumu



Şekil 8. KDKp ile inkübe edilmiş meropenemin bozunma ürünlerinin kütle spektrumu: 178 m/z (dekarboksile meropenem sodyum tuzu), 401 m/z (parçalanmış amol bağ olan meropenem), 423 m/z (parçalanmış amol bağ olan meropenem sodyum tuzu) ve 445 m/z (parçalanmış amol bağ olan meropenem dihidrat tuzu)

Anahtar Kelimeler: MALDI-TOF-MS, Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae*, p019-11109 Da piki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-078

BD Phoenix Sistemi ile Saptanan Karbapenem Direncinin Doğrulanması

Sümeysra Kayalı¹, Nuray Arı¹, Hatice Handan Akbulut²

¹Fırat Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Elazığ, Türkiye

²Fırat Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı, Elazığ, Türkiye

Giriş ve Amaç: Karbapenemler, geniş spektrumlu beta laktam antibiyotiklerden olup, çok ilaca dirençli gram negatif bakteri enfeksiyonlarında tercih edilmektedir. Ancak artan karbapenem direnci tedavide kullanımını sınırlandırmaktadır. Günümüzde antibiyotik duyarlılık testleri için, büyük laboratuvarlarda genellikle MicroScan (Siemens, ABD), VITEK 2 (BioMerieux), Phoenix (Becton-Dickinson, ABD) vb. otomatize sistemler, küçük laboratuvarlarda ise disk difüzyon yöntemi kullanılmaktadır. Antibiyotik diskleri ve otomatize sistem panellerinin uygun olmayan saklama ve transfer koşulları sonucu stabilite kaybı meydana gelebileceğinden, 'Centers for Disease Control and Prevention (CDC)' karbapenemlere artmış dozda duyarlı veya dirençli saptanan izolatların farklı bir yöntemle doğrulanmasını önermiştir. Çalışmamızda; Phoenix (BD, ABD) otomatize sistemi ile imipenem, meropenem ve ertapenemden en az birine artmış dozda duyarlı veya dirençli saptanan izolatların, imipenem, meropenem ve ertapenem duyarlılığının disk difüzyon yöntemi ile incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Fırat Üniversitesi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda BD Phoenix sistemi (Becton Dickinson, Sparks, MD, ABD) ile imipenem, meropenem ve ertapenemden en az birine artmış dozda duyarlı veya dirençli saptanan 132 izolat dahil edildi. Bakterilerin tanımlanması konvansiyonel yöntemlere ek olarak BD Phoenix sistemi ile yapıldı. Referans yöntem olarak disk difüzyon yöntemi kullanıldı. Elde edilen sonuçlar 'European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST)' kriterlerine göre yorumlandı. Hem otomatize sistem hem de disk difüzyon antibiyotik duyarlılık testleri için; EUCAST önerileri doğrultusunda, standart suşlar ile kalite kontrol testleri uygulandı. Uygulanan duyarlılık yöntemlerinin karşılaştırılmasında 'Food and Drug Administration (FDA)' ölçütleri kullanıldı. Kategorik uyum (KU), çok büyük hata (ÇBH), büyük hata (BH) ve küçük hata (KH) oranları belirtilen formüller kullanılarak hesaplandı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen izolatların 47(%35,6)'si idrar, 32(%24,3)'si trekeal aspirat/balgam, 25(%18,9)'i yara, 22(%16,7)'si kan ve 6(%4,5)'si steril vücut sıvısı kültürlerinden elde edildi. İzolatların 72(%54,5)'si *Klebsiella pneumoniae* 32(%24,2)'si *Escherichia coli*, 9(%6,8)'u *Proteus mirabilis*, 7(%5,3)'si *Enterobacter* spp, 6(%4,5)'si *Pseudomonas aeruginosa* 2(%1,5)'si *Morganella morganii* idi. Birer izolat ise *Acinetobacter baumannii*, *Citrobacter freundii*, *Providencia rettgeri* ve *Serratia marcescens* idi. Elde edilen karşılaştırma sonuçları Tablo 1'de sunuldu. FDA ölçütlerine göre; KU $\geq$ 90, ÇBH $\leq$ 1,5 ve BH $\leq$ 3 kabul edilebilir performans değerleri olarak belirlenmiştir. Çalışmamızda hiçbir antibiyotiğe karşı kabul edilebilir performans değerlerine ulaşılamamış ve BH oranı beklenen değerin çok üzerinde saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu sonuçlar; otomatize sistem ile karbapenemlerden en az birine dirençli veya artmış dozda duyarlı saptanan izolatların mutlaka başka bir yöntem ile doğrulanması gerekliliğini ortaya koymuştur.

Tablo 1. BD Phoenix sistemi ile elde edilen karbapenem duyarlılık sonuçlarının disk difüzyon yöntemi ile karşılaştırılması ve performans değerlendirmesi

Antibiyotikler	Yöntem	n	Antibiyotik test sonuçları			Karşılaştırma Sonuçları * Performans değeri (%)			
			S	I	R	KU	ÇBH*	BH**	KH
Imipenem	BD	123	43	38	42				
	Phoenix	123	59	31	33	91 (74,8)	1 (3,0)	6 (10,2)	25 (20,3)
Meropenem	BD	131	40	23	68				
	Phoenix	131	51	16	64	92 (70,2)	3 (1,6)	13 (25,5)	23 (17,6)
Ertapenem	BD	125	10	-	115				
	Phoenix	125	27	-	98	104 (83,2)	2 (2)	19 (15,2)	-

DD: Disk Difüzyon, S: Standart Dozda Duyarlı, I: Artmış dozda duyarlı, R: Dirençli, KU: Kategorik uyum, ÇBH: Çok büyük hata, BH: Büyük hata, KH: Küçük hata. *FDA önerileri doğrultusunda; performans değeri hesaplanırken paydada referans metot (DD) ile dirençli saptanan izolat sayısı kullanılmıştır. ** FDA önerileri doğrultusunda; performans değeri hesaplanırken paydada referans metot (DD) ile duyarlı saptanan izolat sayısı kullanılmıştır.

Anahtar Kelimeler: kategorik uyum, karbapenem direnci, büyük hata

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-079

Kolistin Heterodirençli *Pseudomonas aeruginosa* ve *Acinetobacter baumannii* Kan İzolatlarının Duyarlı (Natif) ve Dirençli Alt Popülasyonlarının Antimikrobiyal Duyarlılıklarının Belirlenmesi

Tuğba Küçükbahar¹, Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu¹, Ekin Kırbaş¹, Mustafa Bala², Ece Öykü Tercanlı², Ramazan Köksal², Berke Akdere², Özgen Eser¹, Banu Sancak¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Ankara

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Ankara

Giriş ve Amaç: Heterodirenç(HR), duyarlı bir bakteri popülasyonundaki farklı duyarlılıklara sahip bakteri alt popülasyonlarının varlığı olarak tanımlanmaktadır. Bu bakterilerle olan enfeksiyonların artması tedavi seçenekleri sınırlı olan hastalarda antibiyotik seçiminde HR önemli rol oynayabilir. Bu çalışmada, kolistin-HR'li *A.baumannii* ve *P.aeruginosa* izolatlarının duyarlı ve dirençli alt popülasyonlarının farklı antibiyotiklere karşı duyarlılıklarının gradiyent difüzyon testi ile karşılaştırılması amaçlanmıştır. Ayrıca vankomisin doğal dirençli *A.baumannii* ve trimetoprim-sulfametoksazol doğal dirençli *P.aeruginosa* izolatlarının kolistin-HR gelişimi sırasında duvar yapısında meydana gelen değişikliklere sekonder olarak bu iki antibiyotiğe karşı duyarlı hale gelme durumları araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hacettepe Üniversitesi Hastaneleri Laboratuvarında 2014-2018 yılları arasında kan kültürlerinde üreyen her bir türe ait 13 kolistin-HR'li *P.aeruginosa* ve *A.baumannii* izolatlarının duyarlı parental(natif) popülasyonları ve dirençli alt popülasyonları çalışmaya dahil edilmiştir. Çalışmaya dahil edilen kolistin-HR'li *P.aeruginosa* ve *A. baumannii* izolatlarının kolistin MİK50 değeri 1µg/mL, MİK90 değeri 2µg/mL'dir. Amikasin, levofloksasin, meropenem, sefepim, vankomisin, trimetoprim-sulfametoksazol antimikrobiyallerine karşı duyarlılıkları gradiyent test yöntemiyle çalışılmış, MİK değerleri EUCAST önerilerine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Kolistin-duyarlı parental (natif) *P. aeruginosa* izolatlarının duyarlılık oranları; amikasin ve sefepim için %100, levofloksasin ve meropenem için %92,30 olarak belirlenmiştir. Kolistin-dirençli *P. aeruginosa* alt popülasyonlarının duyarlılıkları ise; amikasin ve sefepim için %100, levofloksasin ve meropenem için %84,61 olarak belirlenmiştir(Tablo1). Trimetoprim-sulfametoksazol MİK aralığı <0,5->32 µg/mL olarak saptanmıştır. *P.aeruginosa* izolatlarının tümü vankomisin gradiyent testinde inhibisyon zonu oluşturamamıştır. Kolistin-duyarlı parental (natif) *A.baumannii* izolatlarının duyarlılık oranları; amikasin %15,38, levofloksasin %0, meropenem %7,69, trimetoprim-sulfametoksazol %46,15 olarak belirlenmiştir(Tablo1). Vankomisin ve sefepim MİK aralığı sırasıyla, 96->256µg/mL ve 32->256µg/mL olarak saptanmıştır. Kolistin-dirençli *A.baumannii* alt popülasyonlarının duyarlılık sonuçları; amikasin %23,07, levofloksasin %0, meropenem %15,38, trimetoprim-sulfametoksazol %38,46 olarak belirlenmiştir. Vankomisin ve sefepim MİK aralığı sırasıyla, 0,125->256µg/mL ve 0,094->256µg/mL olarak saptanmıştır. Kolistin-HR'li *P.aeruginosa* ve *A.baumannii* izolatlarının dirençli alt popülasyonlarında, diğer antibiyotiklere karşı direnç oranlarında önemli bir farklılık tespit edilmemiştir. Bununla birlikte iki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



A.baumannii izolatında vankomisin, levofloksasin, meropenem, sefepime ve iki *P.aeruginosa* izolatında trimetoprim-sulfametoksazole karşı, kolistin-duyarlı parental(zon dışı) grupta yüksek MİK değerleri elde edilirken, kolistin-dirençli alt grupta(zon içi) düşük MİK değerleri elde edilmiştir. Bu bulgular kolistin-HR'li izolatların kolistin direnci kazanmak için bakteri duvarında meydana getirdiği değişikliklerin duvardan geçiş yapamayan diğer antibiyotiklerin geçebilir hale geldiğini düşündürmektedir. Bu konunun aydınlatılabilmesi için fazla sayıda izolatın dahil edildiği moleküler çalışmalara ihtiyaç bulunmaktadır.

Tablo 1. *P. aeruginosa* ve *A.baumannii* izolatlarının antimikrobiyal duyarlılık sonuçları

	Duyarlı izolat sayısı (s)			
<i>P. aeruginosa</i>	AK	LE	MP	PM
Kolistin-duyarlı parental (natif) izolatlar	13	12	12	13
Kolistin-dirençli alt popülasyonlar	13	11	11	13
<i>A.baumannii</i>	AK	LE	MP	TS
Kolistin-duyarlı parental (natif) izolatlar	2	0	1	6
Kolistin-dirençli alt popülasyonlar	3	0	2	5

AK: Amikasin; LE: Levofloksasin; MP: Meropenem; PM: Sefepim; TS: Trimetoprim-sulfametoksazol

Anahtar Kelimeler: {*Acinetobacter baumannii*}, {*Pseudomonas aeruginosa*}, heterodirenç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-080

Karbapenemlere Dirençli ve Duyarlı *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Hipervirülan *Klebsiella pneumoniae* Görülme Sıklığı

Esra Karaday, İlknur Kaleli

Pamukkale Üniversitesi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Enterobacteriaceae ailesine ait olan *Klebsiella pneumoniae*, en zorlu patojenlerden biri ve önemli bir antimikrobiyal direnç kaynağıdır. İki patotip vardır: Hipervirülan *K.pneumoniae* (hvKp) ve klasik *K.pneumoniae* (cKp). Hipervirülan *K.pneumoniae*'nin ilk ortaya çıkışı Asya ülkelerinde olmakla birlikte günümüzde tüm dünyada hızla yayılmaktadır. HvKp enfeksiyonu olan hastaların çoğunluğu daha genç olmasına ve ek hastalıkları olmamasına rağmen mortalite %3 ile %42 arasında değişmektedir. Hipervirülan *K.pneumoniae*, klasik *K.pneumoniae* 'ya kıyasla antibiyotiklere daha duyarlıdır. Bu çalışmada karbapenemlere dirençli ve duyarlı *K. pneumoniae* suşlarında Hipervirülan *K.pneumoniae* oranlarını araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Pamukkale Üniversitesi Sağlık Araştırma Uygulama Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gelen farklı kültür örneklerinde üreyen 106 İmipenem, Meropenem'e dirençli *K. pneumoniae* izolatı ile bu antibiyotiklere duyarlı olan 106 *K. pneumoniae* izolatı değerlendirildi. Bakteri identifikasyonu matris destekli lazer desorpsiyon iyonizasyon uçuş zamanlı kütle spektrometresi (MALDI-TOF MS) ile tanımlandı. Bakterilerin hipervirülanı Kim, Jeon, Kim ,Wi(2022) çalışmasında yapıldığı gibi string testi ile hipermukoviskozitelerine bakarak değerlendirildi. Antibiyotik duyarlılıkları; EUCAST'a göre Kirby Bauer disk difüzyon yöntemi ile tespit edildi ve değerlendirildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İmipenem ve Meropenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* Suşlarının Servislere Göre Dağılımı

	İDRAR ÖRNEKLERİ	İDRAR DIŞI ÖRNEKLER
UROLOJİ	35	0
İNFEKSİYON	6	3
NEFROLOJİ	6	0
ÇOCUK NEFROLOJİ	5	0
BEYİN CERRAHİ	0	5
ORTOPEDİ	2	3
HEMATOLOJİ	2	3
ÇOCUK ACİL	4	0
GENEL CERRAHİ	0	4
ENDOKRİNOLOJİ	3	0
PULMONER YOĞUN BAKIM	0	3
DERMATOLOJİ	2	1
YENİDOĞAN	2	1
GASTROLOJİ	0	2
BAĞIŞLIYE YOĞUN BAKIM	1	1
İNŞİFİ RÖLİTARİ FİRİZEK TEDAVİ, ONKOLOJİ, GÖĞÜS CERRAHİSİ, GÖĞÜS HASTALIKLARI, KRONİK YARA BAKIM, PEDIATRİK YOĞUN BAKIM VBL..)	4	8

İmipenem ve Meropenem Duyarlı *Klebsiella pneumoniae* Suşlarının Servislere Göre Dağılımı

	İDRAR ÖRNEKLERİ	İDRAR DIŞI ÖRNEKLER
UROLOJİ	51	1
ANESTEZİ YOĞUN BAKIM	3	24
HEMATOLOJİ	2	8
NEFROLOJİ	6	2
ONKOLOJİ	4	1
ORTOPEDİ	1	1
GASTROLOJİ	0	2
PULMONER YOĞUN BAKIM	0	2
İNFEKSİYON	1	0
RENKİ KLİSİ TRANSPLANTASYON, GENEL CERRAHİ, KADIN DOĞUM, ACİL SERVİS VBL..)	4	9

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda imipenem ve meropenem dirençli 106 *K. pneumoniae* izolatu ve imipenem, meropenem duyarlı 106 *K. pneumoniae* izolatu değerlendirildi. İmipenem ve meropenem dirençli olan izolatlardan 4 tanesi duyarlı olan izolatlardan da 9 tanesi hipervirülan *K.pneumoniae* olarak değerlendirildi. Karbapenem direnci ile birlikte hipervirülan olan 4 suş vardı. Karbapenem dirençli ve hipervirülan *K.pneumoniae* (CR-hvKP) suşları giderek daha fazla bildirilmekte ve toplum sağlığı için önemli bir tehdit oluşturmaktadır. Bu nedenle, etkili antimikrobiyal tedaviye acilen ihtiyaç duyulmaktadır.

Anahtar Kelimeler: HİPERVİRÜLAN *KLEBSIELLA PNEUMONIAE*, KARBAPENEM DİRENCİ, STRING TESTİ

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-081

Nazofarengeal Örneklerde Solunum Yolu Etkenlerinin Multipleks PZR Yöntemiyle Araştırılması; Viral ve Bakteriyel Etkenlerin Dağılımı

Merve Sivil¹, Bilal Olcay Peker², Yeşim Tuji Tok¹, Süreyya Gül Yurtsever¹, Tuba Müderris¹, Ayşegül Aksoy Gökmen¹, Selçuk Kaya¹

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

²İzmir Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir

Giriş ve Amaç: Patojenlerin tanımlanması kritik hastalarda önemlidir ve kullanılan en hızlı ve hassas testler moleküler testlerdir. Bu çalışmada nazofarengeal(NF) örneklerde Multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu(PZR) yöntemi kullanılarak solunum yolu virüs ve bakteriyel etkenlerin sıklığını tespit etmek, farklı etken ve bunların birlikteliklerinin takip edilen ayaktan ve yatan hasta birimlerine göre ilişkisini saptamak ve tanı yönteminin ideal kullanımını araştırmak amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Ocak-Haziran 2024 tarihleri arasında, NF örnekler Bosphore Respiratory Pathogens Panel KitV8 kullanılarak Montania 4896 (Anatolia Geneworks, Türkiye) termal döngü cihazında üretici önerileri ile analiz edildi. Hastalar(>18 yaş) poliklinik, servis ve yoğun bakımda takip edilen olarak 3 gruba ayrıldı. Sonuçlar, yaş, cinsiyet, etken ve örnek gönderim tarihine göre analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların %42,4'inde (n:115/271) pozitiflik saptandı. Çoklu etken (2'li) 12(%10,4) hastada, tek etken ise 103(%89,6) hastada tespit edildi. Tespit edilen etkenlerin dağılımı Tablo 1 de verildi. Çoklu ve tekli etken tespit edilen hastaların takip edilen birimlere göre dağılımı arasında anlamlı fark saptanmadı (p>0.05). Hastaların takip edildiği birimlere göre yaş, cinsiyet ve etkenlerin dağılımı Tablo 2 de verildi. Tespit edilen ilk üç etken sırasıyla; *Streptococcus pneumoniae* %40,8 (n:47/115), Influenza A %35,6(n:41/115) ve Rhinovirüs %20(n:23/115) olarak bulundu. İlk 3 etkenin görülme sıklığının birimlere göre dağılımı arasında fark saptanmadı(p>0.05). Influenza A ve B Ocak/Şubat/Mart aylarında (%38,3), Nisan/Mayıs/Haziran aylarına göre (%3) anlamlı oranda yüksek saptandı (p=0.026). Etken tespit edilen hastaların yaşlarına göre takip edildikleri birimler arasındaki fark anlamlı saptandı(p<0.001). Multipleks PZR da *S.pneumoniae* tespit edilen hastaların balgam/TAK kültürlerinin %22,7'sinde(n:5/22) etken tespit edildi, ancak *S.pneumoniae* negatif olan ve balgam/TAK kültürü yapılan 62 hastanın hiçbirinde *S.pneumoniae* üremesi olmadı(p=0.017).Sendromik paneller hızlı ve faydalı bir ayırıcı tanı yapılmasına olanak sağlamaktadır. Ancak sendromik panel test sonuçlarında birden fazla etkenin tespiti durumunda hastaların klinik ve laboratuvar bulguları ile birlikte değerlendirilmesi gerekmektedir. Multipleks PZR testinde sıklıkla tespit edilen *S.pneumoniae*'ın balgam veya TAK kültür incelemesi ile birlikte değerlendirilmesi hastanın klinik izlem ve tedavisinde yol gösterici olacaktır. Multipleks PZR testleri, dikkatli bir şekilde uygulanır ve yorumlarsa, etkin klinik karar verme, optimize edilmiş laboratuvar iş akışı ve daha iyi bir antimikrobiyal yönetim sayesinde hasta sonuçlarını iyileştirme potansiyeline sahiptir. Bu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



nedenle Multipleks PZR testleri hedefe yönelik sonuçlar sağladığı için optimum kullanımları her kurumda analiz edilmelidir.

Tespit edilen etkenlerin dağılımı

Tek etken	Sayı (%)	Çoklu etken	Sayı (%)
S. pneumoniae	36 (%31,3)	S.pneumoniae + Influenza A (H1N1)	5 (%4,3)
Influenza A	35 (%30,4)	S.pneumoniae + Rhinovirüs	3 (%2,6)
Rhinovirüs	19 (%16,5)	S.pneumoniae + Influenza B	1 (%0,9)
Influenza B	8 (%6,9)	S.pneumoniae + CoV OC43	1 (%0,9)
RSV	1 (%0,8)	S.pneumoniae + Bordetella pertussis	1 (%0,9)
CoV 229E	3 (%2,6)	Influenza A + Rhinovirüs	1 (%0,9)
hMPV	1 (%0,9)		

CoV; Koronavirüs, *S.pneumoniae*; *Streptococcus pneumoniae*, RSV; Respiratvar sinsityal virüs



Takip edilen birime göre yaş cinsiyet ve etkenlerin dağılımı

		Yoğun bakım	Servis	Poliklinik	Toplam	P değeri
Yaş	20-40	-	5	19	24	p<0.01
	40-60	11	9	18	38	
	60-80	16	14	8	38	
	80+	7	5	3	15	
Etken sayısı	Tekli	26	29	48	103	p=0.223
	Çoklu (2li)	5	4	3	12	
İlk 3 etken	<i>S.pneumoniae</i>	17	10	20	47	p=0.158
	Influenza A	8	18	15	41	
	Rhinovirüs	8	4	11	23	
Cinsiyet	Kadın	13	14	28	55	p=0.129
	Erkek	21	19	20	60	

S.pneumoniae; *Streptococcus pneumoniae*

İlk üç etkenin aylara göre dağılımı

	Influenza A/B	<i>S.pneumoniae</i>	Rhinovirüs	P değeri
Ocak/Şubat/Mart	46	19	14	p=0.026
Nisan/Mayıs/Haziran	4	28	9	
Toplam	50	47	23	
(%)	(%41,6)	(%39,2)	(%19,2)	

S.pneumoniae; *Streptococcus pneumoniae*

Anahtar Kelimeler: Multipleks PZR, *Streptococcus pneumoniae*, Çoklu etken

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-082

Karbapenem-Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Profajla İlişkili Bölgelerde Antimikrobiyal Direnç ve Patojenite Genlerinin Dağılımı

Nisanur Ayas¹, Aylin Üsküdar Güçlü¹, Süleyman Yalçın²

¹Başkent Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD., Ankara, Türkiye

²Sağlık Bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ulusal Moleküler Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Profajlar bakteriyel konak genomunun genetik çeşitliliğini arttıran önemli araçlar olup yatay gen transferini sağlarlar. Profajların, bakteriler arasında antimikrobiyal direncin (AMR) ve virülansın yayılmasına katkılarını gösteren çok az sayıda çalışma mevcuttur. Bu çalışmanın amacı, önemli halk sağlığı tehdidi olan karbapenem-dirençli *Klebsiella pneumoniae* (KDKP) izolatlarının genomlarında taşıdıkları profaj dizilerini saptamak, bunların genom analizleriyle taşıdıkları virülans, patojenite ve AMR genlerinin dağılımını araştırmaktır.

Gereç ve Yöntem: KDKP izolatlarının DNA izolasyonları yapılarak Qubit Florometreler ile DNA miktarları ölçülmüştür. Oxford Nanopore PromethION ile tam genom sekanslaması yapılmış ve flye (versiyon 2.9.4-b1799) ile DeNova assembly yapılmıştır. Elde edilen FASTA dosyaları ile Blastn yapılmıştır. PHASTEST ile her bir izolatın taşıdığı profaj dizileri belirlenerek bu dizilerde virülans, patojenite ve AMR genleri ve tRNA varlığı ResFinder-4.5.0, VirulenceFinder-2.0, PathogenFinder-1.1 ve tRNAscan-SE v. 2.0 ile taranmıştır. Fajların yaşam döngüleri, Bacphlip ile tahmin edilmiştir. Saptanan profajların nükleotit dizileri kullanılarak Mega X ile filogenetik ağaç çizilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 8 KDKP izolatında, 13 farklı (9 adet ılıman, 4 adet virulan) profaj karakterize edilmiştir. Saptanan bazı diziler kısmi profaj dizisi olup boyutları 7404-54906 bp arasındadır. GC oranları %40-55 arasındadır. 6 farklı izolatta 9 adet PHAGE_Klebsi_ST16_OXA48phi5.4 (3'ü kısmi), 2 farklı izolatta 1'er adet PHAGE_Klebsi_ST15_OXA48phi14.1 dizisine rastlanmıştır. Diğer fajlar farklı izolatlarda saptanmıştır. Yalnızca KK38 izolatında bulunan KK38.P3 profajında 3 adet tRNA bölgesi tespit edilmiştir. Sadece KK36 izolatına ait aynı tip 2 profaj üzerinde qnrB1(siprofloksasin direnci), tet(A) (tetrasiklin, doksisiklin direnci), dfrA14(trimetoprim direnci) AMR genleri görülmüştür. Profajların üzerinde 14 farklı patojenite geninin kodlandığı görülmüştür. Bunlar faj portal protein (KK36.P1), transpozaz (KK36.P2), resolvase (KK36.P3), kinaz, tRNA(KK36.P4), immunity represör (KK41.P1), represör protein(KK37.P4), transpozaz, reverse transkriptaz (KK38.P3), faj protein (KK36.P5), CTP sentaz (KK37.P5), transcription activator protein (KK43.P2), faj regulatory protein (KK41.P2), endonuklease (KK57.P1) eksprese gen bölgeleridir. KK36 ve KK41 izolatları farklı boyutlu aynı profaj tipini taşımasına rağmen farklı patojenite genlerine sahiptir. Aynı şekilde KK36 izolatında bulunan 2 aynı profaj üzerinde 2 farklı patojenite geni kodlamaktadır ve faj duyarlılığının yüksek olduğu görülmüştür. Profajların bakteri evriminde önemli itici güçler oldukları bilinmektedir ve bu çalışma KDKP'de antimikrobiyal direnç ve patojeniteye katkı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

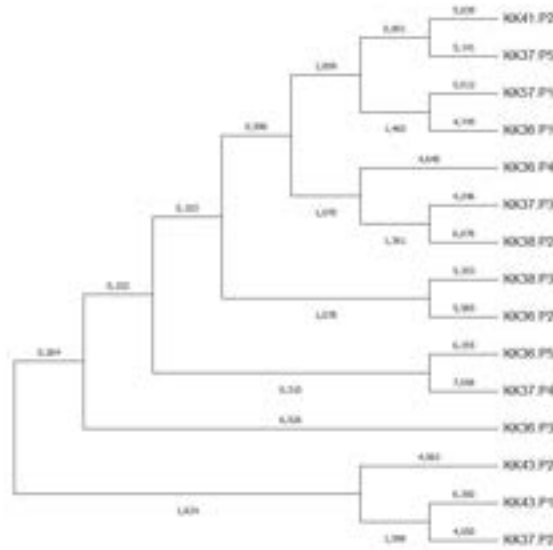
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



sağladıklarını göstermiştir. Bazı fajların faj-plazmid özelliğinde oldukları görülmüş ve hareketli elemanlar olarak bakteriler arasında gen aktarımına katkı sağladıkları ortaya konulmuştur.

Şekil 1. Karbapenem Dirençli *K.pneumoniae* izolatlarında Tespit Edilen Profajların Filogenetik Ağacı



Anahtar Kelimeler: *K.pneumoniae*, Profaj, Antimikrobiyal Direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-083

Çok Merkezli Türkiye *Saprochaete (Magnusiomyces)* Çalışması: Klinik Örneklerden İzole Edilen *Saprochaete (Magnusiomyces)* Kökenlerinin Antifungal Duyarlılıklarının ve İn Vitro Virülans Özelliklerinin Belirlenmesi

Ali Öztürk¹, Ayşe Kalkancı², Barış Otlu³, Elif Seren Tanriverdi³, Sevtap Arıkan Akdağlı⁴, Dolunay Gülmez Kıvanç⁴, Esra Özkaya⁵, İlknur Tosun⁵, Rabiye Altınbaş⁶, Berna Gültekin Korkmazgil⁷, Merve Aydın Terzioğlu⁸, Emine Küçükateş⁹, Halil Er¹⁰, Özgül Çetinkaya¹⁰, Arzu İlki¹¹, Elvan Sayın¹¹, Yasemin Öz¹², Ayşe Barış¹³, Asuman Birinci¹⁴, Melda Özdamar¹⁵, Betil Özhak¹⁶, Özlem Koyuncu¹⁶

¹Niğde Ömer Halisdemir Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Niğde, Türkiye

²Gazi Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

³İnönü Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Malatya, Türkiye

⁴Hacettepe Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

⁵Karadeniz Teknik Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Trabzon, Türkiye

⁶Dr. Ersin Arslan Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Gaziantep, Türkiye

⁷Adnan Menderes Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Aydın, Türkiye

⁸KTO Karatay Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Konya, Türkiye

⁹İstanbul Üniversitesi, Cerrahpaşa Kardiyoloji Enstitüsü, İstanbul, Türkiye

¹⁰Antalya Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Antalya, Türkiye

¹¹Marmara Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

¹²Osmangazi Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Eskişehir, Türkiye

¹³Şişli Hamidiye Etfal Eğitim ve Araştırma Hastanesi, İstanbul, Türkiye

¹⁴Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun, Türkiye

¹⁵Kocaeli Özel Anadolu Sağlık Merkezi

¹⁶Akdeniz Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Antalya, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Saprochaete/Magnusiomyces* türleri, nadir görülen, fırsatçı invaziv fungal enfeksiyonlara neden olabilen maya benzeri mantarlardır. Bu cins, bazı antifungal ilaçlara azalmış duyarlılık gösterebilmektedir. En sık gözlenen tür *Saprochaete capitata* (Teleomorfu: *Magnusiomyces capitatus*) iken, *Saprochaete clavata* (Teleomorfu: *Magnusiomyces clavatus*) da salgınlara neden olabilmesiyle dikkati çekmiştir. Klinik Mikrobiyoloji Laboratuvarlarında tür düzeyinde tanımlanmaları geç ve güç olabilmektedir. Bu çalışmada, farklı merkezlerde izole edilmiş ve *Saprochaete/Magnusiomyces* olarak ön tanımlaması yapılmış izolatların fenotipik ve genotipik olarak tür tanımlamasının doğrulanması, antifungal duyarlılık profillerinin belirlenmesi ve virülans özelliklerinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya dahil edilen toplam 38 *Saprochaete/Magnusiomyces* kökeni 2010-2023 yıllarına ait olup, 12 katılımcı merkezin Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarlarında bulunan kültür koleksiyonlarından temin edilmiştir. *Saprochaete/Magnusiomyces* izolatlarının tür düzeyinde tanımlanması, MALDI-TOF MS ve ITS gen bölgesi Sanger dizilemesiyle doğrulanmıştır. İzolatlar için



amfoterisin B, flukonazol, vorikonazol, itrakonazol, posakonazol ve flusitozin minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerleri “European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing” (EUCAST) referans sıvı mikrodilüsyon yöntemi (v.7.4) kullanılarak belirlenmiş, amfoterisin B için MİK-O, diğer ilaçlar için MİK-2 okuma değeri kullanılarak değerlendirme yapılmıştır. Ayrıca; izolatların hemoliz, fosfolipaz, salgısal asit proteinaz (SAP), esteraz, kazeinaz aktiviteleri ve biyofilm oluşturma yetenekleri in vitro olarak araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan izolatların 26’sı *S. capitata* ve 12’si *S. clavata* olarak tanımlanmıştır. İzolatların hiç birinde hemoliz ve üreaz aktivitesi saptanmamıştır. SAP, fosfolipaz, kazeinaz ve esteraz pozitifliği sırasıyla 4 (%10,5), 1 (%2,6), 10 (%26,31) ve 24 (%63,15) olarak belirlenmiştir. İzolatların 35’i (%92,1) güçlü biyofilm oluştururken, bir izolatta orta ve iki izolatta ise zayıf düzeyde biyofilm oluşumu saptanmıştır. Antifungal duyarlılık testi sonuçlarına göre elde edilen MİK değerlerinin aralıkları, geometrik ortalamaları, MİK₅₀ ve MİK₉₀ değerleri Tablo’da verilmiştir. Çalışma sonucunda elde edilen verilere göre, test edilmiş olan antifungal ilaçların etkinlik sıralaması, *S. capitata* suşları için Vorikonazol>Posakonazol>Itrakonazol>Flusitozin>Amfoterisin B>Flukonazol ve *S. clavata* suşları için de benzer şekilde Vorikonazol=Posakonazol>Itrakonazol>Flusitozin>Amfoterisin B>Flukonazol olarak belirlenmiştir. En yüksek MİK değerlerinin flukonazol için saptanmış olması ve yine flukonazol için belirgin olmak üzere, *S. clavata* izolatları için elde edilen MİK değerlerinin, *S. capitata* için elde edilenlere göre daha yüksek oluşu dikkati çekmiştir. Virülans faktörlerine ilişkin sonuçlarda ise *Saprochaete* suşlarının çeşitli virülans özellikleri gösterdikleri bulunmuştur. Bu çalışma, ülkemizde klinik *Saprochaete* suşlarının özelliklerinin incelendiği ilk çok merkezli araştırma olup, yerel epidemiyolojik verilere katkı sağlamış olması nedeniyle önem taşımaktadır.

Tablo 1: Klinik *Saprochaete* izolatlarında EUCAST mikrodilüsyon yöntemiyle elde edilen minimum inhibitör konsantrasyon değerleri (mg/l).

Antifungal ilaç		<i>Saprochaete capitata</i> (n=26)	<i>Saprochaete clavata</i> (n=12)	Tüm izolatlar (n=38)
Amfoterisin B	MİK aralığı	0,25-4	0,5-2	0,25-4
	MİK GM*	0,83	1,06	0,90
	MİK ₅₀	1	1	1
	MİK ₉₀	2	2	2
Flukonazol	MİK aralığı	0,125-16	4-64	0,125-64
	MİK GM	3,23	16,00	5,36
	MİK ₅₀	4	16	8
	MİK ₉₀	16	32	16

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Vorikonazol	MİK aralığı	0,016-4	0,016-2	0,016-4
	MİK GM	0,15	0,42	0,21
	MİK ₅₀	0,016	0,5	0,25
	MİK ₉₀	2	2	2
İtrakonazol	MİK aralığı	0,016->8	0,125-8	0,016->8
	MİK GM	0,22	0,59	0,31
	MİK ₅₀	0,125	0,5	0,5
	MİK ₉₀	8	1	8
Posakonazol	MİK aralığı	0,008->4	0,125-1	0,008->4
	MİK GM	0,21	0,42	0,26
	MİK ₅₀	0,25	0,5	0,5
	MİK ₉₀	2	1	1
Flusitozin	MİK aralığı	0,125-32	0,125-32	0,125-32
	MİK GM	0,30	0,63	0,38
	MİK ₅₀	0,25	0,25	0,25
	MİK ₉₀	16	16	16

* GM: Geometrik ortalama

Anahtar Kelimeler: *Saprochaete capitata*, *Saprochaete clavata*, İnvazif fungal enfeksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-084

Kandidemili Hastalarda Antifungal Direnç ve Serolojik Testlerin Tanısal Değeri

Duygu Aksoy¹, İlkay Bahçeci², Zihni Acar Yazıcı²

¹Burdur Halk Sağlığı Laboratuvarı

²Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Kandidemilerde mortalite oranları yüksek olduğundan tanısının erken konması ve antifungal tedaviye hızlı başlanması gerekmektedir. Çalışmada hasta grubunun serum BDG ve MAg düzeylerinin kontrol grubuyla karşılaştırılması, bu biyobelirteçlerin tanısal önemlerinin tespit edilmesi, hasta grubunun antifungal duyarlılık profilinin belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi servis ve yoğun bakım ünitelerinde yatan kan kültürlerinde *Candida* türleri üremesi olan 41 hasta(hasta grubu) ve kan kültürlerinde mikroorganizma üremesi olmayan 40 hasta(kontrol grubu) dahil edildi. Pozitif üreme sinyali veren ve Gram boyama sonrası maya hücresi görülen şişelerdeki mikroorganizmalar Sabouraud Dekstroz Agar, Chromagar Candida Agar'a(RTA Lab., Türkiye) ekilerek 37°C'lik etüvde 24-48 saat inkübe edildi ve VITEK®2 Compact otomatize sistemiyle(BioMerieux, Fransa) *Candida* türleri olarak tanımlandı. Tanımlama sonucu antifungal duyarlılık testi kolorimetrik mikrodilüsyon yöntemi olan Sensititre YeastOne YO10 duyarlılık paneliyle(Thermo Scientific, ABD) dokuz antifungal için çalışıldı. Antifungal duyarlılıkları CLSI M27M44S kriterlerindeki klinik eşik değerlere göre yorumlandı. Türe özgü klinik eşik değer bulunmayan türler ya da antibiyotikler CLSI M57S kriterlerindeki epidemiyolojik eşik değerlere göre değerlendirildi. Kan kültürleriyle eş zamanlı gönderilen serum örneklerindeki 1,3-β-D-glukan(BDG) ve Candida mannan antijen(MAg) ölçümleri kemilüminesans immünoanaliz(Genabio Pharmaceuticals Co., Çin) prensibiyle yapılarak gruplar arasında karşılaştırıldı. İstatistiksel anlamlılık p<0,05 kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 81 kişinin medyan yaşı 70 olup 35'i kadın, 46'sı erkekti. Hasta grubunun 20'sinde(%48.8) etken *C. albicans* iken, 21'inde(%51.2) non-albicans *Candida*'lar(NAC) etken tespit edildi. Kontrol grubu ve hasta grubunda BDG ve MAg parametreleri incelendiğinde iki grup arasında istatistiksel olarak anlamlı fark olduğu tespit edildi(Tablo1). Kandidemili hastalarda BDG ile MAg düzeyleri arasındaki korelasyon analiz edildiğinde her iki parametre arasında pozitif yönde düşük düzey korelasyon saptandı(Spearman rho korelasyon katsayısı= 0.371, p=0.017). Kandidemi tanısı öngörme performansı için yapılan ROC eğrisi analizi sonucunda MAg AUC değeri 0.775(%95 CI: 0.673-877), BDG AUC değeri 0.634(%95 CI: 0.511-0.757), BDG ve MAg kombinasyonunda 0.739(%95 CI: 0.629-851) olarak tespit edildi(Şekil1). AUC değerlerinin analizine göre kandidemiye öngörmede MAg ve BDG+MAg kombinasyonu orta test performansı, BDG ise zayıf test performansı gösterdi. Antifungal duyarlılık testinde tüm *Candida* türleri ekinokandinler ve Amfoterisin B'ye duyarlı veya wild tip olarak saptandı. Flusitozin için eşik değer belirtilmediğinden duyarlılık değerlendirilemedi. Azoller için direnç saptanmazken, flukonazol için bir

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

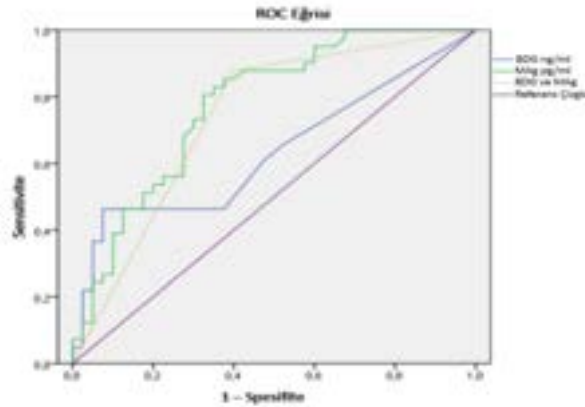
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



C.tropicalis ve dört *C.glabrata*(*Nakaseomyces glabrata*) suşu doza bağlı duyarlı olarak bulundu(Tablo2).Kandidemi tanısı için kullanılan yöntemlerin ve antifungal duyarlılık testlerinin sonuçlarının uzun vadeli etkilerini değerlendirebilmek için daha fazla çalışmaya ihtiyaç vardır.

Şekil 1. BDG, MAG ve BDG+MAG kombinasyonunun kandidemi tanısına yönelik ROC eğrileri



Tablo 1. BDG ve MAG düzeylerine göre hasta ve kontrol grubunun karşılaştırılması

	Hasta grubu, (n=41)	Kontrol grubu, (n=40)	p değeri
	medyan (IQR)	medyan (IQR)	
BDG (ng/mL)	0.04	0.03	0.031^a
	(0.02-2.1)	(0.02-0.17)	
MAG (pg/mL)	152.9	32.45	<0.001^a
	(47.9-307.7)	(20.9-121.2)	

a: Mann Whitney U testi, IQR: Çeyrekler arası aralık, %25-75.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2. *Candida* türlerinin antifungal duyarlılıklarının değerlendirilmesi.

		<i>Candida albicans</i>	<i>Candida parapsilo- sis</i>	<i>Candida tropicalis</i>	<i>Candida glabrata (Nakaseo- myces glabratus)</i>	<i>Candida krusei* (Pichia kudriavzeii)</i>	<i>Candida keyfr (Kluyvero- myces marxianus)</i>	<i>Candida lusitaniae (Clavispora lusitaniae)</i>
		(20)	(8)	(6)	(4)	(1)	(1)	(1)
		n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)
AND,	S / R	20(100) / -	8(100) / -	6(100) / -	4(100) / -	1(100) / -	- / -	- / -
	I / SDD	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -
CAS,	Wt/NWt	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	1(100)	1(100)
MF	S / R	20(100) / -	8(100) / -	5(83.3) / -	- / -	- / 1(100)	- / -	- / -
FZ	I / SDD	- / -	- / -	- / 1(16.7)	- / 4(100)	- / -	- / -	- / -
	Wt/NWt	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	1(100) / -	1(100) / -
	S / R	20(100) / -	8 (100) / -	1(16.7) / -	- / -	- / -	- / -	- / -
VOR	I / SDD	- / -	- / -	5(83.3) / -	- / -	- / -	- / -	- / -
	Wt/NWt	- / -	- / -	- / -	2(50)/2(50)	- / -	- / -	- / -
	S / R	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -
PZ	I / SDD	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -
	Wt/NWt	18(90)/2(10)	8(100) / -	1(16.7)/5(83.3)	3(75)/1(25)	1(100) / -	1(100) / -	1(100) / -
	S / R	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -
IZ	I / SDD	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -	- / -
	Wt/NWt	- / -	8(100) / -	6(100) / -	4(100) / -	1(100) / -	1(100) / -	1(100) / -
AB	Wt/NWt	20(100) / -	8(100) / -	6(100) / -	4(100) / -	1(100) / -	1(100) / -	1(100) / -

*C. krusei (Pichia kudriavzeii) flukonazole intrinsik dirençlidir. AND: Anidulafungin, CAS: Kaspofungin, MF: Mikafungin, FZ: Flukonazol , VOR: Vorikonazol, PZ: Posakonazol, IZ: İtrakonazol, AB: Amfoterisin B S: duyarlı, I: orta, SDD: doza bağımlı duyarlı, R: dirençli, Wt: wild tip, NWt: non-wild tip.

Anahtar Kelimeler: Antifungal duyarlılık, Biyobelirteç, Kandidemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-085

Pediyatrik Böbrek Yetmezlikli Hastada Nadir Bir Sistemik Enfeksiyon Etkeni: {*Trichosporon asahii*}

Fatmanur Zehra Altay¹, Nuri Kiraz¹, Zeynep Yazgan¹, Sare Güntülü Şık²

¹İstanbul Üniversitesi- Cerrahpaşa Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

²İstanbul Üniversitesi- Cerrahpaşa Tıp Fakültesi Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: İnsanlarda en sık görülen invazif mikoz etkeni *Candida* türleridir. Ancak *Candida* dışı mayalar son yıllarda artan sıklıkta fungemi etkeni olarak bildirilmektedir. Yoğun bakım yatışı, immün supresyon, girişimsel işlemler, geniş spektrumlu antibiyotik kullanımı *Candida* dışı maya enfeksiyonları için risk faktörlerindendir. Uygun olmayan antifungal kullanımı ya da tedaviye başlangıçtaki gecikmeler mortaliteyi artırmaktadır. *Candida* türlerinde etkili olan ve hemokültürde maya sinyali geldiğinde ampirik kullanılması önerilen Ekinokandinlere karşı, *Candida* dışı mayalarda intrensek direnç gözlenmektedir. Bu çalışmada hastanemizde sistemik *Trichosporon asahii* enfeksiyonu tanısı alan 2 yaş 8 aylık bir erkek hasta sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Posterior üretral valfe bağlı gelişen son dönem böbrek yetmezliği tanılı hasta serviste takip edilirken ani gelişen solunum sıkıntısı sebebiyle entübe edilip yoğun bakım ünitesine transfer edildi. Yatışının 16. gününde alınan kan kültürü şişesi RENDER tam otomatik kan kültürü BC32 sistemindeki inkübasyonunun 24. saatinde pozitif sinyal verdi. Gram boyamada hif ve tomurcuklanan maya hücreleri görüldü. Hastaya Mikafungin başlandı. Şişe Sabouraud dextrose agara ekildi. 24 saat sonra krem renkli, kabarık, kıvrımlı koloniler üredi, MALDI-TOF MS (BioMérieux, Fransa) ile *Trichosporon asahii* olarak tanımlandı, mısır unlu jeloz agara ekildi. 48 saat sonra incelendi. Artrokonidi ve blastokonidiler gözlemlendi. Üreaz testi pozitif saptandı. Gradient test (E-Test) yöntemiyle (BioMérieux, Fransa) antifungal duyarlılık testi çalışıldı. Elde edilen MİK değerleri; Anidulafungin: >32 mcg/ml, Mikafungin: >32 mcg/ml, Posakonazol :1 mcg/ml, Vorikonazol: 0.125 mcg/ml, İtrakonazol: 1.5 mcg/ml, Flukonazol: 3 mcg/ml ve Amfoterisin B: 0.50 mcg/ml. Ekinokandin grubu ilaçlara karşı direnç ve Flukonazole karşı azalmış duyarlılık tespit edildi. Mikafungin dirençli olduğu için kesilip Vorikonazol başlandı. Hastadan tekrar kan, idrar ve kateter kültürü istendi. Hemokültürün yanında idrar kültüründe 20.000 koloni, sondalı idrar kültüründe 2.000 koloni *Trichosporon asahii* üredi. Yatışının 23.gününde tüm kültürleri negatif sonuçlandı, 2 ay boyunca negatif seyretti. Yatışının 3. ayında diyaliz sonrası asidoz ve solunum depresyonu sonucu ex oldu.

Gram boyama

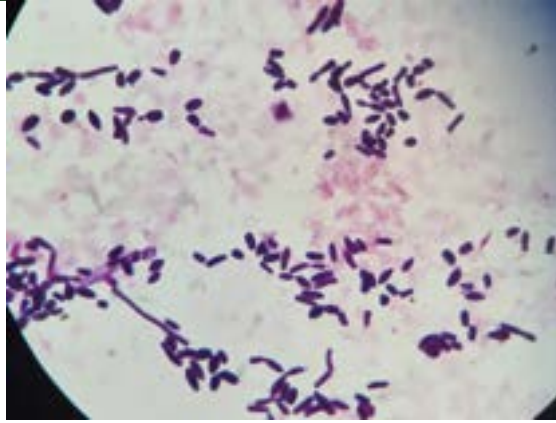
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Trichosporon asahii artoknidileri

Sabouraud dextrose agar



Krem renkli, kabarık, kıvrımlı koloniler

Mısır Unlu Jeloz besiyeri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Trichosporon asahii blastoknidileri

Bulgular ve Sonuç: Hemokültürde maya ürediğinde Flukonazol ve özellikle pediatrik hastalar için Mikafungin akla gelmektedir. Olgumuzda Flukonazol MİK değeri 3 ve Ekinokandin direnci bulunmaktadır. Triazol grubu antifungaller hala tercih edilen ve etkili ilaçlardandır. Olgumuzda da Vorikonazolle tedavi sağlanmıştır. Mikrobiyoloji laboratuvarlarında Trichosporon olgularının erken tanısı için uygun boyama yöntemi, besiyeri ve biyokimyasal testleri içeren bir tanımlama algoritması oluşturulması, tedaviye önemli katkı sağlayacaktır.

Anahtar Kelimeler: *Trichosporon asahii*, *Candida* dışı maya, Yoğun bakım

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-086

***Candida auris* İzolatlarına Karşı Bazı Antiseptik ve Dezenfektanların Antifungal Etkinliklerinin Araştırılması**

Zafer Habip, M. Esra Koçoğlu, Büşra Güneysu Yazar, Merve Özmen, Şule Çetin, Tuncer Özekinci

İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Candida auris*, 2009 yılında ilk olarak Japonya’da bildirildikten sonra Dünya genelinde hızla yayılan bir enfeksiyon etkeni olarak karşımıza çıkmaktadır. Azol grubu antifungallerin yanı sıra Amfoterisin B ve ekinokandinlere de yüksek oranda direnç göstermesi, özellikle yoğun bakımdaki hastalarda kolonize olarak mortalitesi yüksek enfeksiyonlara yol açması onu önemli bir hastane enfeksiyonu etkeni haline getirmektedir. Bu çalışmada, hastanemizde izole edilen *Candida auris* kökenlerinin çeşitli dezenfektan ve antiseptiklere olan duyarlılığını saptamayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, hastanemizde dezenfektan olarak kullanılan sodyum hipoklorit (%5, %1 ve %0,5), hidrojen peroksit (%6, %3), povidon iyot (%10, %5 ve %2,5), klorheksidin glukonat (%4) ile n-propanol (%4) içeren sıvı sabun, etanol (%60) ile izopropil alkol (%10) içeren el dezenfektanının laboratuvarımızda çeşitli örneklerden izole edilen, 10 adet *Candida auris* suşuna, bir *Candida krusei* (ATCC 6258) ve bir *Candida parapsilosis* (ATCC 22019) suşuna etkinliği araştırılmıştır. Seçilen mantarlar kalitatif süspansiyon test yöntemine göre 1, 2, 5, 10 ve 30 dakikalık sürelerde maddelerle temas ettirilmiştir. Nötralizan olarak %3’lük tween 80 kullanılmıştır. Kontrol için dezenfektan eklenmemiş bakteri süspansiyonları kullanılmıştır. Ekimler %5 koyun kanlı agar yapılarak, 37°C’de, aerob koşullarda 24-48 saat inkübe edildikten sonra, plaklarda oluşan koloniler sayılmıştır. Belirlenen temas süresi ve konsantrasyonda üreme olmaması, dezenfektanın etkin olduğu şeklinde değerlendirilmiştir (Resim 1)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dezenfektan teması sonrası besiyerinde üreyen *Candida* kolonileri



Hidrojen peroksit (%3) ile 1, 2, 5, 10, 30. dakika maruz bırakılan *Candida auris* suşunun Koyun Kanlı besiyerindeki görünümü

Bulgular ve Sonuç: Povidon iyotun tüm konsantrasyonlarında, klorheksidin/n-propanol içeren sabunda, etanol-izopropil alkol içeren antiseptikte, sodyum hipokloritin %5 ve %1'lik konsantrasyonlarında 1. dakikadan itibaren çalışılan suşların tümünde üreme inhibe olmuştur. Sodyum hipokloritin %0,5'lik ve hidrojen peroksitin %6'lık konsantrasyonunda on *C. auris* suşunun ikisinde 1. dakikada üreme olmuştur. Çalışmaya dahil edilen on *C. auris* suşunun üçünde %3'lük hidrojen peroksitle bir dakikalık temas süresinde, dördünde hem bir hem de iki dakikalık temas süresinde üreme olduğu görülmüştür. *C. parapsilosis* suşunun hidrojen peroksitin %6'lık konsantrasyonunda sadece 30 dakikalık temas süresinde üreme saptanmazken %3'lük konsantrasyonunda tüm sürelerde üreme olduğu görülmüştür. *C. krusei* suşunun hidrojen peroksitin hem %3'lük hem de %6'lık konsantrasyonunda bir dakikalık temas süresinde üreme olduğu tespit edilmiştir (Tablo 1). Hastanelerde yaygın olarak kullanılan antiseptik ve dezenfektanların, üretici firma önerileri doğrultusunda kullanıldığı takdirde, *Candida auris* suşları üzerine büyük oranda etkin olduğu görülmüştür. Hidrojen peroksitin sulandırmadan, sodyum hipokloritin en az %1 lik sulandırımında kullanması gerektiği sonucu çıkarılmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-087

Paranasal Sinüslerin Biyopsi Örneklerinin Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

Melike Yaşar Duman¹, Şükrü Dirik², İrem Nur Şahin¹, Egemen Bolat¹, Hüseyin Aytaç Erdem², Naim Ceylan³, Ayça Dilşad Çağlayan⁴, Suleyha Hilmioğlu Polat¹, Dilek Yeşim Metin¹

¹Ege Üniveristesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Ege Üniveristesi Tıp Fakültesi Hastanesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Ege Üniveristesi Tıp Fakültesi Hastanesi Radyoloji Anabilim Dalı

⁴Ege Üniveristesi Tıp Fakültesi Hastanesi Patoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Mantar sinüzitleri, invaziv rinosinüzit (akut, kronik ve granülomatöz) ve non-invaziv (mantar topu, saprofitik mantar sinüziti ve alerjik mantar rinosinüziti) olarak iki gruba mukozada sınırlı, invazyon göstermeyen enfeksiyonlar şeklinde ortaya çıkmaktadır. İnvaziv mantar sinüzitleri ise özellikle kontrolsüz diyabeti ve hematolojik malignitesi olan bağışıklık sistemi baskılanmış hastalarda görülmekte ve hızlı progresyon göstererek komşu dokulara yayılabilmektedir. Bu çalışmada Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Mikoloji Laboratuvarına mantar sinüziti şüphesiyle gönderilen paranasal sinüs biyopsi örneklerinde üreyen mantar etkenlerinin retrospektif olarak değerlendirilmesi ve olguların demografik, klinik, radyolojik ve patolojik verilerinin sunulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'nde 2016-2024 yılları arasında mantar sinüziti şüphesi ile mikoloji laboratuvarına gönderilen paranasal sinüs biyopsi örneklerinde mantar üremesi saptanan 52 hasta dahil edilmiştir. Hastaların dosyalarından demografik verileri, altta yatan hastalıkları, patoloji, mikoloji kültür sonuçları ve radyolojik değerlendirmeleri ile düzenlenen tedavileri göz önüne alınarak üç hasta dışlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Kırk dokuz hastadan 24'ü kadın (%48,9), 25'i erkek (%51,1), yaş ortalaması 54,30±14,56 bulunmuştur. Hastalardan 48 tanesinin (%97,9) en az bir adet kronik hastalığı mevcut olup dağılımı Tablo 1'de gösterilmiştir. Risk faktörleri, radyolojik bulgular, patoloji sonuçları göz önüne alınarak, 47 hasta (%95,9) invaziv, iki hasta (%4,1) ise non-invaziv fungal sinüzit olarak değerlendirilmiştir. En sık gözlenen semptom ve bulgu ateş yüksekliği olup, semptom ve bulguların dağılımı Tablo 2'de gösterilmiştir. Kırk altı hastanın kültüründe tek etken saptanırken, üç hastada iki, bir hastada ise üç etken saptanmış ve etkenlerin dağılımı Tablo 3'de yer almaktadır. Eş zamanlı patoloji örneği gönderilen 42'sinin 35 tanesinde (35/42, %83,3) mantar enfeksiyonu lehine bulgu saptanmış; 48 hastada ise mantar sinüzitini düşündüren radyolojik bulgu saptanmıştır. Hastalardan 21 tanesi (42,8) kaybedilmiştir. Mantar sinüzitleri farklı klinik tablolarda ortaya çıkmakta olup, özellikle invaziv formlarda erken dönemde etkin tedavi verilmemesi halinde ciddi komplikasyonlar ve mortalite görülebilmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo:1 Hastaların kronik hastalıklarının dağılımı

Kronik Hastalıklar	Hasta sayısı (S/%)
Hematolojik malignite	27/49 (%55,1)
Diabetes mellitus	15/49 (%30,6)
Hipertansiyon	10/49 (%20,4)
Solid organ malignitesi	9 /49 (%18,3)

Tablo 2: Hastaların semptom ve bulgularının dağılımı

Semptom ve Bulgular	Hasta sayısı (S/%)
Ateş yüksekliği	25/49(%51,0)
Gözde şişlik	17/49 (%34,6)
Görme bozukluğu	15/49 (%30,6)
Sinüs ağrısı	12/49 (%24,4)
Baş ağrısı	10/49 (%20,4)
Konjesyon	7/49 (%14,2)
Burun akıntısı	6/49 (%12,2)

Tablo 3: Kültür sonucunda saptanan etkenlerin dağılımı

Saptanan etken	Hasta sayısı (S/%)
<i>Aspergillus</i> spp.	23/49 (%46,9)
<i>Rhizopus</i> spp.	14/49 (%28,5)
<i>Fusarium</i> spp.	6/49 (%12,2)
<i>Mucor</i> spp.	4/49 (%8,1)
<i>Rhizomucor</i> spp.	3/49 (%6,1)
<i>Alternaria</i> spp.	2/49 (%4,0)
<i>Acremonium</i> spp.	1/49 (%2,0)
<i>Cladosporium cladosporioides</i> complex	1/49 (%2,0)

Anahtar Kelimeler: fungal sinüzit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-088

***Candida auris*'in Biyosid ve Antifungal Duyarlılığının Analiz Edilmesinde Makine Öğrenme Yöntemlerinin Kullanımı**

Sidre Erganiş¹, Ayşe Seyer Çağatan², Mubarak Taiwo Mustapha³, Furkan Martlı¹, Meliz Yuvalı⁴, Sena Algin¹, Sema Turan Uzuntaş⁵, Beyza Yavuz¹, Alper Doğan⁵, Esra Kılıç¹, Füsun Kırca⁵, Abdullahi Garba Usman³, Elif Ayça Şahin¹, Çağrı Ergin⁶, Bedia Dinç⁵, Dilber Uzun Özşahin³, Ayşe Kalkancı¹

¹Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Uluslararası Kıbrıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi Tıbbi ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, KKTC

³Yakın Doğu Üniversitesi Sağlıkta Yöneyim Merkezi, KKTC

⁴Yakın Doğu Üniversitesi Tıp Fakültesi, Biyoistatistik Anabilim Dalı, KKTC

⁵Ankara Bilkent Şehir hastanesi, Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara, Türkiye

⁶Pamukkale Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Candida auris* (*C. auris*) hastane ortamının temizliğinde ve dezenfeksiyonunda kullanılan maddelere dirençli olması nedeniyle kontrolü zor salgınlar oluşturabilir. Bu çalışmada, makine öğrenmesi yöntemleriyle, *C. auris* kökenin hangi biyosidlere duyarlı olduğunun tahmin edilmesinde hangi özelliklerinin önemli olduğunun belirlenmesi ve bunun için kullanılmak üzere bir karar ağacı oluşturulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu projede MALDI-TOF ve DNA dizi analizi ile tür düzeyinde doğrulanmış olan 48 adet *C. auris* kökeni kullanılmıştır. Virülans faktörü olarak biyofilm oluşturma, salgısal aspartil proteinaz (SAP), kazein, fosfolipaz, esteraz ve hemolitik aktivite varlığı sonuçları elde edilmiştir. Antifungal ilaçlardan amfoterisin B, vorikonazol, flukonazol, itrakonazol, posakonazol, isavukonazol, kaspofungin ve anidulafungin için CLSI referans mikrodilüsyon yöntemi ile MİK değerleri belirlenmiştir. Pozitif ve negatif şeklindeki fenotipik virülans faktörleri, makine öğrenimi analizini ve karar ağacı oluşturulmasını kolaylaştırmak için negatif=0 ve pozitifler=1,2,3 şeklinde sayısal değerlere dönüştürülmüştür. Tüm veriler z-skoru formülü kullanılarak ortalama 0 ve standart sapma 1 olacak şekilde standardize edilmiştir ($x_{std}=(x-\mu)/\sigma$). Özellik önem analizi için “Random Forest Regressor” kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile triklosan (TRK) için direnç sınır değeri $\geq 0.5 \mu\text{g/mL}$, benzalkonium (BNZ) için $\geq 150 \mu\text{g/mL}$, klorheksidin (KHD) için $\geq 1.0 \mu\text{g/mL}$, ve klor(kLR) için $\geq 0.03 \mu\text{g/mL}$ olarak belirlenmiştir. Kökenlerin tamamı BNZ dirençli olduğu için karar ağacında bu veri kullanılmamıştır. *Candida auris* kökenleri için tüm özellikler biyosid duyarlılığının temel belirleyicisi olmak yönünden analiz edilmiştir. Şekil 1’de tüm virülans özellikleri ve antifungal MİK değerleri arasından, anidulafungin MİK değeri makine öğrenmesi modelinde biyosid duyarlılığını etkileyen en önemli faktör olarak, 0,27 önem puanıyla öne çıkmıştır. Bunu, sırasıyla yaklaşık 0,18 ve 0,17 önem puanlarıyla amfoterisin B ve flusitozin MİK değerleri takip etmiştir. İsavukonazolün 0,11 önem puanıyla önemli bir rol oynadığı, kaspofungin ve posakonazolün ise orta düzeyde önem taşıdığı gösterilmiştir. Diğer fenotipik virülans özelliklerinin ve diğer

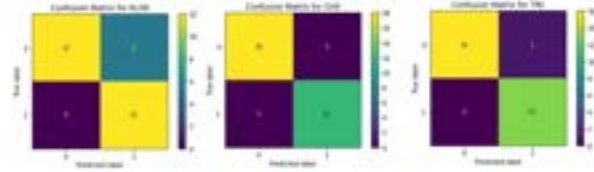
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Biyosid duyarlılığı için “Confusion Matrix”

Anahtar Kelimeler: Karar Ağacı, Yapay Zeka, Makina Öğrenme

Bu çalışma, Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Klinik Araştırmalar Etik Kurulu’nun 06.02.2023 tarihli toplantısında 115 karar numarası ile onaylanmış olup TOA-2023-8299 kodlu ve '*Candida auris*'in biyosid ve antifungal duyarlılığının analiz edilmesinde makine öğrenme yöntemlerinin kullanımı' başlıklı BAP projesi olarak desteklenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-089

İnvaziv Enfeksiyona Neden Olan *Aspergillus* Dışı Filamentöz Mantar Etkenlerinin CLSI Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi İle Amfoterisin B, İtrakonazol, Vorikonazol ve Posakonazol İçin Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Nilgün Karabıçak

Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ulusal Mikoloji Referans Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: *Aspergillus* dışı filamentöz mantarların neden olduğu enfeksiyonlar, bağışıklık sistemi baskılanmış konakta giderek daha yaygın hale gelmekte ve özellikle zigomikoz ve fuzaryoz için kötü prognozlarla ilişkilendirilmektedir. Bu çalışmada, nadir görülen küf mantarlarını (5 cins, 7 tür) içeren klinik izolatlar için CLSI sıvı mikrodilüsyon referans yöntemi ile dört antifungalin in vitro aktivitelerinin belirlenmesi amaçlanmaktadır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2023- Temmuz 2024 döneminde çeşitli hastanelerden Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ulusal Mikoloji Referans Laboratuvarı (HSGM-UMRL)'na gönderilen numunelerin identifikasyonu, patates dextrose agarada üreyen kolonilerin makroskobik görünüşleri, laktofenol pamuk mavisini ile boyalı mikroskobik incelemeleri ve matrix-assisted laser desorption ionization-time of flight mass spectrometry (MALDI-TOF MS, Biotyper (Bruker Daltonics, Germany) tanımlamayla birlikte değerlendirilerek yapılmıştır. Kökenlerin amfoterisin-B, itrakonazol, posakonazol ve vorikonazol duyarlılık testleri, CLSI mikrodilüsyon (M38-A3) yöntemi ile çalışılmış, minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerlerinin tesbiti 24-48 saatlik inkübasyon sonrasında yapılmıştır. *Aspergillus flavus* ATCC 204304 ve *Aspergillus terreus* ATCC MYA-3633 referans kalite kontrol suşları kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzolatlar, *Fusarium* SC (n = 15), *Zygomycetes* (n = 10), *Cladosporium* SC (n=2), *Lomentospora (Scedosporium) prolificans* (n = 1) ve *Lichtheimia corymbifera* (n = 1) yı içeriyordu. CLSI, *Aspergillus* dışı küflere özgü klinik direnç sınır değeri (clinical breakpoint; CBP) belirlemediğinden, antifungallerin MİK değerlerinin yorumunda epidemiyolojik eşik değerleri (epidemiological cutoff value; ECV) uygulanmıştır (Ingroff AE, 2016. Antimicrob Agents Chemother, 60:1079 ve Ingroff AE, 2016. Rev. Iberoam. Micol. 33:63). Vahşi tip (WT; MIC ≤ ECV) kökenleri, vahşi olmayan tip (non-WT; MIC > ECV) kökenlerden ayırmak amacıyla itrakonazol, posakonazol, vorikonazol ve amfoterisin-B için ECV değerlerine göre; *F. solani* SC (9), *F. oxysporum* SC (1) izolatlarının tümü azol antifungaller için WT ve *Rhizopus arrhizus* (10) izolatlarının tümü, *F. verticillioide* SC (5), *Lichtheimia corymbifera* (1) posakonazol için WT olarak değerlendirilmiştir. *F. solani* SC (9), *F. verticillioide* SC (5) ve *Rhizopus arrhizus* (10) amfoterisin-B için non-WT olarak tanımlandı (Tablo 1). Sonuç olarak, bu patojenlerin antifungal duyarlılıkları cins ve türe özgü farklılıklar gösterdiğinden duyarlılık paternlerinin bilinmesi tedaviye yol gösterici olması ve epidemiyolojik açıdan önem arz etmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo I. *Aspergillus* dışı filamentöz mantar türlerinin CLSI sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile 48 saatlik inkübasyon sonrası amfoterisin B, itraconazol, posakonazol ve vorikonazol için epidemiyolojik eşik değerleri (ECV)_{a,b} ve MİK aralıkları (n=29).

Tablo I. *Aspergillus* dışı filamentöz mantar türlerinin CLSI sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile 48 saatlik inkübasyon sonrası amfoterisin B, itraconazol, posakonazol ve vorikonazol için epidemiyolojik eşik değerleri (ECV)_{a,b} ve MİK aralıkları (n=29).

Organizma (test sayısı)	Antifungalite	ECV _a (log/ml) - MİK aralığı (log/ml)	
		WT	Non-WT
<i>F. solani</i> SC (9)	Amfoterisin B	≤8	>8
	itraconazol	≤32	>32
	Posakonazol	≤32	>32
	Vorikonazol	≤32	>32
<i>F. verticillioides</i> SC (5)	Amfoterisin B	≤4	>4
	Posakonazol	≤2	>2
	Vorikonazol	≤4	>4
<i>F. oxysporum</i> SC (11)	Amfoterisin B	≤8	>8
	itraconazol	≤32	>32
	Posakonazol	≤8	>8
	Vorikonazol	≤16	>16
<i>Rhizopus arrhizus</i> (30)	Amfoterisin B	≤4	>4
	itraconazol	≤2	>2
	Posakonazol	≤2	>2
<i>Schwiebia caryophyllae</i>	Amfoterisin B	≤2	>2
	Posakonazol	≤2	>2
<i>Cladosporium</i> SC (2)	Amfoterisin B	UM	UM
	itraconazole	UM	UM
	Posaconazole	UM	UM
	Voriconazole	UM	UM
<i>Lomentozora</i> <i>Isoporum</i> / <i>prolificans</i> 1	Amphotericin B	UM	UM
	itraconazole	UM	UM
	Posaconazole	UM	UM
	Voriconazole	UM	UM

^a Ingolf AE, 2016. Antimicrob Agents Chemother, 60:1879
^b Ingolf AE, 2016. Rev. Iberoam. Micol. 33:53
^c ECVs, epidemiological cutoff values; WT, wild type; non-WT, non-wild type; UM, Uygulanamaz

Anahtar Kelimeler: filamentous fungi, susceptibility testing, ECVs

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-090

Peloidoterapi Çamurlarında *Cryptococcus neoformans*'ın Eşeyli Üremesinin Araştırılması

Mustafa Şengül¹, Aylin Döğen², Sedef Zeliha Öner¹, Gülin Fındıkoğlu Ergin³, Çağrı Ergin¹, Macit İlkit⁴

¹Pamukkale Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli

²Mersin Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli

³Pamukkale Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Fiziksel Tıp ve Rehabilitasyon Anabilim Dalı, Denizli

⁴Çukurova Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Adana

Giriş ve Amaç: Küresel iklim değişikliği, fırsatçı mantarların çevresel kolonizasyonuna sebep olmakta ve insan sağlığına yönelik tehditler oluşturabilmektedir. Maya mantarlarının çevresel kolonizasyonu aşamasında ortam şartları uygun olunca, farklı genetik soylarda rekombinan eşeyli üreme görülür. Dünya Sağlık Örgütü'nün Ekim 2022'de yayınladığı öncelikli mantar patojenleri listesinde yer alan *Cryptococcus neoformans*, eşeyli şekli ile karşılaştığında teleomorf dikaryotik hücreleri oluşturur. Ülkemizde çok sayıda kaplıca tedavi amaçlı kullanılmaktadır. "Uluslararası Tıbbi Hidroloji Derneği"ne göre çamur (peloid) tedavisi; "Organik veya inorganik malzeme (katı faz) ve deniz-tuz gölü/maden suyu (sıvı faz) birlikteliğinden oluşan doğal ürününün, biyolojik aktivitesi ve jeolojik (kil mineralleri) içeriğinin kataplazma (sarma, paket, maske olarak düzenli aralıklarla hastalara seri halde tekrarlanması) veya banyo ile terapötik ajan olarak topikal uygulanması"nı içerir. Diz osteoartriti, kronik bel ağrısı, romatoid artrit, psoriatik artrit ve fibromiyalji hastalarında yoğun olarak kullanılmaktadır. Ülkemizde peloidoterapi amaçlı kullanılan çamurların kil oranları, mineralojik ve kimyasal yapıların oranlarının farklılıklar gösterdiği belirlenmiştir. Denizli bölgesi halkın termal sular/çamurlar ile temasının yoğun olduğu bir bölgedir. Sunulan çalışmada, ülkemizde peloidoterapi uygulamasında kullanılan organik içerik bakımından zayıf çamurlarda *C. neoformans*'ın eşeyli üremesinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, Sarayköy, Gölemezli ve Karahayıt'tan bölgesindeki yerel işletmelerden, ruhsatlı olarak üretici tarafından hazırlanarak, ticari olarak pazarlanan toz halinde peloid içeren paketler alındı. Peloidler steril distile su ile 1.0 gr/L olarak süspansiyon edilerek süzüldü. Süspansiyona 3 g/L CaCO₃ ve 25 g/L agar eklendi. pH değerleri 5.6, 6.8 ve 7.2 olarak ayarlanarak otoklavda steril edildi. Oda ısısında beş gün yüzeyleri kurutulan besiyerlerine *C. neoformans* KN99 A(a) ve *C. neoformans* KN99 A(alfa) kökenleri çaprazlanarak ekildi. Ekimler 20 gün boyunca Filobasidiella filament ve basidiosporlarının varlığını saptamak amacı ile mikroskop ile değerlendirildi. Kontrol besiyeri olarak V8 agar (pH=7.2) kullanıldı. Örnekler güneş ışığıyla değerlendirildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Basidiosporlanma, V8 agar besiyerinde 4. günde görülürken, Sarayköy ve Gölemezli örneklerinde yapılan besiyerlerinde 12. günde (10-15/ekim) saptanmıştır. Enflamatuvar ve dejeneratif hastalıklarda peloid uygulamaları, etkisi nedeni ile rutin tedavi uygulamaları arasına girmiştir. Peloidin kuruması, hastaya uygulanan termoterapiyi sonlandırır. Ancak sıcak su ile tekrar çamur haline getirilerek tedavinin tekrarlanması sözkonusudur. Farklı mineralojik içerikleri sahip peloidlerde *C. neoformans* gibi fırsatçı patojenlerin eşeyli üreyebilmesinin araştırılması hem koruyucu hekimliğin sağlanması hem de mayanın biyolojisinin açıklanması için önemlidir.

Anahtar Kelimeler: *Cryptococcus neoformans*, Peloid, Çaprazlama

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-091

***C.auris* Suşlarında Ekinokandinlere Yanıt Olarak Gelişen Paradoksal Büyüme Etkisinin (Eagle Effect) Saptanması**

Gülşah Ece Özmerdiven

Kanuni Sultan Süleyman Eğitim Ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Eagle etkisi olarak tanımlanan Paradoksal büyüme etkisi (PGE), antifungal duyarlılık testi (AFST) sırasında gözlemlenen in vitro bir olgudur. PGE'de bazı mantar izolatları, düşük ekinokandin konsantrasyonlarında tamamen duyarlı olmakla birlikte, minimum inhibitör konsantrasyonun (MIC) üzerinde yüksek konsantrasyonlarda ekinokandin içeren ortamlarda ürer. PGE'nin varlığı, özellikle duyarlılık sınır değerleri belirlenmemiş *Candida auris* gibi yeni ortaya çıkan patojenler söz konusu olduğunda, izolatların duyarlı veya dirençli kategorilere atanmasını zorlaştırmaktadır. Laboratuvarımızda izole edilen ve rutin AFST çalışılan *C.auris* suşlarının 15'inde kaspofungine direnç gözlenip, mikafungin ve anidulafungine duyarlı olduğu gözlemlendi. Bu tutarsızlığı araştırmak amacı ile kaspofungine dirençli 15 suшта “Eagle Effect”i araştırdık.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza gelen örneklerde MALDI-TOF MS ile *C.auris* tespit edilen izolatlara rutin olarak Sensititre Yeast One (Thermofischer) (SYO) ile antifungal duyarlılık çalışılmaktadır. SYO plaklarının 24 saat sonunda değerlendirilmesinde mikafungin ve anidulafungine duyarlı iken kaspofungin direnci saptanan 15 *C.auris* izolatına tekrar SYO ile antifungal duyarlılık çalışıldı. Etüvde 37 °C'de inkübasyon sonrasında SYO plaklarının MIK sonuçları 21. ve 24. saatlerde CDC tarafından önerilen “tentative breakpoint” değerleri kriter alınarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: SYO değerlendirmesinde, inkübasyonun 21. saatinde 15 suşun tamamı kaspofungin, mikafungin ve anidulafungine duyarlıydı. İnkübasyonun 24. saatinde suşların 15'inde kaspofungin direnci saptandı (MIK $\geq$ 2). Dirençli olan 15 suşun tamamının anidulafungin ve mikafungine (MIK $\leq$ 4) duyarlı olduğu gözlemlendi. Bu sonuç kaspofunginin paradoksal etkisi, “Eagle Effect”, olarak değerlendirildi.*C.auris* son zamanlarda yaygın hastane enfeksiyon etkeni olarak görülmekte olan çoklu ilaca dirençli bir mayadır. *C.auris* izolatlarının çoğu ekinokandinlere duyarlıdır. Yetişkinlerde *C.auris*'in neden olduğu enfeksiyonlar için birinci basamak tedavi olarak önerilmektedir. Eagle etkisi veya paradoksal büyüme etkisi daha çok mantar hücre duvarı bileşimindeki adaptif değişikliklerle ilişkili bir ilaç toleransı mekanizmasıdır ve ilacın klinik başarısızlığı ile ilişkili değildir. PGE'nin varlığı, özellikle duyarlılık sınır değerleri belirlenmemiş *C.auris* gibi yeni ortaya çıkan patojenler söz konusu olduğunda, izolatların duyarlı veya dirençli kategorilere atanmasını zorlaştırmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sensititre Yeast One antifungal dilüsyon şeması (AND: Anidulafungin, MF:Mikafungin, CAS:Kaspofungin)

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A	PCD	AND	AND	AND	AND	AND	AND	AND	AND	AND	AND	AB
B	MF	MF	MF	MF	MF	MF	MF	MF	MF	MF	MF	AB
C	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	CAS	AB

İnkübasyonun 21.saatinde duyarlılık görüntüsü



İnkübasyonun 24 saatinde duyarlılık görüntüsü



Anahtar Kelimeler: Eagle Effect, *C.auris*, Paradoksal büyüme etkisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-092

***Candida* Türlerinde Flukonazole Heterodirençli Fenotiplerin Gösterilmesi**

Elif Ayça Şahin, Sidre Erganiş, Ayşe Kalkancı

Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Antifungal direncin ve tedavi başarısızlığının temel nedenleri, ilacın hedefte etkisiz kalması, hücre içine yetersiz girişi veya arttırılmış atımı ile hedefin mutasyonlar ile değişmesidir. Heterodirenç kavramı antifungal tedavi yönetiminde son yıllarda yer almaya başlamış bir kavramdır. Duyarlı olarak belirlenen bir izolatin kolonisi içinde, farklı fenotiplerde alt gruplar olduğu ve bu alt grupların tedaviye farklı yanıtlar verebileceği esasına dayanmaktadır. Dünya Sağlık Örgütü mantar öncelik listesinde yer alan *Candida auris*, antifungallere dirençli olması ile bilinen bir türdür. Bu çalışmada, farklı klinik *Candida auris* ve bazı diğer *Candida* türlerinde heterodirençli alt grupların "Populasyon profil analizi (PAP)" yöntemi ile gösterilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Farklı klinik örneklerden izole edilen 6 adet *Candida auris*, 4 adet *Candida parapsilosis*, 2 adet *Candida dubliniensis* ve 2 adet *Candida tropicalis* olmak üzere 14 adet köken çalışmaya dahil edilmiştir. Antifungal olarak flukonazol varlığında ilaca dirençli/duyarlı fenotiplerin taranması ve ardından heterodirençli kolonilerin seçilmesi amaçlanmıştır. Minimal inhibitör konsantrasyonu (MİK) bilinen seçilmiş kökenlerin taranması için 0,5, 1,2,4,8,16,32,64,128 µg/ml flukonazol içeren YPD besiyeri içeren plaklar hazırlanmıştır. Antifungal içeren her plağa 10 kat seri dilüsyon ile hazırlanan farklı konsantrasyondaki (10^5 , 10^4 , 10^3 , 10^2 cfu/ml) maya süspansiyonlarından 5 µl ekilmiştir. (Şekil 1) MİK düzeyinin üzerinde flukonazol içeren plakta üreyen koloniler izole edilerek, MİK değerleri saptanmıştır. Her maya için PAP grafiği oluşturulmuştur. (Şekil 2)

Şekil 1

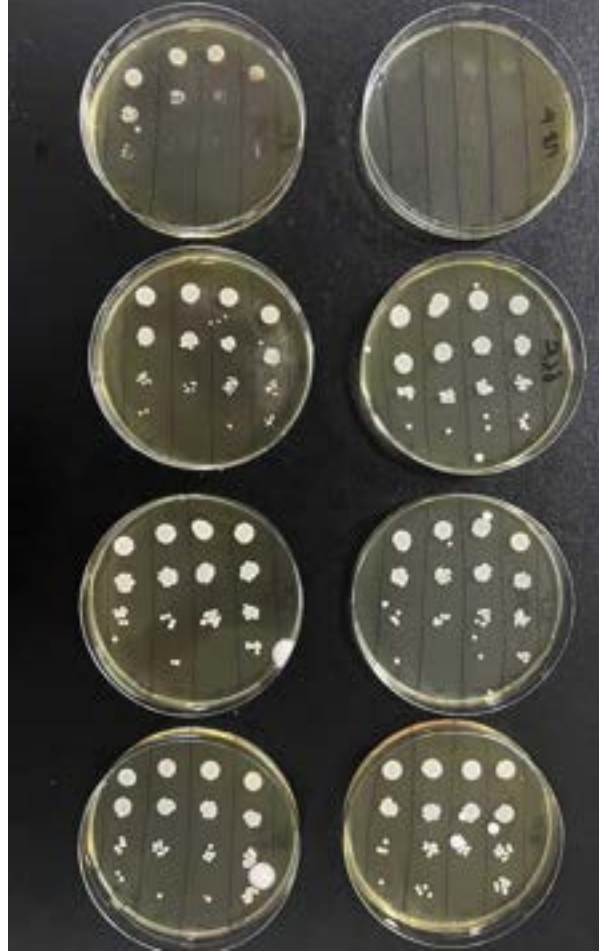
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



PAP analizi

Şekil 2

13-17 Kasım
2024

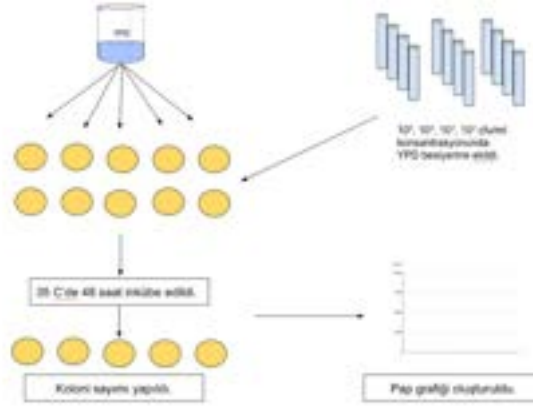
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



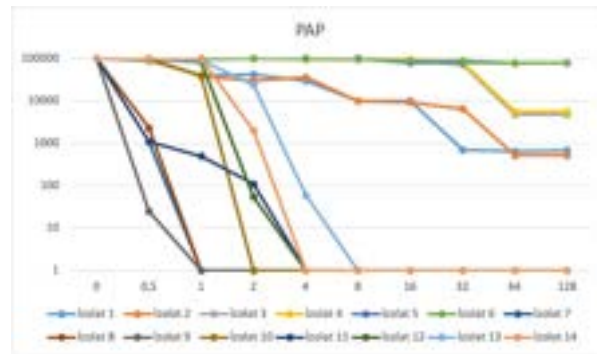
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



PAP analizi için kullandığımız yöntem

Bulgular ve Sonuç: PAP analizi yöntemi kullanılarak, El-Halfawy ve arkadaşlarının çalışmasında bahsettiği şekilde ana izolatın MİK değerinin 8 katı MİK değerinde olan subpopülasyonlar heterodirençli kabul edilmiştir. *Candida auris* izolatından 4 tanesinin MİK değeri 8 µg/mL olarak saptanmasına rağmen, heterodirençli olarak saptadığımız kolonilerin MİK değeri 64 µg/mL olarak belirlenmiştir. Diğer *Candida* türlerinden *Candida parapsilosis*, *Candida dubliniensis* ve *Candida tropicalis* suşlarının heterodirenç göstermediği saptanmıştır (Tablo 1). CDC'ye ait *C. auris* referans suşu kullanılarak yapılan analizde mikrodilüsyon yönteminde de PAP deneyinde de dirençli olarak saptanmıştır. Bütün isolatlar PAP grafiğinde gösterilmiştir. (Şekil 3) Ülkemiz *Candida* izolatları ile yapılmış bir heterodirenç çalışması literatürde bulunmadığı için çalışmamızın özgün değeri yüksektir. Bu konuda, uluslararası düzeyde yapılan çalışmaların da sayıları henüz çok sınırlıdır. Ülkemizde pek yaygın olarak bilinmeyen PAP analizinin kullanılmış olması nedeniyle çalışmamız, bu alanda öncü olma özelliği taşımaktadır.

Şekil 3



İzolatların PAP analizi grafiği-koloni sayısı (cfu/ml)--flukonazol konsantrasyon (µg/mL)

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1

İzolat	MIK (µg/mL)	Duyarlılık	MIK-HR (µg/mL)	PAP	Farklılık
1	8	S	64	HR	8
2	8	S	64	HR	8
3	8	S	64	HR	8
4	8	S	64	HR	8
5	32	R	-	R	-
6	32 (CDC)	R	-	R	-
7	0,5	S	-	-	-
8	0,5	S	0,5	-	-
9	0,25	S	-	-	-
10	1	S	-	-	-
11	0,5	S	-	-	-
12	2	S	-	-	-
13	2	S	2	-	-
14	2	S	2	-	-

Çalışmaya dahil edilen izolatların heterodirenç özellikleri (S:duyarlı R: direçli HR: heterodirenç)

Anahtar Kelimeler: heterodirenç, flukonazol, candida auris

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-093

Çoklu İlaça Dirençli *Candida auris* İzolatının Direnç Genlerinin Tam Genom Dizileme Yöntemi İle Analizi

Pelinsu Armutcuoğlu¹, Ayşe Barış², Nur Kına³, Anı Akpınar¹, Elif Aktaş², Özlem Doğan¹

¹Koç Üniversitesi-İş Bankası Enfeksiyon Hastalıkları Merkezi (KU-IS CID)

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Şişli Hamidiye Etfal SUAM

³Prof. Dr. Cemil Taşcıoğlu Şehir Hastanesi, İSLAB 3 Bölge Merkez Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: *Candida auris*, antifungallere karşı direnci, tıbbi yüzeylerde ve ciltte kolonize olması ve birçok virülans özelliklerinin de katkısıyla bir dekatta tüm dünyaya yayılarak önemli bir küresel sağlık tehdidi haline gelmiştir. Bu çalışmada, 2022 yılında Türkiye'deki üçüncü basamak bir araştırma hastanesinde izole edilmiş çoklu ilaca dirençli *C. auris* kandidemi izolatı kullanılmıştır. Projenin amacı *C. auris* izolatının antifungal ilaçlara karşı direncini standart sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile belirlemek ve tüm genom dizileme yöntemi ile dirence neden olan mutasyonları ortaya koymaktır.

Gereç ve Yöntem: Antifungal duyarlılık testinde *C. auris* izolatının flukonazol (0.125-64 ug/ml), vorikonazol (0.03-16 ug/ml), posakonazol (0.03-16 ug/ml), itraconazol (0.03-16 ug/ml), anidulafungin (0.015-8 ug/ml) ve amfoterisin B (0.015-8 ug/ml)'ye karşı duyarlılığı CDC'nin önerdiği referans sıvı mikrodilüsyon testi olan CLSI yöntemi ile saptandı. Sonuçların değerlendirilmesinde CDC'nin önerdiği sınır değerler kullanılmıştır. İzole edilen DNA'nın tam genom dizilemesi için Illumina NovaSeq sistemi kullanıldı. Verilerin analizinde GenBank referans genomu (GCA_003013715.2) kullanılmıştır. WGS sonuçlarının kalite kontrolü için FastQC programı kullanıldı. Daha sonra veriler LoFreq (versiyon 2.1.6) ve SnpEff (versiyon 5.2) programları ile analiz edilerek kromozom bazlı kümülatif mutasyonlar ve mikro mutasyonlar (insersiyon/delesyon ve tek nükleotid değişimleri gibi) tespit edildi.

Bulgular ve Sonuç: Tüm genom dizileme analiz sonuçlarına göre; ekinokandin direnci ile ilişkili olmak üzere 1,3-beta-glukan sentaz (FKS1) geninde silinme ($\Delta 635F$) ve azol direnci ile ilişkili olarak ise lanosterol 14-alfa demetilaz (ERG11) geninde Y132F mutasyonları saptanmıştır. Aynı izolatta ilave olarak, sitozin deaminaz (FCY1) geninde S70R mutasyonu tespit edilmiştir. Hedef enzim mutasyonları ile birlikte ise CDR1 pompa geninde de E709D mutasyonu da belirlenmiştir. Bu suş özelinde CLSI'nın önerileri doğrultusunda sıvı mikrodilüsyon yöntemi ve tüm genom sekanslama yöntemi ile çok ilaca direnç paterni tespit edilmiştir ve bu özelliği ile büyük bir önem arz etmektedir. Ülkemizde mantarların tüm genom sekanslama yöntemi ile direnç paternlerinin belirlenmesi ve değerlendirilmesi sık kullanılan bir yöntem değildir. Bu çalışma ile birlikte tüm genom sekanslama yöntemin kullanımının yaygınlaştırılması mantarların dirençlerinin belirlenmesinde daha etkili bir yöntem olarak kullanılması önerilmektedir. Ülkemizde, yayılımı büyük bir tehdit oluşturabilecek, çok sayıda mutasyonu barındıran ve çoklu ilaca dirençli bu izolatların yayılımı büyük bir endişe oluşturmakta olup, bu çalışma büyük kapsamlı epidemiyolojik araştırmalara ihtiyaç olduğunu ortaya koymuştur.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. *Candida auris* (K1575) izolatının MİK değerleri

	Flukonazol	Vorikonazol	Posakonazol	İtrakonazol	Anidulafungin	Amfoterisin B
K1575	64 µg/ml	8 µg/ml	8 µg/ml	16 µg/ml	8 µg/ml	1 µg/ml

Anahtar Kelimeler: Çoklu ilaca dirençli *C. auris*, antifungal direnç, tüm genom sekans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-094

Candida auris'in Farklı Yüzeylerdeki Canlılık Süresi

Sena Algın, Hande Nur Ulukan, Fethiye Şevik, Rufig Hasanlı, Elif Ayça Şahin, Sidre Erganiş, Ayşe Kalkancı, Halil Furkan Martlı, Esra Kılıç

Gazi üniversitesi tıp fakültesi tıbbi mikrobiyoloji anabilim dalı

Giriş ve Amaç: *Candida auris* cansız yüzeylerde uzun süre kalabilmesi ve biyofilm oluşturma özelliği nedeniyle sağlık hizmeti ile ilişkili enfeksiyonlar oluşturmaktadır. Hastanelerde bulunan yüzeyler yeterince temizlenmedikleri zaman sağlık personelinin elleri yoluyla hasta için bir enfeksiyon kaynağı olabilirler. Bu çalışmada, hastanede bulunan farklı yüzeyler *Candida auris* ile kontamine edilmiş ve 14 güne kadar canlılıkları test edilmiştir. Böylece, *Candida auris*'in yüzeylerdeki canlılık sürelerinin belirlenmesi ve diğer türler ile karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarında, hastanede bulunan yüzeylere ilişkin simüle bir bulaş protokolü oluşturulmuştur. Yüzey örneklerini temsilen, yüzeylerde kullanılan tahta, cam, plastik, telefon, klavye, kapı kolu, eldiven ve lamba anahtarı seçilmiştir. Tüm malzemeler çalışma öncesinde klor içerikli dezenfektan ile dezenfekte edilmiş ve tüm işlemler güvenlik kabini içinde gerçekleştirilmiştir. Her malzeme üzerine, 3x3 cm'lik bir alan içine 200µl hacimde 10¹⁰ hücre/ml konsantrasyonda maya süspansiyonu bulaştırılmıştır. *Candida auris*, *Candida albicans*, *Candida krusei*, *Candida tropicalis*, *Candida parapsilosis* suşları bu amaçla kullanılmıştır. Canlılık testi için 0,1,3,5,7,14.günlerde kontamine edilen yüzeyden steril eküvyon ile sürüntü örneği alınarak koyun kanlı agar ve Sabouraud dekstroz agarda inkübe edilmiştir.

Biyogüvenlik kabini



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yüzeylerde kullanılan tahta, cam, plastik, telefon, klavye, kapı kolu, eldiven ve lamba anahtarı seçilmiştir. Tüm malzemeler çalışma öncesinde klor içerikli dezenfektan ile dezenfekte edilmiş ve tüm işlemler güvenlik kabini içinde gerçekleştirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Test edilen *Candida auris* kökenlerinin ve diğer candida türlerinin çalışılan tüm yüzeylerde 14 güne kadar canlı kalabildikleri gösterilmiştir. *Candida albicans*'ın plastikte 14, camda 7, tahtada 5 gün; *Candida krusei*'nin tahta ve camda 14, plastikte 5 gün; *Candida tropicalis*'in cam ve plastikte 14, tahtada 7 güne kadar yaşayabildiği sonraki günlerde canlılıklarını yitirdikleri gözlenmiştir. *Candida parapsilosis*'in ise tüm tüm yüzeylerde *Candida auris* gibi 14 güne kadar canlı kalabildiği gözlenmiştir. Bu çalışma sonucunda *Candida auris*'in yüzeylerde canlı kalabildiği, hastanede kullanılan yüzeylerin uygun şekilde ve uygun aralıklarda temizlenmesinin sağlık hizmeti ile ilişkili enfeksiyonların önlenmesi açısından ne kadar önemli olduğu bir kere daha kanıtlanmıştır.

7. gün üreyenler koyun kanlı agar ve Sabouraud dekstroza agar



Canlılık testi için 0,1,3,5,7,14.günlerde kontamine edilen yüzeyden steril eküvyon ile sürüntü örneği alınarak koyun kanlı agar ve Sabouraud dekstroza agarda inkübe edilmiştir.

Anahtar Kelimeler: *Candida auris*, yüzey, canlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-095

Temel Mikoloji Kursu: Eğitim Gereksinimlerine Yönelik Geliştirilerek Uygulanan Hibrit Eğitim Programı

Dilek Yeşim Metin¹, S. Ayhan Çalışkan², Yasemin Öz³

¹Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bornova

²Department of Medical Education, United Arab Emirates University College of Medicine and Health Sciences, Al Ain, UAE

³Osmangazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Eskişehir

Giriş ve Amaç: Tıbbi Mikrobiyoloji uzmanlık eğitimi öğrencileri ve uzmanlarının mikoloji eğitimlerine ilişkin gereksinimlerini belirlemek için Mayıs 2023'te yapılan ankette, temel mikoloji konularında eğitim beklentilerinin olduğu belirlenmiştir. Bu çalışmada, Türk Mikrobiyoloji Cemiyeti (TMC) ve Klinik Mikrobiyoloji Uzmanlık Derneği (KLİMUD) Mikoloji çalışma gruplarının işbirliği ile geliştirilen hibrit yöntemin uygulandığı Temel Mikoloji Kursu (TMK) programının tanıtılması ve katılımcı performansları ile geri bildirimlerinin paylaşılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Temel Mikoloji Kursu eğitim programı KLİMUD ve TMC temsilcisi öğretim üyeleri tarafından ve ülkemizde epidemiyolojik olarak en sık hastalık yapan ve Tıbbi Mikrobiyoloji uzmanının güncel uygulamalarında en sık karşılaşacağı mikolojik sorunlar temelinde geliştirilmiştir. Eğitim programının standardizasyonunun sağlanması için tüm eğiticilerin katıldığı çevrimiçi toplantılar ile kurs kuramsal içeriği ve her eğitim merkezince karşılanması gereken koşullar belirlenmiştir. Ayrıca uygulama oturumu işleyişi için basamaklı yapılandırılmış eğitici rehberleri ve kurs katılımcı eğitim rehberleri geliştirilmiştir. Kurs programı hibrit yöntem ile kuramsal içeriği bir günlük çevrimiçi, uygulamalı bölümü ise Ankara, Bursa, İzmir, Kayseri, Samsun'daki toplam beş ayrı merkezde 10 eğiticinin yönlendiriciliğinde yüz yüze ve yine bir tam gün olarak uygulanmıştır. Katılımcılara bilgi düzeylerinin değerlendirilmesi amacıyla, Teorik kurs öncesi ve sonrası aynı öğrenme hedeflerine yönelik 14 soruluk iki ayrı test geliştirilmiştir. Testler kuramsal ve uygulamalı eğitim günlerinde ve tüm merkezlerde eş zamanlı olacak şekilde uygulanmıştır. Katılımcıların geri bildirimleri Likert tipi ölçekler (1: Kesinlikle katılmıyorum – 5: Kesinlikle katılıyorum ve 0: Çok kötü – 10: Çok iyi) ile değerlendirilen yapılandırılmış ve yarı yapılandırılmış maddelerden oluşan çevrim içi anket formlarıyla her kurs günü sonrasında alınmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Temel Mikoloji Kursuna her iki oturumuna 25 mikrobiyoloji uzmanı katılmıştır. Katılımcıların tümü her iki bilgi testini yanıtlamıştır. Geri bildirim anketlerine kuramsal eğitim için 23 (%92,0), uygulamalı eğitim için 22 (%88,0) katılımcı yanıt vermiştir. Kurs hem eğiticiler hem de katılımcılar tarafından genel olarak olumlu değerlendirilmiştir. Katılımcılar, kursun teorik ve pratik içeriklerinin mesleki gelişimlerine önemli katkı sağladığını belirtmişlerdir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu çalışma, Tıbbi Mikrobiyoloji uzmanlarının ve uzmanlık öğrencilerinin temel mikoloji konularındaki bilgi ve becerilerini geliştirmek amacıyla düzenlenen Temel Mikoloji Kursu'nun önemini ortaya koymaktadır. Kurs katılımcılarının geri bildirimlerine dayanarak, eğitimin içeriğinin uygun olduğu ve katılımcıların beklentilerini karşıladığı görülmüştür.

Anahtar Kelimeler: Mikoloji, eğitim, hibrit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-097

İnvazif Mikozların Tanısında Elisa ve Kemoluminesans Temelli Serolojik Yöntemlerin Karşılaştırılması

Esra Kılıç¹, Elif Ayça Şahin¹, Özlem Güzel Tunçcan², Zübeyde Nur Özkurt³, Zeynep Arzu Yeğin³, Şeyma Yıldız³, Ayşe Kalkancı¹

¹Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi İç Hastalıkları Anabilim Dalı, Hematoloji Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: İnvazif mikozlar bağışıklığı baskılanmış hastalarda morbidite ve mortalitenin önemli bir nedenidir. Serolojik testler, erken tanı konulmasına imkan sağlayarak antifungal tedavinin hızlı bir şekilde başlanmasına yardımcı olmaktadır. Serumda galaktomannan (GM), mannan ve 1,3-β-D-Glukan (BG) testleri erken tanıya yardımcı olması amacıyla kullanılmaktadır. EORTC/MSG kriterlerine göre invazif mikozlar kesin, yüksek olası ve düşük olası olarak ayrılmaktadır. Serumda galaktomannan bulunması yüksek olasılıklı invazif aspergilloz tanısı koydurur. Bu çalışmada kemilüminesans (CLIA) yöntemlerine dayalı GM ve BG antijen testleri ile iki farklı sandviç ELISA yöntemi ile elde edilen GM sonuçları karşılaştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza 1 Ekim 2023- 1 Haziran 2024 tarihleri arasında Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Hematoloji servisinde yatan hematopoetik sistem kanserli invazif mikoz şüphesi olan hastalardan (17 hasta), hematopoetik sistem kanserli invazif mikoz şüphesi olmayan hastalardan (49 hasta) ve sağlıklı gönüllülerden (27 kişi) alınan 93 serum dahil edilmiştir. Tüm örnekler FDA onaylı Platelia™ Aspergillus Ag Testi (ELISA) ile analiz edilmiştir ve pozitif çıkan 17 hasta yüksek olasılıklı invazif aspergilloz olarak sınıflandırılmıştır. Toplamda 93 hasta serumu Dynamiker Aspergillus Ag Kit(ELISA), Aspergillus Galactomannan Detection Kit(CLIA) ve Fungus (1-3)-β-D-Glukan Tespit Kiti(CLIA) kullanılarak tekrar test edilmiştir. CLIA testleri FACIS-1(Full-Automatic Chemiluminescence Immunoassay System) cihazında çalışılmıştır. Böylece her hastanın invazif mikoz tanısında kullanılan dört serolojik yöntem sonucu elde edilmiş ve bu sonuçlarla Platelia ELISA testine göre özgüllük, duyarlılık, negatif prediktif ve pozitif prediktif değerler hesaplanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İnvazif mikoz tanısında kullanılan ve performansını değerlendirdiğimiz 3 serolojik yöntem için Platelia ELISA sonucuna göre, duyarlılık ve özgüllük tablosu oluşturulmuştur. DYNAMİKER ELISA, CLIA GM ve CLIA BG testlerinin duyarlılıkları sırasıyla %100.0, %70,6 ve %88,2 olarak bulunmuştur. Özgüllükleri ise %97,4, %92,1 ve %81,6 olarak bulunmuştur. CLIA BG, CLIA GM testine göre daha yüksek duyarlılığa sahipken CLIA GM daha yüksek özgüllüğe sahiptir. Üç test için ROC analizi yapılmıştır. ROC eğrisinin AUC değerlerine göre DYNAMİKER ELISA (0.994), CLIA BG (0.878) ve CLIA GM (0.869) olarak başarı sıralaması yapılmıştır. Platelia ELISA'ya göre DYNAMİKER ELISA %99.4 CLIA BG %87.8 CLIA GM %86.9 oranında başarılı bulunmuştur. Bu sonuçlara göre invazif aspergilloz tanısında, CLIA temelli yöntemlerin hızlı tanıda kullanılabileceği, ancak daha geniş hasta gruplarını içeren ek çalışmalarla bu bulguların

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

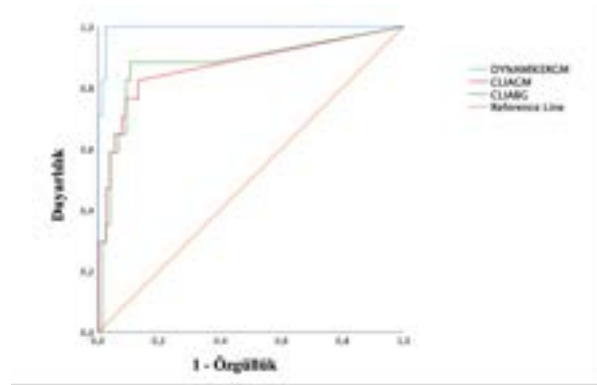
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



doğrulanması gerektiği düşünülmüştür. Örnek sayısı sınırlı olmasına rağmen rutin laboratuvarlar için öncü sonuçlar elde edilmiştir.

Roc Analizi



ROC Eğrisi Altındaki Alan (Area Under Curve - AUC)

	Alan	Std Hata	Asimptotik Anlamlılık (p)	Asimptotik 95% Güven Aralığı	
				Alt Sınır	Üst Sınır
DYNAMİKELER ELISA	0.994	0.005	0.000	0.983	1.000
CLIA GM	0.869	0.058	0.000	0.755	0.983
CLIA BG	0.878	0.056	0.000	0.768	0.989

Platelia ELISA testine göre diğer serolojik testlerin duyarlılık, özgüllük, negatif prediktif ve pozitif prediktif değerleri

	Dinamikler ELISA	CLIA GM	CLIA BG
Duyarlılık	%100	%70,6	%88,2
Özgüllük	%97,4	%92,1	%81,6
Pozitif prediktif değer	%89,5	%66,7	%51,7
Negatif prediktif değer	%100	%93,3	%96,9

Anahtar Kelimeler: elisa, clia, invazif aspergilloz

Bu çalışma, Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Klinik Araştırmalar Etik Kurulu'nun 31.07.2023 tarihli toplantısında 658 karar numarası ve T.C. Sağlık Bakanlığı Türkiye İlaç ve Tıbbi Cihaz Kurumunun 22.08.2023 tarihli E-68869993-000-1199247 sayılı kararı ile olaylanmış olup TTU-2023-8627 kodlu ve 'İnvazif mikozların tanısında serolojik tanı yöntemlerinin yeri' başlıklı BAP projesi olarak desteklenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-098

Kandidemi Tespit Edilen Özel Grup Hastalarda İmmün Yanıtın Değerlendirilmesi

Deniz Alkaya¹, Taylan Bozok², Gönül Aslan², Mehmet Burak Yavuz Çimen³, Aylin Döğen¹

¹Mersin Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Biyokimya Anabilim Dalı, Mersin

Giriş ve Amaç: Her yıl yaklaşık 6,5 milyondan fazla mantar enfeksiyonu vakası görülmekte ve 3,8 milyon ölümle sonuçlanmaktadır ve bu rakamlar giderek artmaktadır. *Candida* türleri ile enfeksiyonun klinik belirtileri lokal ve muköz membran enfeksiyonlarından multisistem organ yetmezliği ile konakta yayılma neden olmaktadır. Konağın bağışık yanıtı, *Candida*'nın neden olduğu enfeksiyon tipinin önemli belirleyicilerindendir. AIDS gibi hücre aracılı bağışıklıkta defekt olan kişilerde fırsatçı mantar enfeksiyonlar ortaya çıkmaktadır. *Candida* türlerindeki hücre duvarı bileşenleri, enfeksiyon sırasında konağın humoral ve hücrel immün yanıtlarını uyarabilir. Çalışmada kandidemisi olan hastalarda CD4+/CD8+ T lenfosit, NK ve diğer immün yanıt parametrelerinin miktar ve oranlarının değerlendirilerek hastalara ait ek durumlar (immunsupresif tedavi, total parenteral nütrisyon kullanımı, abdominal cerrahi, eşlik eden enfeksiyonlar vb.) ile immün yanıtın ilişkisinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Mersin Üniversitesi Hastanesi'nde yatan ve periferik kan kültürü örneklerinde etken olarak *Candida* türleri tespit edilen hastalar arasından immüniteyi etkileyecek durumlara sahip (malignite, cerrahi işlem veya yoğun bakımda yatış öyküsü vb.) olanlar çalışmaya dahil edildi. Lökosit alt grupları T hücreleri (CD3, CD4, CD8), NK hücreleri ve (CD16) ve B hücreleri (CD19, CD20) akım sitometri ile taze kan örneklerinden analiz edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 18 yaşından büyük 53 hasta dahil edildi. Malignitesi olan hastalarda CD19 seviyesi malignitesi olmayan hastalara göre daha yüksek seyrederken, malignitesi olmayan hastalarda CD3 seviyesi malignitesi olan gruba göre anlamlı şekilde daha yüksek bulunmuştur ($p<0,05$). Hastalarda antibakteriyel kullanımı ile CD4/CD8 oranlarının istatistiksel açıdan anlamlı bir şekilde azaldığı gözlemlenmiştir ($p<0,05$). Cerrahi işlem geçiren hastalarda CD16 seviyeleri anlamlı bir şekilde daha düşük tespit edilmiştir ($p<0,05$). Kemoterapi alan hastalarla almayan hastalar arasında CD4, CD8, CD4/CD8, CD16, CD3, CD19, CD3/CD19 ve CD20 düzeyleri açısından istatistiksel olarak anlamlı bir farklılık görülmedi. Fakat, kemoterapi alan hastalarda CD4/CD8 oranlarında düşüş olduğu tespit edildi. Beyaz küre sayılarının yüksek olduğu hastalarda CD3 ve CD8 miktarlarının anlamlı şekilde daha düşük olduğu görüldü ($p<0,05$). Nötrofil oranlarının düşük olduğu hastalarda CD8 sayıları anlamlı şekilde daha yüksek bulundu ($p<0,05$). Konağının bağışıklık tepkisinin daha iyi anlaşılması, invaziv mantar enfeksiyonları kontrol etmek için yeni veya geliştirilmiş antifungal stratejiler geliştirmeye yönelik ana yaklaşımlardandır. Bu çalışma kandidemi tanısında biyobelirteçlerde (CD3, CD4, CD8, CD16, CD19 ve CD20) meydana gelebilecek olası

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



değişikliklerin klinik değerlendirme sürecinde göz önünde bulundurulmasını sağlayacak öngörüler sunmaktadır.

CD Parametrelerinin Hastalara Ait Durumlarla Karşılaştırılması

		CD4	CD8	CD4/CD8	CD16	CD3	CD19	CD20
Özellik		Ort.(SS)	Ort.(SS)	Ort.(SS)	Ort. (SS)	Ort.(SS)	Ort.(SS)	Ort. (SS)
Cinsiyet	Kadın	35,8(13,2)	33,7(13,8)	1,4(1,3)	13,7(6,5)	73,9(10,0)	11,2(10,7)	11,7(8,0)
	Erkek	39,2(14,6)	34,1(16,5)	1,7(1,8)	13,0(9,1)	73,3(14,6)	13,7(14,7)	14,1(15,2)
	p	0,497	0,872	0,604	0,335	0,816	0,816	0,883
Yaş	≤65	38,1(14,7)	33,2(13,9)	1,6(1,7)	15,4(9,0)	71,8(12,0)	12,9(11,0)	13,6(11,0)
	>65	37,3(13,6)	34,4(16,5)	1,6(1,5)	11,7(6,7)	75,0(13,1)	12,2(14,6)	12,5(13,5)
	p	0,823	0,761	0,642	0,153	0,284	0,195	0,335
Malignite	Var	35,4(14,5)	32,2(16,6)	1,7(1,7)	12,7(6,6)	70,7(12,5)	15,8(14,9)	15,8(14,4)
	Yok	41,1(12,7)	36,5(12,8)	1,5(1,4)	14,3(9,8)	77,9(11,6)	7,6(7,2)	8,8(6,7)
	p	0,237	0,122	0,799	0,928	0,028	0,037	0,097
Kemoterapi	Var	34,3(13,5)	29,3(12,2)	1,4(1,0)	14,1(7,9)	69,6(11,9)	16,7(16,9)	16,2(16,0)
	Yok	39,2(14,1)	36,1(16,2)	1,7(1,8)	13(8,1)	75,4(12,6)	10,6(10,3)	11,4(9,9)
	p	0,418	0,114	0,970	0,303	0,080	0,277	0,507
Antibakteriyel Kullanımı	Var	35,1(13,0)	37,2(16,2)	1,4(1,6)	12,3(7,9)	74,5(13,6)	13,3(15,2)	13,4(14,5)
	Yok	42,2(14,9)	27,9(11,5)	1,9(1,6)	15,3(7,9)	71,9(10,7)	11,2(7,81)	12,3(7,4)
	p	0,126	0,025	0,043	0,143	0,266	0,697	0,347
Cerrahi İşlem	Var	42,4(9,5)	33,0(11,0)	1,4(0,6)	8,7(2,0)	76,8(9,7)	12,3(11,0)	13,4(9,0)
	Yok	36,8(14,5)	34,1(16,0)	1,6(1,7)	14,2(8,4)	73,0(13,0)	12,6(13,4)	12,9(12,9)
	p	0,243	0,862	0,502	0,050	0,427	0,785	0,335
Beyaz Küre	Düşük	34,4(8,8)	41,5(14,6)	1,6(2,6)	10,7(5,0)	77,0(14,8)	11,5(14,1)	13,2(14,3)
	Normal	38,3(15,6)	39,3(16,7)	1,2(0,7)	13,8(8,4)	76,9(12,4)	9,6(12,8)	10,4(13,9)
	Yüksek	38,5(14,7)	26,4(10,7)	1,9(1,5)	14,1(8,7)	69,5(11,0)	15,3(12,6)	14,8(10,2)
	p	0,434	0,002	0,095	0,534	0,027	0,165	0,114
Nötrofil	Düşük	33,5(15,7)	35,5(26,8)	2,6(3,4)	12,6(13,8)	68,7(21,4)	19,8(21,0)	24,1(21,9)
	Normal	37,8(13,1)	39,4(10,9)	1,0(0,6)	13,5(8,3)	77,4(11,7)	9,2(11,9)	10,5(13,0)
	Yüksek	38,5(14,7)	29,1(13,9)	1,8(1,4)	13,4(6,3)	71,6(10,3)	13,6(11,2)	12,8(8,2)
	p	0,653	0,014	0,162	0,438	0,141	0,282	0,186

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Kandidemi, İmmünoloji, Akım Sitometri

“Bu çalışma, Mersin Üniversitesi Bilimsel Araştırma Projeleri birimi tarafından desteklenmiştir. Proje No: 2022-1-TP3-4658”

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-099

Kan Kültürlerinden İzole Edilen Mantarların COVID-19 Pandemisi Öncesi ve Sonrası Dönem Dağılımlarının Karşılaştırılması

Fethiye Şevik, Handenur Ulukan, Rüfîğ Hasanlı, Sena Algın, Halil Furkan Martlı, Esra Kılıç, Sidre Erganiş¹,
Elif Ayça Şahin, Ayşe Kalkancı, Kayhan Çağlar

Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Kan dolaşımı enfeksiyonu etkeni olarak mantarlar, gram pozitif ve negatif bakterilerden sonra üçüncü sırada gelmektedir. Her merkezin kendi etken dağılımını bilmesi, duyarlı konaklara ampirik antifungal tedavi başlanması durumunda antifungal seçimini belirleyici faktörlerden biridir. Bu çalışmada amacımız COVID-19 pandemisi dönemi öncesinde ve sonrasında kan kültürlerinden izole edilen mantarların etken dağılımlarının gösterilmesi ve bu dağılımın karşılaştırılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza gelen kan kültürlerinde üreyen etkenlerin tanımlanması için 2020-2024 döneminde MALDI TOF- MS (Matriks assisted laser desorption ionization time of flight mass spectrometry) Biomeriux, 2016-2020 döneminde ID32C ve fenotipik tanımlama yöntemleri kullanılmıştır. Tür tanımlanmasında çimlenme borusu, mısır unu tween 80 agar morfolojisi ve üreaz testi gerekli durumlarda eklenmiştir. Üreyen tüm mantarların flukonazol, amfoterisin B, kaspofungin ve vorikonazol antifungal duyarlılık sonuçları saptanmıştır. Excel kullanılarak 2016-2024 yılları arasında kan kültürlerinde üreyen *Candida* ve *Candida* dışı mantarların sınıflandırılması yapılmış ve yıllara göre karşılaştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Kan kültürlerinde tüm yıllarda en çok üreyen mantar cinsi *Candida* sp. olarak belirlenmiştir. Hem COVID-19 öncesi, hem de COVID-19 ve sonrasında en çok üreyen *Candida* türü *Candida albicans* iken COVID-19 öncesinde en sık 2. etken *Nakaseomyces glabratus*, en sık 3. etken *Candida parapsilosis*; COVID-19 ve sonrasında en sık 2. etken *Candida parapsilosis*, en sık 3. etken *Nakaseomyces glabratus* olarak saptanmıştır. COVID-19 öncesi ve COVID-19 sonrasında en sık üreyen 4. etken *Candida tropicalis* olarak belirlenmiştir. COVID-19 öncesinde en sık 5. etken *Kluyveromyces marxianus*, COVID-19 ve sonrasında en sık 5. etken *Pichia kudriavzevii* olarak belirlenmiştir. Çalışmamızda pandemi öncesi ve sonrası en sık üreyen etken değişmezken, en sık üreyen 2. ve 3. etken sıralaması değişmiştir. Bu sonuçlar hastalarda ampirik olarak kullanılacak antifungal açısından bize ışık tutmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



YILLARA GÖRE KAN KÜLTÜRLERİNDE ÜREYEN CANDİDA TÜRLERİ VE SAYISI

	2020	2021	2022	2023	2024
Mantar üreyen kan kültürü sayısı	179	175	164	197	130
<i>Candida</i> cinsi pozitifliği	172	172	159	197	123
<i>Candida albicans</i>	78	66	58	73	51
<i>Candida parapsilosis</i>	23	39	39	54	37
<i>Nakaseomyces glabratus</i>	32	47	19	35	17
<i>Candida tropicalis</i>	5	10	19	35	17
<i>Clavispora lusitaniae</i>	7	0	1	0	0
<i>Kluyveromyces marxianus</i>	15	1	5	3	1
<i>Pichia kudriavzevii</i>	9	8	4	15	4
<i>Candida inconspicua</i>	1	0	2	0	0

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



COVID-19 ÖNCESİ VE SONRASI KAN KÜLTÜRLERİNDE ÜREYEN CANDİDALARIN ORANLARI

	COVID-19 ÖNCESİ (2016-2019)	COVID-19 VE SONRASI (2020-2024)
Mantar üreyen kan kültürü sayısı	391	845
<i>Candida albicans</i> üreyen kan kültürü oranı	%40,15	%38,57
<i>Candida non-albicans</i> üreyen kan kültürü oranı	%58,05	%58,10
<i>Candida parapsilosis</i> üreyen kan kültürü oranı	%14,32	%22,72
<i>Nakaseomyces glabratus</i> üreyen kan kültürü oranı	%18,92	%17,75
<i>Candida tropicalis</i> üreyen kan kültürü oranı	%8,95	%6,86
<i>Clavispora lusitaniae</i> üreyen kan kültürü oranı	%1,57	%1,18
<i>Kluyveromyces marxianus</i> üreyen kan kültürü oranı	%4,60	%2,95
<i>Pichia kudriavzevii</i> üreyen kan kültürü oranı	%2,30	%4,73
<i>Candida inconspicua</i> üreyen kan kültürü oranı	%0	%0,35

Anahtar Kelimeler: COVID-19, CANDİDA, KAN KÜLTÜRÜ

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-100

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Trichosporon* Suşlarının Duyarlılık Paternleri ve Virülans Faktörlerinin Araştırılması

Sena Bayrakçioğlu, Taylan Bozok

Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Son yıllarda fungal enfeksiyonların insidansı ciddi şekilde artmış, immünsüpresif bireylerde mortalitenin ana nedenleri arasına girmiştir. *Trichosporon* cinsi mantarlar da sıklığı giderek artan fungal etkenler arasında yer almaktadır. Özellikle hematolojik malignitesi olan hastalarda *Candida* cinsinin ardından en sık ikinci disemine mantar enfeksiyon etkeni olarak rapor edilmiştir. Bu çalışmada Mersin Üniversitesi Hastanesi'ne başvuran hastalardan alınan klinik örneklerden izole edilen *Trichosporon* suşlarının antifungal duyarlılık paternleri, biyofilm oluşturma kapasiteleri ve esteraz enzim aktiviteleri incelenerek patogeneze ile ilişkisinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Eylül 2022 - Ağustos 2023 tarihleri arasında Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gelen kültür örneklerinde üreyen maya mantarları; Tween-80 içeren mısır unu agarda morfolojik incelemeyle, kromojenik besiyerinde petrol mavisi renginde koloniler oluşturmalarıyla ve üreaz pozitifliği ile *Trichosporon* spp. olarak ön tanımlama yapılan örnekler çalışmaya dahil edildi. Suşlara spesifik intergenik spacer (IGS) primerleri ile polimeraz zincir reaksiyonu (PCR) kullanılarak doğrulandı. Biyofilm oluşumları kristal viyole metodu ile incelendi (Optik dansite değeri; $\geq 0,5$ =yüksek seviye, $<0,5$ =düşük seviye). Esteraz pozitiflikleri ise Tween-80 agar kullanılarak tespit edildi. Antifungal duyarlılıkları %2 glukozlu RPMI-1640 sıvı mikrodilüsyon tekniği kullanılarak yapıldı. Sonuçlar Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI-M27 A2) kriterlerine göre değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen suşların (n=40) %95'i esteraz aktivitesi gösterdi. Biyofilm aktivitelerine baktığımızda sekiz suş (%20) yüksek düzey biyofilm oluşturma kapasitesine sahipti. Suşların minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) 50/MİK90/MİK aralığı flukonazol için sırasıyla; 4/8/2-16 µg/mL, amfoterisin B için sırasıyla; 0,5/1/0,06-4 µg/mL olarak tespit edildi. *Trichosporon* spp. tespit edilen örneklerin 38'i idrar, biri yara ve bir tanesi de trakeal aspirat örneği idi. Suşların dokuzu (%22,5) kadın hastaya, 31'i (77,5) erkek hastaya aitti. Hastaların yaş ortalamaları $50,2 \pm 17,6$ olarak bulundu. Örneklerin 31'i üroloji biriminden gönderildi. İdrar örneğinde *Trichosporon* izole edilen hastaların 30'u enfeksiyon 8'i ise kolonizasyon olarak kabul edildi. Bu hastaların %89,5'inde double-J (DJ) kateter mevcuttu ve enfeksiyon olan hastalarda DJ kateter oranının kolonizasyon olanlara göre anlamlı derecede yüksek olduğu tespit edildi (%96,7'ye karşı %62,5, $p=0,024$). Bu çalışmada *Trichosporon* enfeksiyonu ve DJ kateterizasyon birlikteliğinin yüksek oranda olması dikkat çekici olmuştur. Aynı zamanda amfoterisin B'ye karşı oluşan direnç ve artmış biyofilm aktiviteleri enfeksiyonların kontrolünü ve tedavisini zorlaştıracak durumlardır. Elde ettiğimiz bu verilerin *Trichosporon* suşlarına ait literatürde kısıtlı sayıda bulunan duyarlılık patern araştırmalarına ve virülans analizlerine önemli katkılar sunacağı düşüncesindeyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

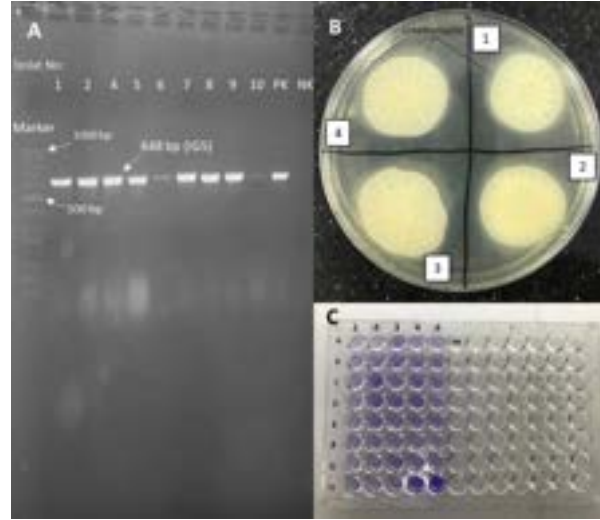
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil1.



A. *Trichosporon* suşlarına ait IGS bölgelerinin amplifikasyon sonrası jel elektroforez görüntüsü B. Esteraz deneyi C. Kristal viyole metodu ile biyofilm oluşumunun değerlendirilmesi

Tablo 1. *Trichosporon* spp. izolatlarına ait kültür, duyarlılık ve virülans aktivitesi verileri

İzolat No	Örnek Türü	Koloni sayısı (cfu/mL)	Esteraz Aktivitesi	Net Biyofilm Aktivitesi (OD)	Flukonazol MİK (µg/mL)	Amfoterisin B MİK (µg/mL)
1	İdrar	100.000	+	0,0048	16	0,25
2	İdrar	70.000	+	0,7732	16	0,25
4	İdrar	100.000	+	1,4715	4	2
5	İdrar	100.000	+	0,0004	4	0,25
6	İdrar	50.000	+	0,9483	4	0,5
7	İdrar	70.000	+	0,0000	4	0,5
8	İdrar	50.000	-	0,2619	4	0,25
9	İdrar	100.000	+	0,0004	4	0,5
10	İdrar	30.000	+	0,8427	4	0,5
11	İdrar	50.000	+	0,0000	4	0,25
12	İdrar	100.000	+	0,4388	16	0,5
13	İdrar	100.000	+	0,0002	4	0,5
14	İdrar	70.000	+	0,0039	8	0,25

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



15	İdrar	10.000	+	1,1662	4	1
16	Yara	-	+	0,5152	4	0,25
17	İdrar	70.000	+	0,0003	8	0,25
18	İdrar	30.000	+	0,0001	8	0,125
19	İdrar	50.000	+	0,0014	4	0,5
20	İdrar	50.000	+	0,0001	4	0,5
21	İdrar	30.000	+	0,0075	4	0,25
22	İdrar	70.000	+	0,0000	16	2
23	İdrar	100.000	+	0,1980	≤2	0,125
24	İdrar	70.000	+	1,0740	≤2	0,5
25	İdrar	100.000	+	0,3010	4	0,25
26	İdrar	50.000	+	0,0018	≤2	0,5
27	İdrar	70.000	+	0,0055	4	0,5
28	İdrar	50.000	+	0,0071	≤2	0,5
29	İdrar	30.000	+	0,3819	≤2	0,5
30	İdrar	70.000	+	0,0000	4	0,5
31	İdrar	100.000	+	0,0005	4	0,5
32	İdrar	70.000	+	0,0002	4	0,06
33	İdrar	20.000	+	0,0044	4	1
34	İdrar	100.000	+	0,0003	8	0,25
35	İdrar	50.000	+	0,0000	8	0,5
36	İdrar	70.000	+	0,9468	4	0,5
37	İdrar	50.000	+	0,0746	8	4
38	İdrar	10.000	+	0,0063	8	0,25
39	TA	-	-	0,1809	8	0,5
40	İdrar	50.000	+	0,0000	8	0,25
41	İdrar	50.000	+	0,1479	8	0,25

Anahtar Kelimeler: *Trichosporon*, Virülans faktörleri, Antifungal duyarlılık

“Klinik Örneklerden İzole Edilen *Trichosporon* Suşlarının Duyarlılık Paternleri ve Virülans Faktörlerinin Araştırılması” başlıklı bu çalışma, Mersin Üniversitesi Bilimsel Araştırma Projeleri (BAP) Koordinasyon Birimi tarafından 2023-2 TP2-4986 numaralı proje kapsamında desteklenmiştir.”

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-101

***Exophiala dermatitidis* DhN-Melanizasyonuna Lipit Etkisinin Araştırılması**

Çağrı Ergin¹, Sedef Zeliha Öner¹, Gözde Gülcan Ünal¹, Ramazan Gümral², Macit İlkit³

¹Pamukkale Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Ankara

³Çukurova Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Tıbbi Mikoloji Bilim Dalı, Adana

Giriş ve Amaç: *Exophiala dermatitidis*, *Exophiala* cinsi içerisinde insan enfeksiyonlara en sık sebep olan, melanize hücre duvarlarına sahip askomiçet esmer maya mantarıdır. Deri, derialtı dokusu, akciğer ve santral sinir sistemi gibi farklı vücut bölgelerinde hastalık etkenidir. Hücre duvarında bulunan melanin; başlıca in-vivo antioksidanlara, fagolizozomal oksidatif hasara ve antifungal bileşiklere karşı direnç artışına sebep olur. *E. dermatitidis* için dihidroksinaftelen (DHN) melanini oluşturan substrata-özgül pentaketid yolak mayanın gelişiminde önemlidir ve ana virülans faktörlerindendir. Bu yolak, azol yapısında olan trisiklazol ile özgül olarak baskılanır. Mikozyotogeneğinde lipitler, konaktan ekzojen alınır. Lipit damlacıkları şeklinde sitoplazmada depolanarak hücre içi yollarla etkileşir. Farklı *Exophiala* türlerinde ortamdaki lipit ile (nonalkolik yağlı karaciğer hastalıkları vb.) mikrobiyotada baskınlıklarının değiştiği gösterilmiştir. Bu çalışmada, *E. dermatitidis* DHN-melanin sentezine lipit etkisi incelenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, 26 *E. dermatitidis* kökeni (CBS veritabanında kayıtlı 16 genotip A, altı genotip B, dört genotip C) incelendi. Kökenlerin beşi klinik (insan kaynaklı), 21'i çevresel ortamlardan izole edilmişti. Mayalar patates-dekstrozu agar da beş gün süre ile 33°C'de inkübasyona bırakılarak çoğaltıldı. Çalışma grupları besiyerine ilaveten; (a) + %2 oleik asit; (b) + %2 oleik asit + trisiklazol (20 µg/ml); (c) + trisiklazol (20 µg/ml); ve (d) kontrol (boş) besiyerleri olarak düzenlendi. Mayalar henüz katılaşmamış maya özütü-pepton-dekstrozu agar içinde 100 maya/ml olacak şekilde süspanse edilerek 96 kuyucuklu mikrotitrasyon plağına üçer kuyucuk olarak dağıtıldı. 33°C'de beş gün süre ile takip edilen kökenlerden, her gün, aynı ters aydınlatma ve uzaklıkta yüksek çözünürlüklü fotoğraf çekildi (Şekil 1). Pigment oluşumun sayısallaştırılması Fiji programı (ImageJ2 Ver2.9.0/1.53t, Java 1.8.0_172 tabanlı, GPLv3, <https://imagej.nih.gov/ij/index.html>) ile yapıldı. Sayısallaştırma aşamasında 0-255 gri skala kullanıldı. Veriler Minitab (Ver 18.1, Köln, Almanya) ile istatistik analize alındı. Doğrusal olmayan regresyon analizinde Gompertz modeli seçildi.

Bulgular ve Sonuç: Ortamda lipit varlığı *E. dermatitidis*'in melanin üretimini düşürdü ($p<0.05$). Ortamda lipit varlığında trisiklazolün etkisi daha erken saptandı ($p<0.05$). *E. dermatitidis* genotipleri arasında trisiklazol inhibisyonu farklı bulunmadı ($p>0.05$). Çevresel kökenlerin melanin üretiminin trisiklazol ile baskılanması, klinik kökenlere göre (deneyin 4. gününden itibaren) daha az idi ($p<0.05$). Ortamda lipitlerin bulunması *E. dermatitidis* izolatlarında melanin üretimini baskılamaktadır. Bu durum, endojen

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



enfeksiyonlara engel olabilir. Enfeksiyon varlığında, polimerik yapılar yerine lipid nanokapsül azollerin de seçenek olarak değerlendirilmesinin, virülansın baskılanmasında rol oynayabileceğini düşündürdü.

Şekil 1. Lipid içermeyen besiyerinde kontrol besiyeri ve iki farklı *Exophiala dermatitis* kökeninin günlere göre gri ölçekte pigment değişiminin görünümü

	Gün #1	Gün #2	Gün #3	Gün #4	Gün #5
Kontrol kıyıcak					
<i>E. dermatitis</i> CBS #13751					
<i>E. dermatitis</i> CBS #13752					

Anahtar Kelimeler: *Exophiala*, Melanin, Trisiklazol

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-102

Mucorales Takımı Mantarda Tür Tanımlanması: Tek Merkezli Çalışma

Ayşen İkkan¹, Osman Merdan¹, Seçil Ak Aksoy¹, Zeinep Chavouz Ametoglou¹, İmran Sağlık¹, Samet Kızıl¹, Beyhan Bülbül², Esra Kazak³, Beyza Ener¹

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa/Türkiye

²Samsun Eğitim ve Araştırma Hastanesi Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Kliniği, Samsun/Türkiye

³Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa/Türkiye

Giriş ve Amaç: Mukormikoz, Mucorales takımının sebep olduğu global bir enfeksiyonudur. Hasta örneklerinde, etkenin mikroskopik olarak gösterilmesi ve/veya üretilmesi ile kesin tanı konur. Ancak, koloni morfolojisi ve mikroskopik görünüm ile cins/tür düzeyinde tanımlama zor olduğundan epidemiyolojik dağılım iyi bilinmez. Farklı duyarlılıktaki türlerin değişik coğrafi bölgelerde görülmesi nedeniyle European Confederation of Medical Mycology and the Mycoses Study Group Education and Research Consortium" (ECMM/MSGERC) kılavuzunda epidemiyolojik amaçla tür düzeyinde tanımlama yapılması vurgulanmıştır. Ülkemizde de bu konu ile ilgili yeterli çalışma olmadığından, bu çalışmada, klinik örneklerden üretilen 98 Mucorales takımı mantar, tür düzeyinde tanımlanarak epidemiyolojik veri elde edilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Tür tanımlaması, altın standart olan "internal transcribed spacer" (ITS) dizisinin Sanger yöntemiyle (Beckman-Coulter CEQ8000) belirlenmesiyle yapıldı. ITS bölgesi ile tanımlanamayan izolatlar için 28S rDNA'nın D1/D2 bölgesi kullanıldı. Elde edilen diziler, "RefSeq Targeted Loci" projesindeki [<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/bioproject/PRJNA177353>] RefSeq dizileri kullanılarak hazırlanan lokal BLAST veri tabanında eşleştirildi. Dizilerin, %96-100 blastn ile eşleşmesi, E değerinin 0,0 olması ve sorgu dizisinin en az %95'ini kapsaması halinde tanımlama anlamlı kabul edildi. Matrix-assisted laser desorption ionization-time of flight mass spectrometry (MALDI-TOF-MS) ile tanımlama alternatif kolay bir yöntem olarak kullanıldı. MALDI-TOF-MS tanımlama için izolatlardan protein ekstraksiyonu, katı ve sıvı besiyerlerinden olmak üzere iki farklı yöntemle yapıldı. MALDI-TOF-MS ile tanımlama için Microflex LT/SH mass spectrometer (Bruker Daltonics, Bremen, Germany) cihazı kullanıldı ve izolatlar önerilen skorlama yöntemi ile değerlendirildi. İzolatların, amfoterisin B ve posakonazol duyarlılıklarına Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI) M38 yöntemiyle bakıldı.

Bulgular ve Sonuç: ITS/28S tanımlamada 67 izolat *Rhizopus arrhizus*, 14 izolat *Rhizomucor pusillus*, üç izolat *R. azygosporus*, ikişer izolat *Mucor circinelloides*, *Lichtemia ramosa*, *Rm. miehei*, *Cunninghamella bertholletiae*, *Syncephalastrum monosporum* birer izolat da *L. cormbifera*, *L. ornata*, *C. gigacellularis* ve *C. antarctica* olarak tanımlanmıştır. MALDI-TOF-MS ile yapılan tanımlamada sıvı besiyerinden yapılan ekstraksiyon yöntemi ile anlamlı olarak daha yüksek skorlar (Şekil 1; $p \leq 0,001$) alındığından karşılaştırmada sıvı ekstraksiyon yöntemindeki skorlar kullanıldı. Tablo 1'de iki yöntemin karşılaştırılması görülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

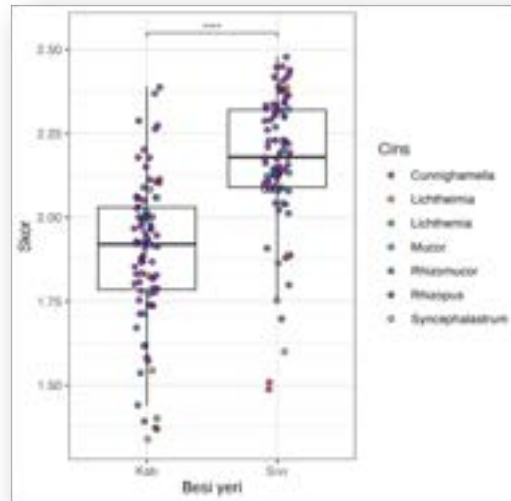
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



MALDI-TOF-MS skoru $\geq 1,70$ olarak alınırsa uyumun %87,7'ye yükseldiği saptandı. İzolatların antifungal duyarlılıkları Tablo 2'de görülmektedir. Bu çalışmayla *R. arrhizus* dışında farklı *Mucorales* türleri ile karşılaşılabilir; MALDI-TOF-MS tanımlamanın sık görülen türlerde oldukça başarılı olduğu; posakonazolün tüm türlerde en etkili ilaç olduğu gösterilmiştir.

Katı ve sıvı besiyerinden yapılan tanımlamada skorların ortalama değerlerinin dağılımı ($p \leq 0,001$)



Dizi analizi ve MALDI TOF MS ile tanımlamanın karşılaştırılması

***MALDI TOF MS Tanımlama / Tür (n=45)	***MALDI TOF MS Tanımlama / Skor [1]	Oran (%)
<i>Rhizopus arrhizus</i> (47)	43	91,49
<i>Rhizopus pusillus</i> (34)	14	41,18
<i>Rhizopus oligosporus</i> (3)	0	0
<i>Cunninghamella bertholletiae</i> (2)	2	100
<i>Mucor circinellus</i> (2)	2	100
<i>Syncephalastrum monosporum</i> (2)	1	50
<i>Lichtheimia ramosa</i> (2)	0	0
<i>Rhizomucor oryzae</i> (2)	0	0
<i>Lichtheimia corymbifera</i> (1)	1	100
<i>Lichtheimia arvalis</i> (1)	0	0
<i>Cunninghamella glabrata</i> (1)	0	0
<i>Cunninghamella attenuata</i> (1)	0	0
Toplam (95)	63	84,7

***MALDI TOF MS Tanımlama (25 ve 200 kDa)

***MALDI TOF MS Tanımlama (25 ve 200 kDa)

İzolatların antifungal duyarlılıkları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



		ITS ₁ sekansı segm1	ITS ₂ sekansı segm2	ITS ₃ sekansı segm3	ITS ₄ sekansı segm4	WT (%)	ITS-T (%)
<i>Rhizopus arrizae</i> (17)	Prokaryotik	50-55-5-10	5-120	5-120	5-20	100	-
	Eukaryotik	50-55-5-10	5-1	5-1	1	94,7	5,3
<i>Rhizopus pusillus</i> (14)	Prokaryotik	5-50-5-20	5-20	5-20	5-20	-	-
	Eukaryotik	5-20-5-1	5-1	5-1	1	-	-
<i>Rhizopus oryzae</i> (3)	Prokaryotik	5-20-5-1	-	-	-	100	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	98,7	1,3
<i>Mucor circinellus</i> (2)	Prokaryotik	5-1	-	-	-	100	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	100	-
<i>Lichtheimia ramosa</i> (2)	Prokaryotik	5-20-5-1	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	1	0
<i>Opoglyphium monophyllum</i> (2)	Prokaryotik	5-50-5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	1	0
<i>Cantharellus lateralis</i> (2)	Prokaryotik	5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	-	-
<i>Rhizoglyphus nigellus</i> (2)	Prokaryotik	5-50-5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-20-5-1	-	-	-	-	-
<i>Lichtheimia corymbifera</i> (3)	Prokaryotik	5-20	-	-	-	100	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	100	-
<i>Lichtheimia arvensis</i> (1)	Prokaryotik	5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	-	-
<i>Cantharellus gipsophilus</i> (2)	Prokaryotik	5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	-	-
<i>Cantharellus amarus</i> (1)	Prokaryotik	5-20	-	-	-	-	-
	Eukaryotik	5-1	-	-	-	-	-

*Seytina 2017 ve Seytina ve diğerleri 2018; **Seytina 2017 ve Seytina ve diğerleri 2018; segm1: ITS1, segm2: ITS2, segm3: ITS3, segm4: ITS4

Anahtar Kelimeler: Mucorales Takımı, ITS Tanımlama, MALDI Tanımlama

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-103

Çeşitli Klinik Örneklerden İzole Edilen *Candida* Türlerinin Dağılımları ve Antifungal Duyarlılık Sonuçlarının Araştırılması

Betül Ceyhuni, Duygu Öcal, Ebru Evren, Zeynep Ceren Karahan

Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Son yıllarda modern tedavi yöntemlerinin gelişmesi, çeşitli nedenlerle kemoterapi, immunsupresif tedavi sayısında ve transplantasyon imkanlarında artış, yoğun bakım ünitesinde (YBÜ) yatan hasta sayısının artması, parenteral beslenme, geniş spektrumlu ya da kombine antibiyotik kullanımında artış, tanı veya tedavi amaçlı invazif işlemlerin uygulanması *Candida* enfeksiyonlarının sıklığında artışa yol açmıştır. Bu risk faktörlerinden dolayı *Candida* türleri duyarlı hasta gruplarında yüzeysel enfeksiyonlardan, kan dolaşımı enfeksiyonlarına ve septik şok gibi yüksek mortalite ile ilişkili çeşitli hastalıklarda etken olarak sık karşımıza çıkan mikroorganizmalardır. Mantar enfeksiyonlarının sıklığının artışı, mortalite ve morbiditede oranlarında artışa neden olmakta ve antifungallerin ampirik kullanımını yaygınlaştırmaktadır. Antifungallerin ampirik tedavide daha yaygın kullanılması, dirençli mantar izolatların oluşumunu kolaylaştırmakta ve dirençli izolat oranlarında artışa sebep olmaktadır. Antifungallere direnç gelişimini azaltmak, etkili antifungal tedavi uygulamak için duyarlılıklarının uygun yöntemlerle saptanması gerekmektedir. Bu nedenle çalışmamızda çeşitli klinik örneklerden izole edilen *Candida* türlerinin dağılımı ve antifungal duyarlılıklarının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Kasım 2023 – Haziran 2024 tarihleri arasında İbni-Sina ve Cebeci Hastanesi Merkez Mikrobiyoloji Laboratuvarlarına gönderilen her hastanın aynı örnek türüne ait tek bir örneği dahil edilmiştir. Toplamda 420 izolat çalışmaya dahil edilmiştir. *Candida* izolatlarının tür tanımlamaları MALDITOF-MS Bruker Biotyper (BD, Almanya) ile yapılmıştır. Antifungal duyarlılık testleri Sensititre™ YeastOne™ (Thermo Scientific, ABD) mikrodilüsyon yöntemi ile araştırılmıştır. Antifungal duyarlılık sonuçları EUCAST kriterlerine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 420 *Candida* spp.'nin 175'i (% 41,6) YBÜ, 126'sı (%30,1) klinik servisler ve 80'i (%19,1) cerrahi servislerden gönderilmiştir. İzolatların örnek türlerine göre dağılımları Tablo 1'de görülmektedir. İzolatlar en sık idrar, kan ve doku örneklerinden elde edilmiştir (Tablo 1). İzolatlar arasında ilk üç sırayı *Candida albicans* 149 (%35,5), *Candida glabrata* 83 (%19,7) ve *Candida tropicalis* 73 (%14,7) oluşturmaktadır (Tablo 2). İzolatların antifungal ilaçlara karşı direnç oranları grafik 1'de görülmektedir. Hastanemizde izole edilen en sık *Candida* türünün *C. albicans* olduğu saptanmıştır. Tüm izolatlar incelendiğinde bazı türlerde azollere yüksek oranda direnç olduğu gösterilmiştir. Son yıllarda non-*albicans* türlerinin ve antifungal direnç oranlarının arttığı görülmektedir. Erken tanı ve buna uygun antifungal tedavi başlangıcının hastalarda sağ kalımın önemli belirleyicilerinden olduğu düşünüldüğünde, *Candida*'ların tür düzeyinde tanımlanması ve antifungal duyarlılık testlerinin uygun yöntemle yapılması önem kazanmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

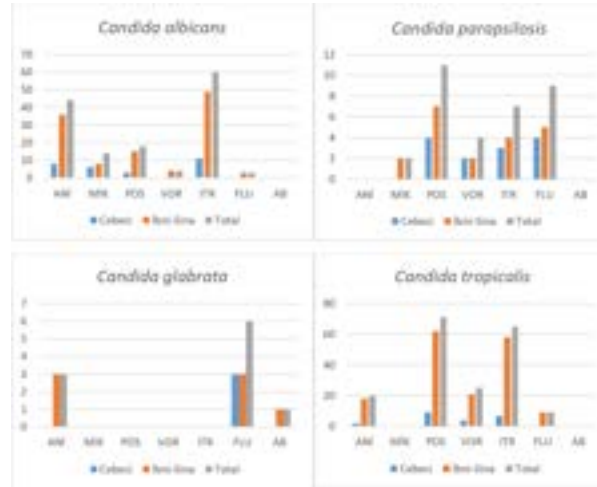
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik 1: *Candida* türlerinin antifungal direnç oranları



ANI:Anidulafungin, MİK:Mikafungin, POS:Posakonazol, VOR:Vorikonazol, ITR:Itrakonazol,
FLU:Flukonazol, AB:Amfoterisin B

Tablo 1. İzole edilen *Candida* spp.'lerin örnek türlerine göre dağılımları

Örnek türü	Cebeci n (%)	İbni-Sina n (%)	Total n (%)
İdrar	33 (31,7)	215 (68)	248 (59)
Kan	38 (36,6)	46 (14,7)	84 (20)
Doku	17 (16,4)	29 (9,2)	46 (11)
Yara	5 (4,8)	8 (2,5)	13 (3,1)
Apse	1 (0,9)	8 (2,5)	9 (2,2)
Dren	5 (4,8)	4 (1,3)	9 (2,2)
Periton	3 (2,9)	3 (0,9)	6 (1,4)
Plevra	2 (1,9)	2 (0,6)	4 (0,9)
BOS	0 (0)	1 (0,3)	1 (0,2)
Total	104 (100)	316 (100)	420 (100)

BOS:Beyin omurilik sıvısı

Tablo 2. *Candida* izolatlarının tür dağılımları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	Cebeci n (%)	İbni-Sina n (%)	Total n (%)
<i>Candida albicans</i>	47 (45,3)	102 (32,3)	149 (35,5)
<i>Candida glabrata</i>	12 (11,5)	71 (22,5)	83 (19,7)
<i>Candida tropicalis</i>	9 (8,7)	64 (20,2)	73 (17,4)
<i>Candida parapsilosis</i>	20 (19,3)	33 (10,5)	53 (12,6)
<i>Candida auris</i>	8 (7,7)	28 (8,9)	36 (8,6)
<i>Candida krusei</i>	4 (3,8)	8 (2,6)	12 (2,9)
<i>Candida dubliniensis</i>	2 (1,9)	2 (0,6)	4 (1)
<i>Candida lusitanae</i>	1 (0,9)	3 (0,9)	4 (1)
<i>Candida keyfr</i>	1 (0,9)	2 (0,6)	3 (0,7)
<i>Candida gullermondii</i>	0	1 (0,3)	1 (0,2)
<i>Candida norvegensis</i>	0	1 (0,3)	1 (0,2)
<i>Candida orthopsilosis</i>	0	1 (0,3)	1 (0,2)
Total	104 (100)	316 (100)	420 (100)

Anahtar Kelimeler: *Candida* türleri, antifungal direnç, non-albicans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-104

İstanbul Tıp Fakültesi Hastanesine Başvuran HIV ile Enfekte Pediatrik Hastaların Subtiplerinin ve Direnç Profillerinin Araştırılması

Sertaç Küçükaya¹, Muammer Osman Köksal¹, Kutay Sarsar¹, Elif Dede², Neslihan Mete Atasever², Dilara Yıldırım³, Tülin Demir³, Sevim Meşe¹, Hayriye Kırkoyun Uysal¹, Selda Hançerli Törün², Ayper Somer², Ali Ağaçıdan¹

¹İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı

³T.C Sağlık Bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı, Ulusal HIV-AIDS Doğrulama Merkezi ve Viral Hepatitler Referans Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: HIV enfeksiyonu, her ne kadar tedavisinde ilerlemeler kaydedilse de pandemisi yıllardır devam eden, tedavi edilemediğinde ölümcül olabilen, erken tanısının ve doğru tedavinin büyük önem arz ettiği dünya çapında bir sağlık sorunudur. Sadece erişkinler değil, çocuklar ve adolesanlar da çeşitli bulaş yollarıyla HIV ile enfekte olabilmektedir. Tüm dünyada büyük bir sorun haline gelen ilaç direnci antivirallerde de tedavinin önündeki en büyük engellerdendir. Literatürde pediatrik hastaları kapsayan araştırmalar kısıtlı olup çalışmamız, hastanemizdeki pediatrik hasta grubunda görülen subtip ve direnç profillerini belirleyerek pediatrik HIV enfeksiyonunda bulunduğumuz yeri tespit etmeyi ve kısıtlı literatüre önemli bir katkı sunmayı amaçlamaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda, üniversitemizde tedavi görmekte olan pediatrik yaş grubundaki HIV(+) 79 hasta (48 E, 31 K) arasından direnç verilerine erişebildiğimiz 32 hastanın (22 E, 10 K)direnç profilleri ve bu direncin ortaya çıkışında etkisi olabilecek HIV subtipi, bulaş yolu, tedavi uyumu gibi parametreler demografik verilerle birlikte retrospektif incelenmiştir. Hastaların HIV RNA ve CD4 düzeyleri üniversitemizde analiz edilmiş olup. Sekanslama, Sanger yöntemiyle T.C Sağlık Bakanlığı Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Ulusal AIDS Doğrulama ve Viral Hepatitler Referans Laboratuvarı'nda yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 32 hastanın medyan yaşı 80 ay(min:0-maks:203) olup 7'si yabancı uyruklu 25'i Türk uyrukludur. Hastaların HIV RNA ortalamaları 297047 kopya/mL(min:<20-maks:>10.000.000) olup 21'i HIV'i vertikal yolla almış, 11'i toplumdan edinmiştir. Subtipler 12B, 20Non-B olarak ayrılmıştır. En sık Non-B subtipi A(%40), ikinci sırada CRF02_AG(%35) saptanmıştır. Uyruklar ve subtipler karşılaştırıldığında yabancı uyruklu hastaların Non-B suşlarla anlamlı olarak daha sık enfekte olduğu saptanmıştır(p=0,029).Uyruk ve bulaş yolu arasındaki ilişki de istatistiksel olarak anlamlı bulunmuştur(p=0,032).Hastalar direnç saptanan(n=16) ve saptanmayan (n=16) olarak iki grupta incelenmiş olup bulaş yolu açısından karşılaştırıldığında vertikal geçişlilerde direnç anlamlı olarak daha yüksek bulunmuştur(p < 0,05). Majör direnç mutasyonları en sık nükleozid revers-transkriptaz inhibitörleri(%31,25) için saptanmış olup en sık M184V(%28,1) mutasyonu görülmüştür. Majör ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



aksesuar haricindeki mutasyonlarda ise E35D ve L63 pozisyonundaki mutasyonlar dirençli grupta anlamlı olarak daha fazla saptanmıştır($p=0,033$).Vertikal bulaşta ve tedavi naif hastalarda saptanan yüksek direnç oranı göz önünde bulundurulduğunda,pediatrik HIV enfeksiyonu tedavisinin anne ve çocuk sağlığını birlikte ele alan,uygun ilaç alternatifleri ve bakıcı sorunları gibi problemleri de göz önünde bulunduran çözümlere ihtiyaç duyduğu açıktır.Bu sonuçlar bir kez daha koruyucu sağlık hizmetlerinin önemini ve bu sorunun çok boyutlu ele alınmasının gerekliliğini vurgulamaktadır.

Tablo 1

HIV Subtipleleri	Dirençli (n)	Sensitif (n)
II (n=14)	0	0
Non-B (n=20)	10	10
▪ A	5	4
▪ CRF02_AG	4	3
▪ C	1	1
▪ D	-	1
▪ CRF07_BC	-	1
Toplam (n=32)	16	16

n HIV ile enfekte hasta sayısı

HIV ile enfekte hastalarda tespit edilen subtiplerin dağılımı

Tablo 2

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



DATA PENELITIAN		BERENC SAPTANAN (%)		BERENC SAPTANAN (%)	
LOKASI (n=3)		n= (26)		n= (26)	
BERENC GRISE	Salah (%)	Terdapat Saluran (%)	Salah (%)	Terdapat Saluran (%)	
Proses Isolasi/Inokulasi (PI)	0 (0,0)	4 (15,4)	—	—	
• M06L	—	1 (3,8)	—	—	
• M4V	—	1 (3,8)	—	—	
• V12A	—	1 (3,8)	—	—	
• Q70L	0 (0,0)	1 (3,8)	—	—	
• L10F	—	1 (3,8)	—	—	
• L10L1	—	1 (3,8)	—	—	
• L10L3	—	1 (3,8)	—	—	
• L10F	—	1 (3,8)	—	—	
Selubung Revers Transkriptase (Selubung (NRRT))	0 (0,0)	9 (26,9)	—	—	
• M104V	0 (0,0)	8 (22,9)	—	—	
• A42V	—	1 (2,8)	—	—	
• D67N	—	1 (2,8)	—	—	
• K70R	—	1 (2,8)	—	—	
• T110V	—	1 (2,8)	—	—	
• K119Q	—	1 (2,8)	—	—	
• M06L	—	1 (2,8)	—	—	
Non-Nucleoside Revers Transkriptase (NNRTI)	0 (0,0)	4 (11,5)	—	—	
• V94	—	2 (5,4)	—	—	
• G100A/S	—	2 (5,4)	—	—	
• K166N	—	1 (2,7)	—	—	
• Y181L	—	1 (2,7)	—	—	
Integrasi Isolat/Inokulasi (IN)	0 (0,0)	1 (2,7)	—	—	
• E92L	0 (0,0)	1 (2,7)	—	—	
• G145R	—	1 (2,7)	—	—	
• Q148R	—	1 (2,7)	—	—	
KOMBINE BERENC/LEB					
PI + NRRT	—	1 (2,7)	—	—	
NRRT + NNRTI	—	1 (2,7)	—	—	
PI + NRRT + NNRTI	—	1 (2,7)	—	—	
IN + NNRTI	—	1 (2,7)	—	—	
PI + IN + NRRT	—	1 (2,7)	—	—	
TERDAFTAR/LEB					
PI + NRRT	0 (11,5)	9 (23,1)	1 (2,6)	9 (23,1)	
IN + NRRT	—	1 (2,6)	1 (2,6)	1 (2,6)	
IN + PI + NRRT	—	1 (2,6)	—	—	
ORTALANNA TERDAFTAR/LEB					
	n= 2 (4)		n= 4		
TERDAFTAR/LEB	Ditemui (n=7) Ditemui (n=3)		Ditemui (n=7) Ditemui (n=3)		

di SDV dan metode kuantitatif

© 2007 The Authors
Journal compilation © 2007 Blackwell Publishing Ltd

HIV ile enfekte hastaların direnç mutasyonları, tedavi rejimleri ve tedavi uyumları

Tablo 3

BULAY YOLU	DİRENÇ DEĞERİ	
	Direnç (Ω)	Değerli (Ω)
Vertikal	10	7
Çevreli Geçiş	1	2
Transistör	1	1
Çevreli Trans	+	3
Bilgi/yer	+	3
TOPLAM (Ω)	10	10

a. HPV ile enfekte hasta sayısı

Hastaların bulaş yollarına göre direnç durumlarının dağılımı

Anahtar Kelimeler: Antiretroviral Direnç, Epidemiyoloji, Pediatrik HIV

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-105

HCV ile Enfekte Hastalarda Genotip Tayini Yapılması ve mi-RNA Düzeylerinin Araştırılması

Saniye Küçükakın Yaka, Ahmet Çalışkan

Pamukkale Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD. Denizli-Türkiye

Giriş ve Amaç: Dünyada 170-200 milyon kişi hepatit C virüsü (HCV) ile enfektedir. Hastaların %85'inde virüs klirensi sağlanamadığından kronik enfeksiyon gelişmektedir. HCV'de 8 genotip ve 100'e yakın subtip tanımlanmıştır. HCV ile enfekte hastanın tedaviye yanıtını belirleyen önemli faktörler, virüsün genotipi ve tedavi başlangıcındaki viral yüküdür. Kodlanmayan ribonükleik asitlerin bir çeşidi olan mikroRNA'lar(miRNA) protein ekspresyonlarının posttranskripsiyonel düzenlenmesinde rol alırlar. Çalışmamızda; HCV ile enfekte hastaların genotip tayininin yapılması, genotipler arası miRNA düzey değişimlerinin araştırılması; sağlıklı kişiler ile HCV enfekte hastaların miRNA düzeylerinin karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Pamukkale Üniversitesi Hastanesi Merkez Laboratuvarına gelen kan örneklerine Cobas 4800 Systems(Roche, ABD) cihazında, Cobas HCV Test(Roche, ABD) kiti ile HCV RNA çalışıldı. Pozitif olan 50 hastaya, Cobas HCV GT (Roche, ABD) kiti ile HCV genotip çalışıldı. 50 gönüllü kontrol grubu olarak alındı. Her iki grubun miRNA-122, miRNA-155, miRNA-224 ve miRNA-21 gen ekspresyonlarına Rotor-GeneQ5plex(Qiagene, Almanya) cihazı ile 2X SuBRYGreen qPCR Mastermix(Sugenomics, Türkiye) kiti kullanılarak bakıldı. Veriler SPSS 25.0 paket programıyla analiz edilmiştir. Verilerin normal dağılıma uygunluğu Shapiro-Wilk ve Kolmogorov Smirnov testleri ile incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Kontrol grubunun %56'sı kadın, %44'ü erkek, hastaların %32'si kadın, %68'i erkekti($p=0,016$). Kontrol grubunun yaş ortalaması $36,42 \pm 9,22$ iken hasta grubunun yaş ortalaması $32,18 \pm 11,71$ olarak bulundu ($p=0,005$). miRNA-122 ve miRNA-224 ekspresyonları açısından iki grup arasında anlamlı fark bulunamazken, miRNA-155 ($p=0,014$), miRNA-21 ($p<0,0001$) ekspresyonlarının hasta grubunda anlamlı şekilde azaldığı görüldü. Bu bulgular erkek ve genç yaşta olmanın HCV ile enfekte olma riskini arttırdığını; miRNA-155 ve miRNA-21 ekspresyonundaki değişikliklerin ise bu miRNA'ların hastalıkla ilişkili biyomarkerler olarak kullanılabileceğini düşündürmüştür. HCV pozitif olan hastaların genotip tayininde, %26 genotip 1a, %28 genotip 1b, %2 genotip 2, %44 genotip 3 tespit edildi. Genotip 1a, 1b ve 3 ile enfekte hastaların miRNA seviyeleri karşılaştırıldığında anlamlı fark bulunamamıştır. Bu da viral genotipin miRNA ekspresyonu üzerinde belirgin bir etkisi olmadığını gösterebilir. Genotip 1a ile enfekte olan hastaların %15,4 kadın, %84,6 erkek; genotip 1b ile enfekte hastaların %71,4 kadın, %28,6 erkek; genotip 3 ile enfekte hastaların %18,2 kadın, %81,8 erkek olduğu tespit edildi ($p=0,001$). Genotip 1a ve 3 ile enfekte olan hastalarda erkekler hastaların anlamlı olarak daha fazla olduğu görüldü. Genotip 1b ile enfekte hastaların genotip 1a ve 3 ile enfekte hastalardan anlamlı şekilde daha ileri yaşta olduğu görüldü ($p=0,004$). Genotip dağılımının yaş ve cinsiyet ile ilişkili olabileceğini göstermiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

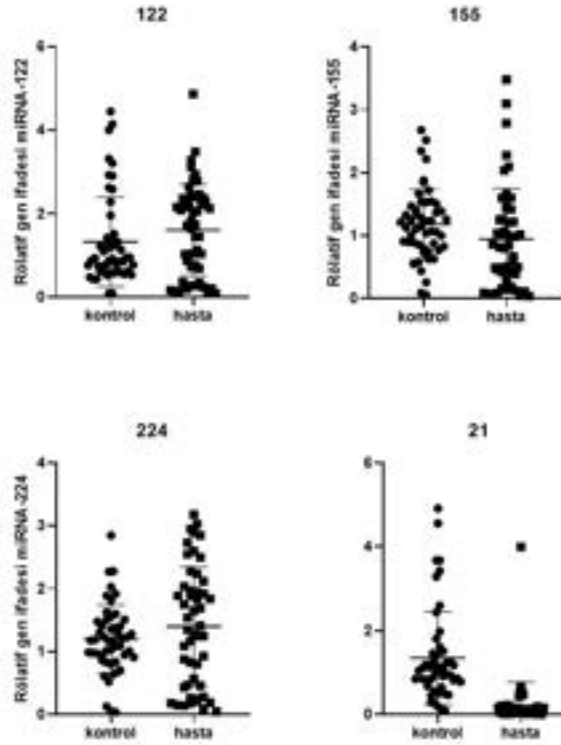
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hasta ve kontrol gruplarında miRNA ekspresyonlarının karşılaştırılması



Grupların karşılaştırılmasında Kruskal Wallis Varyans Analizi kullanılmıştır.

Genotip gruplarının MiRNA ekspresyonlarının karşılaştırılması

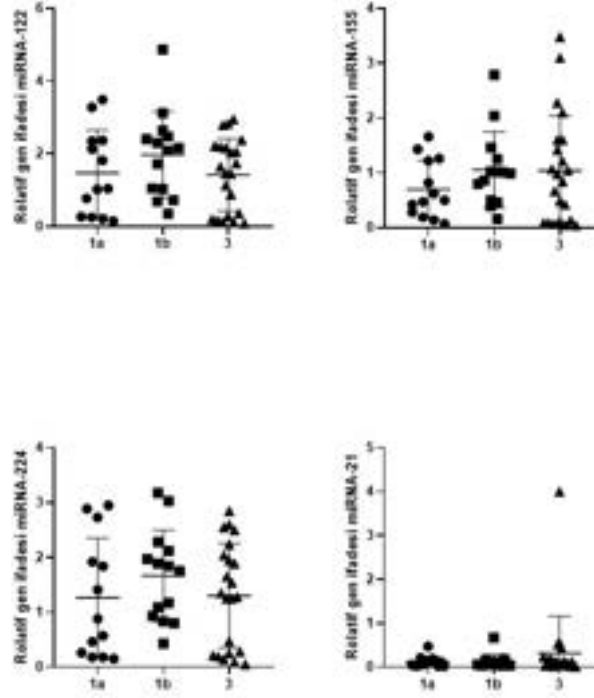
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grupların karşılaştırılmasında Kruskal Wallis Varyans Analizi kullanılmıştır.

genotip gruplarına göre cinsiyet bulgularının karşılaştırılması

Cinsiyet	1a	1b	3	p
	n (yüzde)	n (yüzde)	n (yüzde)	
KADIN	2 (%15,4)	10 (%71,4)	4 (%18,2)	p=0,001
ERKEK	11 (%84,6)	4 (%28,6)	18 (%81,8)	

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Grupların karşılaştırılmasında Ki-kare testi kullanılmıştır.

Kontrol ve hasta gruplarının demografik özellikleri

	Kontrol	Hasta	p Değeri
	A.O.± S.S	A.O.± S.S	
Yaş	36,42 ± 9,22	32,18 ± 11,71	0,005* a
Cinsiyet	n (Yüzde)	n (Yüzde)	p Değeri
Kadın	28 (%56)	16 (%32)	
Erkek	22 (%44)	34 (%68)	0,016* b

Bağımsız grup farklılıklarının karşılaştırılmasında Mann Whitney U testi (a), kategorik değişkenlerin karşılaştırılmasında Ki kare analizi (b) kullanılmıştır.

Anahtar Kelimeler: miRNA, HCV, HCV genotip

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-106

Bir Üniversite Hastanesi'nde İzole Anti-HBc IgG Pozitifliği Sıklığı ve Diğer Atipik Hepatit B Serolojileri

Hakan ŞENOĞLU, Ferdi ÇETİN, Sinem AKÇALI

Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, MANİSA

Giriş ve Amaç: Viral hepatitler dünyada ve ülkemizde ciddi bir halk sağlığı sorunudur. Hepatit B virüsü (HBV) enfeksiyonları sırasında atipik serolojik profile sahip test sonuçları ile sıkça karşılaşmaktadır ve tanıda yorumlama zorlukları nedeniyle ileri inceleme gerektirmektedir. Bu çalışmada, Manisa Celâl Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Seroloji Laboratuvarı'nda hepatit B serolojik testleri çalışılmış olgularda prevalansın belirlenmesi ve atipik paternlerin irdelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2021-Aralık 2023 tarihleri arasında hastanemizin seroloji laboratuvarına HBV belirteçlerinin araştırılması için gönderilen 31.418 hastanın sonuçları retrospektif olarak incelenmiştir. Değerlendirmede Architect i1000 SR (Abbott) cihazı kullanılmıştır. HBV-DNA düzeyi ise real-time PCR (QIA-symphony) ile belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamıza dahil edilen hastalardan sadece 792 hastada HBsAg, anti-HBs ve anti-HBc IgG testleri beraber istenmiş, bunların 146'sında üç parametrenin de pozitifliği birarada saptanmıştır. HBsAg ve anti-HBs'nin birlikte pozitif olduğu vaka sayısı 90'dır. Sadece HBsAg pozitifliği 243'ünde saptanmıştır. Bu serolojik profillerin yanında 321 kişide izole anti-HBc IgG pozitifliği, 57 hastada izole HBeAg saptanmıştır (Tablo 1). İzole anti-HBc IgG pozitifliği saptanan olgularımızın 287'sinde anti-HIV istenip 3'ünde pozitiflik izlenirken, anti-HCV pozitifliği %3.3 oranında bulunmuştur. İzole anti-HBc pozitif saptanan 321 kişiden 65'inde HBV-DNA sonuçlarının negatif olduğu gözlenmiş olup, 1 olguda pozitiflik saptanmıştır (Tablo 2). İzole anti-HBc pozitif saptanan kişilerin verileri incelenirken, bu parametrelerin negatiflik oranı bilinmemekle beraber 25'inde ANA pozitifliği, 13'ünde EBV ilişkili serolojik marker yüksekliği, 11'inde IgA yüksekliği, 8'inde IgG yüksekliği, 7'sinde RF pozitifliği, 4'ünde IgM yüksekliği, 2'sinde VDRL, 2'sinde HCV-RNA, 2'sinde ASO pozitifliği saptanmıştır. Sonuç: İzole anti-HBc IgG pozitifliği atipik hepatit serolojileri arasında daha yüksek oranda görülmüş ve nedenleri arasında yalancı pozitiflik, gizli hepatit B enfeksiyonu, HBsAg'nin saptanamayacak düzeyde olduğu kronik enfeksiyon veya zamanla anti-HBs'nin ölçülemeyecek düzeye düşmesi olabileceği düşünülmüştür. Bu nedenle, izole anti-HBc pozitifliği olan vakalar arasında gizli HBV hastalarını tespit etmek için ek incelemeler yapılması, aile bireylerinin taranması ve bağışıklığı olmayanların aşılınması ile yayılma önlenabilir. Atipik serolojik profile sahip hastalarda HBV olasılığını dışlamak için, serolojik tarama ve yüksek duyarlılığa sahip standardize testlere ihtiyaç vardır. İzole anti-HBc pozitifliği olan hastaların HBV bulaştırıcılığı yönünden risk taşıdığı ve HBV DNA varlığının araştırılmasının uygun olacağı, mutasyon analizi ve semptomların izlenmesi gerektiği düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Atipik HBV serolojisi gösteren olguların dağılımı

DEMOKRATİK TEST	SAYI	YÜZDE
Erkek Anti-HBc IgG (+)	313/792	%39.5
Erkek HBsAg (+)	243/792	%30.6
HBsAg (+) / Anti-HBc (+) / Anti-HBc IgG (+)	149/792	%18.8
HBsAg (+) / Anti-HBc (-)	99/792	%12.5

İzole Anti-HBc Pozitif Olguların Özellikleri

	Sayı (%)
Cinsiyet	Erkek: 162 (%50.5) Kadın: 159 (%49.5)
Anti-HCV pozitifliği	10/298 (%3.3)
Anti-HIV pozitifliği	3/287 (%1.04)
HBV DNA pozitifliği	1/66 (%1.5)

Anahtar Kelimeler: Viral hepatit B, HBV, atipik seroloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-107

Hepatit C Tedavisi Artık Mümkün: Ne kadar Farkındayız?

Tuğçe Albayrak¹, Yeşim Tuyji Tok¹, Süreyya Gül Yurtsever¹, Merve Sivil¹, Ayşegül Aksoy Gökmen¹, Tuba Müderris¹, Bilal Olcay Peker², Selçuk Kaya²

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi Atatürk Eğitim Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İzmir Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Hepatit C virüsünün(HCV) neden olduğu hepatitler, 2017 yılı itibariyle kullanıma sunulan pangenomik etkili antiviraller sayesinde, günümüzde tam kür sağlanabilen bir hastalık haline gelmiştir. Ancak, gerek ülkelerin sağlık politikaları nedeniyle bu ilaçlara erişimin kısıtlı olması, gerekse tanı ve hasta izlem protokollerinin uygulanmasında yaşanan aksaklıklar nedeniyle, halen Türkiye de dahil olmak üzere birçok ülkenin, Dünya Sağlık Örgütü'nün(DSÖ) 2030 yılı hepatit eliminasyon hedeflerine ulaşamayacağı öngörülmektedir. HCV enfeksiyonu tanı algoritmasında ilk basamakta anti-HCV tarama testi yer almaktadır. Moleküler yöntemlerle HCV-RNA aranması viral RNA'nın kantitasyonu ile aktif/kronik HCV enfeksiyonunu ayırımında yol göstericidir. Çalışmamızın amacı; Anti-HCV reaktifliği saptanan hastalarda reflektif test olarak moleküler HCV-RNA testi istemi ve Enfeksiyon Hastalıkları Kliniği'nce tedavi-takibe alınma oranları değerlendirilerek, bu iş akışındaki olası aksaklıklara dikkat çekmektir.

Gereç ve Yöntem: İKÇÜ Atatürk EAH Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na 2022-2023 arası iki yıllık dönemde, çeşitli kliniklerden tarama amaçlı ya da Hepatit C şüphesi ile gönderilmiş ve Anti-HCV tetkikleri reaktif saptanmış 805 hastaya ait veriler retrospektif olarak değerlendirildi.

Anti-HCV reaktif saptanan hastalarda reflektif test HCV RNA istenme oranı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anti-HCV reaktif saptanıp sonrasında HCV-RNA test istemi ve/veya bu sebeple konsültasyon yapılmamış hastaların poliklinikler bazında hasta sayıları dağılımları



Anti-HCV reaktif saptanıp sonrasında HCV RNA test istemi ve/veya konsültasyon istemi yapılmamış hastaların servisler bazında hasta sayısı dağılımı

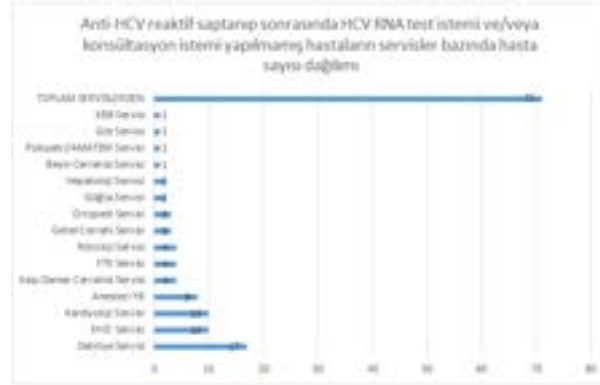
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Laboratuvarımıza gönderilen serum örneklerinde Anti-HCV reaktif saptanmış 805 hastanın ancak %49.1 (396/805)'inden reflektif test olarak HCV-RNA test istemi yapıldığı görüldü. HCV-RNA test istemi ve/veya bu sebeple Enfeksiyon Hastalıkları konsültasyon istemi yapılmamış hastaların (335/805) klinik bazlı dağılımlarına bakıldığında; 153'ünün (%45.6) cerrahi birimlere, 182'sinin (%54.3) dahili birimlere farkı sebeplerle başvurdukları saptandı. Yine bu hastaların çoğunluğunu, Acil Polikliniği başta olmak üzere (63/335), polikliniklere ayaktan başvuruların oluşturduğu (%78.8, 264/335) ve 5 olgunun da gebe olduğu görüldü. Hastanemizde 'Akılcı Laboratuvar Uygulamaları' doğrultusunda, panik değer bildirim sistemi üzerinden Anti-HCV reaktif çıkan hastaların tetkik istemini yapan ilgili hekime kantitatif sonuçları mesaj olarak iletilmektedir. Ek olarak, hastanın sonuç bildirimine 'İleri moleküler tanı için HCV-RNA refleks test istenmesi ve tedavi amacıyla Enfeksiyon Hastalıkları konsültasyonu uygundur.' açıklama notu eklenmektedir. Ancak bu uygulamalara rağmen, HCV-RNA reflektif test isteminin hastaların yarıya yakınında yapılmaması, dolayısıyla da kesin tanısı konamamış bu hastaların bir yandan farkında olmadan virüsü yaymaya devam ederken diğer yandan da tedavi şanslarını kaçırmaları bu çalışmanın en çarpıcı bulgusudur. Sonuç olarak, Ülkemiz için hala önemli bir halk sağlığı sorunu olan Hepatit C'nin tanısında kayıpları önlemede gerek Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı gerekse yönetsel düzeyde daha etkili müdahalelerin acilen uygulamaya konması gerekmektedir.

Anahtar Kelimeler: anti-HCV, HCV-RNA, Akılcı Laboratuvar Uygulamaları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-108

HCV Taramasında Sahaya Uygun Çıplak Göz Tespiti Sağlayan Altın Nanopartikül Tabanlı Kolorimetrik LAMP Yönteminin Geliştirilmesi

Hanne Altın¹, Ayşe İstanbullu Tosun¹, Esra Ağel²

¹İstanbul Medipol Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

²Türkiye Bilimsel ve Teknolojik Araştırma Kurumu, Marmara Araştırma Merkezi, Kocaeli, Türkiye

Giriş ve Amaç: Dünya sağlık örgütü'nün 2024 Küresel Hepatit Enfeksiyon raporuna göre düşük gelirli ülkelerde sağlık hizmeti kaynaklarının eksikliği ile rutin kan taramalarının yapılamaması yeni HCV enfeksiyon vakalarına ve enfeksiyona bağlı ölüm oranında artışa neden olmuştur. Enfeksiyonun asemptomatik olması ve sekiz hafta sonra antikor yanıtının oluşması serolojik testler ile erken tanıyı zorlaştırırken, HCV RNA'nın ilk haftada serumda gözlenmesi moleküler tabanlı testler ile erken tanıyı mümkün kılmaktadır. Laboratuvar ortamı, uzman kişi gerektirmeyen ve kısa sürede sonuç sağlayan hassas döngü aracılı izotermal amplifikasyon (LAMP) yöntemi sahaya uygunluğu ile öne çıkmaktadır. Nanobiyoteknoloji, patojenlerin tespit edilmesi potansiyeline sahip özel moleküler karakterizasyon teknikleri kullanmaktadır. Özellikle metal nanopartiküller bir çok patojenin saha tespitini sağlayan biyosensör olarak öne çıkmaktadır. Altın nanopartikülün yüzeyindeki elektronların ışık ile etkileşimi sayesinde benzersiz optik özellik sağlanmaktadır. LAMP yönteminin özellikle sıcak su yada basit bir ısıtıcı ile sonuç vermesi sebebi ile bu çalışmada sahada kullanılabilecek hızlı, hassas ve çıplak göz ile ön tespiti sağlayan ve ek analizler için pahalı cihazlara ihtiyaç duyulmayan altın nanopartikül tabanlı kolorimetrik HCV LAMP yöntemi geliştirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Kantitatif PZR yöntemi ile tespiti sağlanan 31 pozitif ve 28 negatif HCV hasta serumu, İstanbul Medipol Üniversitesi Genetik Hastalıklar Değerlendirme Merkezi'nden etik kurul onayı ile soğuk zincirde temin edildi. Yöntem optimizasyonu ATCC HCV referans örnek seri dilüsyonu ile gerçekleştirildi. HCV genotiplerinde ortak korunmuş 5' translasyon olmayan (UTR) genom bölgesi seçilerek PrimerExplorer V5 programı ile HCV'ye özgün LAMP primerleri tasarlandı. Ekstrakte edilen HCV serumları 68°C'da 60 dakika da LAMP reaksiyonu gerçekleştirildi. NaCl, PBS ve primer içeren hibridizasyon tampon optimizasyonu sonrası LAMP ürünlerinin 95°C da 30 sn kısa denatürasyon aşaması sonrası 68°C'da 30 sn de hibridizasyon aşaması gerçekleştirildi. Soğumaya bırakılan solüsyon üzerine 10ul %99 saflıkta ve 10-20nm altın nanopartikül eklenerek HCV'nin görsel tespiti sağlandı. Yöntemin kontrolü taramaları elektron mikroskobu ve UV Vis spektrofotometri analizleri ile desteklendi.

Bulgular ve Sonuç: Altın nanopartikül tabanlı kolorimetrik HCV LAMP yöntemin ATCC HCV dilüsyonları ile analizi sonucunda tespit limiti 10 kopya/ul olarak gözlemlendi. HCV serumları ile çalışma sonucunda yöntem %100 özgüllük ve %90 hassaslık göstermiştir. Pozitif örnekler de LAMP ürünlerinin altın nanopartiküller ile oluşturduğu heterodupleks yapı sayesinde kırmızı renk gözlenirken negatif örneklerde ise altın nanopartiküller ortamdaki tuz nedeni ile kümeleşerek solüsyon gri rengine geçiş yapmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

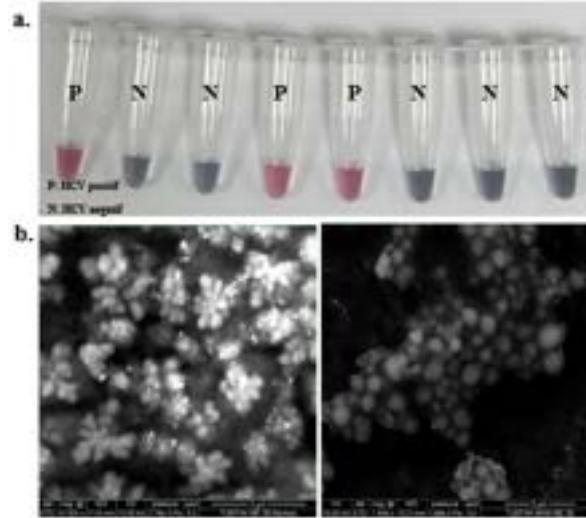
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

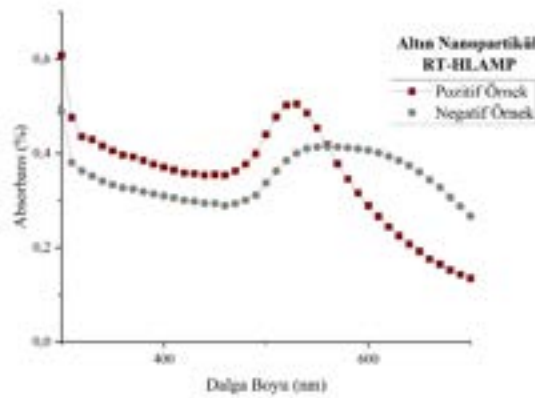


Şekil 1



(a) HCV pozitif ve negatif klinik örneklerin Altın nanopartikül tabanlı LAMP yöntemi ile görsel tespiti (b) yöntem sonrasında pozitif ve negatif sonuçların SEM görüntüsü

Şekil 2



Altın nanopartikül tabanlı LAMP yöntem sonucunun UV-Vis spektrofotometri analiz grafiği

Anahtar Kelimeler: moleküler tabanlı tarama yöntemleri, altın nanopartikül, LAMP

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-109

2019-2024 Yılları Arasında Tatarcık Ateşi Virüsünün Serolojik ve Moleküler Olarak İncelenmesi

Özlem Ünal¹, Yasemin Coşgun³, Eylül Beren Tanık¹, Betül Yüzügüldü¹, Büşra Ayyıldız¹, Ekrem Sağtaş⁴, Sedat Kaygusuz²

¹T.C. Sağlık bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı, Ulusal Viroloji Referans Laboratuvarı, Ankara, Türkiye

²T.C. Sağlık bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ankara, Türkiye

³T.C. Sağlık Bakanlığı, Etlik Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Ankara, Türkiye

⁴T.C. Sağlık Bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Tatarcık humması virüsü (Sandfly fever virus; SFV), Bunyaviridae ailesi, Phlebovirus cinsinde sınıflandırılmaktadır. SFV'nin, Sicilya (SFSV), Kıbrıs (SFCV), Napoli (SFNV) ve Toskana virus (TOSV) olmak üzere başlıca dört serotipi mevcuttur. Türkiye'de özellikle Akdeniz'e kıyısı olan illerimizde yaz aylarında endemik olarak görülmekte olup İç Anadolu Bölgesi'nde de tatarcık humması olguları bildirilmiştir. SFV, özellikle endemik bölgelerde salgınlara neden olabilir. SFV vakalarının izlenmesi ve takibi, risk altındaki nüfusları ve bölgeleri tanımlamaya yardımcı olur. Önleyici ve kontrol önlemlerinin belirlenmesi ve uygulanması için hayati öneme sahiptir. Çalışmamızın amacı, laboratuvarımıza tatarcık ateşi ön tanısıyla gönderilmiş ve immün floresan antikor (İFA) testi ile SFV serolojisi pozitif saptanan örneklerde Real-time PZR (RT-PZR) yöntemi ile SFV varlığını tespit etmektir.

Gereç ve Yöntem: 2019 yılı Ocak – 2024 yılı Ağustos ayları arasında Ulusal Viroloji Referans Laboratuvarı'na gönderilen 322 adet serum örneği çalışmaya dahil edilmiştir. Serum örneklerinde İFA ile Sicilian, Napoli, Toscana, Cyprus serotiplerine karşı IgM ve IgG antikorları araştırılmıştır. Ayrıca İFA (EUROIMMUN, Lübeck, Germany) yöntemi ile IgM pozitif veya aradeğer saptanan serum örneklerinde RT-PZR (Super Script III Platinum One Step qRT-PCR, Thermo Fischer) testi uygulanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 322 serum örneğinin 72'si (%22,3) İFA yöntemi ile IgM pozitif veya ara değer olarak değerlendirilmiştir. Bu örneklerden 26'sı RT-PZR testine dahil edilmiş, 16'sı (%61,5) SFV PZR pozitif saptanmıştır. Yıllara göre sonuçlar tablo 1'de verilmiştir. Hasta grubu 14 - 77 yaş arasındadır, median değeri 36 yaşıdır. Tatarcık ateşinin rutin tanısında Sandfly fever virüs serolojik testleri kullanılmakla birlikte tanı algoritmasına PCR testlerinin de eklenmesi önemlidir. Virüsün hangi serotip olduğu epidemiyolojik bağlantılarının kurulması ve dizileme analizlerinin yapılabilmesi açısından da virüsün varlığını tespit etmek gereklidir. Halk sağlığının korunması ve kontrol önlemlerinin alınabilmesi açısından bu tür çalışmalar yol göstericidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yıllara gre sonular

Ekle / Gncelle

Yıllar	rnek Sayısı	IgM poz/ad (%)	IgG poz/ad (%)	RT-PZR (alıřılan/Pozitif)
2019	60	29 (48,3)	31 (51)	3/2
2020	43	2 (4,6)	9 (20,9)	2/-
2021	36	7 (19,4)	9 (25)	1/1
2022	52	7 (13,4)	9 (17,3)	2/1
2023	74	22 (29,7)	27 (36,4)	15/10
2024	57	5 (8,7)	6 (10,5)	2/2
Toplam	322	72 (22,3)	91 (28,6)	26/16

Anahtar Kelimeler: Phlebovirus, Tatarcık ateři, Sandfly fever virus

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-110

Normal ve Anormal Servikal Sitolojili Kadınlarda Human Papillomavirus Prevalansı ve Genotip Dağılımı

Maimonah Alshoaibi¹, Gökhan Öztürk¹, Ganim Khatib², Hasan Alaa Wahhab Alantake¹, Huri Sökmen¹, Fügen Yarkin¹

¹Çukurova Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Çukurova Üniversitesi Tıp Fakültesi, Kadın Hastalıkları ve Doğum Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Servikal kanser bütün dünyada meme, kolorektal ve akciğer kanserinden sonra, kadınlar arasında en sık görülen dördüncü kanserdir. Human papillomavirus (HPV) servikal kanserin major etyolojik ajanı olarak tanımlanmıştır. HPV, en yaygın cinsel yolla bulaşan enfeksiyondur. HPV ile enfekte kadınların %1'inden azında servikal kanser gelişmektedir. Servikal kansere karşı korunmada primer HPV DNA taraması ve HPV aşısının kullanılması önerilir. Çalışmamızın amacı normal ve anormal servikal sitolojisi olan ve HPV aşısı yaptırmamış kadınlarda HPV prevalansı ve genotiplerinin dağılımını araştırmaktır.

Gereç ve Yöntem: Çukurova Üniversitesi Tıp Fakültesi Jinekolojik Onkoloji Bölümüne Ekim 2021 ve Şubat 2022 arasında başvuran 20 - 65 yaş grubundaki 232 kadın araştırmamıza dahil edilmiştir. Servikal sürüntü örneklerinden HPV DNA varlığı sırasıyla MY09/MY11 ve GP5+/GP6+ konsensus primerlerinin kullanıldığı nested PCR testi ile tespit edilmiştir. HPV DNA pozitif bulunan örneklerde 14 yüksek riskli HPV genotipinin tanısı için duyarlılığı 700 kopya/ml ve üstü olan HPV Genotypes 14 Real-TM Quant PCR testi (Sacace, İtalya) kullanılmıştır. Kontaminasyonu engellemek için numuneler biriktirilmeden her testte en fazla 8 örnek olacak şekilde çalışılmıştır ve testler iki kere tekrar edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya katılan kadınların 200'ü (%86.2) normal ve 32'si (%13.8) anormal servikal sitolojiye sahipti. Hastaların yaşları ortalaması 43.2 yıl idi. Toplam 232 kadında yüksek riskli HPV prevalansı %39.2 (91) bulunmuş olup normal sitolojili kadınlarda %33 (66) ve anormal sitolojili kadınlarda %78 (25) olarak tespit edilmiştir. Araştırmaya dahil olan 141 (% 60.8) kadında HPV DNA varlığı tespit edilmemiştir. HPV pozitif 91 kadından %27.4'ünün anormal sitolojili olduğu bulunmuştur. Çalışma grubunda en baskın bulunan genotip HPV16 (%21.1) olup diğerleri sırasıyla, HPV31 (%12.9), HP18 (%10.3), HPV52 (%7.7) ve HPV45 (%6)'dır. Normal sitolojili grupta HPV16 %18 oranla en yaygın tip olup bunu çalışma grubunda görülen benzer sırayla HPV31 (%13.5), HPV18 (%8.5), HPV 52 (%6) ve HPV45 (4.5%) izlemiştir. Anormal sitolojili grupta ise sırasıyla HPV16 (%40.6), HPV18 (%21.9), HPV52 (%18.7), HPV45 (%15.6) ve HPV56 (%12.5) tespit edilmiştir. HPV pozitif kadınların %59.3'ünde (54/91) ise çoklu HPV enfeksiyonu gözlenmiştir. Bu çalışmada normal servikal sitolojili kadınlarda onkojenik HPV prevalansı %33 oranla oldukça yüksek bulunmuş olup risk altındaki kadınların erken tanısı için bölgemizdeki popülasyonun servikal kanser taramasına katılımını artırmak önem taşır. Ayrıca çalışmamızda tespit edilen HPV tipleri günümüzde kullanılan aşı genotipleri ile uyumlu bulunmuştur.

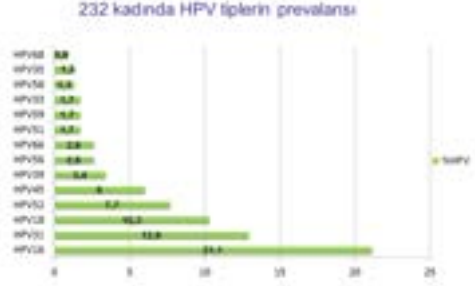
232 kadında HPV tiplerin prevalansı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Normal ve anormal sitolojili kadınlarda HPV prevalansının yaş gruplarına göre dağılımı

	Normal Sitoloji (200)		Anormal sitoloji (32)								Çalışma grubu (232)	
			ASC- US (20)		LSIL (8)		HSIL (3)		ASC -H (1)			
	Sayı	%	Sayı	%	Sayı	%	Sayı	%	Sayı	%	Sayı	%
9	1	0.5	-	-	1	3.1	1	3.1	-	-	3	1.3
9	16	8	4	12.5	3	9.3	-	-	-	-	23	9.9
9	31	15.5	6	18.8	-	-	1	3.1	1	3.1	39	16.8
5	18	9	4	12.5	3	9.3	1	3.1	-	-	26	11.2
m	66	33	14	43.8	7	21.8	3	9.3	1	3.1	91	39.2

Türkiyede ve Yurt dışında kadınlarda HPV prevalansı

Kadınlarda HPV Prevalansı			
Çalışmamız 2021-2022			
Adana (Hasta Sayısı:232) %39,2			
Türkiye'deki çalışmalar		Yurt dışındaki çalışmalar	
Bakır ve ark.	%35	Yamasaki ve ark.	%76,9

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



2021 İstanbul (72)		2007-2009 Japonya (539)	
Seneldir ve ark.		Wolday ve ark.	
2019 İstanbul (1252)	%34,7	2008-2009 Etiyopya (233)	%57,5
Aydoğan ve ark.		Kovacevic ve ark.	
2012-2016 Ankara (328)	%33,5	2016-2018 Sırbistan (1,495)	%45,4
Beyazit ve ark.		Mu-Mu-Shwe ve ark.	
2012- 2016 Çanakkale (201)	%33	2010-2011 Myanmar (1,771)	%41,4
Yöntem ve ark.		Cardel ve ark.	
2014 Tekirdağ (24)	%33	2013-2014 Karayipler (618)	%36,1
Şahiner ve ark.		Moga ve ark.	
2010-2012 Ankara (470)	%27,2	2012-2013 Romanya (1000)	%29
Schettino ve ark.		Zappacosta ve ark.	
2014-2015 Denizli (270)	%25	2006-2007 İtalya (364)	%29,6
Hasbek ve ark.		Boumba ve ark.	
2015-2017 Sivas (368)	%25	2015 Kongo (321)	%28,3

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yüce ve ark. 2012 Ankara (890)	%23	Ghaffari ve ark. 2005-2006 İran (134)	%28,3
Şahinerve ark. 2012 Ankara (356)	%20,7	Tsao ve ark. 2008 Tayvan (343)	%27,8
Özen ve ark. 2015-2016 Adana (1145)	%20	Tabrizi ve ark. 2005-2008 Avustralya (2557)	%26,5
Demirci ve ark. 2013-2017 İstanbul (2464)	%17	Ali ve ark. 2019 Suudi arabistan (2478)	%21
Aydemir ve ark. 2015- 2018 Sakarya (1068)	%13,2	Li ve ark. 2016-2017 Çin (10,953)	%19,9
Bayram ve ark. 2011 Gaziantep (520)	%10,1	Najioullah M. ve ark. 2009-2014 Fransa (1075)	%19,4

Bulduğumuz HPV pozitiflik oranına yakın ve yüksek mevcut çalışmalar

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Human papillomavirus, Genotipleme, real-time PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-111

SARS-Cov-2 Spike Protein Varyantlarının Farklı Kansere Türlerine Etkisinin Araştırılması

Hale Öksüz Üçkayabaşı¹, Ali Üçkayabaşı², Halil İbrahim Öksüz³, Mehmet Bertan Yılmaz¹

¹Çukurova Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Biyoloji Anabilim Dalı

²İstanbul Kent Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Çukurova Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Biyofizik Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Bütün dünyada yüksek morbidite ve mortaliteye sebep olan Yeni Koronavirüs Hastalığı (COVID-19) nedeniyle yaklaşık 7 milyon kişi hayatını kaybetmiştir. Farklı yaş gruplarındaki sağlıklı bireyler veya kanser gibi kronik bir hastalığı olanlar için, COVID-19 enfeksiyonu sonrası hücrelerdeki moleküler mekanizmaların anlaşılması büyük önem arz etmektedir. Yaptığımız çalışmada, kanser hücrelerinde orijinal Wuhan Spike (S) proteini ile Omicron varyantı S protein transfektlerinin etkilerinin araştırılması ve çeşitli kanserlerde moleküler mekanizmaların aydınlatılmasına yardımcı olunması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda sağlıklı kontrol olarak insan akciğer epitel hücre hattı (BEAS2B), kanser hücre hatları olarak ise insan akciğer adenokarsinom (A549), kolon kanseri (HCT116) ve farinks kanseri (FaDu) hücre hatları kullanıldı. Hücrelere Wuhan S ve Omicron varyantı S protein transfekti uygulaması sonrası sinyal dönüştürücü transkripsiyon 1 aktivatörü (STAT1) ve sinyal dönüştürücü transkripsiyon 3 aktivatörü (STAT3) kanser ilişkili genlerinin ifadeleri gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyon (RT-PCR) yöntemi ile incelendi.

Bulgular ve Sonuç: RT-PCR yöntemi ile gen ekspresyon sonuçları değerlendirildiğinde; STAT1 geninde BEAS2B hücre hattı için kontrole kıyasla Sp1 transfektinde 5,92 kat indüklenme, Sp12 transfektinde ise 7,1 kat gen ifadesinde baskılanma gözlemlendiği tespit edildi. A549 hücre hattı için ise kontrole kıyasla Sp1 transfektinde yaklaşık 2,7 kat, Sp12 transfektinde ise 2,1 kat gen ifadesinde baskılanma olduğu saptandı (Şekil 1). STAT3 geninde ise, BEAS2B hücre hattı için kontrole kıyasla Sp1 transfektinde yaklaşık 4,08 kat indüklenme, Sp12 transfektinde ise 3,44 kat gen ifadesinde baskılanma olduğu, FaDu hücre hattı için kontrole kıyasla Sp1 transfektinde 200 kat baskılanma, Sp12 transfektinde ise 1,16 kat gen ifadesinde indüklenme gözlemlendiği tespit edildi (Şekil 2). Sonuç olarak, Sp1 ve Sp12 transfektleri, çeşitli hücre hatlarında STAT1 ve STAT3 genlerinin ifadesini farklı şekillerde etkilemekte olup bu durum SARS-CoV-2 S protein varyantlarının hücreler üzerinde farklı etkiler gösterebildiğini ortaya koymaktadır. Ayrıca, aynı varyantın farklı kanser hücre hatlarında (A549, FaDu) farklı etkiler göstermesi, bu varyantların belirli hücresel mekanizmalara göre değişken sonuçlara neden olabileceğini destekler niteliktedir. Çalışmamız kanser hastalarının COVID-19 ile enfekte olması durumunda akciğer, farinks ve kolon kanserlerinin moleküler mekanizmasına ışık tuttuğu gibi, COVID-19 sonrası kanser hastalarının ilaç seçimine katkı sağlayabilme potansiyelindedir. Gelecekte çeşitli genlerin eklenerek araştırıldığı kapsamlı çalışmalar sayesinde, kanserde ilaç seçiminin sağlanabileceği kaanatindeyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

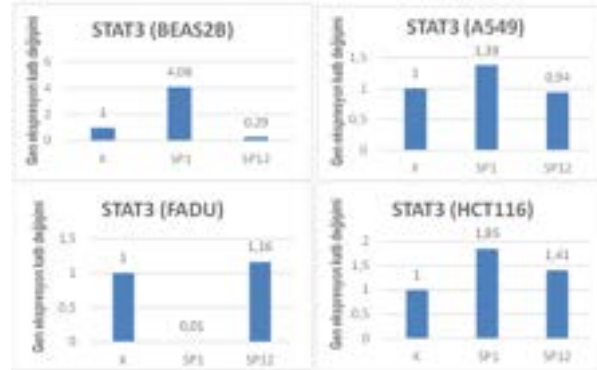
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Farklı hücre hatlarında STAT 1 gen ekspresyonlarının kontrol grubuyla karşılaştırılması



Şekil 2. Farklı hücre hatlarında STAT 3 gen ekspresyonlarının kontrol grubuyla karşılaştırılması



Anahtar Kelimeler: Gen ifadesi, kanser, SARS-CoV-2 spike proteini

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-112

Mersin Bölgesinde 2023-2024 Yıllarında Multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu ile Saptanan Solunum Yolu Enfeksiyonu Etkenlerinin Değerlendirilmesi

Aslıhan Bekci¹, Kenan Çevik², Taylan Bozok¹, Nuran Delialioğlu¹, Seda Tezcan Ülger¹, Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

²Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Biyoloji

Giriş ve Amaç: Solunum yolu enfeksiyonları (SYE) dünyada hastaneye yatışlarda önde gelen nedenlerden birini oluşturmaktadır. Etiyolojisi; yaş, çevresel koşullar, iklim gibi nedenlere göre değişiklikler gösterebilmektedir. Bu çalışmanın amacı; multipleks polimeraz zincir reaksiyonu (M-PZR) temelli sendromik panel kiti ile sık görülen bakteriyel/viral SYE etkenlerinin saptanması ve cinsiyet, yaş ve diğer demografik veriler ile ilişkisinin analiz edilmesidir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada Mersin Üniversitesi Hastanesi'ne Temmuz 2023-2024 tarihleri arasında akut solunum yolu enfeksiyonu semptomları ile başvuran hastalardan alınmış 1319 nazofaringeal sürüntü örneği M-PZR ile tetkik edildi. Hasta bilgilerine bilgi işlem sisteminden kayıtların incelenmesi sonucu ulaşıldı. Çalışmaya dahil edilen 1319 hastadan sadece 172 hastaya balgam kültürü ve mikroskopik incelemesi istendiği görülmüştür. M-PZR tetkiki Bosphore solunum patojenleri v8 panel kiti (24 etken) (Anatolia Geneworks, Türkiye) ile Real-Time PZR cihazında çalışıldı. Bu çalışmada; patojenlerin tür düzeyinde dağılımı, mikroskopi sonuçları ve demografik özellikler istatistiksel olarak analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen toplam 1319 hastanın 603'ü (%45,7) M-PZR ile pozitif saptandı. Pozitif saptanan hastaların 350'si (%58) erkek, 253'ü (%42) kadın olup; yaş ortalaması 16,4±22,0 yıl olarak saptandı. Hastaların 451'i (%74,8) çocuk, 152'si (%25,2) erişkin hasta idi. Hastaların 222'si (%36,8) ayaktan tedavi alırken, 381'i (%63,2) yatan hastaydı. Yatan hastaların 33'ü (%5,5) yoğun bakım hastası, 348'i (%57,7) servis hastası idi. En fazla bakteriyel etkenler tespit edildi ve en sık etken *Streptococcus pneumoniae* (%71), ikinci sıklıkta *Haemophilus influenza* (%14,3) idi. Virüsler ise %37,8 oranında saptanırken en sık tespit edilen virüs Rhinovirus (%9,3) olurken, ikinci sıklıkta Influenza A virüsü (%6,5) tespit edildi. Mevsimlere ve yaşa göre etken dağılımları Şekil 1 ve 2'de verilmiştir. Hastaların 431'inde (%71,5) tek patojen, 141'inde (%23,4) iki patojen, 31'inde (%5,1) üç patojen aynı örnekte tespit edildi. PZR pozitiflik oranlarında cinsiyete göre anlamlı bir farklılık görülmezken, yaş grubuna, başvuru şekline, yoğun bakıma yatışına ve mevsimlere göre anlamlı farklılıklar tespit edildi. Mikroskopide Gram negatif basil görülen örneklerde PZR ile bakteriyel patojen türü tespit etme oranının yüksek olduğu görüldü. Sonuç olarak bu çalışmada özellikle çocuk yaş grubundaki yüksek pozitiflik oranı dikkat çekicidir. *S.pneumoniae* ve *H.influenza* etkenleri literatürdeki diğer çalışmalarla da uyumlu şekilde en sık tespit edilen etkenler olmuştur. Ayrıca bu etkenlerin kolonizasyon olabileceğinin göz önünde bulundurulması gerekmektedir. Bu çalışmanın demografik farklılıkların SYE'ye etkilerinin değerlendirilmesi yönünden literatüre katkı sağlayacağı düşüncesindeyiz.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

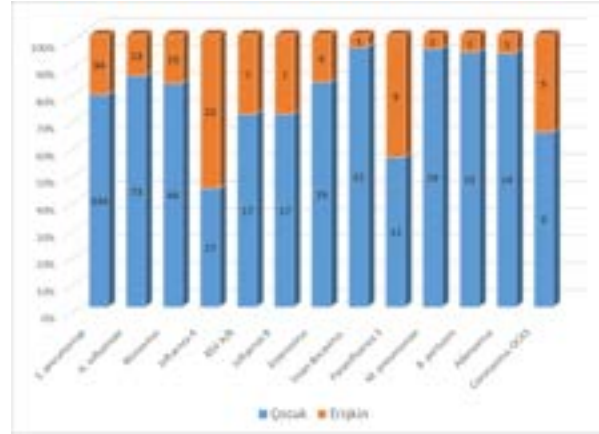
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Şekil 1.En sık görülen etkenlerin çocuk ve erişkin yaş gruplarına göre yüzde dağılımı



Şekil 2.Mevsimlere göre tespit edilen patojenlerin yüzde dağılımları



Tablo 1. Demografik özellikler ve mikroskopi sonuçlarına göre tespit edilen pozitiflik ve patojen tiplerinin oranları

Özellik (M-PZR=1319, Mikroskopi=172)		Pozitiflik		Patojen Türü					
				Bakteriyel Patojen		Viral Patojen		Çoklu Patojen	
		n(%)	p	n(%)	p	n(%)	p	n(%)	p
Cinsiyet	Kadın	253 (44,6)	0,488	200 (35,3)	0,186	97 (17,1)	0,882	66 (26,1)	0,260

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



	Erkek	350 (46,5)		292 (38,8)		131 (17,4)		106 (30,3)	
Yaş	Çocuk	451 (60,4)	<0,0005	386 (51,7)	<0,0005	163 (21,8)	<0,0005	144 (31,9)	0,001
	Erişkin	152 (26,6)		106 (18,5)		65 (11,4)		28 (18,4)	
Başvuru Şekli	Ayaktan	222 (57,2)	<0,0005	178 (45,9)	<0,0005	97 (25,0)	<0,0005	69 (31,1)	0,288
	Yatan	381 (40,9)		314 (33,7)		131 (14,1)		103 (27,0)	
Yoğun Bakıma Yatış	Var	33 (23,7)	<0,0005	23 (16,5)	<0,0005	14 (10,1)	0,017	7 (21,2)	0,339
	Yok	570 (48,3)		469 (39,7)		214 (18,1)		165 (28,9)	
Mevsim	İlkbahar	219 (55,6)	<0,0005	189 (48,0)	<0,0005	82 (20,8)	0,013	70 (32,0)	0,024
	Yaz	104 (47,5)		91 (41,6)		40 (18,3)		38 (36,5)	
	Sonbahar	77 (30,9)		57 (22,9)		27 (10,8)		20 (26,0)	
	Kış	203 (44,4)		155 (33,9)		79 (17,3)		44 (21,7)	
Mikroskopi*									
PNL varlığı (x100 her sahada)		20 (32,3)	0,489	12 (60,0)	0,465	9 (45,0)	0,907	4 (20,0)	0,430
Gram (+) kok görülen		49 (29,0)	1,000	33 (67,3)	0,340	21 (42,9)	0,440	13 (26,5)	1,000
Gram (-) basil görülen		16 (30,8)	0,722	13 (81,3)	0,118	5 (31,3)	0,213	6 (37,5)	0,301

*Eş zamanlı olarak aynı hastadan alınan balgam örneğinden çalışıldı.

Anahtar Kelimeler: Solunum yolu enfeksiyonu, Multipleks-PCR, Nazofaringeal sürüntü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-113

COVID-19 Hastalarında Bakteriyel, Fungal ve Viral Koenfeksiyonların Değerlendirilmesi

Ömür Mustafa Parkan, Sıtkı Özgür Altop, Pınar Sağıroğlu, Mustafa Altay Atalay, Ayşe Nedret Koç, Selma Gökahmetoğlu

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada, COVID-19 hastalarında bakteriyel, fungal ve viral koenfeksiyonların araştırılması amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Erciyes Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına Ocak 2021-Ocak 2024 tarihleri arasında gelen SARS-CoV-2 PCR testi pozitif bulunan hastalar değerlendirilmiştir. Çalışmada SARS-CoV-2 PCR pozitifliğinden ± 14 gün içerisinde hastanın kan, bronkoalveolar lavaj (BAL), endotrakeal aspirat (ETA), nazotrakeal aspirat (NTA), nazofaringeal sürüntü (NFS), beyin omurilik sıvısı (BOS), periton sıvısı ve dışkı örneklerinde multipleks PCR testi ile pozitiflik saptandığında ve/veya kültürde üreme olduğunda koenfeksiyon olarak kabul edildi. Retrospektif değerlendirme sırasında mevcut üremelerin klinik öneminin belirlenmesindeki güçlükler nedeniyle diğer örnek türleri çalışma dışı bırakılmıştır. İstatistiksel analizde ki kare testi kullanılmış ve $p<0.05$ anlamlı kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Belirtilen tarihler arasında toplam 3612 hastada SARS-CoV-2 PCR testi pozitif bulunmuş, 150 hastada (%4.2) koenfeksiyon saptanmıştır. Koenfekte hastaların ortalama yaşı 55.7 (yaş aralığı: 0-92), ortalama koenfeksiyon zamanı (ilk SARS-CoV-2 PCR pozitifliğine göre) 9.4 gün (en erken: -13; en geç: +130) olarak tespit edilmiştir. Hastaların 89'u (%59.3) erkek, 61'i (%40.7) kadındı. Hastaların 14'ü (%9.3) ayaktan, 59'u (%39.3) kliniklerde yatarak, 77'si (%51.4) yoğun bakım ünitelerinde (YBÜ) tedavi görmüştür. Koenfeksiyon saptanan hastalarda SARS-CoV-2 dışında toplam 263 mikroorganizma tespit edilmiştir. Tespit edilen mikroorganizmaların cinsi/türü ve örneklerle göre dağılımı Tablo 1 ve 2'de gösterilmiştir. Koenfeksiyon görülen COVID-19 hastaları arasında YBÜ'ye yatış oranı 46-64 yaş ile ≥ 65 yaş gruplarında anlamlı olarak daha yüksek görülmüştür ($p<0.05$). Yaş gruplarına göre koenfeksiyonlar değerlendirildiğinde SARS-CoV-2 enfeksiyonu ve gastroenterit birlikteliğinin 1 yaş altında anlamlı olarak daha yüksek oranda görüldüğü bulunmuştur ($p<0.05$). Özellikle YBÜ'de yatan 65 yaş üstü kadınlarda solunum yolu örneklerinde SARS-CoV-2'ye ek olarak en az iki farklı mikroorganizma saptanmıştır ($p<0.05$). Koenfeksiyon saptanan hastaların 59'u hayatını kaybetmiştir ve fatalite hızı %39.3 olarak belirlenmiştir. Bu hastaların 36'sında (%61) kan dolaşımı enfeksiyonu tespit edilmiştir. Tüm hastaların 133'ünde altta yatan en az bir kronik hastalık saptanmıştır. En sık olarak hipertansiyon ($n=52$), malignite ($n=48$) ve diabetes mellitus ($n=44$) görülmüştür. Kronik hastalık varlığı ile sağ kalım arasında istatistiksel olarak anlamlı bir ilişki bulunmamıştır ($p>0.05$). Sonuç olarak COVID-19 mortalitesinde koenfeksiyonların rolü bilinmektedir. Koenfeksiyonlarda sıklıkla Gram negatif bakteriler (en sık *Klebsiella* sp.), daha az sıklıkla mantarlar (en sık *Candida albicans*) ve virusların (en sık Rhinovirus/Enterovirus) rol alabileceği düşünülmeli ve koenfekte hastaların yönetimi buna göre düzenlenmelidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

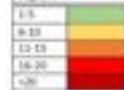


12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1: Koenfekte hastalarda tespit edilen bakteriyel, fungal ve viral mikroorganizmaların örneklere göre saptanma sayıları

	10-14	15-19	20-24	25-29	30-34	35-39	40-44	45-49	50-54	55-59	60-64	65-69	70-74	75-79	80-84	85-89	90-94	95-99	100-104	Toplam
Bakteriler (%21.1)	109	10	10	10	1	2														157
<i>Enterococcus</i> sp.	15	2	10	0																27
<i>Escherichia coli</i>	15	1	4				1													21
Diğer <i>Enterobacteriaceae</i> türleri	0	1	4	1																6
<i>Acinetobacter</i> sp.	10	1	10	0																21
<i>Pseudomonas</i> sp.	4	2	4	0																10
Diğer nonfermentatif bakteriler	11	0	0	0																11
<i>Bacteroides fragilis</i>	0																			0
<i>Enterococcus</i> sp.	10		0	1																11
<i>Bordetella pertussis</i>						1														1
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>			1																	1
<i>Moraxella catarrhalis</i>																				0
<i>Bacteroides fragilis</i>																				0
<i>Haemophilus influenzae</i>	10		0																	10
<i>Streptococcus pneumoniae</i>			0																	0
<i>Streptococcus pneumoniae</i>			0																	0
<i>Streptococcus pneumoniae</i>			0																	0
Mantarlar (%20.2)	0	10	10	0																20
<i>Candida albicans</i>	0	4	10	0																14
Diğer <i>Candida</i> türleri	0	0	0	0	1															1
Diğer maya türleri				1	1															2
<i>Pneumocystis jirovecii</i>			1																	1
<i>Aspergillus</i> spp.			0	1																1
Virüsler (%1.7)					10						0	0								20
<i>Adenovirus</i>					0															0
<i>Adenovirus</i>											0									0
<i>Bocavirus</i>					0															0
<i>Enterovirus</i>					0															0
<i>HSV 1</i>																0				0
<i>Human metapneumovirus</i>					0															0
<i>Morbillivirus</i>											0									0
<i>Human parainfluenzavirus</i>					0															0
<i>Rhinovirus/Coronavirus</i>					0															0
<i>RSV A/B</i>					0															0
<i>Rhinovirus</i>											0									0
<i>Rotavirus</i>											0									0
<i>SVV</i>												0								0
Toplam	109	20	10	10	17	2	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	157



Tablo2: Çalışma süresi boyunca en sık izole edilen bakteriyel patojenler ve SARS-CoV-2 ile koenfeksiyon sıklıkları

	KAR Toplam/Kasent. (%)	BAL Toplam/Kasent. (%)	ETK Toplam/Kasent. (%)	NTA Toplam/Kasent. (%)	TOPLAM Toplam/Kasent. (%)
<i>Klebsiella</i> sp.	2446/25 % 1	140/2 % 1.4	1015/15 % 2.4	168/3 % 3.3	3769/45 % 1.3
<i>Escherichia coli</i>	1846/13 % 0.7	78/1 % 1.2	212/4 % 1.8	34/0 % 0	2170/18 % 0.8
<i>Acinetobacter</i> sp.	1005/20 % 1.5	109/1 % 0.9	991/20 % 1	94/2 % 2.1	2299/29 % 1.3
<i>Pseudomonas</i> sp.	790/4 % 0.5	244/2 % 0.8	994/6 % 0.6	100/3 % 0	2128/15 % 0.7
<i>Enterococcus</i> sp.	1501/28 % 1.1	40/9 % 0	51/3 % 0.6	21/1 % 0.6	1613/22 % 1.3
<i>Haemophilus influenzae</i>	1256/12 % 0.9	90/9 % 0	195/5 % 2.5	31/0 % 0	1572/17 % 1.1
Toplam	8671/88 % 1	701/6 % 0.8	3466/43 % 2.2	442/9 % 2	13280/140 % 1

Anahtar Kelimeler: COVID-19, Koenfeksiyon

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-114

MIS-C Vakalarında Güçlü T Hücre Yanıtları Kontrol Edilemiyor

Muhammed Ali Kızmaz¹, Abdurrahman Şimşek¹, Tuğçe Bozkurt¹, Eren Çağan², Ferah Budak¹

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı, Bursa

²Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Bursa

Giriş ve Amaç: Multisistem enflamatuvar sendrom (MIS-C), şiddetli akut solunum sendromu koronavirüs-2 (SARS-CoV-2) enfeksiyonu sonrasında çocuklarda ateş, enflamasyon ve çoklu organ hasarıyla karakterizedir. SARS-CoV-2 ile enfekte olan çocuklarda hastalık genellikle hafif seyrederken, bazı hastalarda MIS-C gelişiminin nedenleri belirsizliğini korumaktadır. Çalışmamızda CD4+ T-helper (Th) hücreleri CD8+ (Tc) sitotoksik T-hücreleri, regülatör T-hücreleri (Treg) ve bellek T-hücre alt gruplarının MIS-C'deki potansiyel rollerinin ortaya çıkarılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 17 MIS-C, 17 pediatrik COVID-19 ve 17 sağlıklı kontrol çalışmaya alındı. Th ve Tc alt gruplarının analizi için periferik kan mononükleer hücreleri (PKMH) Ficoll ile dansite gradient yöntemiyle elde edildi. PKMH'lerin PMA/ionomisin uyarımından 4 saat sonra Brefeldin-A eklendi ve 6. saatin sonunda Akan Hücre Ölçer'de (AHÖ) 10 renkli MoAb paneliyle değerlendirildi. Treg ve bellek T-hücre alt gruplarının analizi için alınan kan örnekleri antikorlarla boyandı ve eritrositlerin parçalanmasının ardından AHÖ'de analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: MIS-C vakalarında diğer gruplara kıyasla Tc1 ve Tc2 hücrelerinde anlamlı bir azalma gözlemlendi. Bunun yanında, MIS-C vakalarında Th17 ve Tc17 hücreleri COVID-19 ve kontrole göre anlamlı olarak arttı ancak COVID-19 ile kontrol grubu arasında fark yoktu. İlginç bir şekilde, MIS-C grubunda Th17 ve Tc17 hücrelerinde önemli bir artış gözlemlendi, ancak Th22 ve Tc22 hücrelerinde gözlemlenmedi. Efektör bellek-1 (EM1) CD8+ T hücreleri, COVID-19 vakalarına kıyasla MIS-C'de anlamlı olarak artarken EM2 CD8+ T-hücreleri azaldı. EM4 CD8+ T-hücreleri ve EM4 DN T-hücreleri diğer gruplara kıyasla MIS-C vakalarında anlamlı bir artış gösterdi. MIS-C ve kontrol grubuna kıyasla COVID-19'da CD4+ T ve CD8+ T-hücrelerindeki tükenme belirteçlerinde (exhausted; PD1+) artış görüldü. İlginç bir şekilde MIS-C ve kontrol grubu arasında tükenmiş T-hücreleri açısından fark yoktu. CD25^{high}FoxP3+ Treg'lerin tüm gruplarda benzer seviyede olduğu görüldü. CD25^{high}CD127^{low}FoxP3+ Treg'lerin ve naif Treg'lerin (CD45RA⁺FoxP3^{low}) kontrole kıyasla hem MIS-C vakalarında hem de COVID-19 vakalarında anlamlı derecede azaldığı görüldü. Verilerimiz, MIS-C ve COVID-19'da Th ve Tc ekspresyon profilinde farklılıklar olduğunu göstermektedir. Özellikle Th17 ve Tc17'de gözlenen artışa rağmen Th22 ve Tc22'de anlamlı bir farklılığın olmaması, MIS-C'deki anahtar sitokinin IL-17A olduğunu gösterebilir. MIS-C vakalarında kostimülasyon molekülleri CD28 ekspresyon eden ve hızla aktive olabilen EM1 ve EM4 T-hücrelerinin arttığı görülmektedir. Bununla birlikte T-hücrelerinin tükenmeye gidişindeki düzensizlikler ve Treg hücrelerinin yetersizliği MIS-C'de uzun süreli aşırı enflamasyon ve çoklu organ hasarının immünolojik temellerini oluşturuyor olabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

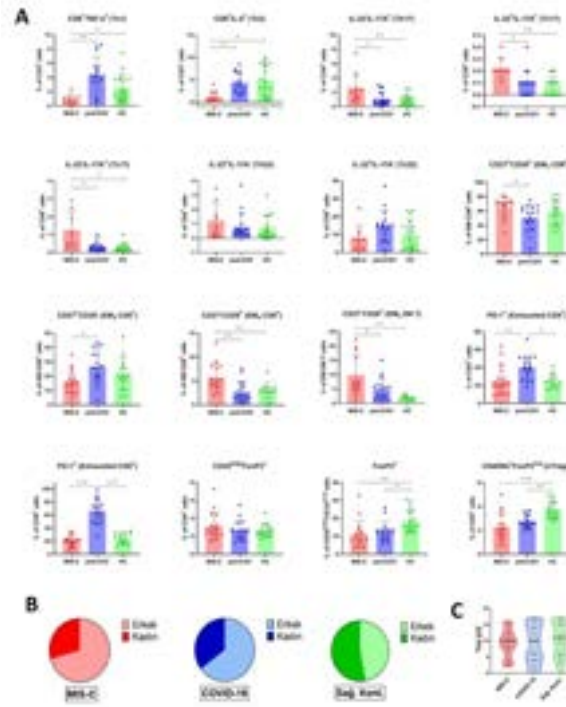
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



MIS-C ve pediatrik COVID-19 hastalarında T hücre alt gruplarının dağılımı



MIS-C ve pediatrik COVID-19 hastaları ile sağlıklı kontrollerde Akın hücre ölçer analizleriyle elde edilen sitotoksik T hücre ve Treg hücre alt gruplarına ait frekanslar gösterilmektedir (A). Gruplara ait cinsiyet dağılımları gösterilmektedir (B). Gruplara ait yaş dağılımları gösterilmektedir (C). Renkli sütunlar, her grup için ortalama değerleri temsil eder. *Anlamlılık derecesi ($p < 0.05$); ** Anlamlılık derecesi ($p < 0.01$); *** Anlamlılık derecesi ($p < 0.001$). Kısaltmalar: MIS-C: Multisistem enflamatuvar sendromlu çocuk hastalar; PED-COV: Pediatrik COVID-19 hastaları; HC: Sağlıklı kontroller.

Anahtar Kelimeler: treg, mis-c, t hücre

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-115

Çocukluk Çağında Hepatit E Virüsünün Seroprevalansının ve Hepatit A Aşı Cevabının Tespiti

Nurten Aksu¹, Altan Aksoy¹, Burcu Ceylan Cura Yayla², Medine Ayşin Taşar³

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara, Türkiye

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Kliniği, Ankara, Türkiye

³Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Kliniği, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Fekal-oral yol ile bulaşan hepatit E virüsü (HEV) ve hepatit A virüsü (HAV), özellikle kötü hijyen ve sanitasyon şartlarına sahip ülkelerde salgınlara neden olmaktadır. Ülkemizde hepatit A rutin aşı uygulaması, 2012 yılı sonunda iki doz olarak (18 ve 24. ayda) başlamıştır. Çalışmamızda, hepatit A aşısı sonrasında çocuklardaki aşı yanıtını ve bu yanıtın süresini belirlemek; HAV ve HEV'e karşı bağışık yanıtı sahip olan çocuk sayısını ve bu bağışıklığı etkileyen virüs maruziyetini kolaylaştırabilecek faktörleri tespit etmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya hastanemize başvuran, hepatit semptomları olmayan, 25 ay-10 yaş grubu Türk ve mülteci 200 çocuk prospektif olarak dahil edildi. Çalışmada anti-HAV IgG kemilüminesans mikropartikül immünolojik yöntem ve anti-HEV IgG enzim bağlı immünolojik yöntem ile değerlendirildi. Hastaların demografik özellikleri, sosyoekonomik durumları, içme suyu kullanımları, immünsüpresif hastalık varlığı/ilaç kullanımı ve hayvan temas öyküsü anket ile sorgulandı. Hepatit A aşılama durumuna, aşı kartlarından bakıldı. Değişkenler arası ilişkiler için korelasyon katsayıları ve istatistiksel anlamlılıklar hesaplandı, $p < 0.05$ anlamlı kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda yer alan çocukların 109'u Türk iken, 91'i mülteci idi. Çalışmaya alınan çocukların uyruk, cinsiyet ve yaş grubuna göre dağılımları tabloda gösterilmiştir. Çocukların 73(%37)'ünün içme suyu olarak musluk suyu kullandığı, 12(%6)'sinin evinde fare sorunu olduğu, 33(%16,5)'ünün evinde hayvan beslediği tespit edilmekle birlikte bu çocukların anti-HEV IgG titreleri negatif bulundu. Çalışmamızda yalnızca üç çocukta(%1,5) anti-HEV IgG pozitifliği tespit edildi. Çalışmamızda anti-HAV IgG 179(%89,5) çocukta pozitif, 21(%10,5) çocukta negatif saptandı. Anti-HAV IgG negatifliği ile uyruk arasında anlamlı fark vardı($p < 0.001$). Anti-HAV IgG negatif olan 21 çocuğun 19'u mülteci, ikisi Türk idi. Anti-HAV IgG negatif olan bu iki Türk çocuk kardeşti ve ailesi aşı karşıtı idi. Hepatit A için aşılama yapılmayan 28 çocuğun 18'inin anti-HAV IgG'si negatif, 10'unun anti-HAV IgG'si pozitif. Anti-HAV IgG pozitif olan bu 10 çocuk mülteciydi. Her iki grupta iki doz aşı olmuş çocukların yaşı ile anti-HAV IgG titreleri arasında negatif ve anlamlı bir ilişki bulunmuştur(rspearman: -0.433, $p < 0.001$). Sonuç olarak, Türk ve mülteci çocuklarda anti-HEV IgG pozitifliğinin düşük bulunmuş olması, bu çocuklarda sanitasyon ve hijyen koşullarının görece iyi olduğunu düşündürmüştür. Ayrıca çocukların 10 yaşına kadar anti-HAV IgG titresinin azaldığını, ancak

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



seropozitifliğin hala devam ettiğini göstersek de, koruyuculukla ilgili kesin sonuçlara varabilmek için daha ayrıntılı çalışmalara ihtiyaç vardır.

Çocukların uyruk, cinsiyet ve yaş grubuna göre dağılımları

Yaş Grubu	Uyruk	Cinsiyet	Sayı (%)	Toplam (%)
25 ay-4 yaş	Trk	Erkek	9 (%20)	23 (%53)
		Kız	14 (%33)	
	Mlteci	Erkek	12 (%27)	21 (%47)
		Kız	9 (%20)	
5-6 yaş	Trk	Erkek	14 (%26)	33 (%61)
		Kız	19 (%35)	
	Mlteci	Erkek	13 (%24)	21 (%39)
		Kız	8 (%15)	
7-8 yaş	Trk	Erkek	19 (%34)	30 (%54)
		Kız	11 (%20)	
	Mlteci	Erkek	13 (%24)	25 (%46)
		Kız	12 (%22)	
9-10 yaş	Trk	Erkek	11 (%23)	23 (%49)
		Kız	12 (%26)	
	Mlteci	Erkek	10 (%21)	24 (%51)
		Kız	14 (%30)	

Anahtar Kelimeler: hepatit A virs, hepatit E virs, seroprevalans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-116

COVID-19'da Regülatör ve Atipik B Hücreleri

Abdurrahman Şimşek¹, Muhammed Ali Kızmaz¹, Eren Çağan², Tuğçe Bozkurt¹, Gülçin Tezcan³, Ali Asan⁴, S.Haldun Bal¹, Diğdem Yöyen-Ermiş¹, Dane Ediger⁵, Emel Yılmaz⁶, H.Barbaros Oral¹, Emin Halis Akalın⁶, Ferah Budak¹

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Ana Bilim Dalı, Bursa

²Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Ana Bilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Bursa

³Bursa Uludağ Üniversitesi Diş Hekimliği Fakültesi, Temel Bilimler Ana Bilim Dalı, Bursa

⁴Bursa Şevket Yılmaz Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Enfeksiyon Hastalıkları Ana Bilim Dalı

⁵Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Göğüs Hastalıkları Ana Bilim Dalı, Bursa

⁶Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı, Bursa

Giriş ve Amaç: SARS-CoV-2'e karşı immün yanıtlar hakkında bilgimiz gün geçtikçe artmasına rağmen B-hücrelerinin bu savunmadaki rollerine dair birçok bilinmeyen bulunmaktadır. Bazı hastalıklarda önemli bir belirteç olabileceği bildirilen regülatör-B (Breg) hücreleri, immün toleransı destekleyen, patolojik immün cevapları baskılayan immünsüpresif hücrelerdir. Patojenlere karşı daha zayıf antikor yanıtıyla ilişkili B-hücre bitkinliğinin de birçok enfeksiyonla ilişkili olduğu bildirilmiştir. Bu çalışmada, yetişkin ve çocuk COVID-19 vakalarında, B-hücre alt gruplarının rolünün değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 55-çocuk ve 53-yetişkin COVID-19 vakası ile 14-çocuk ve 11-sağlıklı kontrol çalışmaya alındı. Periferik kan örneklerinden 10-renkli MoAb paneliyle akan hücre ölçer değerlendirilmesi yapıldı. 25 çocuk hasta iyileşme sonrası takip edildi.

Bulgular ve Sonuç: Yetişkin vakalarda, CD24^{high}CD38⁻ memory-B hücrelerinde ağır COVID-19 vakalarda anlamlı derecede azalma gözlemlendi. CD24⁻CD38⁺ plazmablast-hücreleri ise ağır vakalarda yüksek bulundu. IgM⁺ CD27⁻ naif-B hücreleri de benzer şekilde ağır vakalarda artmış bulundu. IL-10 eksprese eden CD24^{high}CD38^{high} ve CD24^{high}CD27⁺ Bregler, COVID-19 hasta gruplarında azalmış bulundu, en şiddetli azalma ağır vakalarda gözlemlendi. Akut ve kronik enfeksiyonlarla ilişkilendirilen CD21⁻CD27⁻ atipik-B hücreleri ve bitkin CD21⁺ B hücreleri COVID-19 gruplarında sağlıklı kontrole göre artmış bulundu. Çocuk vakalarda, memory-B hücre alt gruplarının azalmış olduğu ve naif B hücrelerinin artmış olduğu gözlemlendi. İlginç şekilde CD38⁺ Breg'ler, yetişkinlerden farklı olarak hastalık durumunda artmış bulundu. İyileşme sonrası takip edilen çocuk hastalarda, memory-B hücrelerinin artışı ve naif-B hücrelerinin azaldığı gözlemlenmiştir. Breglerde ise, CD38-bağımlı Breg'lerin iyileşme sonrası azaldığı, CD24-bağımlı Breg'lerin ise arttığı gözlemlenmiştir. Yetişkin ve çocuk COVID-19 vakalarında memory ve naif B-hücrelerin benzer profilde seyrettiği gözlemlenmiştir. Th1/Th17'i baskıladığı bilinen IL-10 bağımlı Breg'lerin, asemptomatik yetişkin ve çocuk vakalarda bile azalmış/azalma eğiliminde olduğunun gözlenmesi hastalığın ilerleyişinde etkili bir

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

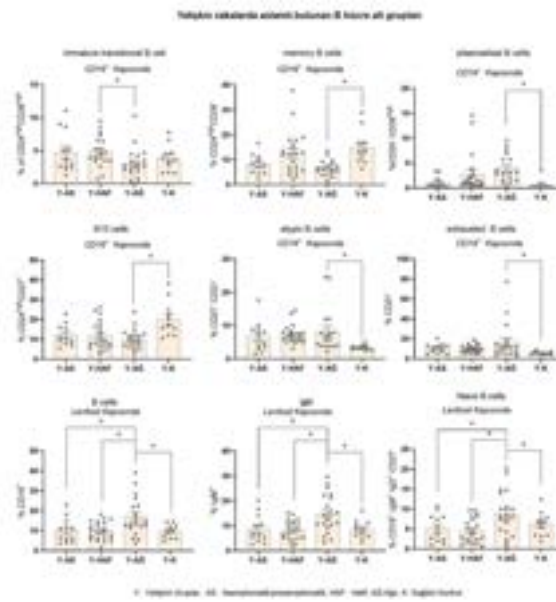
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



faktör olabilir. Yetişkinlerde ve çocuklarda B10 hücreleri enfeksiyon lehine değişiklik göstermektedir. İmmature/Transient B hücreleri ise çocuklarda koruyucu etkiler gösterebilir. Atipik B hücreleri, SARS-CoV-2'de önemli bir belirteç adayı olarak görünmektedir. Tükenmiş B hücreleri, yetişkinlerde daha etkin görünmektedir. Bu durum, yetişkinlerde hastalığın daha ağır seyretmesinde önemli olabilir.

Yetişkin vakalarda B hücre Alt Grupları



Çocuk Vakalarda B hücre Alt Grupları

13-17 Kasım
2024

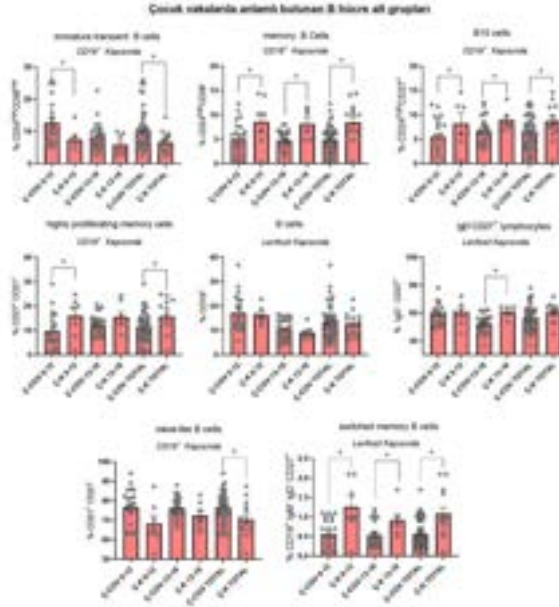
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Takip Edilen Çocuk Vakalarında B hücre Alt Grupları

13-17 Kasım
2024

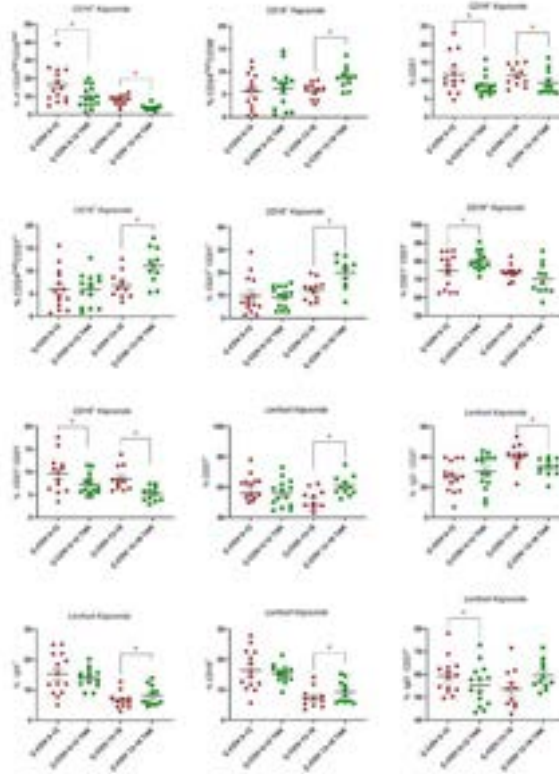
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



0: Çiçek Örneği, 1: Çiçek Örneği, 2: Çiçek Örneği, 3: Çiçek Örneği, 4: Çiçek Örneği, 5: Çiçek Örneği, 6: Çiçek Örneği, 7: Çiçek Örneği, 8: Çiçek Örneği, 9: Çiçek Örneği, 10: Çiçek Örneği, 11: Çiçek Örneği, 12: Çiçek Örneği

Anahtar Kelimeler: Breg, MIS-C, Atipik-B

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-117

Pedriatrik Hastalarda SARS-CoV-2 / FLU / RSV Solunum Yolu PCR Tarama Yaklaşımının Hasta Yönetimine ve Test Maliyetlerine Etkisi

Sultan Gülbahçe Orhan¹, Ayşe Esra Karakoç², Burcu Ceylan Cura Yayla², Medine Ayşin Taşar²

¹Manisa Şehir Hastanesi

²SBÜ Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Akut solunum yolu enfeksiyonlarının(Acute Respiratory Infections,ARI) çocuk ölümlerinin önde gelen sebeplerinden olması,erken müdahalenin önemini arttırmaktadır.Etiyolojide virüsler baskın olmakla birlikte,yalnız klinik bulgulara dayanarak bakteriyel enfeksiyonlar dışlanamadığı için antibiyotik kullanım sıklığı yüksektir.Mikrobiyolojik tanı testlerinin klinik karar verme süreçlerine etkili olabilmesi için etkenin hızlı tanımlanması önemlidir.Laboratuvarların duyarlı,ölgül ve hızlı bir yöntemin maliyet-etkin bir şekilde kullanılabilmesine yönelik algoritmaları oluşturması gerekir.Araştırmamızda ARI tanılı çocuklarda SARS-CoV-2/Flu/RSV Rt-PCR panelinin algoritmaya tarama testi olarak dahil edilmesinin,klinik yönetime ve test maliyetlerine etkisinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Araştırma Sezon 1 ve Sezon 2 hasta gruplarında gerçekleştirildi.Sezon 1'e Aralık 2021–Şubat 2022 tarihleri arasında SBÜ Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi Çocuk Acil Kliniği'ne ARI semptomlarıyla başvuran,rutin solunum yolu multipleks Rt-PCR testiyle(Bosphore Solunum Panel Kiti v1,Anatolia,Türkiye)(Şekil 1) sonuç verilen 256 hasta retrospektif olarak dahil edildi(Şekil 2).Sezon 2'ye,Aralık 2022–Şubat 2023 tarihleri arasında aynı kliniğe ARI semptomlarıyla başvuran 267 hasta prospektif olarak dahil edildi.Bosphore Örneklem ve Viral RNA İzolasyon Kiti'yle(Anatolia,Türkiye) alınan solunum yolu sürüntü örneklerinde,Bosphore SARS-CoV-2/Flu/RSV Rt-PCR Panel Kit v1(Anatolia,Türkiye)'le SARS-CoV-2,İnfluenza ve RSV varlığı araştırıldı.Test tarama paneli olarak kullanıldı ve klinisyene kritik sonuç bildirimi yapıldı(Şekil 3).İki sezon,ek tetkikler;antibiyotik tedavi süreleri;sonuca göre antibiyotik tedavisini sonlandırma durumu;nöraminidaz inhibitörlerinin uygun kullanımı açısından karşılaştırılarak,uygulanan algoritmanın klinik yönetime etkisi değerlendirildi ve birim test maliyetleri karşılaştırıldı.

Şekil 1: Rutin Solunum Yolu Paneli içeriği

Influenza A, Influenza B, pandemik H3N2 influenza A, mevsimsel H3N2 influenza A,
parainfluenza 1-4, metapneumovirus, enterovirus, RSV A/B, bocavirus, rhinovirus, koronavirus 229E,
Klebsiella pneumoniae, Salmonella enterica, Mycoplasma pneumoniae

Şekil 2: Sezon 1 Hastalarında İş Akışı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

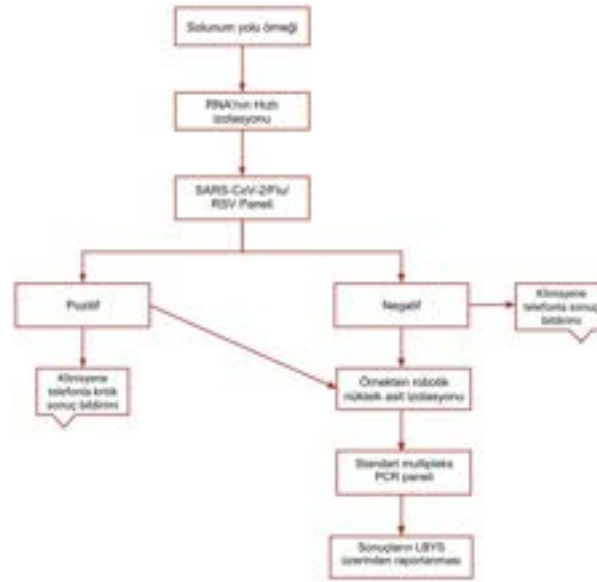
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 3: Sezon 2 Hastalarında İş Akışı



Bulgular ve Sonuç: Tarama paneli hastaların %61'inde pozitif bildirildi. Sezon 2'de üç virüs açısından test sonuçlandırma süresi 20 saat kısaldı. Tarama panelinde Hastaların %45'ine test sonucu acil servisteki izlemleri esnasında bildirildi. Tarama paneli negatif sonuçlanan hastaların %48'inde, rutin solunum yolu PCR panelinde en az bir virüs için pozitiflik saptandı. Pozitif sonuç bildirilen hastalarda, kan ve idrar kültürü istem sayıları; ampirik antibiyotik kullanım sıklığı ve süresi bir önceki sezona göre anlamlı ölçüde azaldı. Ampirik antibiyotik tedavilerinin sonlandırılma oranı anlamlı olarak arttı (Tablo 1). İnfluenza pozitif hastalarda antiviral başlanma sıklığı artarken, antiviralin ilk dozunu almaya kadar geçen ortalama süre 29 saat kısaldı (Tablo 2 ve 3). Tarama algoritmasıyla birim test maliyetinde 12\$ tasarruf sağlandı. Birim test bazında maliyet-etkin olabilmesi için, bu algoritmanın üç virüsün toplam prevalansının %19,04'ün üzerinde olduğu dönemlerde uygulanmasının uygun olacağı yorumu yapıldı. Antibiyotik direncinin giderek yaygınlaşmasıyla, mikrobiyolojik tanıya hızlı ulaşılması önem kazanmıştır. Yüksek maliyetli sendromik testlerin gündemde olduğu günümüzde, nispeten hızlı sonuç alınabilen ve düşük maliyetli bir yöntem olarak; RSV, İnfluenza ve SARS-CoV-2'yi hedefleyecek şekilde kapsamı daraltılmış Rt-PCR testleri, tarama basamağı olarak kullanılabilir.

Tablo 1: Sezon 1 ve Sezon 2'de Ampirik Antibiyotik Tedavisi Uygulanma Durumu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Değişkenler	Sezon 1 Ort ± SS		Sezon 2 Ort ± SS		p değeri
	Ortanca (Min-Maks)		Ortanca (Min-Maks)		
	n	%	n	%	
Tüm Hastalarda					
Antibiyotik kullanım süresi (gün)*	6,31±2,31		5,38±2,55		0,008
	6 (1-13)		5 (1-12)		
	n	%	n	%	
Ampirik antibiyotik tedavisi alanlar	125	48,8	103	38,6	0,018
IV tedavi	119	46,5	90	33,7	
Ayaktan reçete	6	2,3	13	4,9	
Sonuç bildirimiyle antibiyotik tedavisi sonlandırılanlar*	6	5,0	11	12,0	0,067
SARS-CoV-2/Flu/RSV'den en az biri açısından pozitiflik saptanan hastalarda					
Antibiyotik kullanım süresi (gün)*	6,62±2,32		5,38±2,77		0,005
	7 (1-13)		5 (1-12)		
	n	%	n	%	
Ampirik antibiyotik tedavisi alanlar	83	56,8	65	39,9	0,003
IV tedavi	79	95,2	59	90,8	
Ayaktan reçete	4	4,8	6	9,2	
Sonuç bildirimiyle antibiyotik tedavisi sonlandırılanlar*	4	5,1	9	15,3	0,043

*Yalnız IV tedavi verileri dahil edilmiştir

Tablo 2. Sezon 1 ve Sezon 2'de İnfluenza Pozitif Hastalara Nöraminidaz İnhibitörü Tedavisi Uygulanma Durumu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



	Sezon 1 (n=28) Ort ± SS Ortanca (Min-Maks)		Sezon 2 (n=43) Ort ± SS Ortanca (Min-Maks)		p değeri
Tedavi başlanmasına kadar geçen ortalama süre* (saat)	47,20 ± 36,11 37,11 (3,38–140,05)		18,31 ± 8,11 20,10 (5,97–36,93)		<0,001
	n	%	n	%	
Sonucu takiben nöraminidaz inhibitörü tedavisi başlanan hastalar	13	46,4	27	62,8	0,174
İlk 48 saat içinde tedavi başlanan hastalar	5	38,4	27	100	<0,001
Sonucu raporlanmadan taburcu olan hastalar	12	42,8	11	25,5	0,128
*: Acil servis başvurusundan nöraminidaz inhibitörünün ilk dozunun uygulanmasına kadar geçen süre					

Tablo 3. Ampirik Nöraminidaz İnhibitörü Tedavisi Başlanan Hastalar

	Sezon 1 (n=30)		Sezon 2 (n=17)	
	n	%	n	%
İnfluenza pozitif	3	10	5	29,4
İnfluenza negatif	27	90	12	70,6
Sonuçla beraber antiviral tedavinin sonlandırıldığı hastalar	0	0	6	50

Anahtar Kelimeler: Multipleks PCR, Algoritma, Akılcı antibiyotik kullanımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-118

Multipleks PCR ve RT-PCR Yöntemleriyle SARS Cov-2 RNA Varlığının Araştırılması

Ömür Mustafa Parkan, Ayşe Yüceil Karabulut, Selma Gökahmetoğlu

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Kayseri, Türkiye

Giriş ve Amaç: Pandemiye sebep olarak tüm dünyayı etkileyen SARS CoV-2 enfeksiyonu, günümüzde mortalitesi azalmasına rağmen alt ve üst solunum yolu enfeksiyon etkeni olarak önemini korumaktadır. Rutinde kullanılmakta olan multipleks PCR yöntemiyle çalışılan Solunum Yolu Etken Paneli (SYEP) testine pandemi döneminde SARS CoV-2 eklenmiştir. Bu çalışmada SARS CoV-2'nin tespit edilmesinde multipleks PCR testi (SYEP) ve Real-Time PCR (RT-PCR) testinin sonuçlarının karşılaştırılması amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Mart 2023-Haziran 2024 tarihleri arasında Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı Viroloji Laboratuvarı'na gönderilen toplam 259 nazofarengeal sürüntü örneği (NFS) dahil edilmiştir. Örnekler öncelikle multiplex PCR QIAstat-Dx® Respiratory SARS-CoV-2 Panel (QIAGEN, Almanya) testi ile çalışıldı. Bu panel testinde multipleks PCR yöntemiyle 3 bakteri ve 19 virüs olmak üzere toplam 22 patojen test edilmektedir. Ayrıca örneklerde SARS CoV-2 RNA varlığı Bio-Speedy® SARS CoV-2 Double Gene RT-qPCR kiti (BİOEKSEN, Türkiye) ile araştırıldı. İstatistiksel olarak iki test arasındaki uyum Cohens's Kappa kat sayısı ile değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 259 örneğin 174 (% 67)'ü her iki yöntemle pozitif, 60 (% 23)'ı negatif bulundu. SYEP ile pozitif bulunan 25 örnek RT-PCR yöntemi ile negatif saptandı (Tablo 1). İki testte elde edilen sonuçlar arasında istatistiksel açıdan iyi bir uyum olduğu (Kappa kat sayısı: 0,763) görüldü. SYEP ile pozitif RT-PCR ile negatif bulunun örneklerin CT değerlerinin ortalamasının 33,2 olduğu bulundu. RT-PCR testi için duyarlılık %87, özgüllük %100, PPD %100 ve NPD %70,5 olarak bulunmuştur. Sonuç olarak SYEP ve RT-PCR testlerinin sonuçları arasında istatistiksel açıdan iyi bir uyum olduğu görülmektedir. Ayrıca uyumsuz örneklerin CT değerlerinin oldukça yüksek olduğu dikkati çekmektedir.

SYEP ve Panel ve RT- PCR sonuçlarının değerlendirilmesi

			SYEP	
		Pozitif	Negatif	Toplam
	Pozitif	174 (% 67)	0 (% 0)	174
RT-PCR	Negatif	25 (% 9)	60 (% 23)	85
	Toplam	199	60	259

Anahtar Kelimeler: SARS CoV-2, Solunum Yolu Etken Paneli, RT-PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-119

Kolistin Direncinin Saptanmasında Vitek2 XN-21 Kart, Modifiye Disk Elüsyon ve E-Test Sonuçlarının Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi İle Karşılaştırılması

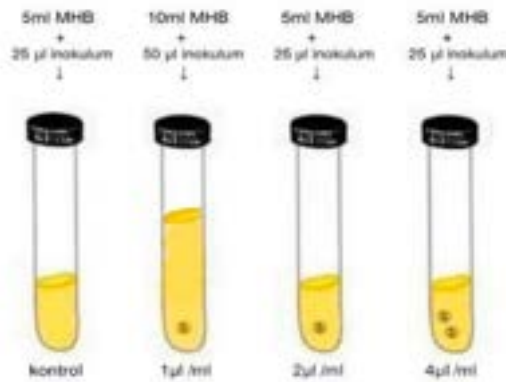
Pınar Sağıroğlu, Aynur Türkan, Ayşe Yüceil Karabulut, Sümeyye Zengin, Fatma Mutlu Sarıgözel, Mustafa Altay Atalay

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli Gram negatif bakterilerin neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde son seçenek olarak kolistine başvurulmaktadır. Bu çalışmada kolistin duyarlılığının saptanmasında Vitek2 XN-21 kartı (Biomeriux, Fransa), modifiye disk elüsyon (MDE) testi ve gradient strip test (E-Test, Biomeriux, Fransa) sonuçlarının sıvı mikrodilüsyon (BMD) yöntemi ile karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Merkez Laboratuvarı Bakteriyoloji birimine gönderilen çeşitli klinik örneklerden izole edilen 39 *K.pneumoniae* ve 11 *P.aeruginosa* izolatu dahil edilmiştir. İzolatların kolistin duyarlılığı BMD yöntemi, Vitek2 AST XN-21, E-test ve MDE yöntemleri ile eş zamanlı olarak test edilmiştir. MDE yönteminin prensibi Resim-1 'de şematize edilmiştir. Her bir test ikişer kez tekrarlanmıştır. *E.coli* ATCC 25922, *P.aeruginosa* ATCC 27853 negatif kalite kontrol ve *E.coli* NCTC 13846 pozitif kalite kontrol izolatu olarak kullanılmıştır. Değerlendirmelerde EUCAST klinik sınır değer tablolarından yararlanılmıştır. BMD yöntemi kolistin duyarlılığının saptanmasında altın standart kabul edilmiştir.

modifiye disk elüsyon



Resim-1 Modifiye disk elüsyon çalışma prensibi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: BMD yöntemi ile 50 izolatin 20'si (%40) kolistin dirençli saptanmıştır. Yapılan değerlendirmelerde 12 izolatin (kolistin MİK'i klinik sınır değerden ± 1 dilüsyon farklı) değerlendirilen testler için zorlayıcı izolat olduğu tespit edilmiştir (Şekil-2). Tüm izolatlar değerlendirildiğinde XN-21 kartı için kategorik uyum (KU) oranı %80, büyük hata (BH) oranı %30, çok büyük hata (ÇBH) oranı %5 olarak saptanmıştır. MDE yöntemi için KU oranı %90, BH oranı %16.6 bulunurken, ÇBH tespit edilmemiştir. E-test için KU oranı %82, BH oranı %13.3, ÇBH oranı %25 olarak bulunmuştur. Zorlayıcı izolatlar dışlandığında sırasıyla XN21, MDE ve E-Test için kategorik uyum 84.3, 97.4 ve 81.6 bulunmuş, BH oranları da 23.8, 4.8 ve 14.2 olmuştur (Resim-3). BMD yöntemi ile karşılaştırıldığında XN-21 kart ve E-Test yöntemlerinin %90'nın altındaki KU oranı ve yüksek ÇBH, BH oranları ile kolistin duyarlılığının belirlenmesinde rutin laboratuvarlarda kullanımının uygun olmadığı belirlenmiştir. Çalışma sonuçları maliyeti ve sarf miktarını düşürmek için (Katyon ayarlı Mueller Hinton broth ve kolistin disk sayısının azaltıldığı) tasarlanan modifiye disk elüsyon testinin %90 KU oranlarıyla sıvı mikrodilüsyon yöntemine alternatif bir seçenek olabileceğini düşündürmektedir. Buna karşın MDE testinin sonuçlarının özellikle zorlayıcı kökenlerde (1 ve 2 $\mu\text{g/ml}$ MİK değerlerinde) standart yöntem olan BMD ile doğrulması gerektiği sonucuna varılmıştır.

izolatlar

13-17 Kasım 2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK MİKROBİYOLOJİ KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



KODU	AD	YERİ	YERİ	YERİ	YERİ
01	01	01	01	01	01
02	02	02	02	02	02
03	03	03	03	03	03
04	04	04	04	04	04
05	05	05	05	05	05
06	06	06	06	06	06
07	07	07	07	07	07
08	08	08	08	08	08
09	09	09	09	09	09
10	10	10	10	10	10
11	11	11	11	11	11
12	12	12	12	12	12
13	13	13	13	13	13
14	14	14	14	14	14
15	15	15	15	15	15
16	16	16	16	16	16
17	17	17	17	17	17
18	18	18	18	18	18
19	19	19	19	19	19
20	20	20	20	20	20
21	21	21	21	21	21
22	22	22	22	22	22
23	23	23	23	23	23
24	24	24	24	24	24
25	25	25	25	25	25
26	26	26	26	26	26
27	27	27	27	27	27
28	28	28	28	28	28
29	29	29	29	29	29
30	30	30	30	30	30
31	31	31	31	31	31
32	32	32	32	32	32
33	33	33	33	33	33
34	34	34	34	34	34
35	35	35	35	35	35
36	36	36	36	36	36
37	37	37	37	37	37
38	38	38	38	38	38
39	39	39	39	39	39
40	40	40	40	40	40
41	41	41	41	41	41
42	42	42	42	42	42
43	43	43	43	43	43
44	44	44	44	44	44
45	45	45	45	45	45
46	46	46	46	46	46
47	47	47	47	47	47
48	48	48	48	48	48
49	49	49	49	49	49
50	50	50	50	50	50
51	51	51	51	51	51
52	52	52	52	52	52
53	53	53	53	53	53
54	54	54	54	54	54
55	55	55	55	55	55
56	56	56	56	56	56
57	57	57	57	57	57
58	58	58	58	58	58
59	59	59	59	59	59
60	60	60	60	60	60
61	61	61	61	61	61
62	62	62	62	62	62
63	63	63	63	63	63
64	64	64	64	64	64
65	65	65	65	65	65
66	66	66	66	66	66
67	67	67	67	67	67
68	68	68	68	68	68
69	69	69	69	69	69
70	70	70	70	70	70
71	71	71	71	71	71
72	72	72	72	72	72
73	73	73	73	73	73
74	74	74	74	74	74
75	75	75	75	75	75
76	76	76	76	76	76
77	77	77	77	77	77
78	78	78	78	78	78
79	79	79	79	79	79
80	80	80	80	80	80
81	81	81	81	81	81
82	82	82	82	82	82
83	83	83	83	83	83
84	84	84	84	84	84
85	85	85	85	85	85
86	86	86	86	86	86
87	87	87	87	87	87
88	88	88	88	88	88
89	89	89	89	89	89
90	90	90	90	90	90
91	91	91	91	91	91
92	92	92	92	92	92
93	93	93	93	93	93
94	94	94	94	94	94
95	95	95	95	95	95
96	96	96	96	96	96
97	97	97	97	97	97
98	98	98	98	98	98
99	99	99	99	99	99
100	100	100	100	100	100

Page 1

sonuçlar

YERİ	KODU	YERİ	YERİ	YERİ	YERİ
01	01	01	01	01	01
02	02	02	02	02	02
03	03	03	03	03	03
04	04	04	04	04	04
05	05	05	05	05	05
06	06	06	06	06	06
07	07	07	07	07	07
08	08	08	08	08	08
09	09	09	09	09	09
10	10	10	10	10	10
11	11	11	11	11	11
12	12	12	12	12	12
13	13	13	13	13	13
14	14	14	14	14	14
15	15	15	15	15	15
16	16	16	16	16	16
17	17	17	17	17	17
18	18	18	18	18	18
19	19	19	19	19	19
20	20	20	20	20	20
21	21	21	21	21	21
22	22	22	22	22	22
23	23	23	23	23	23
24	24	24	24	24	24
25	25	25	25	25	25
26	26	26	26	26	26
27	27	27	27	27	27
28	28	28	28	28	28
29	29	29	29	29	29
30	30	30	30	30	30
31	31	31	31	31	31
32	32	32	32	32	32
33	33	33	33	33	33
34	34	34	34	34	34
35	35	35	35	35	35
36	36	36	36	36	36
37	37	37	37	37	37
38	38	38	38	38	38
39	39	39	39	39	39
40	40	40	40	40	40
41	41	41	41	41	41
42	42	42	42	42	42
43	43	43	43	43	43
44	44	44	44	44	44
45	45	45	45	45	45
46	46	46	46	46	46
47	47	47	47	47	47
48	48	48	48	48	48
49	49	49	49	49	49
50	50	50	50	50	50
51	51	51	51	51	51
52	52	52	52	52	52
53	53	53	53	53	53
54	54	54	54	54	54
55	55	55	55	55	55
56	56	56	56	56	56
57	57	57	57	57	57
58	58	58	58	58	58
59	59	59	59	59	59
60	60	60	60	60	60
61	61	61	61	61	61
62	62	62	62	62	62
63	63	63	63	63	63
64	64	64	64	64	64
65	65	65	65	65	65
66	66	66	66	66	66
67	67	67	67	67	67
68	68	68	68	68	68
69	69	69	69	69	69
70	70	70	70	70	70
71	71	71	71	71	71
72	72	72	72	72	72
73	73	73	73	73	73
74	74	74	74	74	74
75	75	75	75	75	75
76	76	76	76	76	76
77	77	77	77	77	77
78	78	78	78	78	78
79	79	79	79	79	79
80	80	80	80	80	80
81	81	81	81	81	81
82	82	82	82	82	82
83	83	83	83	83	83
84	84	84	84	84	84
85	85	85	85	85	85
86	86	86	86	86	86
87	87	87	87	87	87
88	88	88	88	88	88
89	89	89	89	89	89
90	90	90	90	90	90
91	91	91	91	91	91
92	92	92	92	92	92
93	93	93	93	93	93
94	94	94	94	94	94
95	95	95	95	95	95
96	96	96	96	96	96
97	97	97	97	97	97
98	98	98	98	98	98
99	99	99	99	99	99
100	100	100	100	100	100

Page 2

Anahtar Kelimeler: kolistin, sıvı mikrodilüsyon, disk elüsyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-120

N-Asetilsistein ve Kuersetinin Farklı Klinik Bakteri İzolatlarına Karşı Antimikrobiyal ve Antibiyofilm Aktivitesi

Gülcan Kuyucuklu¹, Suzan Ökten², Mehmet Demirci¹

¹Kırklareli Üniversitesi Tıp Fakültesi Temel Tıp Bilimleri Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Trakya Üniversitesi Eczacılık Fakültesi Temel Eczacılık Bilimleri Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Son yıllarda antibiyotik direncini kırma ya da farklı mekanizmalarla bakteriyel üremeyi ve biyofilm kaynaklı enfeksiyonu engelleme konusunda yapılan çalışmalar önem kazanmıştır. Bu amaçla günümüzde, birçok molekülün antimikrobiyal ve antibiyofilm aktivitesi araştırılmaktadır. Bu moleküllerden ikisi de N-asetilsistein ve kuersetindir. Çalışmamızda, bu iki molekülün hem Gram pozitif, Gram negatif bakteri ve maya izolatlarında antimikrobiyal etkisi ve biyofilm oluşumu üzerine etkilerinin saptanması amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, kalite kontrol suşları olarak *Escherichia coli* ATCC 25922, *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853, *Staphylococcus aureus* ATCC 29213, *Staphylococcus aureus* ATCC 6538, *Enterococcus faecalis* ATCC 29212 ve *Candida albicans* ATCC 10231 standart suşları ve Trakya Üniversitesi Hastanesi ve Uzunköprü Devlet Hastanesi'nden izinleri alınarak temin edilmiş 10^8 bakteri ve 31 maya klinik izolatu kullanıldı. Bu çalışmada, mikrodilüsyon yöntemi ile bu iki maddenin bakterilerdeki antimikrobiyal aktivitesi; kristal viyole mikropalak yöntemi ile de biyofilm oluşumu üzerine etkisi araştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada yer alan standart mikroorganizma suşlarında ve klinik izolatlarda, N-asetilsisteinin, en yüksek MİK değeri 10000 µg/mL; en düşük MİK değeri 625 µg/mL; kuersetin molekülünün ise en yüksek MİK değeri 10000 µg/mL; en düşük MİK değeri 312,5 µg/mL olarak tespit edildi. Çalışmada biyofilm pozitif 28 bakteri ve 1 maya tespit edildi. Biyofilm oluşturan 28 bakteriden 3'ünün zayıf (%10,71), 12'sinin orta (%42,85), 13'ünün kuvvetli (%46,42) derecede biyofilm oluşturduğu gözlemlendi. Çalışılan 1 maya izolatu ise kuvvetli derecede biyofilm oluşturdu. Çalışmalar sonucunda 23 (%79,31) izolatta NAC ile muamele sonrası antibiyofilm etki tespit edilirken, 6'sında (%20,69) antibiyofilm etki gözlemlenmedi. Bununla birlikte 20 (%68,97) izolatta kuersetin ile muamele sonrası antibiyofilm etki tespit edilirken, 9'unda (%31,03) antibiyofilm etki gözlemlenmedi. Çalışmada 5000 µg/mL konsantrasyonlarda sırasıyla NAC'da 1 (%3,45) izolatta; kuersetinde ise 2 (%6,90) izolatta biyofilm oluşumunun negatifleştiği tespit edildi. Sonuç olarak NAC ve kuersetinin mikroorganizmaların biyofilm yapma derecelerini düşürdüğü tespit edildi. Bu etkilerin tespit edilmesi yeni ilaç kombinasyon ve sinerji tedavi yöntemlerinin geliştirilmesine katkı sağlayacağı düşünülmektedir.

Tablo 1. Çalışmada kullanılan bakteri ve maya izolatlarının biyofilm dereceleri ile NAC ve kuersetinin MİK değerleri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İSOLEAT	BAKTERİ ADİ	Biyofilm Derecesi	NAC'ın MİK değeri (µg/ml.)	Kuarsetinin MİK değeri (µg/ml.)
A1	<i>A. baumannii</i>	Kavratlı	5000	5000
A2	<i>A. baumannii</i>	Kavratlı	2500	2500
E1	<i>E. coli</i>	Kavratlı	1250	1250
E2	<i>E. coli</i>	Kavratlı	10000	10000
E3	<i>E. coli</i>	Zarf	5000	5000
E4	<i>E. coli</i>	Kavratlı	5000	5000
E5	<i>E. coli</i>	Orta	625	625
E6	<i>E. coli</i>	Orta	2500	2500
K1	<i>K. pneumoniae</i>	Zarf	312.5	1250
K2	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	625	2500
K3	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	1250	5000
K4	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	1250	5000
K5	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	1250	5000
K6	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	5000	5000
K7	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	5000	5000
K8	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	1250	5000
K9	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	5000	5000
K10	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	2500	2500
K11	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	1250	1250
K12	<i>K. pneumoniae</i>	Kavratlı	2500	2500
K13	<i>K. pneumoniae</i>	Orta	5000	5000
M1	MRSA	Zarf	312.5	625
M2	MRSA	Kavratlı	1250	1250
M3	MRSA	Orta	1250	1250
M4	MRSA	Kavratlı	1250	1250
M5	MRSA	Orta	625	625
P1	<i>P. aeruginosa</i>	Orta	5000	5000
P2	<i>P. aeruginosa</i>	Kavratlı	625	625
C1	<i>C. albicans</i>	Orta	10000	10000
-	<i>E. faecalis</i>	-	625	1250
-	ATCC 29212	-	-	-
-	<i>A. aureus</i>	Kavratlı	625	1250
-	ATCC 4518	-	-	-
-	<i>A. aureus</i>	-	312.5	1250
-	ATCC 29213	-	-	-
-	<i>P. aeruginosa</i>	-	625	1250
-	ATCC 27853	-	-	-
-	<i>E. coli</i>	-	-	-
-	ATCC 25922	-	1250	5000
-	<i>C. albicans</i>	Kavratlı	1250	1250
-	ATCC 10251	-	-	-

Çalışmada kullanılan bakteri ve maya izolatlarının biyofilm dereceleri ile NAC ve kuarsetinin MİK değerleri verilmiştir.

Anahtar Kelimeler: N-asetilsistein, kuersetinin, antibiyofilm etki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-121

İdrar Örneklerinden İzole Edilen Hipervirülan ve Klasik *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Virülans Geni Araştırılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Esra Türken, Demet Vur Güral, Kemal Bilgin, Asuman Birinci

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun

Giriş ve Amaç: *Klebsiella pneumoniae*; bakteriyemi, idrar yolu enfeksiyonları ve apselere neden olabilen önemli bir patojendir. 1986 yılında, Tayvan’da keşfedilen ve klasik *K. pneumoniae* (cKp) suşlarından açıkça ayırt edilebilen hipervirülan *K. pneumoniae* (hvKp) suşları keşfedilmiştir. Bu suşlar yüksek derecede invazivdir ve sağlıklı, genç bireylerde invaziv enfeksiyonlara neden olmaktadır. Agar plakalarında belirgin bir hiper mukovisköz fenotip sergilerler ve hipervirülans ile ilişkili bir dizi virülans faktörüne sahiptirler. Bunlar arasında bazı suşlarda büyük bir virülans plazmidi tarafından kodlandığı bilinen RmpA (mukoid fenotip düzenleyicisi) geni yer alır. Çalışmamızda Bakteriyoloji Laboratuvarımıza gönderilmiş olan idrar örneklerinden izole edilen *K. pneumoniae* izolatlarında RmpA geni varlığının incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: OMÜ Tıp Fakültesi Hastanesi Bakteriyoloji Laboratuvarına gönderilmiş olan idrar örneklerinden *K. pneumoniae* izolatı elde edilmiş 84 örnek çalışmaya dahil edildi. İzolatlar -80°C’de saklanan stoklardan %5 koyun kanlı agara canlandırma pasajı yaparak elde edildi. Hipervirülan *K. pneumoniae* izolatlarını tanımlamak için “string test” kullanıldı. Kanlı agarda üreyen *K. pneumoniae* kolonisi bir öze yardımıyla yukarı doğru çekildiğinde 5 mm ve üzerinde uzayanlar hipervirülan olarak değerlendirildi. RmpA geninin varlığı PZR yöntemi ile araştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Kültür örneklerinin 43 (%51,1)’ü erkek ve 41 (%48,8)’i kadın hastalara aittir. Gönderilen örneklerin klinik dağılımı Tablo 1’de verilmiştir. String testiyle izolatların 72 (%85,7)’si klasik, 12 (%14,2)’si hipervirülan olarak değerlendirildi. PZR’yle araştırılan RmpA geni, 4 (%4,7) izolatta pozitif, 80 (%95,2) izolatta negatif saptandı ve string testi pozitif olarak değerlendirilen 12 izolatın sadece 1 (%8,3)’inde RmpA geni mevcuttu (Tablo 2). Hipervirülan *K. pneumoniae* altta yatan hastalığı olmayan, genç, sağlıklı bireylerde invaziv enfeksiyonlara neden olabilen bir patojendir. Her ne kadar hvKp düşük antibiyotik prevalansına sahip olsa da bu izolatların karbapenem direnci kazanması tehdidi son yıllarda gündeme gelmektedir. Dolayısıyla hipervirülansla ilişkili belirleyiciler için daha fazla araştırma gerektirmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1: Klinik dağılım (n=84)

Klinik	Sayı
Üroloji	11
Nefroloji	10
Dahili Yoğun Bakım	9
Hematoloji	8
Kardiyoloji	6
Diğer	40
Toplam	84

Tablo 2: *K. pneumoniae* PZR ve String Testi sonuçları (n=84)

		RmpA		
		Pozitif	Negatif	Toplam
String Testi	Pozitif	1	11	12
	Negatif	3	69	72
	Toplam	4	80	84

Anahtar Kelimeler: Hipervirülan, PZR, *Klebsiella*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-122

Rapid Bacterial Identification and Antimicrobial Susceptibility Testing of Positive Blood Cultures

Naima Sirad¹, Mustafa Altay Atalay¹, Pınar Sağıroğlu¹

¹Erciyes University Medical Faculty Medical Microbiology Department

²Department of Biology, College of Natural Sciences and Mathematics, Mindanao State University

Introduction and purpose: Timely and correct diagnosis of bacterial infection in the clinics positively impacts patient recovery and can reduce inappropriate antibiotic therapy. This study aimed to evaluate a new protocol for rapid identification and antimicrobial susceptibility testing (AST) and assess the reliability of automated machines for direct blood culture methods that could reduce the turn-around time of reporting results to clinicians.

Materials and Methods: 477 monomicrobial-positive blood culture bottles were collected from November 2023 to July 2024. Direct identification (Tween 80 and serum plasma separator tube techniques were used for obtaining the pellet) and AST were performed in parallel with the standard/routine methods. Direct identification methods at the genus and species level were compared with the standard identification method using two types of MALDI-TOF MS (VITEK-MS and VITEK-PRIME). In determining the rapid ASTs, a direct pellet obtained from a blood culture bottle is used as inoculum for Phoenix and Vitek AST cards whereas, in Rapid-AST by Disc Diffusion test, a recommended EUCAST RAST methodology was employed. On the other hand, standard disk diffusion tests and routine Vitek-2 and BD Phoenix AST tests were studied from the grown colony after 24 hrs.

Findings and Conclusion: Direct identification has 60.3% and 56.3% overall agreement with the standard method in VITEK-MS, while 48.9% and 47.8% in VITEK-PRIME at the genus and species level, respectively (Table 1). Rapid as compared with standard susceptibility (RAST vs SAST) testing by disc diffusion method showed *E.coli*+*K.pneumoniae*, *A.baumannii*+*P.aeruginosa*, and *S.aureus*+*Enterococci* have 98%, 98%, and 95% agreement respectively (Table 2). Direct BD, compared with standard susceptibility testing, has 89%, 98%, and 90% agreement, while direct Vitek-2 has 94%, 89.6%, and 77.8% agreement for the same groups (Table 2). Direct methods in comparison with the conventional methods in BD Phoenix and Vitek-2 showed that *E.coli* +*K.pneumoniae*, *A.baumannii* + *P.aeruginosa*, *S.aureus* + *Enterococci* were 95.5%, 100%, 100% and 95%, 95%, and 86% agreement respectively (Table 3). Our work highlights the urgent need for further improvements to the direct blood culture identification protocol. However, the applicability of direct-AST results from automated systems for identifiable isolates in routine use is a promising development that underscores the importance of our work.

13-17 Kasım 2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK MİKROBİYOLOJİ KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Table 1. 1. Summary of the results of the 12th National Molecular and Diagnostic Microbiology Congress (TMC) 2024. (n=1000)

Abstract Number	Abstract presentation					Total Abstract	Oral presentation					Total Abstract	Poster presentation					Total Abstract
	A	B	C	D	E		A	B	C	D	E		A	B	C	D	E	
A. Microbiology (n=1000)																		
1001	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1002	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1003	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1004	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1005	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1006	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1007	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1008	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1009	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1010	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1011	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1012	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1013	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1014	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1015	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1016	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1017	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1018	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1019	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1020	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1021	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1022	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1023	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1024	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1025	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1026	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1027	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1028	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1029	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1030	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1031	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1032	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1033	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1034	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1035	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1036	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1037	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1038	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1039	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1040	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1041	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1042	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1043	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1044	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1045	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1046	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1047	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1048	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1049	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1050	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1051	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1052	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1053	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1054	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1055	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1056	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1057	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1058	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1059	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1060	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1061	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1062	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1063	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1064	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1065	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1066	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1067	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1068	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1069	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1070	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1071	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1072	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1073	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1074	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1075	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1076	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1077	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1078	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1079	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1080	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1081	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1082	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1083	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1084	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1085	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1086	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1087	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1088	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1089	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1090	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1091	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1092	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1093	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1094	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1095	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1096	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1097	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1098	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1099	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
1100	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5	1	1	1	1	1	5
Total						50						50						50

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Table 1. Comparison of Direct Blood Culture Identification and Standard Blood Culture using two types of MALDI-TOF.

Table 1. Comparison of Direct Blood Culture Identification and Standard Blood Culture using two types of MALDI-TOF.

MALDI-TOF MS (n=100)	Standard Blood Culture					Direct Blood Culture				
	Species	Genus	%	Species	%	Species	Genus	%	Species	%
1. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
2. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
3. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
4. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
5. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
6. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
7. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
8. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
9. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
10. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
11. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
12. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
13. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
14. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
15. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
16. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
17. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
18. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
19. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
20. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
21. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
22. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
23. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
24. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
25. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
26. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
27. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
28. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
29. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
30. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
31. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
32. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
33. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
34. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
35. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
36. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
37. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
38. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
39. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
40. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
41. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
42. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
43. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
44. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
45. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
46. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
47. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
48. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
49. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
50. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
51. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
52. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
53. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
54. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
55. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
56. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
57. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
58. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
59. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
60. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
61. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
62. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
63. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
64. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
65. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
66. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
67. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
68. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
69. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
70. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
71. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
72. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
73. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
74. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
75. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
76. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
77. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
78. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
79. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
80. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
81. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
82. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
83. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
84. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
85. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
86. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
87. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
88. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
89. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
90. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
91. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
92. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
93. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
94. <i>Staphylococcus sciuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
95. <i>Staphylococcus carnosus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
96. <i>Staphylococcus pasteuri</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
97. <i>Staphylococcus hyicus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
98. <i>Staphylococcus saprophyticus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
99. <i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0
100. <i>Staphylococcus aureus</i>	10	10	10.0	10	10.0	10	10	10.0	10	10.0

This project was supported by Erciyes University Scientific Research Projects (BAP) Unit (Project code: TDK-2023-13063).

Keywords: Blood Culture, Direct identification and susceptibility, MALDI-TOF MS

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-123

Pangenome Analysis in Clinical Strains of *Pseudomonas aeruginosa* Highlights Hotspots for Horizontal Transfer of Pathogenicity Genes

Anı Akpınar¹, Cansel Vatansever¹, Selin Kolsuz¹, Füsün Can²

¹Koç University İşBank Research Center for Infectious Diseases (KUISCID), Istanbul, Turkey

²Department of Medical Microbiology, School of Medicine, Koç University, Istanbul, Turkey

Introduction and purpose: *Pseudomonas aeruginosa* is a major public health concern with its antibiotic resistance and virulence genes, particularly in the high-risk ST235 clone. A high propensity for horizontal gene transfer (HGT) further enhances its resilience, complicating treatment efforts. This study aims to explore the genomic diversity in a set of clinical isolates, using a pangenomic approach, to elucidate genomic factors and mechanisms that drive enhanced pathogenicity and virulence in *P. aeruginosa*.

Materials and Methods: Whole-genome sequencing was carried out on 44 clinical *P. aeruginosa* isolates, including 19 high-risk ST235 clones, collected between 2017-2023. De novo genome assemblies were generated with N50 values ranging between 70-643 kb. Protein-coding genes on scaffolds >200 nucleotides were predicted with Prokka and a pangenome with and without reference strains PA01, PA07 and PA14 were built with Panaroo. Functional annotations were performed with eggNOG-mapper and subsequent analyses were performed with Python/R.

Findings and Conclusion: The α coefficient of the rarefaction curve decreased from 0.91 to 0.84 when reference genomes were included in the pangenome, indicating that the clinical strains are more interrelated. The pangenome of the clinical isolates contained 10,542 representative genes, with 5,316 (50.8%) “core” genes shared by >95% of the isolates. The remaining 2,223 “shell” and 3,172 “cloud” genes, shared by 15%-95% and <15% of the isolates, respectively, indicate substantial genetic diversity within the clinical isolates. Notably, 650 genes were present only in the high-risk ST235 isolates, with 56 being present in every ST235 isolate. A subset of these genes was found within a single scaffold in almost all ST235 isolates. Typically these scaffolds contained two well-conserved regions, one carrying toxin genes, such as the colicin M-like bacteriocin gene PaeM, absent in all three references, and the other multiple multidrug transporters, MdtD/N/O and OprM, interspersed by mobile genetic elements and transcriptional regulators. This organization is a hallmark of genomic islands in the *Pseudomonas* genomes, suggesting that HGT may drive enhanced pathogenicity in high-risk ST235 isolates. These findings highlight the diverse gene pool of *P. aeruginosa* and potential drivers of pathogenicity in high-risk clones. Genomic surveillance combined with pangenomic approaches can provide crucial tools to combat this resourceful pathogen.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

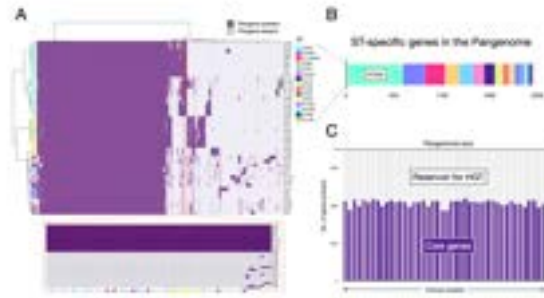
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Pangenome of *Pseudomonas aeruginosa* clinical isolates



A. Presence-absence clustering for the pangenomes in the pangenome, where clinical isolates are listed in rows and color-coded based on their sequence type (ST). A segment of the pangenome that is only present in high-risk ST235 clones is enlarged at the bottom. This segment is often arranged in a single scaffold and carries genes for toxin systems (pink) or membrane transporters (blue), interspersed with transcriptional regulators (purple) and mobile elements (yellow). B. Pangenomes that are specific to a given ST. High risk clone ST235 has the largest ST-specific contribution to the pangenome. C. Total number of genes in clinical isolates. The 10,542 genes included in the pangenome indicate that there is a large reservoir of genes for HGT among the clinical isolates.

Keywords: *Pseudomonas aeruginosa*, pangenome, ST235

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-124

Eklem Sıvısı Örneklerinden İzole Edilen Bakteriler ve Antibiyotik Direnç Oranları

Göksel Bilir, Sadık Beytaş, Mümtaz Cem Şirin, Emel Sesli Çetin, Tuğba Ayvalık

Süleyman Demirel Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Akut septik artrit, yüksek mortalite oranına sahip, acil tanı ve tedavi gerektiren ciddi bir klinik tablodur. Mikrobiyolojik tanıda altın standart eklem sıvısı kültüründe etken mikroorganizmanın izole edilmesidir. Bu çalışmada eklem sıvısı kültürlerinde üreyen mikroorganizma türleri ve antibiyotik direnç oranlarının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2022-Haziran 2024 tarihleri arasında Süleyman Demirel Üniversitesi Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gönderilen eklem sıvısı örnekleri retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Örnekler %5 koyun kanlı agar, EMB ve çikolata besiyerlerine ve eş zamanlı olarak aerob kan kültürü şişelerine ekilmiş, katı besiyerleri 24-48 saat 35±2 oC'de, kan kültürü şişeleri otomatize kan kültürü sisteminde (Render, Çin) 5 gün süre ile inkübe edilmiştir. Üreyen mikroorganizmaların tanımlanması için konvansiyonel yöntemler ve BD Phoenix100 (Becton-Dickinson Company, ABD) otomatize bakteri tanımlama sistemi kullanılmıştır. Antibiyotik duyarlılık testleri standart disk difüzyon yöntemi ve BD Phoenix 100 otomatize sistemi ile yapılmış, EUCAST önerileri doğrultusunda değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 662 eklem sıvısı örneğinin 92 (%13.9)'sinde etken mikroorganizma saptanmıştır. Doksan iki örneğin 25 (%27.2)'inde gram negatif bakteri, 66 (%71.7)'sında gram pozitif bakteri ve 1 (%1.1)'inde maya mantarı üremesi saptanmıştır. Koagülaz negatif *Staphylococcus* (KNS)'lar %38 ile en çok izole edilen tür olurken *Staphylococcus aureus* %26.1 ikinci en sık izole edilen tür olmuştur. Gram negatif bakterilerden ise en sık izole edilen tür *Klebsiella pneumoniae* (%7.6) olmuştur. Metisilin dirençli KNS (MRKNS) izolasyon oranı %30.4, metisilin dirençli *S. aureus* (MRSA) izolasyon oranı ise %13 olarak belirlenmiştir (Tablo 1). MRSA ve MRKNS'lerde en yüksek direnç oranı eritromisin (%45.5 ve %78.6) için saptanmıştır. Hem MRSA hem MRKNS izolatlarında vankomisin ve linezolid direnci tespit edilmezken, bir MRSA izolatında teikoplanin direnci saptanmıştır. Metisilin dirençli stafilkoklarda metisilin duyarlı olanlara kıyasla diğer antibiyotiklere daha yüksek direnç oranları görülmüştür. Enterokok izolatlarının tümü ise vankomisin, teikoplanin ve linezolid'e karşı duyarlı tespit edilmiştir (Tablo2). Çalışmamızın sonuçları, eklem sıvısı kültürlerinde en sık izole edilen etken bakterilerin KNS ve *S. aureus* olduğunu ve tespit edilen antibiyotik direnç oranlarıyla birlikte bu etkenlerin sıklığına dikkat çekmektedir. Eklem sıvısı kültürlerinde, daha kapsamlı çalışmalarla bu etkenlerin ve direnç oranlarının; tedavi süreleri ve mortalite üzerine etkisi incelenmelidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Eklem Sıvısı Örneklerinde Üreyen Mikroorganizmalar ve % Dağılımları

Tablo 1. Eklem Sıvısı Örneklerinde Üreyen Mikroorganizmalar ve % Dağılımları

	Tür	Sayı (n)	Yüzde (%)
<i>S. aureus</i>	MRSA	12	13
	MSSA	12	13
KNS	MRKNS	28	30.4
	MSKNS	7	7.6
<i>Enterococcus spp.</i>		4	4.3
<i>K. pneumoniae</i>		7	7.6
<i>P. aeruginosa</i>		4	4.3
<i>Brucella spp.</i>		4	4.3
<i>Streptococcus vir.</i>		3	3.3
<i>E. coli</i>		4	4.3
<i>Proteus spp.</i>		2	2.3
GNNFB		2	2.3
<i>Enterobacter spp.</i>		1	1.1
<i>S. maltophilia</i>		1	1.1
<i>C. parapsilosis</i>		1	1.1
Toplam		92	100

S. aureus ve KNS izolatlarının antimikrobiyal direnç oranları n(%)

Tablo 2. *S. aureus* ve KNS izolatlarının antimikrobiyal direnç oranları n(%)

	MRSA n(%)	MSSA n(%)	MRKNS n(%)	MSKNS n(%)	<i>S. aureus</i> n(%)	KNS n(%)
DA	4(33.3)	3(25)	18(57.7)	1(34.3)	7(29.2)	17(48.6)
E	5(45.5)	3(25)	22(78.8)	2(28.6)	8(34.8)	24(68.6)
SPT	3(25)	0	7(25)	0	3(12.5)	7(19.6)
VA	0	0	0	0	0	0
TTC	1(8.3)	0	0	0	1(4.2)	0
UV	4(33.3)	0	18(62.5)	0	4(17.4)	18(48.5)
GN	1(8.3)	0	13(50)	1(20)	1(8.3)	14(43.2)
LTD	0	0	0	0	0	0
DAP	1(9.1)	0	3(15.8)	0	1(4.2)	3(14.3)
CP	4(33.3)	0	14(70)	1(20)	4(17.4)	17(48.2)
MDX	3(27.3)	0	13(65)	0	3(13.6)	13(39.1)
FLC, AOD	3(27.3)	1(10)	14(77.8)	0	4(19)	14(39.7)

* TEC direnci tespit edilen bir MRSA izolatı; gradient gerit test (bioMérieux, France) yöntemi ile test edilmiş ve dirençli (≥ 1600/ML) olarak bulunmuştur.

Anahtar Kelimeler: MRKNS, MRSA, Septik Artrit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-125

N-klorotaurinin Antibiyofilm, Anti Quorum Sensing ve Antioksidan Aktivitelerinin Araştırılması

Eda Altınır-Kurt¹, Mayram Hacıoğlu², Gözde Hasbal-Çelikok³, Markus Nagl⁴

¹İstanbul Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, İstanbul

²İstanbul Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul

³İstanbul Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Biyokimya Anabilim Dalı, İstanbul

⁴Institute of Hygiene and Medical Microbiology, Medical University of Innsbruck, 6020 Innsbruck, Avusturya

Giriş ve Amaç: Taurin aminoasidinin N-kloro türevi olan NCT (N-chlorotaurin), uzun ömürlü doğal bir oksidandır ve aktive olmuş insan granülositleri ve monositleri tarafından üretilmektedir. İnsan savunma sistemine olan katkıları yanı sıra, NCT'nin hızlı antimikrobiyal etkiye (antibakteriyel, antifungal, antiviral ve antiprotozoal) sahip olduğu da bilinmektedir. Yapılan çalışmalarda NCT'nin %1'lik solüsyonunun göze, cilt ülserlerine, dış kulak yoluna, nazal ve paranazal sinüslere, vücut boşluklarına uygulanabileceği ve inhalasyon için kullanılabileceği gösterilmiştir. Ancak yapılan literatür taramasında NCT'nin biyofilmlere karşı etkisini araştıran çok fazla çalışmaya rastlanmamıştır. Bu amaçla çalışmada NCT'nin çeşitli gram pozitif ve gram negatif bakterilerin biyofilm oluşturmak için yapışması ve biyofilm oluşumuna inhibitör etkisinin, anti quorum sensing (QS) ve antioksidan aktivitesinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada *Staphylococcus aureus* ATCC29213, *Staphylococcus epidermidis* ATCC12228, *Enterococcus faecalis* ATCC29212, *Pseudomonas aeruginosa* PA01, *Acinetobacter baumannii* ATCC 19606, *Klebsiella pneumoniae* ATCC4352, *Escherichia coli* ATCC25922 standart bakterileri ve *Enterobacter* sp. (klinik izolat) kullanılmıştır. NCT'nin (%1, 55 mM) (Prof. Dr. Markus Nagl tarafından sentezlenip gönderilmiştir) bakterilerin yapışması (1., 2. ve 4. saatler) ve biyofilm oluşumu (24.saat) üzerine etkisi 96 kuyulu mikropatlarda araştırılmıştır. Pozitif ve negatif kontrollerin de eklenmesiyle plaklar 1., 2., 4. ve 24. saatlerde (her saat için ayrı mikropatlak hazırlanmıştır) steril fosfat tamponu ile yıkanmış ve 450 nm'de spektrofotometrik olarak ölçülmüş ve pozitif kontrole karşılaştırılarak inhibisyon oranları % olarak hesaplanmıştır. NCT'nin anti QS aktivitesi {*Chromobacterium violaceum*} ATCC 12472 kullanılarak disk difüzyon yöntemi ile araştırılmıştır. Antioksidan aktivite ise 2,2-difenil-1-pikrilhidrazil (DPPH) serbest radikal süpürme aktiviteleri ve demir indirgeme gücü (FRAP) ölçülerek araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: NCTnin antibiyofilm etkisi bilinmektedir ancak biyofilmin ilk aşaması olan yapışma ve oluşum ile ilgili herhangi bir çalışmaya rastlanmamıştır, çalışmamız bu konuda yapılan ilk çalışmadır. En yüksek inhibitör etki 24. saat sonunda *S.epidermidis* (%27.32), *P.aeruginosa* (%25.4) ve *A.baumannii*'ye (%23.43) karşı görülmüştür. *Enterobacter* sp., *K.pneumoniae* ve *E.coli*'de ise en yüksek inhibitör etki (%4), 4. saatin sonunda tespit edilmiştir. NCTnin anti QS aktivitesi ilk defa araştırılmıştır ve anti QS aktivitesi saptanırken, çalışılan konsantrasyonda antioksidan aktivitesi gözlenmemiştir. Antimikrobiyal ajanlara oldukça dirençli olan biyofilmlerin oluşmasını engellemek günümüzde antibiyofilm stratejilerinden birini

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

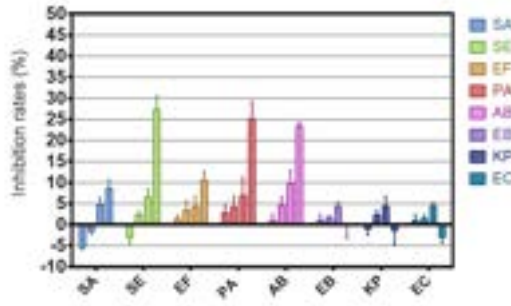
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



oluşturmaktadır. Sonuçlarımıza göre %1'lik konsantrasyonda denenen NCT'nin bakterilerin yapışmasını ve biyofilm oluşturmalarını inhibisyon oranları düşük olarak gözüktü dahi, özellikle 24. saatin sonunda önemli ölçüde engelleyebilmiş ve anti QS özellik de göstermiştir.

NCT'nin bakterilerin yapışması ve biyofilm oluşumu üzerine etkisi (1, 2, 4 ve 24. saatler)



Anahtar Kelimeler: N-klorotaurin, Biyofilm, Quorum Sensing

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-126

Menenjit ve Ensefalit Tanısında Multipleks RT-PCR Testlerinin Performansı ve Uyum Analizleri: Ön Çalışma

Gözde Akkuş Kayalı, Şeyda Vural, Melike Yaşar Duman, Dilek Yeşim Metin, Sabire Şöhret Aydemir, Candan Çiçek

Ege Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Menenjit-ensefalit (M/E) şüpheli olgularının tanısının hızlı ve güvenilir bir yöntemle yapılması hastalığın ve tedavisinin yönetilmesinde kritik önemlidir. Tanıda çoklu etkene yönelik Revers-Transkriptaz Polimeraz Zincir Reaksiyonu (RT-PCR) testleri sık kullanılmaktadır. Rutin kullanımı öncesinde testlerin performans çalışmalarının tamamlanması önemlidir(1). Bu çalışmada, M/E etkenleri multipleks RT-PCR testinin performans ve uyum çalışmalarının yapılması hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Ege Üniversitesi, Tıbbi Viroloji Laboratuvarları arşivinde bulunan, FTD Neuro-9 (Siemens, Germany) ve/veya Filmarray M/E kitiyle (Biofire, Utah) çalışılmış olan 54 klinik örnek ve 5 dış kalite kontrol örneği, Bio-Speedy® Menenjit/Ensefalit RT-qPCR MX-17 (Bioeksen, Türkiye) kitiyle çalışıldı. İki örnek geçersiz olarak sonuçlandı. Diğer örneklerle patojen bazlı olarak verifikasyon çalışmaları yapıldı. Ayrıca Sigmoida (Bioeksen, Türkiye) analiz yazılımı değerlendirildi. Negatif sonuçların Ct (Döngü eşiği) değerleri 35.1 kabul edildi. SPSS 24.0, programı analizlerde kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışılan 57 örneğin %70,2'si Bioeksen M/E panel profilinde olan ve etken saptanan örneklerdi. Negatif örneklerinse yedisi bu panel profili dışında kalan patojenlerdi (EBV, CMV, E.Coli K1 suşu dışı, JCV, MPV, Parvovirüs ve Adenovirüs). Rutinde Escherichia coli (K1 suşu dışı) saptanan bir örnekte Listeria Monocytogenes yanlış pozitif saptandı. Korelasyon çalışmasında Bioeksen kitinin duyarlılık ve özgüllüğü sırasıyla %97,5 ve %94,1'di. Diğer sonuçlarla çok iyi uyumluydu ($\kappa=0,916$; $p<0,001$). Sigmoida programı sonuçları daha düşük duyarlılık ve özgüllükte olsa da çok yüksek uyum saptandı ($\kappa=0,838$; $p<0,001$), (Tablo 1). Tekrarlanabilirlik için testler arası çalışmaların Ct değerlerinin varyasyon oranı en yüksek %25,6'ydı, genel olarak %10'un altındaydı (Tablo 2). Test içi analizlerdeyse Ct değerinde en yüksek varyasyon oranı 16,3'tü ve bu örneğin bir tekrarı geçersiz sonuçlandı. Üç çalışmada etken saptanan örnekler içinde en yüksek varyasyon oranı %12,7'ydı ve genel varyasyon oranı %5'in altındaydı (Tablo 3). Saptanmayan örnek sonucu nedeniyle kalitatif sonuçların varyasyonu %64'e kadar değişmekteydi. Yapılan çalışmalarda Bioeksen kiti yüksek uyumluluk, duyarlılık ve özgüllükteydi. Bir örnekte yanlış pozitiflik saptandı, M/E tanısı kritik öneme sahiptir ve özgüllüğün artırılması gerekmektedir. Az sayıda negatif örnekle çalışıldı, negatif örneklerle deneyim ileriki çalışmalarda arttırılacaktır. Sigmoida programının uzman değerlendirmesi kadar duyarlı olmadığı görüldü, kullanımı tartışmalıdır. Ct değerlerinde orta düzeye kadar varyasyon saptanırken genel varyasyon düşük düzeydeydi. Bu, test yönteminin tutarlı olduğunu göstermekle birlikte tekrarlanabilirlik analizlerinde bazı kalitatif sonuçlarda varyasyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



saptanmıştır. Bu araştırma bir ön çalışma niteliğindedir, her patojen için tekrarlanabilirlik analizleri tam olarak gerçekleştirilememiştir.

Tablo 1. Bioeksen M/E multipleks RT-PCR sonuçlarının rutin örnek sonuçları ile uyum analizleri

		Rutin kullanılan yöntemler				K	p	Duyarlılık	Özellilik	PPV	NPV
		Pozitif	Negatif								
		n	%	n	%						
Bioeksen M/E panel	Pozitif (40)	38	97,5	1	2,5						
	Negatif (17)	1	5,9	16	94,1	0,916	<0,001	97,3	94,1	97,5	94,1
	Toplam (57)	40	70,2	17	29,8						
Sigmoidal analiz programı	Pozitif (38)	37	97,4	1	2,6						
	Negatif (19)	3	15,8	16	84,2	0,838	<0,001	92,3	94,1	97,4	84,2
	Toplam (57)	40	70,2	17	29,8						

Kısaltmalar: M/E: Menenjit-Ensefalit Panel; PPV: Pozitif prediktif değer; NPV: Negatif prediktif değer; K: Cohen'in Kappa katsayısı

Tablo 2. Aynı numune ile testler arası tekrarlanan çalışmalarda Ct değerleri üzerinden varyasyon analizleri

Testler arası tekrarlanabilirlik/uyum analizleri									
ETKEN	1. GÜN	2. GÜN	3. GÜN	4. GÜN	5. GÜN	ORT.	SS	VK (%)	
<i>C. Neoformans/gattii</i>	19,1	19,6	18,9			19,2	0,4	5,8	
<i>C. Neoformans/gattii</i>	21,3	19,7	21,3			21,4	1,6	7,8	
<i>E. Coli K1</i>	23,9	16,7	17,8	20,4		20,2	4,1	20,9	
Enterovirüs	23,1	35,1	26,5			28,2	6,2	21,9	
Enterovirüs (DKK)	26,1	Geçersiz	35,1	27,1	24,4	28,2	4,7	16,9	
<i>H. influenzae</i>	17,3	17,6	17,9			17,6	0,3	3,7	
<i>H. influenzae</i> (DKK)	15,6	15,4				15,5	0,1	0,9	
HHV-6	23,4	22,1	22,2	21,6		22,3	0,8	3,4	
HHV-6	24,6	21,7	22,7			22,7	1,8	4,8	
HHV-6 (DKK)	22,1	21,4				22,6	0,9	4,8	
HSV-1	22,6	20,9	20,7			21,4	1,0	4,8	
HSV-1	22,6	21,1	21,0			22,2	1,6	6,7	
HSV-1 (DKK)	23,2	23,9	24,2			23,1	0,8	3,4	
HSV-1 (HK)	4,0	3,4	4,5			4,0	0,6	13,9	
HSV-2 (HK)	19,5	21,0	19,3	20,6	20,6	20,2	0,8	3,7	
HSV-2 (HK)	10,2	10,0	12,6			10,9	1,4	13,2	
<i>L. monocytogenes</i> (DKK)	24,6	21,7	22,1	21,8		22,6	1,4	6,3	
<i>L. monocytogenes</i>	17,0	10,3	10,0			10,6	1,1	10,0	
<i>N. Meningitidis</i>	17,2	17,5	20,0			18,2	1,3	8,4	
<i>N. Meningitidis</i>	19,9	20,6				20,3	0,5	3,4	
<i>N. Meningitidis</i>	24,3	23,4	21,0	20,3		22,5	1,7	7,8	
Paracetamol	21,7	35,1	21,7	21,9		28,1	4,1	14,1	
<i>S. pneumoniae</i>	23,9	19,9	20,3	15,1	22,2	24,3	6,2	26,6	
<i>S. pneumoniae</i>	12,0	10,4	12,7			11,7	1,2	10,1	
<i>S. pneumoniae</i>	8,4	7,8	6,0	6,4		7,2	1,1	18,9	
<i>S. pneumoniae</i>	14,3	13,6				14,0	0,8	6,1	
<i>S. pneumoniae</i>	20,5	21,1	19,6			20,4	0,8	3,7	
VZV	18,6	20,0	19,5	21,2		19,8	1,1	5,5	
VZV	21,1	16,3	21,1	19,8	21,2	20,1	2,3	11,3	

Kısaltmalar: CT: (Cycle threshold-Döngü eşiği); ORT.: ortalama; SS: standart sapma; VK: varyasyon katsayısı; DKK: Dış kalite kontrol; HK: Hücre kültürü; *C. neoformans/gattii*; *Cryptococcus neoformans*; *E. coli K1*: *Escherichia coli K1*; *H. influenzae*: *Haemophilus influenzae*; HHV: Human herpesvirüs; HSV: Herpes simplex virusu; *L. monocytogenes*: *Listeria monocytogenes*; *N. Meningitidis*: *Neisseria meningitidis*; *S. pneumoniae*: *Streptococcus pneumoniae*; VZV: Varisella zoster virüsü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3. Aynı numune ile test içi tekrarlanan çalışmalarda Ct değerleri üzerinden varyasyon analizleri

Test içi tekrarlanabilirlik çalışması							
ETKEN	1. Gün	2. Gün	3. Gün	4. Gün	Ort.	SS	VK (%)
<i>C. Neoformans/gattii</i>	18,9	18,0	18,8		18,6	0,5	2,7
<i>C. Neoformans/gattii</i>	22,3	22,1	21,9		22,1	0,2	0,8
<i>E. Coli K1</i>	17,8	18,1	18,3		18,1	0,4	1,8
<i>E. Coli K1</i>	20,4	21,0	20,8		20,7	0,3	1,5
Enterovirüs	24,8	23,3	25,3		24,5	1,0	4,3
Enterovirüs (DKK)	27,1	28,0			27,6	0,8	2,3
<i>H. influenzae</i>	17,9	18,3	20,4		18,9	1,3	6,9
<i>H. Influanzae (DKK)</i>	15,8	16,0	16,3	17,0	16,2	0,7	4,2
HHV-6	22,7	29,0	27,3		26,4	3,3	12,5
HHV-6	21,6	21,1	21,6		21,4	0,3	1,3
HHV-6 (DKK)	23,4	26,0	25,0	28,0	25,6	1,9	7,5
HSV-1	20,7	20,3	20,9		20,6	0,3	1,5
HSV-1	23,0	23,0	24,6		23,5	1,3	5,0
HSV-1 (DKK)	24,2	24,3	24,2	24,6	24,3	0,2	0,8
HSV-1 (HK)	4,5	6,2	3,8		4,2	0,4	8,4
HSV-2 (HK)	19,4	18,2			17,8	2,3	12,7
HSV-2 (HK)	20,6	19,3	20,4		20,1	0,7	3,5
HSV-2 (HK)	10,0	12,6	Geçersiz		11,3	1,8	16,3
<i>L. monocytogenes</i>	10,0	11,1	10,0	9,9	10,3	0,6	5,1
<i>L. monocytogenes (DKK)</i>	21,8	21,0	22,5		22,0	0,5	2,2
<i>N. Meningitidis</i>	20,0	17,9	17,2		18,4	1,5	7,9
Parasitörüs	23,9	23,7			26,8	1,3	4,7
<i>S. pneumoniae</i>	19,6	19,1	18,9		19,2	0,4	1,9
<i>S. pneumoniae</i>	12,7	12,0	12,3		12,3	0,4	2,8
<i>S. pneumoniae</i>	22,2	17,9	18,0		19,4	2,5	12,7
VZV	21,2	21,4	20,7		21,1	0,4	1,7

Kısaltmalar: CT: (Cycle threshold-Döngü eşiği); ORT.: ortalama; SS: standart sapma; VK: varyasyon katsayısı; DKK: Dış kalite kontrol; HK: Hücre kültürü; *C. neoformans/gattii*; *Cryptococcus neoformans*; *E. coli K1*: *Escherichia coli K1*; *H. influenzae*: *Haemophilus influenzae*; HHV: Human herpesvirüs; HSV: Herpes simplex virüsü; *L. monocytogenes*: *Listeria monocytogenes*; *N. meningitidis*: *Neisseria meningitidis*; *S. pneumoniae*: *Streptococcus pneumoniae*; VZV: Varisella zoster virüsü

Anahtar Kelimeler: Menenji-Ensefalit, RT-PCR, Verifikasyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-127

Yeni Hizmete Açılan Üçüncü Basamak Bir Hastanede Menenjit/Ensefalit Paneli Deneyimi

Selin Gamze Kılıç Sinci, Gülfem Ece, Fulya Bayındır Bilman, Sebahat Taş, Nisel Yılmaz

İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir, Türkiye

Giriş ve Amaç: Merkezi sinir sistemi (MSS) enfeksiyonları yüksek morbidite ve mortaliteyle seyredilebilmekte, bu sebeple hızlı tanı konulması gerekmektedir. Mikrobiyolojik tanıda moleküler testler bu alanda önemli katkılar sağlamakla birlikte konvansiyonel yöntemler eşliğinde multidisipliner yaklaşım önerilmektedir. Amaç hastanemiz tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen beyin omurilik sıvısı (BOS) örneklerinde çalışılan menenjit/ensefalit paneli (M/E) test sonuçlarının değerlendirilmesidir.

Gereç ve Yöntem: Kasım 2023 – Haziran 2024 tarihleri arasında İzmir Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gönderilen BOS örnekleri Bio-Speedy Menenjit/Ensefalit RT-qPCR MX-17 Panel (Bioeksan, Türkiye) kiti kullanılarak çalışılmıştır. Örneklerin geldiği birimler, laboratuvara gönderilirken sisteme girilen ön tanımlar ve varsa eş zamanlı BOS kültürleri değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada 215 BOS örneğine ait test sonuçları değerlendirilmiştir. Hastalara ait bilgiler Tablo 1'de verilmiştir. Örneklerin %88'i (n=189) M/E negatif bulunurken, %1'inde (n=2) çoklu (Enterovirus ve HHV-6), %11'inde (n=24) tek etken olmak üzere toplam %12'sinde (n=26) pozitiflik saptanmıştır. Bunlar sırasıyla Enterovirus (n=11), *Streptococcus pneumoniae* (n=5), *Listeria monocytogenes* (n=4), Human Herpes Virus-6 (HHV-6) (n=3), *Neisseria meningitidis* (n=2), Herpes Simplex Virus-1 (HSV-1) (n=1), Varicella Zoster Virus (VZV) (n=1), Cytomegalovirus (CMV) (n=1)'dir. M/E istem sayıları, ön tanısı enfektif patolojiyi destekleyen örnek sayısı ve M/E pozitiflik sayılarının kliniklere göre dağılımı Şekil 1'de verilmiş olup en çok istemin nöroloji servisinde yapıldığı, pozitiflik yüzdesinin ise en yüksek erişkin acil servisinde (%32) olduğu görülmüştür. Laboratuvar bilgi yönetim sisteminde belirtilen ön tanısı enfektif patolojiyi destekleyen 75 örnek olup bunların 17'si M/E pozitif saptanırken enfektif patolojiyi desteklemeyen 140 hastanın ise dokuzunda pozitiflik görülmüştür. Etkenlerin kliniklere göre dağılımı Şekil 2'de gösterilmiş olup Enterovirus'un nöroloji servisi başta olmak üzere diğer kliniklerde de pozitifliğinin olduğu, etken çeşitliliğinin de en çok nöroloji servisinde olduğu saptanmıştır. M/E'de bakteriyel etken saptanan örneklerin (n=11) eş zamanlı BOS kültürlerinde üreme gözlenmemiştir. Bir hastanın eş zamanlı kan kültüründe M/E ile uyumlu olarak *S. pneumoniae* üremiştir. M/E negatif hastaların %94'ünde (n=177) eş zamanlı BOS kültürü istenmiş olup bunlarda M/E'nin kapsadığı etkenlere yönelik üreme saptanmamıştır. MSS enfeksiyonları tanısında son derece önemli yeri olan moleküler testlerin sadece paneldeki etkenleri saptaması, klinikle uyumsuz sonuçlarının olabilmesi (bystander durumu) gibi sınırlılıklarının da olduğu ve mutlaka laboratuvar ile işbirliği içinde sonuçların yorumlanması gerektiği bilinmelidir. Bunun için hastanemiz gibi yeni açılan ve farklı merkezlerden çalışanların bir araya geldiği kurumlarda akılcı test istemleri konusunda farkındalık yaratılmalıdır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**

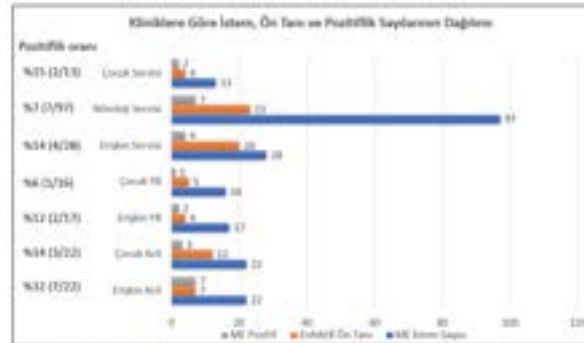


Tablo 1. Menenjit/ensefalit paneli çalışılan hastaların özellikleri

Tablo 1. Menenjit/ensefalit paneli çalışılan hastaların özellikleri

Kategoriler	Toplam n (%)
Yaş Grubu	
Çocuk	52 (24)
Erişkin	163 (76)
Cinsiyet	
Kadın	106 (49)
Erkek	109 (51)
Klinikler	
Acil Servis	44 (20,5)
Klinik Servis	138 (64,2)
Yoğun Bakım	33 (15,3)
Ön Tanı	
Enfektif	75 (33,5)
Enfektif Olmayan	140 (66,5)

Şekil 1. Kliniklere Göre İstem, Ön Tanı ve Pozitiflik Sayılarının Dağılımı



Şekil 1. Kliniklere Göre İstem, Ön Tanı ve Pozitiflik Sayılarının Dağılımı

Şekil 2. Etkenlerin Kliniklere Göre Dağılımı

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org



550

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-129

İzmir Şehir Hastanesinde Anti-Nükleer Antikorların Tespitinde İndirekt İmmüno Floresan ve İmmünoblot Yöntemlerinin Karşılaştırması

Ayşe Arslan, Alper Togay

İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir, Türkiye

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada, çeşitli kliniklerden Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına anti-nükleer antikor (ANA) ve ekstrakte edilebilir nükleer antijen (ENA) araştırılması için gönderilen hasta örneklerinin indirekt floresan antikor (IFA) yöntemi ve immünoblot (IB) test sonuçlarının geriye dönük olarak değerlendirilmesi ve bu iki yöntemin birbirleri ile karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda, Ekim 2023-Temmuz 2024 tarihleri arasında Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarında ANA ve ENA çalışılmış toplam 3330 hastanın sonuçları incelenmiştir. ANA testi, üretici firmanın (Hep 20-10, Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) önerisi doğrultusunda 1/100 dilüsyonla çalışılmış ve immüno floresan mikroskopta boyanma paterni ve floresans şiddeti değerlendirilmiştir. Aynı numuneler ayrıca, IB (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) ile ENA testi için de kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 3330 numunenin 2603'ü (%78.2) kadın ve 727'si (%21.8) erkek hastaya aittir. İncelenen hasta örneklerinde IFA testinde çeşitli titre ve paternlerde %26.8 (n=891) oranında pozitiflik saptanmıştır. Pozitif olan 891 ANA testinin 270'i (%20.3) benekli, 193'ü (%21.7) DFS70, 171'i (%19.2) nükleolar, 136'sı (%15.3) homojen, 49'u (%5.5) sentromer, 20'si (%2.2) nükleer noktalı, 17'si (%1.9) nükleer membran, 22'si (%2.2) benekli+diğer patern ve 13'ü (%1.4) homojen+diğer patern olarak tespit edilmiştir. 891 ANA pozitif örneğin 747'si (%83.8) kadın ve 144'ü (%16.2) erkek hastaya aittir. ANA patern dağılımı ve kadın hasta oranları Tablo 1 de ayrıntılı olarak verilmiştir. Çalışmamızda, 39 hastada ANA negatif iken sitoplazmik boyanma pozitif olarak tespit edilmiştir. ANA pozitif örnekler IB testindeki en az bir antikor pozitifliği ile karşılaştırıldığında, her iki yöntemin birlikte pozitiflik oranları; sentromer %92, DFS70 %85, benekli %70, homojen + diğer %62, homojen %51, benekli + diğer %50, nükleolar %37, nükleer membran %35 ve nükleer noktalı %30 şeklindedir (Tablo 2). Çalışmamızdaki ANA pozitiflik (%26.8) oranı ülkemizde yapılan diğer çalışmalar ile uyumlu bulunmuştur. En sık benekli, DFS70 ve nükleolar paternler saptanmıştır. ANA ve IB testlerinde (patern bağımsız en az bir antikor pozitifliği değerlendirildiğinde) en yüksek uyumun sentromer (%92), DFS70 (%85) ve benekli (%70) paternlerde olduğu görülmüştür. Sonuç olarak ANA varlığının araştırılması için romatizmal hastalık ön tanısı ile gelen hastalar önce IIF ile taranmalı ve sonuçlar pozitifse, IB ile spesifik antikorlar tespit edilmelidir. IIF yöntemi ile ANA negatif bulunduyorsa ve romatizmal hastalık açısından güçlü klinik şüphe varsa, IB testi çalışılması tanıda faydalı olacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. IIF sonuçlarının dağılımı

Patern	Sayı	Yüzde (%)	Kadın n (%)
Benekli (AC-4,5)	270	(%20.3)	222 (%82.2)
DFS70 (AC2)	193	(%21.7)	164 (%85)
Nükleolar (AC-8,9,10)	171	(%19.2)	129 (%75.4)
Homojen (AC-1)	136	(%15.3)	118 (%86.8)
Sentromer (AC-3)	49	(%5.5)	46 (%93.9)
Nükleer noktalı (AC-6,7)	20	(%2.2)	20 (%100)
Nükleer membran (AC-11,12)	17	(%1.9)	17 (%100)
Benekli+ diğer	22	(%2.2)	21 (%95.4)
Homojen+diğer	13	(%1.4)	10 (%76.9)

IIF (İndirekt immunofluoresan), AC (Anti-cell kodları)

Tablo 2. ANA ve ENA sonuçlarının karşılaştırılması

IIF PATERN	IIF poz	IIF-IB UYUM*	
	(n)	IB Neg	(%)
Benekli (AC-4,5)	270	80	%70
DFS70 (AC2)	193	29	%85
Nükleolar (AC-8,9,10)	171	107	%37
Homojen (AC-1)	136	66	%51
Sentromer (AC-3)	49	4	%92
Nükleer noktalı (AC-6,7)	20	14	%30
Nükleer membran (AC-11,12)	17	11	%35
Benekli+ diğer	22	11	%50
Homojen+diğer	13	5	%62

*ANA pozitif örneklerin IB pozitiflik oranları. (IB sonuçları birden fazla antijene karşı otoantikor sonuçlarını içerebilir. Kıyaslama herhangi bir antikor pozitifliğine göre yapılmıştır) ANA (anti-nükleer

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



antikor), ENA (ekstrakte edilebilir nükleer antijen), IB (Immunoblot), IIF (İndirekt immunofluoresan), AC
(Anti-cell kodları)

Anahtar Kelimeler: anti-nükleer antikor, indirekt immünofloresan antikor, immünoblot

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-130

ANA Paternlerinin Doğru Tanımlanması için Dilüsyon Gerekli Midir?

Rukiye Berkem, Ali Furkan Yahşi, Merve Özkan Ahmetoğlu

Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Anti-nükleer antikorlar (ANA), ANA-ilişkili romatizmal hastalıklar için bir tanı belirticidir. ANA tespiti için altın standart yöntem, yüksek duyarlılığı nedeniyle insan epitel (HEp-2) hücrelerinde indirekt immünofloresan (IIF) yöntemi olarak kabul edilir. Son ANA IIF tanı kılavuzları, ANA'nın varlığının yalnızca pozitif veya negatif olarak bildirilmemesini aynı zamanda kantitatif bir sonuç verilmesini de önermektedir. Günümüzde IIF testi ile ANA'ların değerlendirilmesi için otomatik dijital okuma sistemleri rutin immunodiagnostik laboratuvar uygulamalarına eklenmiştir. Son çalışmalar, antikor paterninin yanı sıra sistemik romatizmal hastalık olasılığının artan ANA IIF floresan yoğunluğu (seviyesi) ile arttığını vurgulamaktadır. Yüksek antikor varlığında tek tarama dilüsyonu ile çalışıldığında hem prozon fenomeni nedeniyle hem de patern değerlendirmelerinde hatalı sonuçlara neden olabilmektedir. Zaman, emek ve maliyet kısıtlamaları klinik laboratuvarların çoğunun seri dilüsyonla IIF yöntemiyle ANA'ları tespit etme ideal uygulamasından uzaklaşmasına yol açmaktadır. Bu çalışmamızda bu gereklilik vurgulanmak istenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada 01.08.2023-31.08.2024 tarihleri arasında IIF ANA testinin sonucu 1/100 tarama dilüsyonunda yüksek titrede pozitif saptanan, 1/320, 1/1000, 1/3200 titrede seri dilüsyon uygulanan 63 hasta serum örneği dahil edildi. EUROLab Office 4.0 ile uyumlu yazılıma sahip olan EUROPattern Mikroskobu ile ilk değerlendirme otomatik okuma ve manuel gözle okuma, seri dilüsyon sonrası ise sadece manuel gözle okuma olarak gerçekleştirildi. Örneklerin hepsine Euroline ANA Profile (Mi-2, Ku, DFS-70 IgG) testi çalışıldı.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların yaş dağılımı; 0-9 3(%5), 10-19 4(%6), 20-29 4(%6), 30-39 6(%10), 40-49 14(%22), 50-59 16(%25), 60-69 10(%16), 70-79 4(%6), 80+ 2(%3), cinsiyet dağılımı 56 (%89) kadın, 7 (%11) erkek (Şekil 1 ve 2). Tarama dilüsyonu ve seri dilüsyon sonrası belirlenen patern(ler) arasındaki uyum %73 (46/63) idi. 17 örnekte ise uyumsuzdu (%27) (Tablo 1). Uyumsuz bulunan örneklerin ANA profil sonuçları Tablo 2'de gösterilmiştir. Klinik laboratuvar uygulamalarında bu hasta gruplarında refleks test uygulamaları ile antikor tespiti gereklidir. Floresan yoğunluğu ile belirlenen reaksiyon şiddetleri %100 oranında (63/63) uyumlu bulundu. Birden fazla patern saptanan örneklerde ise farklı şiddetlerde reaksiyonlar tespit edildi (Şekil 3). Son yıllarda yapılan çalışmalarda, otomatik okuma ile elde edilen floresan yoğunluğu ve manuel okuma ile yapılan son titre değerlendirmesi arasında iyi bir korelasyon olduğu gösterilmiştir. Yüksek yoğunlukta floresan gösteren hasta örneklerinde ($\geq 1/3200$ veya +++) doğru patern tanımlaması ve birden fazla patern varlığının gösterilip tanımlanabilmesi için tüm kısıtlamalara karşın seri dilüsyon uygulaması gereklidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

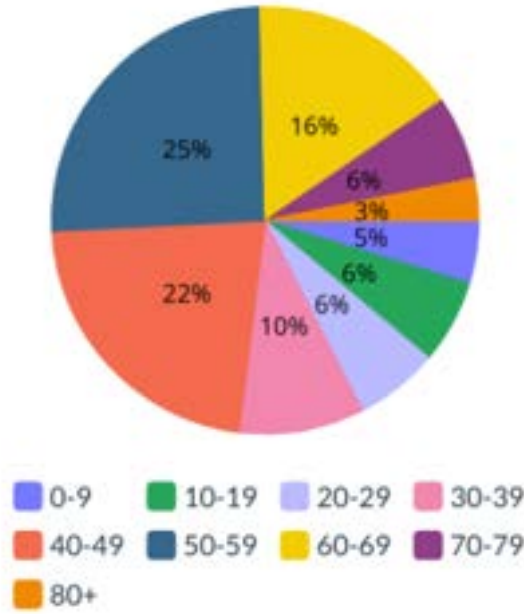
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yaşa Göre Dağılım



Şekil 1

Cinsiyete Göre Dağılım

13-17 Kasım
2024

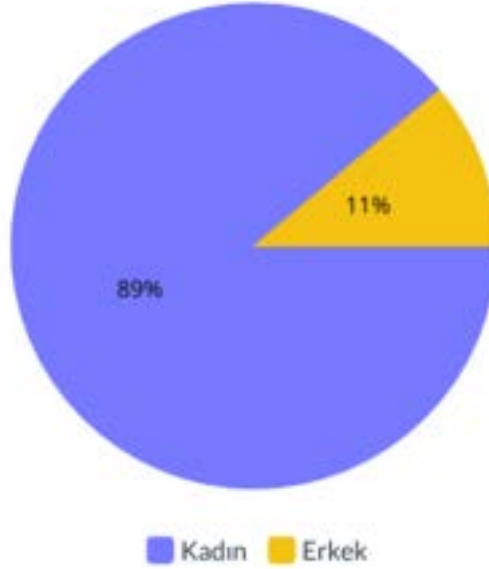
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

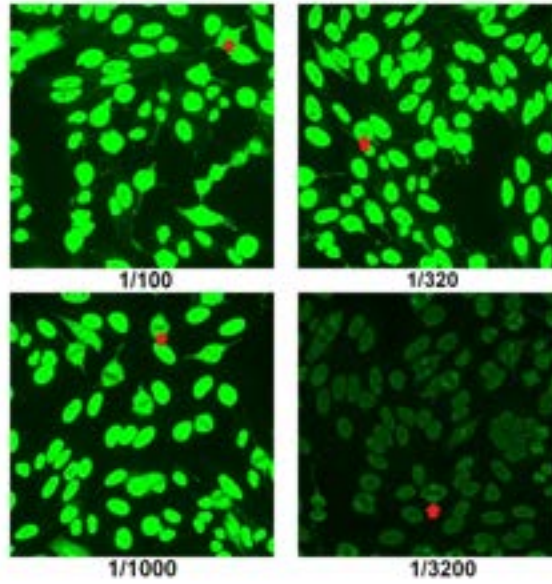


12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 2

Seri Dilüsyon Sonrası Görünüm



Şekil 3

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Uyumsuz Bulunan rneklerin Dilsyon ncesi-Sonrası Deęerlendirmesi ve ANA Profil Sonuęları

Dilsyon ncesi Tespit Edilen Patern(ler)	Dilsyon Sonrası Tespit Edilen Patern(ler)	ANA Profil Sonuęları
AC-2, AC 4-5, AC 11-12	AC-12, AC-21	Ro-52 ++, AMA-M2 +++
AC-1, AC 4-5	AC-2	Negatif
AC-3, AC4-5, AC 8-9-10, Sitoplazmik patern	AC 4-5, AC 8-9-10, AC-2 AC-19	dsDNA +, DFS-70 +, CENP-B +++
AC 4-5, AC 11-12	AC-21	AMA-M2 +++
AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC-2	DFS-70 +++
AC 4-5	AC-21	Nukleozom +, AMA-M2 +++
AC-3, AC 4-5, AC 8-9-10, Sitoplazmik patern	AC 8-9-10, AC-1, AC 18-19-20	dsDNA ++, Scl-70 (+), CENP-B +++
AC 11-12	AC 1, AC 2	PM/Scl (+), Histon +
AC 1, AC 4-5, AC 6-7, AC 8-9-10, AC 11-12, Sitoplazmik patern	AC 6-7, AC 8-9-10, AC 4-5, AC 20	SS-A +
AC 1, AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC 2, AC 4-5, AC 19	nRNP/Sm (+), SS-A +++, Ro-52 ++, Mi-2 (+), Ku (+)
AC 1, AC 4-5	AC 2, AC 4	Ro-52 +++, PCNA ++, Jo-1 (+)
AC 4-5	AC 3, AC 4, AC 19	DFS-70 +++, CENP-B ++
AC 1	AC 4	SS-A +++, SS-B +++, Ro-52 +++
AC 1, AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC 2, AC 19	DFS-70 (+)
AC-1, AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC 1, AC 2, AC 4, AC 21, AC 19	dsDNA +, SS-A +, Nukleozom (+), AMA-M2 (+)
AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC 19	Ro-52 ++

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



AC 1, AC 4-5, Sitoplazmik patern	AC 2, AC 19	Scl-70 +, PM/Scl +, DFS- 70 +++

Tablo 2

Seri Dilsyon ncesi ve Sonrası Uyum Deęerlendirmesi

	Otomatik Deęerlendirme İle Uyumlu	Otomatik Deęerlendirme İle Uyumsuz
Son Raporlanan Patern(ler)	%73 (46/63)	%27 (17/63)
Floresan Şiddeti	%100 (63/63)	%0 (0/63)

Tablo 1

Anahtar Kelimeler: anti nkleer antikor, seri dilsyon, indirekt immunofloresan yntem

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-131

Tüberküloz ve Çok İlaça Direnç Tanısı İçin Gerçek Zamanlı Multipleks PCR Yöntemi Geliştirilmesi

Oğuz Arı¹, Rıza Durmaz², Sedat Vezir⁴, Ahmet Arslantürk³

¹Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Merkez Araştırma Laboratuvarı

²Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

³Türkiye Halk Sağlığı Kurumu, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı

⁴Ankara Atatürk Sanatoryum Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Tüberküloz (TB), *Mycobacterium tuberculosis*'in neden olduğu dünya çapında önde gelen morbidite ve mortalite nedenlerinden biri olarak halk sağlığı için önemli bir tehdit oluşturmaktadır. Tüberkülozun küresel kontrolüne yönelik en ciddi tehditlerden biri, anti-tüberküloz ilaçlara karşı direnç gelişmesidir. Özellikle çok ilaca dirençli (ÇİD-TB) izolatların yaygınlaşması ve bu olguların çoğuna tanı koyulamaması veya uygun şekilde tedavi edilmemesi en önemli sorundur. Bu çalışmada, klinik örneklerden TB tespiti yanında, pozitif örneklerde ÇİD-TB suşlarını belirlemede multipleks bir qPCR metodu geliştirilmesi amaçlanmıştır. Çalışmada, klinik örneklerde düşük kopya sayısında basil bulunması durumunda bile pozitif sonuç verebilecek, özgüllük ve duyarlılığı en az mevcut IVD/CE ticari kitler kadar olan bir metot geliştirilmesi hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Multipleks olarak tasarlanan metot, farklı mikslere kullanıldığı iki aşamalı olarak uygulandı. İlk aşamada, klinik örneklerde tüberküloz basiliinin tespiti ve rifampisin (RİF) direncini ortaya konma planlandı. Tüberküloz tespiti için IS6110 geni, RİF direnci için *rpoB* geni hedeflendi. İkinci aşamada ise TB pozitif çıkan örneklerde izoniazid (INH) direnci tespiti amacıyla *inhA* ve *katG* genleri hedeflendi. PCR mikslерinde wild-tip dizisiye sahip primer ve moleküler beacon problemleri kullanıldı. Bu sayede, örneklerde bir mutasyon olması durumunda ilgili geni hedefleyen probdan ya sinyal alınmayacak ya da düşük düzeyde sinyal alınacaktır. Multipleks PCR metodunun optimizasyonu için farklı bağlanma sıcaklıkları (58, 60, 62°C) ve 0.05-0.5 pmol/ul aralığında değişen primer ve prob konsantrasyonları denendi. Ardından metodun performans testleri kapsamında, limit of detection (LOD), tekrarlanabilirlik, doğruluk ve klinik örnekler üzerindeki etkinliği test edildi.

Bulgular ve Sonuç: Multipleks PCR içerisinde bulunan tüm primer/probların konsantrasyonları benzer düzeyde floresans verecek şekilde optimize edildi (Şekil1-2). Optimize edilen metodun en düşük saptama limitleri (LOD), TB tanısı ve RİF direnci için 124-129 cfu/ml, INH direnci için 90-93 cfu/ml olarak bulundu. Tekrarlanabilirlik testlerinde metodun deney içi, deney arası ve lot arası tekrarlarında varyasyon katsayı değerleri %0,36 ile %5,3 aralığında hesaplandı ve sonuçların %95-%99 güven aralığında kaldığı gözlemlendi. Doğruluk analizinde hatalı negatif/pozitifliğe rastlanmadı. Klinik örnekler (n=273) üzerinde yapılan çalışmalarda, metodun %99 özgüllük ve duyarlılığa sahip olduğu belirlendi (Tablo1-2). Sonuç olarak; optimize edilmiş moleküler beacon bazlı multipleks PCR metodu, tüberküloz tanısı ve anti-tüberküloz ilaçlara dirençten sorumlu mutasyonları hızlı ve doğru olarak saptayabilmektedir. Özel ekipman ve sarf

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

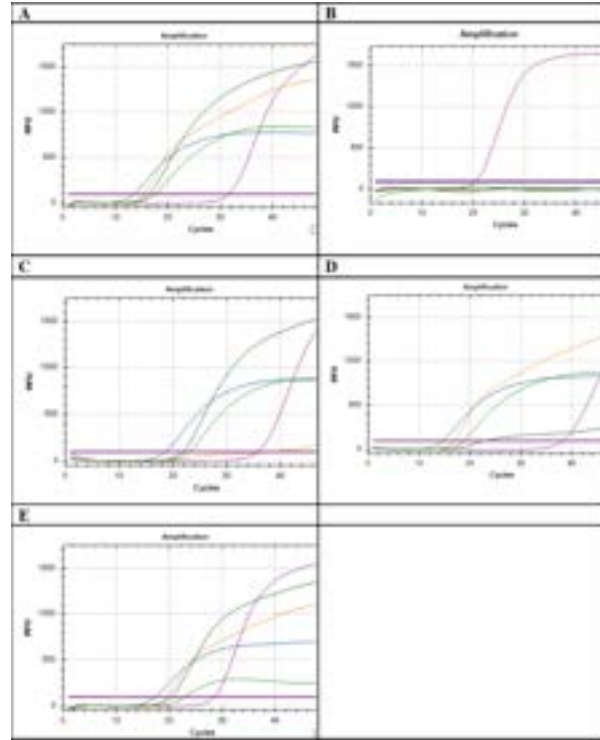
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



malzeme bağımlısı olmayan metodun tüberküloz tanı laboratuvarlarında kullanılabilecek bir kit olacağını düşünmekteyiz.

Şekil 1. Optimize koşullarda birinci PCR miks ile yapılan RİF direncine yönelik klinik örnek sonuçları.



Mavi: IS6110-FAM. Turuncu: rpo β -1-ROX Koyu yeşil: rpo β -2-HEX Yeşil: rpo β -3-CY5.5 Mor: İK-CY5 A: RİF duyarlı *M.tuberculosis* kompleks pozitif örnek B: *M.tuberculosis* kompleks negatif örnek C: RİF dirençli (ROX bölgesinde mutasyon) *M.tuberculosis* kompleks pozitif örnek D: RİF dirençli (HEX bölgesinde mutasyon) *M.tuberculosis* kompleks pozitif örnek E: RİF dirençli (CY5.5 bölgesinde mutasyon) *M.tuberculosis* kompleks pozitif örnek.

Şekil 2. Optimize koşullarda ikinci miks ile yapılan INH direncine yönelik klinik örnek PCR sonuçları

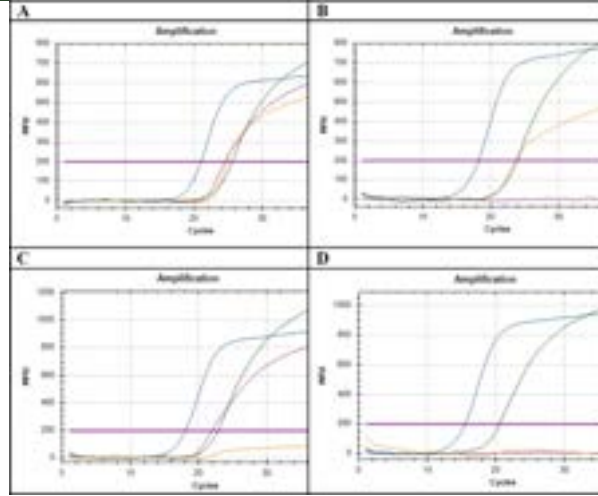
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mavi: İK-IS6110 Yeşil: rplC-HEX Mor: katG-CY5 Turuncu: inhA-ROX. A: INH duyarlı örnek B: INH dirençli (katG bölgesinde mutasyon) C: INH dirençli (inhA bölgesinde mutasyon) D: INH dirençli (katG ve inhA bölgelerinde mutasyon).

Tablo1. Metodun *M. tuberculosis* tanısı ve RİF direnci tespitinde özgüllük ve duyarlılığı

		Xpert MTB/RIF Ultra ve/veya FluoroType MTBDR			
		TB Pozitif		TB Negatif	Toplam
		RIF Duyarlı	RIF Dirençli		
TB Pozitif	RIF Duyarlı	40	0	-	121
	RIF Dirençli	0	81		
TB Negatif		-	-	37	37
Toplam		40	81	37	158
Duyarlılık (%)		100 (81/81)			
Özgüllük (%)		100 (40/40)		100 (37/37)	
Doğruluk (%)		100 (158/158)			

Tablo2. Metodun INH direnci tespitinde özgüllük ve duyarlılığı

	FluoroType MTBDR		
	TB Pozitif		Toplam
	INH Duyarlı	INH Dirençli	

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



INH Duyarlı	37	0	37
INH Dirençli	0	78	78
Total	37	78	115
Duyarlılık (%)		100 (78/78)	
Özgllk (%)	100 (37/37)		
Doğruluk (%)		100 (115/115)	

Anahtar Kelimeler: Tberkloz, PCR, Antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-132

Tüberküloz Dışı Mikobakterilerde Bedakuilinin Eflüks Pompa İnhibitörü ile Kombinasyonlarında Etkinliklerinin Değerlendirilmesi

Esra Gül Tursun¹, Taylan Bozok¹, Can Bıçmen², Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Sbü Dr. Suat Seren Göğüs Hastalıkları Ve Cerrahisi Eğitim Ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Tüberküloz dışı mikobakterilerin (TDM) neden olduğu enfeksiyonlar dünya çapında artmaktadır. TDM'ler immunsuprese hastalarda fırsatçı patojen olarak karşımıza çıkmaktadır. Doğada ve çevremizde çok yaygın olarak bulunan TDM'ler içinde 200'e yakın bilinen tür mevcuttur. *Mycobacterium abscessus* da dahil olmak üzere yalnızca birkaç tür insanlarda ciddi enfeksiyonlara neden olur. TDM'nin neden olduğu enfeksiyonların tedavisi, kombine ilaç rejimleri ve tedavi süresinin uzunluğu nedeniyle zordur. Yüksek düzeyde hidrofobik ve lipit bakımından zengin hücre duvarı çeşitli ilaçların penetrasyonuna karşı güçlü bir bariyer oluşturur. Bu durum birçok antimikrobiyale karşı intrinsik direnç yol açar. Eflüks pompaları (EP), antibiyotiklerin hücre içi birikimini önleyerek, ilaç direncine neden olur. İlaç direncini azaltmak için antimikrobiyallerin hücre içi konsantrasyonunu artırabilen EP inhibitörlerinin (EPI) kullanılması ümit verici bir yaklaşımdır. EPI'lerin antitüberküloz ilaçların dışa atımını engellediği, *Mycobacterium tuberculosis*'in ilaç direncini azalttığı ve antimikrobiyallerle sinerjistik etkiler ürettiği gösterilmiştir. Bu çalışmanın amacı, *M. abscessus* klinik izolatlarında bedakuilin (BDQ) ile bir EPI olan verapamil (VP) kombinasyonlarının etkinliğinin belirlenmesidir.

Gereç ve Yöntem: Balgam ve bronkoalveolar lavaj örneklerinden izole edilen 19 *M. abscessus* suşu ve ATCC 44196 suşu Middlebrook 7H9 ve Löwenstein Jensen besiyerlerine pasajlanıp canlandırıldı. VP stok solüsyonu Dimetil-Sülfoksit (DMSO), BDQ stok solüsyonu ise distile su kullanılarak hazırlandı. 96 kuyucuklu mikroplakta, her izolatin VP ve BDQ için resazurin dama tahtası metodu kullanılarak farklı kombinasyonlardaki minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerleri tespit edildi. Besiyeri olarak katyon ilaveli Müeller Hinton Broth besiyeri kullanıldı. Değerlendirmede fraksiyon inhibitör konsantrasyon indeksi (FICI) hesaplanarak sonuçlar, sinerjik (≤ 0.5), aditif ($0.5 < FICI \leq 1$), indifera (etkisiz) ($1 < FICI < 4$) ve antagonistik ($FICI \geq 4$) etki olarak yorumlandı.

Bulgular ve Sonuç: On dokuz klinik izolatin 16'sında (%84.2) VP/BDQ kombinasyonu sinerjistik etkileşim, üç izolatta (%15.7) ise aditif etki gösterdi. En düşük FICI değeri 0.09, en yüksek FICI 0.75 idi. BDQ için min/max MİK değerleri sırasıyla; 0.125 ve 0.5 µg/ml, VP için sırasıyla 256 ve 1024 µg/ml bulundu. VP ve BDQ için MİK50/MİK90 sırasıyla; 512/1024 µg/ml ve 0.25/0.25 µg/ml bulundu. *M. abscessus* ATCC 44196 FICI değeri 0.49 ile sinerjizm gösterdi. VP varlığında BDQ MİK değerleri azalmakta ve BDQ aktivitesi güçlenmektedir. İn vitro veriler değerlendirildiğinde BDQ/VP kombinasyonu *M. abscessus* tedavisine olumlu katkı sağlayabilir. Bunun yanında farklı EPI'lar ve antimikrobiyaller kullanılarak yapılacak çalışmaların TDM tedavisi için yeni preparatların oluşturulmasına katkı sağlayacağı düşüncesindeyiz.

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org



Figure 1: A 10x10 dot blot array showing the effect of VP and BDQ on the growth of *Mycobacterium tuberculosis* H37Rv. The columns represent concentrations of VP (2048, 1024, 512, 256, 128, 64, 32, 0) and the rows represent concentrations of BDQ (1, 0.5, 0.25, 0.125, 0.0625, 0.03125, 0.015625, 0.0078125, 0.00390625, 0). The color scale indicates growth, with blue representing no growth and pink representing growth. The array shows that both VP and BDQ inhibit growth in a dose-dependent manner, with the most significant inhibition observed at the highest concentrations of both drugs.

564

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: Suşlara ait dama tahtası metodu ile sinerji testi sonuçları

Suş	BDQ MIC	VP MIC	BDQ Cons.	VP Cons.	FIC BDQ	FIC VP	FICI	Etkileşim
1	0,25	1024	0,03	32	0,12	0,03	0,15	Sinerji
2	0,25	512	0,06	32	0,24	0,06	0,3	Sinerji
3	0,125	256	0,015	32	0,12	0,125	0,25	Sinerji
4	0,25	1024	0,03	128	0,12	0,125	0,25	Sinerji
5	0,25	256	0,015	32	0,06	0,125	0,19	Sinerji
6	0,125	256	0,015	32	0,12	0,125	0,25	Sinerji
7	0,25	512	0,06	32	0,24	0,06	0,3	Sinerji
8	0,25	1024	0,015	32	0,06	0,03	0,09	Sinerji
9	0,25	256	0,06	128	0,24	0,5	0,74	Aditif
10	0,125	512	0,015	32	0,12	0,06	0,18	Sinerji
11	0,125	512	0,06	32	0,48	0,06	0,54	Aditif
12	0,25	512	0,03	64	0,12	0,125	0,25	Sinerji
13	0,25	512	0,03	64	0,12	0,125	0,25	Sinerji
14	0,25	256	0,06	32	0,24	0,125	0,37	Sinerji
15	0,25	512	0,06	32	0,24	0,06	0,3	Sinerji
16	0,5	512	0,25	128	0,5	0,25	0,75	Aditif
17	0,25	512	0,06	64	0,24	0,125	0,37	Sinerji
18	0,5	256	0,03	64	0,06	0,25	0,31	Sinerji
20	0,25	256	0,06	32	0,24	0,125	0,37	Sinerji
ATCC	0.125	256	0.03	64	0,24	0,25	0,49	Sinerji

FIC: Fraksiyon inhibitör konsantrasyon, FICI: Fraksiyon inhibitör konsantrasyon indeksi

Anahtar Kelimeler: *M. abscessus*, Bedakuilin, Verapamil

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



"Tberkloz Dıřı Mikobakterilerde Bedakuilin ve Klaritromisinin Efluks Pompa İnhibitr İle Kombinasyonlarında Etkinliklerinin Deęerlendirilmesi" bařlıklı ve 2023-2-TP3-4963 numaralı proje, Mersin niversitesi Bilimsel Arařtırma Projeleri Koordinasyon Birimi (BAP) tarafından desteklenmiřtir."

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-133

Tüberküloz Tanılı Hastalarda Xpert MTB/RIF Ultra Tanı Testinin Performansının Değerlendirilmesi: Altı Yıllık Bir Çalışma

Aylin Var², Tuğrul Hoşbul¹, Ali Albay¹

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Tüberküloz (TB), etkeni *Mycobacterium tuberculosis* olan, önlenabilir ve tedavi edilebilir bir hastalıktır. Dünya Sağlık Örgütü (WHO) tarafından 2010 yılında onaylanan Xpert MTB/RIF testi (Cepheid, Sunnyvale, CA, ABD), TB için hızlı moleküler tanıda yeni bir dönemi başlatmıştır. Test Xpert MTB/RIF Ultra olarak 2017 yılında kullanılmaya başlanmıştır. Bu çalışmada Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi Mikrobiyoloji laboratuvarında Eylül 2018- Haziran 2024 yılları arasında çalışılan Xpert MTB/RIF Ultra testinin altın standart kültür (BACTEC MGIT 960 sıvı kültür sistemi ve/veya Löwenstein-Jensen katı besiyeri) yöntemi ile kıyaslanarak tanısal performansını değerlendirmeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışma 6 yıllık bir sürede laboratuvarımıza gelen ve Xpert MTB/RIF Ultra testi çalışılan örnek sonuçlarının retrospektif bir şekilde değerlendirilmesi ile oluşturulmuştur. Çalışmaya kültür, ARB boyama ve Xpert MTB/RIF Ultra testi çalışılan örnekler dahil edilmiştir. Yalnızca Xpert MTB/RIF Ultra ile çalışılan örnekler çalışmaya dahil edilmemiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, toplam 3139 Xpert MTB/RIF Ultra testi sonuçları değerlendirilmiştir. Testin TB basili saptadığı toplam 115 hastadan kültürde üremesi olan hasta sayısı 75 (%65,2) iken, kültürde üremesi olmayan hasta sayısı 40 (%34,7) olarak saptanmıştır. Bu 40 hastanın ise 34'ünde (%75) hem kültür hem de ARB boyama negatif olarak bulunmuştur (Tablo 1). Bu 34 sonucun ait olduğu hastalar ileriye dönük incelendiğinde bu hastaların 12 tanesinin sonradan gönderilen örneklerine yapılan kültür sonuçları pozitif çıkmış ve hastalar tüberküloz tanısı almışlardır. Bu durum Xpert MTB/RIF Ultra tanı testinin kullanımının önemini göstermektedir. Çalışmamızın sonuçları incelendiğinde kültürde üremesi olan hasta örneklerinin %77,3'ü Xpert MTB/RIF Ultra testinde pozitif saptanmıştır. Testin duyarlılığı %81,5 olarak bulunmuştur. Kültürde üremesi olmayan ve ARB negatif saptanan ancak Xpert testinin TB basili saptadığı hastalarda klinisyenin şüphelenerek yeniden kültür için örnek göndermesi ve bu örneklerin bir kısmının (%35,2) kültüründe TB basili üremesinin olması da bir çok hastanın tanısının atlanmasını engellemiştir. Sonuçlarda dikkat çeken bir durum da kültürü negatif ancak ARB pozitif 6 hastada Xpert Ultra tanı testinin pozitif bulunmasıdır. Bu durum Xpert testinde TB basili saptanmasının hastaların kültür sonuçları beklenmeden tedavilerine hızlı bir şekilde başlamasına olanak sağlamıştır. Sonuç olarak çalışma sonuçları bize Xpert Ultra testinin duyarlılığı yüksek olduğunu ve hastaların erken tanı ve tedavisine büyük katkı sağladığını göstermektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. Xpert MTB/RIF Ultra sonuçlarının kültür ve ARB sonuçları ile karşılaştırılması

	KÜLTÜR POZİTİF		KÜLTÜR NEGATİF	
	ARB	ARB POZİTİF	ARB	NEGATİF
		NEGATİF		
Xpert MTB/RIF ULTRA POZİTİF	40	35	6	34
Xpert MTB/RIF ULTRA NEGATİF	0	17	2	3005

Tablo 2.

	XPRT POZİTİF	XPRT NEGATİF
Abse	6	2
Asit Sıvısı	-	1
BAL	7	-
Balgam	34	13
BOS	1	-
Doku	11	-
Eklem Sıvısı	-	-
İdrar	2	-
AMS	8	-
Perikard Sıvısı	1	-
Plevra Sıvısı	5	-
Torasentez	-	-
Yara	-	1
Toplam	75	17

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



BAL:Bronkoalveolar Lavaj

BOS:Beyin Omurilik Sıvısı

AMS:Açlık Mide Sıvısı

Kltr pozitif hastalara ait rneklerin daėılımı

Anahtar Kelimeler: Mikobakteri, Tberkloz, Xpert MTB/RIF Ultra

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-134

Tüberküloz Tanısında Sıvı Kültür Besiyeri ile Birlikte Kullanılan Katı Besiyerinin Sekiz Haftalık İnkübasyon Süresinin Tanıya Katkısı

Ferdi Çetin, Nuri Özkütük, Süheyla Sürücüoğlu

Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Manisa

Giriş ve Amaç: Tüberkülozun hızlı tanısı, etkin tedavinin başlaması ve bulaş zincirinin kırılmasında kritik öneme sahiptir. Tanıda katı besiyeri ve otomatize sıvı besiyeri temelli kültür sistemlerinin birlikte kullanılması önerilmektedir. Ancak negatif sonuçların raporlanabilmesi için sıvı besiyerinin altı, katı besiyerinin sekiz hafta inkübe edilmesi gerekmektedir. Mevcut rehberlerde her iki besiyerinin birlikte kullanılması durumunda katı besiyeri için daha kısa süre inkübasyonun yeterli olacağı ile ilgili bir öneri bulunmamaktadır. Çalışmamızda sıvı besiyeri temelli otomatize kültür sistemi ile birlikte kullanılan katı besiyerinin, sıvı besiyerinde negatif sonuç alındıktan sonra (6. hafta) iki hafta daha inkübe edilmesinin tanısal yararının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Manisa Celal Bayar Üniversitesi Hafsa Sultan Hastanesi mikobakteri laboratuvarında 01.01.2011-31.12.2021 tarihleri arasında tüberküloz tanısı amacıyla BACTEC MGIT 960 otomatize kültür sistemi (Becton-Dickinson, ABD) ve Löwenstein-Jensen (LJ) (Becton-Dickinson, ABD) besiyerinde kültürü yapılmış örneklerin verileri taranmıştır. İki kültür besiyerinden en az birinde pozitif sonuçlanmış örneklerin sonuçlanma sürelerinin istatistiksel analizleri yapılarak katı besiyerinin altı haftadan uzun inkübasyonunun tanıya katkısı hesaplanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: 18901 örneğin 1130'unda (%6) en az bir besiyerinde mikobakteri saptanmış, üreme sürelerine ait kayıtlara ulaşılmış olan 1110 örnek çalışmaya alınmıştır. 1110 örnekten 846 mikobakteri *M. tuberculosis kompleks* (MTBC) olarak tanımlanmış ve mikroskopik inceleme yapılmış 1107 örneğin 472'si (%42.6) yayma ARB pozitif bulunmuştur. MGIT ve LJ için mikobakteri üreme süresi ortanca değerleri sırasıyla 14 (çeyrekler arası aralık [IQR], 9-20), 21 gün (IQR, 18-28); MTBC üreme süresi ortanca değerleri 13 (IQR, 9-16), 21 gün (IQR, 18-28) hesaplanmıştır. Kültürü mikobakteri pozitif raporlanan örneklerin LJ besiyerinde altı hafta ve öncesinde 672'sinde (%60.54), 6-8. haftalar arasında ise 47'sinde (%4.23) mikobakteri üremesi saptanmıştır. 47 örneğin 41'inde daha önce MGIT'ta üreme saptanırken, sadece altısında (%0.54) üreme saptanmamıştır. Kültür sonucu MTBC pozitif raporlanan örneklerin LJ besiyerinde altı hafta ve öncesinde 635'inde (%75.06), 6-8. haftalar arasında ise 36'sında (%4.25) MTBC üremesi saptanmıştır. 36 örneğin 32'sinde daha önce MGIT'ta üreme saptanırken, sadece dördünde (%0.47) üreme saptanmamıştır. Otomatize sıvı kültür sistemi ile birlikte kullanılan LJ besiyerinin altı haftadan uzun süre inkübe edilmesinin tüberküloz tanısına katkısının sadece %0.47 olduğu görülmüş olup altı hafta sonunda sıvı besiyeri ile birlikte katı besiyerinin de negatif olarak raporlanabileceği, erken raporlama protokollerinin hastalara, klinisyenlere ve laboratuvarlara önemli faydalar sağlayabileceği ve bu konuda rehber önerisinin tekrar değerlendirilmesi gerektiği düşünülmüştür.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2: Katı besiyerinde 6 haftadan uzun inkübasyonda mikobakteri ve MTBC üreme sayıları ve yüzdeleri

		Tüm Mikobakteriler	MTBC
Tüm örnekler	3,2 (n=360)	47 (12,77%)	16 (4,44%)
	MGIT +6 hafta	41 (11,39%)	12 (3,33%)
	MGIT +6 haftadan fazla	6 (1,66%)	4 (1,11%)
Yerine ARB pozitif örnekler	3,2 (n=360)	6 (1,66%)	6 (1,66%)
	MGIT +6 hafta	6 (1,66%)	6 (1,66%)
	MGIT +6 haftadan fazla	0 (0,00%)	0 (0,00%)
Yerine ARB negatif örnekler	3,2 (n=360)	41 (11,39%)	10 (2,77%)
	MGIT +6 hafta	35 (9,72%)	8 (2,22%)
	MGIT +6 haftadan fazla	6 (1,66%)	2 (0,55%)
Akciğer örnekleri	3,2 (n=360)	19 (5,27%)	13 (3,61%)
	MGIT +6 hafta	10 (2,77%)	7 (1,94%)
	MGIT +6 haftadan fazla	4 (1,11%)	6 (1,66%)
Akciğer dış örnekler	3,2 (n=360)	13 (3,61%)	1 (0,27%)
	MGIT +6 hafta	11 (3,05%)	1 (0,27%)
	MGIT +6 haftadan fazla	2 (0,55%)	0 (0,00%)

Tablo 1: Kültür sonucu pozitif raporlanan örneklerin katı ve sıvı besiyerinde üreme haftasına göre kümülatif sayıları ve yüzdeleri

		n	Üreme haftasına göre kümülatif oranlar								
			1. hafta	2. hafta	3. hafta	4. hafta	5. hafta	6. hafta	7. hafta	8. hafta	
Tüm mikobakteriler	Tüm Örnekler	1110	580/52	176	597	843	938	1007	1073	1073	1073
			L1	5,1 (0,46%)	5,1 (0,45%)	7,6 (0,68%)	8,4 (0,75%)	9,0 (0,81%)	9,0 (0,81%)	9,6 (0,86%)	9,6 (0,86%)
	Yerine ARB pozitif örnekler	472	580/52	148	394	447	478	488	488	488	488
			L1	5,2 (0,46%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
	Yerine ARB negatif örnekler	638	580/52	3	12	249	373	407	429	429	429
			L1	5,2 (0,46%)	5,1 (0,45%)	5,5 (0,49%)	5,7 (0,45%)	5,8 (0,51%)	5,9 (0,52%)	5,9 (0,52%)	5,9 (0,52%)
	Akciğer örnekleri	912	580/52	167	300	481	478	588	608	608	608
			L1	5,8 (0,52%)	5,1 (0,45%)	5,6 (0,49%)	5,7 (0,45%)	5,8 (0,51%)	5,9 (0,52%)	5,9 (0,52%)	5,9 (0,52%)
	Akciğer dış örnekler	198	580/52	1	34	87	278	338	348	348	348
			L1	5,2 (0,46%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
MTBC	Tüm Örnekler	640	580/52	118	321	515	578	608	622	622	622
			L1	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
	Yerine ARB pozitif örnekler	440	580/52	2	76	340	323	394	400	400	400
			L1	5,2 (0,46%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
	Yerine ARB negatif örnekler	200	580/52	6	144	303	340	340	378	378	378
			L1	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
	Akciğer örnekleri	644	580/52	110	318	515	578	608	622	622	622
			L1	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)
	Akciğer dış örnekler	182	580/52	0	8	43	83	98	108	108	108
			L1	5,2 (0,46%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)	5,1 (0,45%)

Anahtar Kelimeler: tüberküloz, kültür, kısa inkübasyon süresi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-135

***Mycobacterium tuberculosis* Complex Suşlarında Pirazinamid Direncinin Genetik Mekanizması ve Bedakulin Direnci Arasındaki İlişki**

Hamdi Gökahmetoğlu¹, Toğrul Nağiyev¹, Fatih Köksal², Fügen Yarkin¹, Işıl Var³

¹Çukurova Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji

²Acıbadem Adana Hastanesi

³Çukurova Üniversitesi Biyoteknoloji

Giriş ve Amaç: Bedakulin (BDQ) Ve Pirazinamid (PZA) içeren ilaç rejimleri, tüberküloz (TB) ilaçları geliştirme için küresel bir birlik olan "TB Alliance" tarafından klinik araştırmalarda tedaviyi kısaltan rejimlerin kritik bir bileşeni olarak değerlendirilmektedir. Bu çalışmanın amacı; Adana Bölge Tüberküloz Laboratuvarı olarak da faaliyet yürüten Çukurova Üniversitesi Tropikal Hastalıklar Araştırma ve Uygulama Merkezi'ne 7 farklı ilden gönderilen TB şüphelilerinin klinik örneklerinden izole edilen çoklu ilaç dirençli (ÇİD) ve birinci seçenek anti-TB ilaçlarına tamamen duyarlı *Myobacterium tuberculosis* kompleks (MTBK) izolatlarında, PZA ve BDQ direnç genleri arasında bir ilişki olup olmadığının belirlenmesi, ÇİD ve ilaca tamamen duyarlı MTBK suşları arasında PZA direnci ile ilişkili PanD, PncA, HadC genlerindeki muhtemel mutasyonlar ile BDQ direnci ile ilişkili Rv0678 genindeki muhtemel mutasyonların araştırılması, ayrıca mmpL5 ve mmpS5 adlı 2 farklı efflux pompa genlerinin ekspresyonuna Rv0678 geninin etkisini araştırmaktır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, MTBK olarak izole edilen örneklerden ilaç duyarlılık testi (IDT) yapılarak, 41'i ÇİD, 30'u birinci seçenek ilaçlara tamamen duyarlı olduğu belirlenen toplam 71 izolat dahil edilmiştir. DNA ekstraksiyonu yapılarak *M. tuberculosis* (MTB) ve *M. bovis* identifikasyonu In house PCR yöntemi ile belirlenmiştir. PanD, PncA, HadC, Rv0678 genleri In house PCR ile çoğaltılarak Sanger dizileme yöntemi ile DNA Dizi Analizi yapılmıştır. Örneklerden RNA izolasyonunu takiben cDNA sentezi yapılarak mmpL5 ve mmpS5 efflux pompası genlerinin gerçek zamanlı (RT)-qPCR yöntemiyle mRNA ekspresyon seviyeleri incelenmiştir. IBM SPSS 20.0 programı ile istatistik analizi yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 71 MTBK izolatından sadece 1 (%1.4)'i *M. bovis* olarak tanımlanırken 70 (%98.6)'i MTB'dir. ÇİD izolatların 31 (%76)'inin izoniazid-rifampisine, 5 (%12)'inin izoniazid-streptomisin-rifampisine, 1 (%2)'inin izoniazid, rifampisin-etambutole, 4 (%10)'ünün ise izoniazid-streptomisin-rifampisin-etambutole dirençli olduğu belirlenmiştir. Çalışmamızda ÇİD izolatlarda yüksek oranda (%73) PZA direnci bulunmuştur. Mutasyon oranları panD için % 40 (12/30), pncA için ise %73 (22/30) olarak tespit edilmiştir. hadC geninde herhangi bir mutasyon bulunamamıştır. mmpS5-mmpL5 efflux pompa genleri ile yapılan RT-qPCR analizi sonucunda istatistiksel olarak anlamlı bir fark görülmesi Rv0678 geninde herhangi bir mutasyon bulunmaması ile desteklenmiştir. PZA direnci ile ilgili genlerde mutasyon bulunurken, BDQ direncinden sorumlu Rv0678 geninde herhangi bir mutasyon tespit edilmemesi sebebiyle bu iki ilaç arasında direnç yönünden bir ilişki kurulmamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



PAND gen bölgesinde tespit edilen mutasyonlar

		İstatistik	Nükleotid değişimi	Kodon değişimi	Kodon numarası	Aminoasit değişimi	Patern
MDR n=41	Psa dirençli n=38	5	-C	İnsersiyon	133	ORF Shift	399-C
		6	A-G	ATC-GTC	49	His-val	A145G
		2	-T	İnsersiyon	121	ORF Shift	361-T
		1	C-G	TAC-TAG	22	Tyr-stop	C66G
	Psa duyarlı n=3	1	-A	Delesyon	126	ORF Shift	375-A
DUYARLI n=38		3	A-G	ATC-GTC	49	His-val	A145G

pncA gen bölgesinde tespit edilen mutasyonlar

		İstatistik	Nükleotid değişimi	Kodon değişimi	Kodon numarası	Aminoasit değişimi	Patern
MDR n=41	Psa dirençli n=38	8	A-C	ACT- CCT	76	Thr-Pro	A256C
		6	A-C	CAC- CCC	31	His-Pro	A152C
		3	T-G	GTT- GGG	135	Val-Gly	T464G
		3	C-G	CAC- GAC	37	His-Asp	C169G
		1	-C	Delesyon	106	ORF shift	318-C
		1	A-G	CAG- GGG	39	Gln-Arg	A28G
	Psa duyarlı n=3	2	-T	İnsersiyon	117	ORF shift	349-T
		1	-A	Delesyon	71	ORF shift	212-A
DUYARLI n=38		2	-T	Delesyon	182	ORF shift	544-T

mmpS5 ve mmpL5 genlerinin ekspresyon seviyelerinin SPSS analizi sonuçları

	Duyarlı		Dirençli		
	M	İqr	M	İqr	P
mmpS5	9.80	10.74	1.81	3.04	< 0.001
mmpL5	5.65	7.95	0.85	0.08	< 0.001

M: median , İqr: Interquartile range

Çizelgede belirtilen MDR kelimesi ÇİD manasındadır

Anahtar Kelimeler: *M.tuberculosis*, Pirazinamid, Bedakulin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-136

***Mycobacterium abscessus* Klinik İzolatlarına Karşı Hidrazon Türevi Bileşiklerin ve Mevcut İlaç Kombinasyonlarının İn Vitro Etkinliğinin Araştırılması**

Leyla Ersoy¹, Taylan Bozok¹, Semra Utku², Merve Hilal Altınlı¹, Kevser Elçi³, Ahmet Arslantürk⁴, Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Mersin, Türkiye

²Mersin Üniversitesi Eczacılık Fakültesi, Farmasotik Kimya Anabilim Dalı, Türkiye

³Mersin Üniversitesi Eczacılık Fakültesi, Biyokimya Anabilim Dalı, Türkiye

⁴Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Mycobacterium abscessus* kompleks (MABC) enfeksiyonlarının tedavisi zordur ve dirençli yapısı nedeniyle üç veya daha fazla antibiyotiğin kombinasyon tedavisi önerilir. Ancak klinik başarısı yüksek olan standart bir kombinasyon tedavisi bulunmamaktadır. Bu çalışmada daha önce sentezlenmiş ve antimikobakteriyel etkinliği tespit edilmiş hidrazon türevi bileşiklerin (K1, K6) ve çoklu ilaç dirençli TB tedavisinde kullanılan bedaquilin (BDQ) ile MABC tedavisinde primer ilaç olan amikasin (AMC) kombinasyonunun potansiyel sinerjik etkilerinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada sinerjik etki tespiti dama tahtası yöntemi ile araştırıldı. Klinik örneklerden izole edilen MABC suşlarından 17 tanesine BDQ-AMC ve dokuz tanesine K1-K6 bileşiklerinin ikili kombinasyonları uygulandı. İlaçların minimum inhibitör konsantrasyonu (MİK) sıvı mikrodilüsyon yöntemi kullanılarak saptandı ve sinerji testinde kullanılacak ilaç konsantrasyon aralıkları; BDQ; 0,004-0,5 µg/mL, AMC; 0,03-2 µg/mL, K1; 1-64 µg/mL ve K6; 0,5-64 µg/mL olarak belirlendi. İlaçlar ve bakteri süspansiyonları müeller hinton broth içerisinde hazırlandı. İkili ilaç kombinasyonları ve hazırlanan bakteri süspansiyonları (5x10⁵ CFU/ml) 96 kuyulu pleytlere inoküle edildi. Kontrol suşu olarak *M. abscessus* ATCC 19977 kullanıldı. 37°C'de 72 saat inkübasyon sonunda her bir kuyuya 30 µL resazurin çözeltisi eklendi, 37°C'de 24 saat daha inkübasyonun ardından sonuçlar değerlendirildi. İlaç kombinasyonlarının fraksiyonel inhibitör konsantrasyon indeksleri (FİKİ) hesaplandı; FİKİ≤0,5 sinerji, 0,5<FİKİ≤1 aditif etki, 1<FİKİ≤4 nötral etki, FİKİ>4 antagonistik etki olarak tanımlandı.

Bulgular ve Sonuç: Klinik izolatların, BDQ ve AMC için MİK aralığı sırasıyla 0,03-0,25 µg/mL ve 0,06-2 µg/mL, MİK50-MİK90 değerleri sırasıyla 0,06-0,25 µg/mL ve 0,5-2 µg/mL saptandı. K1 ve K6'nın her ikisi için de MİK aralığı 16-64 µg/mL ve MİK50-MİK90 değerleri 32-64 µg/mL olarak bulundu. BDQ-AMC kombinasyonu uygulanan izolatların %82,4'ünde sinerjik, %17,6'sında aditif etki saptandı. K1-K6 kombinasyonu uygulanan izolatların %33,3'ünde sinerjik, %55,6'sında aditif, %11,1'inde nötral etki saptandı. Her iki kombinasyonun da MİK değerlerinde anlamlı düşüşler sağladığı tespit edildi (p<0,05). İlaç kombinasyonlarının MABC suşları üzerindeki invitro etkinliği tablo 1 ve tablo 2'de sunulmuştur. BDQ-AMC kombinasyonunun MABC izolatları üzerinde in vitro ortamda sinerjik etkinliğe sahip olduğu gözlemlenmiştir. BDQ'nun in vivo olarak AMC veya farklı ilaçlarla kombinasyonlu uygulamalardaki

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



etkinliğinin araştırılması yeni tedavi rejimleri geliştirilmesi yönünden önemlidir. Bunun yanında hidrazon türevi ilaçların kombinasyonlu kullanımlarında antimikobakteriyel etkinliklerinin artabileceği görülmüştür. Daha fazla sayıda izolat kullanılarak hidrazon türevi kimyasalların kombinasyonlu etkinliğinin araştırılmasına ihtiyaç vardır.

Tablo 1. AMC-BDQ MİK ve FİKİ değerleri

Suş No	Amikasin (µg/mL)			Bedaquilin (µg/mL)			FİKİ	Yorum
	MİK	Komb. MİK	FİK	MİK	Komb. MİK	FİK		
A1	2	0.5	0.25	0.06	0.016	0.25	0.5	Sinerji
A2	2	0.5	0.25	0.25	0.125	0,5	0.75	Aditif
A3	2	0.5	0.25	0.06	0.008	0.125	0.375	Sinerji
A4	2	0.25	0.125	0.06	0.008	0.125	0.25	Sinerji
A5	2	0.5	0.25	0.06	0.008	0.125	0.375	Sinerji
A6	2	0.5	0.25	0.06	0.008	0.125	0.375	Sinerji
A7	1	0.25	0.25	0.25	0.008	0.03	0.281	Sinerji
A8	0.5	0.125	0.25	0.125	0.016	0.125	0.375	Sinerji
A9	0.06	0.03	0.5	0.03	0.008	0.25	0.75	Aditif
A10	0.25	0.06	0.25	0.06	0.016	0.25	0.5	Sinerji
A11	0.125	0.03	0.25	0.06	0.004	0.06	0.313	Sinerji
A12	0.06	0.03	0.5	0.06	0.016	0.25	0.75	Aditif
A13	0.5	0.06	0.125	0.03	0.008	0.25	0.375	Sinerji
A14	0.25	0.06	0.25	0.03	0.008	0.25	0.5	Sinerji
A16	0.5	0.06	0.125	0.03	0.008	0.25	0.375	Sinerji
A17	0.5	0.125	0.25	0.06	0.016	0.25	0.5	Sinerji
A20	1	0.06	0.06	0.25	0.016	0.06	0.125	Sinerji
Median	0.5	0.125	0.25	0.06	0.008	0.25	0,375	
[min-max]	[0.06-2.0]	[0.06-0.5]	[0.06-0.25]	[0.03-0.25]	[0.004-0.125]	[0.03-0.5]	[0.125-0.75]	
<i>M. abscessus</i> ATCC 19977	1	0,25	0,25	0,25	0,0625	0,25	0,5	Sinerji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. K1-K2 MİK ve FİKİ değerleri

	Kimyasal 1 (µg/mL)			Kimyasal 6 (µg/mL)			FİKİ	Yorum
	MİK	Kom. MİK	FİK	MİK	Kom. MİK	FİK		
A1	64	32	0.5	64	32	0.5	1	Aditif
A2	64	64	1	64	64	1	2	Nötral etki
A4	16	4	0.25	16	4	0.25	0.5	Sinerji
A5	32	16	0.5	32	16	0.5	1	Aditif
A6	16	4	0.25	16	2	0.125	0.375	Sinerji
A8	64	32	0.5	32	16	0.5	1	Aditif
A9	16	8	0.5	16	4	0.25	0.75	Aditif
A10	16	8	0.5	32	8	0.25	0.75	Aditif
A11	64	16	0.25	32	1	0.03	0.281	Sinerji
Median	32.0	12.0	0.5	32.0	8.0	0.25	0.75	
[min-max]	[16.0-64.0]	[4.0-64.0]	[0.25-1]	[16.0-32.0]	[1.0-64.0]	[0.03-1.0]	[0.281-2.0]	
<i>M. abscessus</i>								
	16	8	0.5	16	4	0.25	0.75	Aditif
ATCC 19977								

Anahtar Kelimeler: M. abscessus, sinerji, Hidrazon türevi bileşik

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-137

Bir Üniversite Hastanesine Ait Tüberküloz Laboratuvarının 11 Yıllık Kalite Göstergeleri

Nalan Yıldız, Ferdi Çetin, Nuri Özkütük

Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Manisa

Giriş ve Amaç: Tüberküloz laboratuvarında güvenilir ve doğru test sonuçları kalite güvence programlarının uygulanması ile mümkündür. Kalite güvencesinin bileşenlerinden birisi iç kalite göstergelerinin izlenmesidir. Laboratuvar iç kalite göstergeleri belirli zaman aralıklarında izlenmeli, değerlendirilmeli ve ani değişikliklere dikkat edilmelidir. Çalışmamızda geriye dönük olarak laboratuvarımızın 2011-2021 yıllarına ait iç kalite göstergelerinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Manisa Celal Bayar Üniversitesi Hafsa Sultan Hastanesi Tüberküloz Laboratuvarının 01.01.2011-31.12.2021 tarihleri arasında mikroskopik inceleme, kültür, tür tayini ve moleküler test sonuçları geriye dönük olarak taranmıştır. Veriler, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarınca tüberküloz laboratuvarları için kalite göstergeleri excel uygulamasına kaydedilerek analizleri ve değerlendirmeleri yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Mikroskopik inceleme: Mikroskopi sonuçlarının duyarlılığının %30-%70, özgüllüğünün %90-98 arasında olması beklenmektedir. Laboratuvarımızda mikroskopik inceleme sonuçları kültür sonuçları ile değerlendirildiğinde ortalama duyarlılık %41,34 özgüllük ise %99,53 olarak bulunmuştur. Mikroskopi yalancı pozitiflik oranının 2011’de %41,18 olduğu görülmüştür. Bu dönem kayıtları incelendiğinde yalancı pozitif bulunan toplam 14 örneğin 7’sinin tedavi takip örnekleri olduğu tespit edilmiştir. 2021’de ise mikroskopi yalancı pozitif bulunan toplam 15 örneğin 7’sinin ise kültürü yapılmayan örnekler olan bronşiyal fırçalama örneklerinden oluştuğu saptanmıştır. Kültür ve tür tayini: Kültür pozitiflik oranı çalışılan bölgedeki hasta popülasyonuna bağlıdır. Bu nedenle referans değerler belirlenerek eğilimler izlenmelidir. Bölgemizde kültür pozitifliği %5,88 olarak bulunmuştur. Kültür pozitif örneklerin %76,5 MTBC olup TDM oranlarında ciddi dalgalanmalar gözlenmemiştir. Katı besiyerlerinde %2-5 kontaminasyon, sıvı besiyerlerinde %7-8 kontaminasyon kabul edilebilir oranlardır. Bu oranların dışına çıktığında, dekontaminasyon işleminin tüm basamakları gözden geçirilmelidir. Verilerimizde katı kültür kontaminasyon oranlarının %5 sınır değerinin üzerinde (%5-9) olduğu görülmüştür. Moleküler testler: Laboratuvarımızda gerçek zamanlı polimeraz zincir tepkimesi temeline dayalı ticari testler kullanılmaktadır. Kültür sonuçları ile karşılaştırıldığında; Moleküler testlerin duyarlılığının yıllar içerisinde artış eğilimi gösterdiği görülmüştür. Önceki yıllarda duyarlılığın daha düşük saptanmasının, o yıllarda moleküler testlerin daha çok solunum yolu dışı örneklerinde kullanılmasına bağlı olduğu düşünülmüştür. Ayrıca son yıllarda Gene Xpert Ultra sistemine geçilmiş olması da duyarlılığın artışında etkili olabilir. Sonuç olarak laboratuvarımızın kalite göstergelerinin beklenen değerlere sahip olduğu görülmüştür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-138

***Mycobacterium bovis* Tanımlanmasında Kullanılan Genotiplendirme Yöntemlerinin Karşılaştırılması**

Derya Altun¹, Ahmet Arslantürk¹, Nilay Uçarman¹, Alper Sarıbaş¹, Ekrem Sağtaş²

¹SB Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı, Ankara

²SB Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı, Ankara

Giriş ve Amaç: *Mycobacterium bovis*, *Mycobacterium tuberculosis kompleks* (MTBC)'in üyesi olan hem insanlarda, hem de hayvanlarda tüberküloza neden olan önemli bir zoonoz etkindir. MTBC alttürlerinin tanısında GenoType MTBC (Hain Lifescience, Almanya) kiti laboratuvarımızda rutin olarak kullanılmakta olan ters hibridizasyon temeline dayalı moleküler tiplendirme yöntemidir. Spoligotiplendirme (spacer oligonükleotid tiplendirmesi) ise MTBC suşlarının saptanmasını ve farklılaşmasını sağlayan ilk PCR bazlı genotipik yöntemdir. Spoligotiplendirme ile MTBC genotipik olarak farklı filogenetik soylara ayrılabilir. Çalışmamızda GenoType MTBC kitiyle tanımlanmış olan *Mycobacterium bovis* spp. *bovis* ve *Mycobacterium bovis* spp. BCG izolatlarının spoligotiplendirme yöntemiyle genotiplerinin belirlenmesi ve filogenetik ağaç oluşturularak izolatların birbirleriyle yakınlıklarının tespit edilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı'nda 2017-2019 yıllarında rutin laboratuvarında klinik örneklerden izole edilen ve ilaç duyarlılık testi ile pirazinamid (PZA) dirençli bulunan 13 izolata alt tür tanımlaması yapılmıştır. Alt tür tanımlaması GenoType MTBC (Hain Lifescience, Almanya) kiti ile yapılmıştır. İzolatlar daha sonra spoligotiplendirme ile genotiplendirilmiştir. Spoligotiplendirme Kremer ve ark.'a (2002) göre çalışılmıştır. Elde edilen sonuçlar M.bovis.org website (<http://www.mbovis.org>) ve SITVIT2 (<http://www.pasteur-guadeloupe.fr:8081/SITVIT2/>) databaselerinde değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: PZA dirençli olan 13 MTBC üyesinin GenoType MTBC kiti ile 8'i *M. bovis* spp *bovis* ve 5'i *M. bovis* BCG olarak tanımlanmıştır. Spoligotiplendirme ile M.bovis.org website ve SITVIT2'de yapılan analizlerde tanımlanan 7 adet M. bovis BCG izolatının SIT kodu 482, lineage BOV_1 ve SB kodu SB0120 olarak tespit edilmiştir. Diğer izolatlardan biri lineage BOV_1, 4'ü lineage BOV içerisinde olan *M. bovis* spp *bovis* izolatlarıdır, bir suşun spoligofamilyası ise tanımlanamamıştır. SIT kodları, lineageler ve SB sayıları Tablo1'de verilmiştir. AMS'den izole edilen iki MTBC izolatı; GenoType MTBC ile M. bovis spp *bovis* olarak tanımlanırken, spoligotiplendirme ile bu izolatların M. bovis BCG olduğu tespit edilmiştir. MTBC içerisindeki türlerin genotiplendirilmesinde kullanılan iki farklı yöntemin sonuçlarının farklı olabileceği görülmüştür. Spoligotiplendirme ile GenoType MTBC sonucundan farklı olarak *M. bovis* BCG bulunan izolatların sekanslamaya dayalı bir yöntem ile doğrulanması gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-139

Tüberkülozun Hızlı Moleküler Tanısı ve Çok İlaça Direncin Saptanmasında Truenat MTB Ultima Testinin Değerlendirilmesi

Can Biçmen¹, M. Mete Demirel¹, Tuba Atay¹, Ayрыз T. Gündüz¹, Onur F. Ezer², Onur Karaman³, Tülay Akarca³, Serir Aktoğuş Özkan²

¹SBÜ Dr. Suat Seren Göğüş Hastalıkları ve Cerrahisi EAH, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²SBÜ Dr. Suat Seren Göğüş Hastalıkları ve Cerrahisi EAH, Göğüş Hastalıkları Servisi

³SBÜ Dr. Suat Seren Göğüş Hastalıkları ve Cerrahisi EAH, Tüberküloz Servisi

Giriş ve Amaç: DSÖ rehberlerinde, son yıllarda, akciğer tüberkülozu, ekstrapulmoner TB ve ÇİD-TB erken moleküler tanısında Truenat MTB (Molbio) testi bir seçenek olarak bildirilmektedir. Bu test, iki aşamalı (tanı ve direnç testi) olarak yapılan mikroçip tabanlı bir real-time PCR testi olup, tüm dünyada kullanıma girmeye başlamıştır. Bu çalışmada, tüberküloz kuşkulu hastalardan alınan klinik örneklerde *Mycobacterium tuberculosis* kompleks ve rifampisin / izoniyazid direncinin (çok ilaca direnç; ÇİD) hızlı moleküler tanısında mikroçip tabanlı real-time PCR testi Truenat MTB Ultima (Molbio Diagnostics, Hindistan) test sonuçlarının retrospektif olarak altın standart kültür ve fenotipik ilaç duyarlılık test sonuçlarına göre değerlendirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Mayıs 2023 ve Ağustos 2024 tarihleri arasında tüberküloz kuşkulu olgulardan Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen ve laboratuvara kabul edilen 3885 örnek (3109 solunum yolu ve 776 solunum yolu dışı) geriye dönük olarak değerlendirmeye alındı. Her örnek için mikroskopi (Kinyoun), BACTEC 960 MGIT sistemi ile mikobakteriyel kültür, İDT ve aynı zamanda moleküler tanı için yapılan mikrobiyolojik inceleme sonuçları değerlendirildi. Truenat MTB Ultima, Truenat MTB-RIF, Truenat MTB-INH testleri, üretici firma (MolBio Diagnostics, Hindistan) önerileri doğrultusunda yapıldı. Pozitif saptanan örnekler, ayrıca RIF direnci için rpoB gen bölge mutasyonları ve INH direnci için katG ve inhA gen bölge mutasyonları yönünden “melting curve” analizi ile değerlendirilerek saptanan TM değerlerine göre “direnç saptandı” veya “saptanmadı” veya “belirlenemedi” olarak raporlandı.

Bulgular ve Sonuç: Kültür ve moleküler tanı pozitifliği sırasıyla % 9.3 (n=362) ve % 8.1 (n=313) olarak saptandı. Kırksekiz örnekte kültür negatif moleküler tanı testi pozitif ve 75 örnekte ise kültür pozitif moleküler tanı testi negatif olarak belirlendi (Tablo1 ve 2). Tüm örnekler için duyarlılık ve özgüllük % 78.1 ve % 98.6 olarak, pulmoner ve ekstrapulmoner örnekler için duyarlılık ve özgüllük değerleri sırasıyla, % 81, %98.7 ve % 48.5, % 98.8 olarak bulundu (Tablo 3). Moleküler direnç testi çalışılan 209 hastada; 11 (INH için 8 dirençli; İDT duyarlı, 2 duyarlı; İDT dirençli, RIF için 1 dirençli; İDT duyarlı) uyumsuz sonuç saptandı. Truenat MTB Ultima testinin özgüllüğünün yüksek olmasına karşın, nispeten duyarlılığının daha düşük olduğu değerlendirildi. Moleküler direnç testinde, RIF'de uyumun yüksek olduğu, INH için daha düşük olduğu sonucuna varıldı.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Moleküler tanı testlerinin, klinik, radyolojik, histopatolojik verilerle birlikte değerlendirilmesi gerektiği ve erken dönemde saptanan olumlu sonucun tanısal değerinin yüksek olduğu düşünüldü.

Tablo 1 Örnek tipine göre kültür ve moleküler tanı testi sonuçlarının dağılımı

Örnek Tipi	Kültürde MTBK Üremesi		Moleküler Tanı Testi	
	Pozitif	Negatif	Pozitif	Negatif
Brons asp, BAL (n=2332)	140	2192	101	2231
Balgam, DTA (n=777)	189	588	187	590
Biopsi, doku (n=598)	18	580	12	586
Plevra s. (n=55)	4	51	3	52
Mide s. (n=35)	7	28	6	29
İdrar (n=32)	1	31	1	31
BOS (n=13)	1	12	0	13
Diğer * (n=43)	2	41	3	40
Toplam (n=3885)	362	3523	313	3572

* Steril vücut sıvıları (perikard, yara, asit, v.b.)

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2 Klinik örneklerde kültür ve moleküler tanı testinin sonuç paternlerinin dağılımı

Örnek Tipi	Kültür ve MTT pozitif	Kültür negatif MTT pozitif	Kültür pozitif MTT negatif	Kültür ve MTT negatif
P (n=3109)	249	39	58	2763
EP (n=776)	16	9	17	734
P + EP (n=3885)	265	48	75	3497

P: pulmoner, EP: ekstrapulmoner, MTT: moleküler tanı testi

Tablo 3 Klinik örneklerde Truenat MTB Ultima için duyarlılık, özgüllük değerleri

Örnek Tipi	Duyarlılık (%)			Özgüllük (%)		
	ARB +	ARB -	Toplam	ARB +	ARB -	Toplam
Pulmoner	100	63.8	81	89.2	98.8	98.7
Ekstrapulmoner	100	41.4	48.5	75	98.9	98.8
Toplam	100	60.3	78.1	88.5	98.9	98.6

Anahtar Kelimeler: Moleküler tanı, Truenat MTB Ultima, Çok ilaca direnç (ÇİD)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-140

Klinik *Salmonella* İzolatlarına Karşı Faj Kokteyllerinin Litik Aktivitesinin İn Vitro Değerlendirilmesi

Mete Yarkin Yetişir¹, Sezin Ünlü², Özlem Kurt Azap³, Aylin Üsküdar Güçlü²

¹Başkent Üniversitesi, Tıp Fakültesi

²Başkent Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Başkent Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Salmonella*, Enterobacteriaceae familyasından çubuk şekilli Gram negatif bir bakterileridir. *Salmonella*, Salmonelloz olarak adlandırılan ve ateş, ishal ve diğer semptomlarla karakterize gıda kaynaklı enfeksiyonların en yaygın nedenidir. Salmonellozla mücadelede dünya çapında önemli bir sorun, hızla artan antibiyotik direncidir. Antibiyotik dirençli *Salmonella* suşlarının yaygınlığı, tedavi edilemeyen enfeksiyon ve salgınların ortaya çıkmasına sebep olmuş ve halk sağlığı için ciddi bir tehdit oluşturmıştır. Bu nedenle bu enfeksiyonları önlemek ve kontrol altına almak için yeni stratejilerin geliştirilmesine ihtiyaç duyulmaktadır. Antibiyotik tedavisine önemli bir alternatif olarak önerilen bakteriyofajlar, çevrede yaygın olarak bulunur ve sadece konağa spesifiktir. Çalışmanın amacı, ticari olarak temin edilebilen bakteriyofaj kokteyllerinin klinik *Salmonella* izolatlarına etkinliğinin araştırılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: 2021-2024 yılları arasında Ankara Başkent Üniversitesi Hastanesinden gaita ve kan örneklerinden izole edilen 43 *Salmonella* izolatı çalışmada kullanılmıştır. Ticari olarak Gürcistan ELIVA Enstitüsü eczanesinden temin edilen INTESTI ve ENKO-faj kokteyllerinin *Salmonella* izolatlarına karşı etkinlikleri spot test yöntemi ile belirlenmiştir. Litik zonlar, tam lizis zonu, yarı lizis zonu ve opak zon olarak değerlendirilmiştir. Fajın damlatıldığı bölgede hiçbir bakteri kolonisine rastlanmadığı durum; tam lizis zonu, zonun içerisinde birkaç koloninin olduğu durum; yarı lizis zonu ve zonun içerisinde bakteri kolonilerinin rastlandığı durum ise opak zon olarak değerlendirilmiştir. Spot test ile tam lizis, yarı lizis ve opak zon görülen fajların konağına adsorbe olma oranı, plak oluşturma etkinliği (efficiency of plating (EoP)) yöntemi ile belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: *Salmonella* izolatlarının 39'u serogrup D, 4'ü serogrup C olarak bulunmuştur. İzolatların %90.6'sı (n=38/43) ENKO, %69.8'i (n=30/43) INTESTI faj kokteylline duyarlı bulunmuştur. ENKO-fajı uygulanan *Salmonella* spp. izolatlarının %72.1'inde (n=31/43) tam inhibisyon, %11.6'sında (n=5/43) ise yarı inhibisyon zonu saptanmıştır. INTESTI-fajında ise 1 bakteride tam inhibisyon, 5 bakteride yarı inhibisyon zonu belirlenmiştir. 23 izolatta ise opak lizis zonu görülmüştür. EoP yöntemine göre, yarı inhibisyon ve opak zonlu olan faj yüksek etkinlikte, tam lizis zonunda ise düşük etkinlikte olduğu görülmüştür. Çalışmamız, kullanıma hazır faj kokteyllerinin test edilen *Salmonella* izolatlarında yüksek litik aktivite gösterdiğini ve bu bakterilerin sebep olduğu enfeksiyonların tedavisinde kullanımlarının umut vadettiğini göstermiştir.

Anahtar Kelimeler: Faj kokteyli, Litik aktivite, Terapötik ajan

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-141

Çocuk Hastaların Örneklerinden Elde Edilen Enterobacterales İzolatlarının Kümülatif Antibiyogram Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Gökhan Kırbaş¹, Deniz Işık¹, Duygu Öcal¹

¹Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Ankara Üniversitesi Cebeci Hastanesi Merkez Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Antimikrobiyal direnç dünya çapında önemli bir sorun oluşturur. Kümülatif antibiyogram hastane klinik mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen izolatların antimikrobiyal duyarlılıklarının periyodik bir özetidir. Kümülatif antibiyogram rehberi, ampirik tedavinin belirlenmesinde rol alır ve antibiyotik direnç artışını saptayarak dirençle mücadelede uygun politikalar geliştirilmesine katkı sağlar. Çalışmamızda 2022-2023 yıllarında Ankara Üniversitesi Cebeci Merkez Laboratuvarı'na çeşitli klinik ve yoğun bakım ünitelerindeki çocuk hastalardan gönderilen örneklerde üreyen Enterobacterales izolatlarının kümülatif antibiyogram verilerinin değerlendirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Ankara Üniversitesi Cebeci Hastanesi Merkez Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na 1 Ocak 2022- 31 Aralık 2023 tarihleri arasında çocuk hastalardan gönderilen, çeşitli örneklerde üreyen Enterobacterales izolatları değerlendirildi. İzolatların tanısında konvansiyonel yöntemler, BD Phoenix™ (Becton Dickinson, ABD) ve MALDI-TOF MS (Matrix-Assisted Laser Desorption Ionization-Time of Flight Mass Spectrometry) kullanıldı. Antimikrobiyal duyarlılık testleri EUCAST (2022 ve 2023) önerileri doğrultusunda uygulandı ve değerlendirildi. GSBL ve karbapenemaz üretiminin saptanmasında fenotipik yöntemler (Karbapenem inaktivasyon testi ve otomatize sistemler kullanıldı. Kümülatif antibiyogram sonuçları hazırlanırken Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarları için Antibiyotik Duyarlılık Verilerinin Analizi ve Sunumu Rehberi referans alındı. Antibiyotik duyarlılığı için duyarlılık (S) kategorisindeki izolatların yüzdesi hesaplandı. Yüksek dozda duyarlı (I) izolatlar hesaplama dahil edilmedi. Direnç fenotip oranları hesaplanırken direnç fenotipi pozitif bulunan izolatların yüzdesi hesaplandı.

Bulgular ve Sonuç: İki yıllık süreç içerisinde (2022; n=2107 ve 2023; n=2131) olmak üzere toplam 4238 Enterobacterales izolatı (4238/9208) değerlendirildi. 2022 yılında klinik servisler (n=174), poliklinikler (n=1123) ve YBÜ'lerden (n=120) toplam 1417 izolata kümülatif antibiyogram uygulandı. 2023 yılında klinik servisler (n=191), poliklinikler (n=1100) ve YBÜ'lerden (n=104) toplam 1395 izolata kümülatif antibiyogram uygulandı. Tüm izolatların ve örneklerle göre kümülatif antibiyogram sonuçları Tablo 1 ve Görsel 1'de izlenmektedir. Direnç fenotip oranları Tablo 2 ve Görsel 2'de görülmektedir. Çocuk YBÜ ve yenidoğan YBÜ kümülatif antibiyogram sonuçları Görsel 3'te, direnç fenotipi oranları Tablo 3'te bulunmaktadır. Genel tabloya bakıldığında 2023 yılında antibiyotik duyarlılık oranlarının düştüğü görülmektedir. Aynı zamanda klinik servisler ve YBÜ'lerde duyarlılık oranlarının düşüklüğü dikkat çekmektedir. Enterobacterales izolatlarına ait iki yıllık veriler karşılaştırıldığında artan direnç oranı endişe vericidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

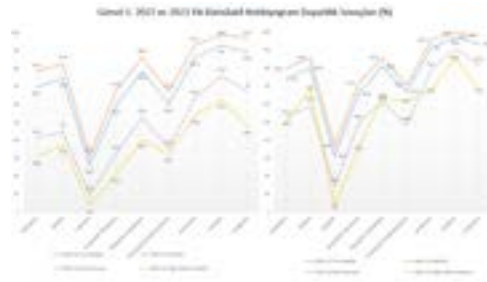
**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



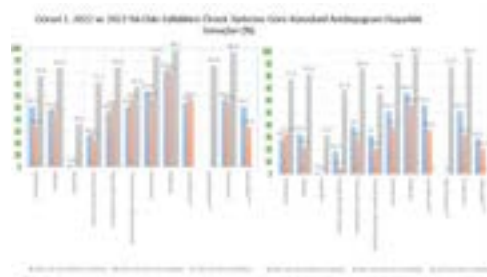
Elde edilen kümülatif antibiyogram sonuçları kliniğe göre ya da örnek türlerine göre bu hastalarda kullanılabilecek antibiyotiklerin seçiminde kullanılabilir ve kliniklerde ampirik tedavi yönlendirmede faydalı olabilir.

Görsel 1. 2022 ve 2023 Yılı Kümülatif Antibiyogram Duyarlılık Sonuçları (%)



2022 yılında klinik servislerdeki (n=174), polikliniklerdeki (n=1123) ve yoğun bakım servislerindeki (n=120) toplam 1417 izolata kümülatif antibiyogram uygulandı. 2023 yılında klinik servislerdeki (n=191), polikliniklerdeki (n=1100) ve yoğun bakım servislerindeki (n=104) toplam 1395 izolata kümülatif antibiyogram uygulandı. Tabloda sunulan veriler antibiyotiklerin 'S' duyarlılık yüzdelerini içermektedir

Görsel 2. 2022 ve 2023 Yılı Elde Edildikleri Örnek Türlerine Göre Kümülatif Antibiyogram Duyarlılık Sonuçları (%)



*kan kültürü ve solunum izolatları için levofloksasin test edilmiştir **İdrar izolatları için siprofloksasin test edilmiştir ***Seftazidim antibiyotiği idrar izolatları için test edilmemiştir Tabloda sunulan veriler antibiyotiklerin 'S' duyarlılık yüzdelerini içermektedir

Görsel 3. Yenidoğan ve Çocuk Yoğun Bakım Ünitelerinden Elde Edilen İzolatların 2022 ve 2023 Yılı Kümülatif Antibiyogram Duyarlılık Sonuçları (%)

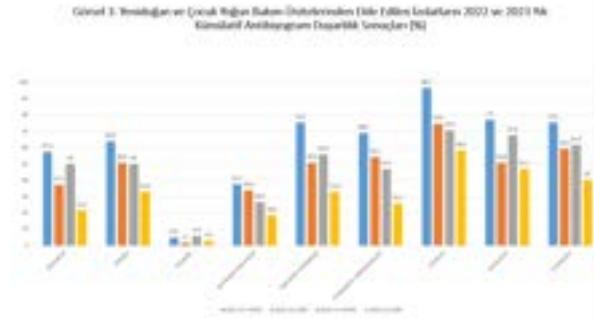
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



ÇYBÜ: Çocuk yoğun bakım ünitesi YDYBÜ: Yenidoğan yoğun bakım ünitesi 2022 yılında çocuk yoğun bakım servisinde (n=59) ve yenidoğan yoğun bakım servisinde (n=61) toplam 120 izolata kümülatif antibiyogram uygulanmıştır 2023 yılında çocuk yoğun bakım servisinde (n=70) ve yenidoğan yoğun bakım servisinde (n=34) toplam 104 izolata kümülatif antibiyogram uygulanmıştır

Tablo 1. Enterobacterales Ailesinde 2022 ve 2023 Yılları Arasında Görülen Direnç Fenotipleri

Direnç Fenotipi	Tüm İzolatlar %		Poliklinik %		Klinik Servis %		Yoğun Bakım Üniteleri %	
Yıllar	2022	2023	2022	2023	2022	2023	2022	2023
ESBL	21,4	26,7	16	18,2	42	54,5	41,7	65,4
Karbapenemaz	5,6	9,5	1,4	1,9	14,9	31,4	30	49,1

ESBL:Genişlemiş spektrumlu B-laktamaz Tabloda sunulan veriler direnç fenotipi pozitiflik yüzdelerini içermektedir.

Tablo 2. Elde Edildikleri Örnek Türlerine Göre, 2022 ve 2023 Yılları Direnç Fenotipi Pozitiflik Yüzdesi (%)

Antibiyotik	Kan Kültürü		Solunum		İdrar	
Yıllar	2022	2023	2022	2023	2022	2023
ESBL	52,2	69,0	36,9	79,7	19,2	19,3
Karbapenemaz	43,5	47,9	30,8	62,5	2,4	2,9

ESBL:Genişlemiş spektrumlu B-laktamaz Tabloda sunulan veriler direnç fenotipi pozitiflik yüzdelerini içermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-142

İmmünsupresif Hastalarda Kolonize Olan Karbapenemaz Üreten *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarına Bakteriyofaj Etkinliğinin İn Vitro Olarak Belirlenmesi

Serap Süzük Yıldız¹, Hilal Başak Erol², Sevgi Şahin¹, Özlem Ünal³, Tuba Dal¹, Banu Kaşkatepe²

¹SBÜ Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara

²Ankara Üniversitesi Eczacılık Fakültesi Farmasötik Mikrobiyoloji AD, Ankara

³SB HSGM Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarı ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı Ankara

Giriş ve Amaç: Hastanemizde yoğun bakım üniteleri, hematoloji servisi ve kemik iliği ünitelerinde yatarak tedavi olan hastalarda rutin olarak karbapenemaz üreten Gram negatif basil için tarama yapılmaktadır. Tarama örnekleri, kasık, koltuk altı gibi cilt yüzeyinden alınmaktadır. Bu çalışmada karbapenemaz üreten *Klebsiella pneumoniae* kolonizasyonu olan hastalardan izole edilen bakterilere karşı enfeksiyonların önlenmesi için bakteriyofaj kokteylinin etkinliğinin in vitro şartlarda belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Karbapenemaz üreten *K.pneumoniae* kolonizasyonu olan hastalardan izole edilen 38 *K.pneumoniae* dahil edilmiştir. Kromojenik agarda mavi renkli kolonilerden MALDI TOF MS ile tür düzeyinde tanımlama yapılmıştır. İzolatların karbapenemaz tiplerinin belirlenmesi in house PCR yöntemi ile araştırılmıştır. *K. pneumoniae* bakterilerine özgü litik faj izolasyonu hastane atık sularından çift tabakalı agar yöntemi ile sağlanmıştır. İzole edilen fajların konak aralıkları spot test yöntemi kullanılarak belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Karbapenemaz üreten *K.pneumoniae* izole edilen hastaların 5 (%13.2)'i hematoloji servisi, 13 (%34.2)'ü kemik iliği transplantasyon ünitesi ve 20 (%52.6)'si yoğun bakım ünitesindendir. İzolatların 3 (%7.9)'ü KPC, 9 (% 23.7)'u NDM, 18 (47.4)'i OXA-48, 3 (%7.9)'ü OXA-48 ve NDM olarak belirlenmiş ve 5 (%13.2)'inde araştırılan karbapenemaz genleri tespit edilememiştir. Tüm izolatların faj duyarlılığı Kp3 faji için %73.5, Kp7 için %70.6 ve Kp8 için de %61.8 olarak belirlenmiştir. OXA-48 ve KPC pozitif olan izolatlarda ilgili fajlarda litik etki sırasıyla %100, %100 ve %76.1 olarak tespit edilmiştir. Fajların konakçı spesifikliğı göz önüne alındığında Karbapenemaz üreten *K.pneumoniae* izolatlarının kolonizasyonunu engellemek için geniş bir spektruma sahip fajların izole edilmesinin önemli olacağını, enfeksiyonların önlenmesinde iyi bir alternatif olacağı ve sinerji çalışmalarında kullanılmak için uygun bir aday olacağı düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Karbapenemaz direnç genlerinin kliniklere göre dağılımı

	OXA-48	NDM	KPC	OXA-48 ve NDM	Gen Tespit edilmeyen	Toplam
KİT Ünitesi	5	2	3	1	2	13
Hematoloji Servisi	2			1	2	5
YB Ünitesi	11	7		1	1	20
Toplam	18	9	3	3	5	38

KİT: Kemik İliği Transplantasyon, YB: Yoğun Bakım

Tablo 2. OXA-48 ve KPC üreten bakterilere karşı faj etkinlikleri

Sıra	Direnç geni	Kp3	Kp7	Kp8
1	KPC	+++	+++	++
2	KPC	+++	++	+++
3	KPC	+++	+	++
4	OXA-48	+++	+++	+
5	OXA-48	++	++	-
6	OXA-48	+++	+++	-
7	OXA-48	++	+	+++
8	OXA-48	+++	+++	-
9	OXA-48	+++	+++	+++
10	OXA-48	++	+	+++
11	OXA-48	+++	++	+++
12	OXA-48	+++	+++	+++
13	OXA-48	+++	++	++
14	OXA-48	+++	+	++
15	OXA-48	++	+	+++
16	OXA-48	+++	+++	++
17	OXA-48	+++	++	+++
18	OXA-48	+++	++	+++
19	OXA-48	+++	+++	-
20	OXA-48	+++	+++	+++
21	OXA-48	+++	++	+++

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



+++ : Tam lizis, ++ : Lizis bölgesinde sporadik bakteri, + : Lizis bölgesinde çok sayıda bakteri, - : Lizis yok

Anahtar Kelimeler: karbapenemaz üreten *Klebsiella pneumoniae*, Bakteriyofaj etkinliği, Antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-143

Pseudomonas Biyofilmine Faj Etkinliğinin Fajın Litik Aktivitesiyle İlişkisi

Zeynep Erdem Aynur, Bülent Bozdoğan, Gamze Başbülbul

Rekombinant DNA ve Rekombinant Protein Araştırma Merkezi (REDPROM), Aydın Adnan Menderes Üniversitesi, Aydın 9100, Türkiye.

Giriş ve Amaç: *Pseudomonas aeruginosa*, özellikle hastane ortamında, giderek artan dirençli suşlarıyla, önemli enfeksiyonlara neden olan bir fırsatçı patojendir. Bunun yanı sıra bu bakterilerin oluşturduğu biyofilm tabakası, tedaviyi daha da güçleştiren sağlık sorunlarına neden olmaktadır. Antibiyotik direnci bulunan ve biyofilm tabakası oluşturan bakterilerde alternatif tedavi yaklaşımlarına gerek duyulmaktadır. Bakteriyofajlarla enfeksiyon tedavisi bu tür alternatif yöntemlerin arasında yer almaktadır. Bu çalışmamızda, biyofilm oluşturduğu önceden tespit edilen on farklı *Pseudomonas* izolatına, on farklı *Pseudomonas* faj preparatı denenmiş ve biyofilm tabakasına etkisi araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada çeşitli örneklerden tarafımızca izole edilmiş *Pseudomonas* klinik izolatlarına karşı etkin olan on adet farklı bakteriyofaj ile koleksiyonumuzda bulunan ve biyofilm oluşturduğu önceden belirlenmiş on adet *P. aeruginosa* izolatı kullanılmıştır. Kristal viyole denemeleri için biyofilm 24 saat boyunca 200 µl başlangıç kültür hacminde geliştirilmiştir. Biyofilmler %0.9 NaCl ile bir kez yıkanarak, Luria Bertani ortamındaki faj süspansiyonlarından 220 µL her bir kuyucuğa eklenmiştir. Hem pozitif hem de negatif kontrollere Luria Bertani eklenmiştir. Plaklar 37 °C'de 4, 8 ve 24 saat inkübe edilerek %0,9 NaCl ile yıkanıp, %0.01 CV ile boyanmıştır. Absorbanslar 595 nm de ölçülmüştür.

Bulgular ve Sonuç: Fajların tümü bakteri suşlarının oluşturduğu biyofilm tabakasının en az %80'ine etkili bulunmuştur. Çalışmamızda, fajların litik etkileri ile bakterilerin oluşturdukları biyofilm tabakasını degrade etmeleri arasında bir korelasyon olduğu saptanmıştır. Tüm bakterilerde litik etki gösteren PPA 1,2 ve 10, on *Pseudomonas* suşunun biyofilm tabakasına da etkin bulunmuştur. Bakteri izolatlarında K6' da PPA3 , K11' de PPA4, 2237' de PPA 6,7 ve 9' da hem litik etki hem de biyofilm degrade edebilme özelliği saptanmamıştır. Genel durumdan farklı olarak, 1288 numaralı izolatta litik etki göstermeyen PPA6,7 ve 8 biyofilm tabakasına etkili bulunmuştur. Çalışmamızda, biyofilm oluşturan *Pseudomonas aeruginosa* izolatlarına karşı denenilen bakteriyofajların büyük çoğunluğunun etkili olduğu belirlenmiştir. Özellikle PPA1, PPA2 ve PPA10 fajları, tüm suşlarda hem litik etki hem de biyofilm tabakasını deforme etme yeteneği göstermiştir. Bununla birlikte, bazı suşların biyofilmleri diğerlerine göre daha dirençli bulunmuş ve belirli fajların seçici etkileri gözlemlenmiştir. Bu sonuçlar, faj terapisinin, özellikle antibiyotik direnci ve biyofilm oluşumu gibi zorluklarla başa çıkmada umut vadeden bir alternatif tedavi yöntemi olduğunu göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

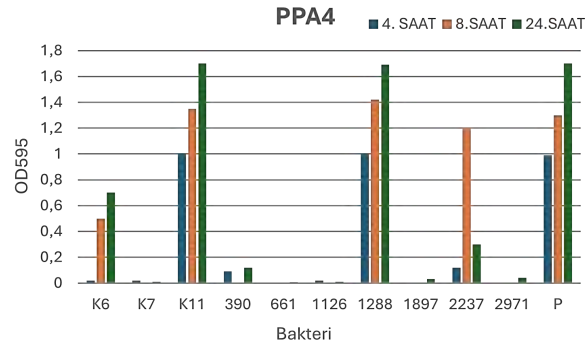
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

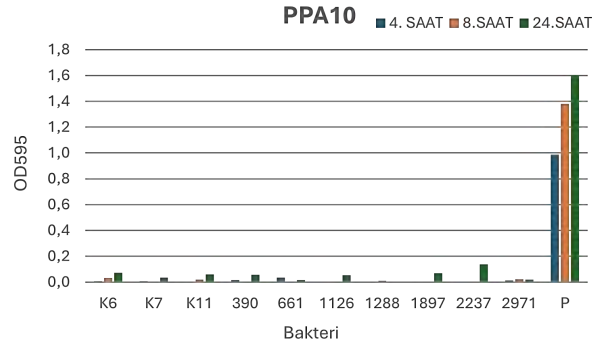


Resim 1.



PPA4 fajının olgun *P. aeruginosa* biyofilmleri üzerine etkisi.

Resim 2.



PPA10 fajının olgun *P. aeruginosa* biyofilmleri üzerine etkisi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: On adet fajın on adet *P. aeruginosa* izolatına karşı denenmesi sonucunda elde edilen veriler.
NEG: Negatif POZ: Pozitif

	PPA1	PPA2	PPA3	PPA4	PPA5	PPA6	PPA7	PPA8	PPA9	PPA10
K6	POZ	POZ	NEG	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
K7	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
K11	POZ	POZ	POZ	NEG	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
390	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
661	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
1126	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
1288	POZ	POZ	POZ	NEG	NEG	NEG	NEG	NEG	POZ	POZ
1897	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
2237	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	NEG	NEG	POZ	NEG	POZ
2971	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
Fajların Litik Etki Gösterdiği Toplam İzolat Sayısı	10	10	9	8	9	8	8	9	9	10

Denenen fajların üç tanesi (PPA1,2 ve10) çalışılan izolatların hepsinde litik etki göstermiştir. Diğer fajlarda ise, en azından bir bakteride litik aktivite saptanmamıştır.

Tablo 2: On farklı fajın, on farklı *P. aeruginosa* izolatının oluşturduğu, olgun biyofilm tabakasına etkisi.
NEG(Negatif), POZ(Pozitif)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	PPA1	PPA2	PPA3	PPA4	PPA5	PPA6	PPA7	PPA8	PPA9	PPA10
K6	POZ	POZ	NEG	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
K7	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
K11	POZ	POZ	POZ	NEG	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
390	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
661	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
1126	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
1288	POZ	POZ	POZ	NEG	NEG	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
1897	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
2237	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	NEG	NEG	POZ	NEG	POZ
2971	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ	POZ
Olgun Biyofilme Etki Eden Toplam Faj Sayısı	10	10	9	8	9	9	9	10	9	10

Bakteriyofajların litik etkileri ile bakterilerin oluşturdukları biyofilm tabakasını degrade etmeleri arasında bir korelasyon vardır. 1288 numaralı izolatta, PPA4,5,6,7 ve 8 litik aktivite göstermezken, PPA 4 ve 5 dışındaki fajlar, bu izolatın oluşturduğu biyofilmi degrade edebilmiştir. Bakterilerin oluşturduğu olgun biyofilm tabakasına en etkili faj PPA10 olarak bulunurken, en az etkili olan ise PPA4 olarak bulunmuştur.

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas aeruginosa*, Biyofilm, Bakteriyofaj

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-144

Parçalanmış Fajların Anti-Biyofilm Etkisi Fajın Litik Aktivitesinden Bağımsız mı?

Abdülkerim Karaynır¹, Sahd Ali¹, Hanife Salih Doğan¹, Ramesh Nachimuthu², Bülent Bozdoğan¹

¹Rekombinant DNA ve Protein Araştırma Merkezi (REDPROM), Aydın Adnan Menderes Üniversitesi, Aydın 09100, Türkiye.

²Antibiotic Resistance and Phage Therapy Laboratory, SBST, Vellore Institute of Technology, Vellore, India.

Giriş ve Amaç: Biyofilm, koruyucu bariyer oluşturması nedeniyle özellikle sağlık sektöründe önemli sorunlar yaratmaktadır. Fajlar, bu soruna çözüm olarak umut vadetse de anti-biyofilm aktivitelerinin arkasındaki kesin mekanizmalar henüz tam olarak anlaşılamamıştır. Bu çalışma, fajların biyofilm yıkma yeteneğinin yalnızca sağlam fajların litik aktivitesine mi bağlı olduğunu araştırmayı amaçlamaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, iki litik faj (Klebsiella faj GADU21 ve Proteus faj RP7) ile bunların indikatör bakterileri ve biyofilm oluşturan *Pseudomonas aeruginosa*-PA01 suşu kullanılmıştır. Fajlar, indikatör bakterileriyle zenginleştirilmiş ve yaklaşık 10^{10} Pfu/mL titreye sahip olacak şekilde hazırlanmıştır. Parçalanmış fajlar ultrasonikasyon yöntemiyle elde edilmiştir. Parçalanmış ve sağlam fajların litik aktiviteleri Spot-test yöntemiyle belirlenmiştir. PA01 suşunun biyofilm oluşturmaya, %1 glikozlu Tryptic Soy Broth (TSBg) besiyerinde, 96 kuyucuklu plakada 24 saat 37°C'de büyütülerek sağlanmıştır. Daha sonra, biyofilmlere 200'er µl sağlam ve parçalanmış fajlar uygulanmış ve 24 saat sonra kristal viole (CV) ile boyama sonrası OD595 ölçümüyle anti-biyofilm aktiviteleri ölçülmüştür. Parçalanmış ve sağlam fajların enzimatik aktiviteleri lipaz, amilaz, proteaz ve DNaz testleriyle değerlendirilmiştir. Fajların genom analizi yapılarak, biyofilm bozulmasında rol oynayabilecek enzimatik aktiviteye sahip yapısal proteinleri kodlayan genler, Pfam v34.0 kullanılarak tespit edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Spot-test ile fajların indikatör bakteriler üzerine litik etkilerinin olduğu ve parçalanma sonrası bu etkinin tamamen yok olduğu gösterilmiştir (Şekil 1B). Kontrolle (yalnızca bakteri) kıyasla hem sağlam hem de parçalanmış fajların uygulandığı *P. aeruginosa*-PA01 biyofilm kütlesinde önemli azalmalar gözlemlenmiştir. Parçalanmış fajlar, sağlam fajlara kıyasla biyofilmi bozma konusunda daha yüksek etkinlik göstermiştir. En yüksek etki sırasıyla parçalanmış RP7, parçalanmış GADU21, sağlam RP7 ve sağlam GADU21'de gözlenmiştir (kalan biyofilm sırasıyla %37, %44, %49 ve %55) (Şekil 2). DNaz, proteaz ve lipaz aktivite testleri her iki faj için de negatif bulunmuş, ancak amilaz testi hem sağlam hem de parçalanmış halleriyle her iki fajda pozitif çıkmıştır (Şekil 1C). Genom analizi, her iki fajda da potansiyel nişasta parçalayıcı enzimler olarak işlev görebilecek ve biyofilm yıkımına katkıda bulunabilecek glukozidaz enzimlerini kodlayan genlerin varlığını ortaya koymuştur (Tablo 1). Bu çalışmada, parçalanmış fajların enzimatik aktivite gösterebildiği ve bu aktivitenin fajın yapısal proteinleri aracılığıyla sağlandığı gösterilmiştir. Bulgularımız, fajların biyofilm yıkımında sadece litik aktivitelerinin değil, enzimatik aktivitelerinin de belirleyici olduğunu ortaya koymuştur. Gelecekteki araştırmalar, biyofilm yıkımından

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

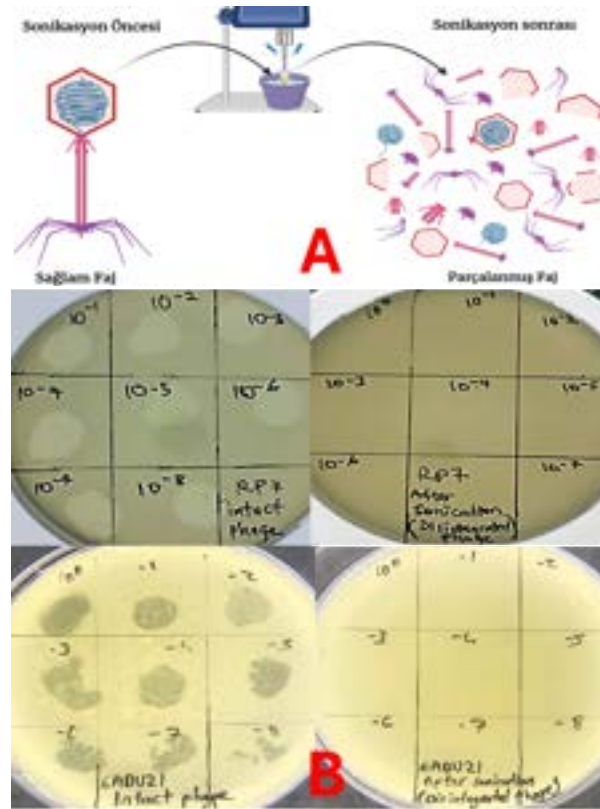
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



sorumlu spesifik proteinleri ve genleri araştırmalı ve parçalanmış fajların daha geniş uygulanma potansiyellerini değerlendirmelidir.

Şekil 1.



Fajların ultrasonikasyon ile parçalanması ve litik aktivitelerinin Spot-test ile belirlenmesi. (A) Sağlam ve parçalanmış fajların temsili görüntüsü. (B) Fajların sonikasyonla parçalanmasından önce (sol) ve sonra (sağ) litik etkilerini gösteren Spot-test sonucu.

Şekil 2.

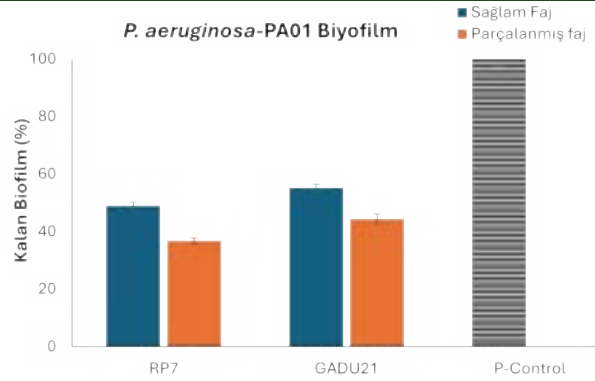
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kristal Violet (CV) yöntemi kullanılarak bakteriyel biyofilmin sağlam ve parçalanmış fajlar tarafından bozulması. Mavi renk sağlam fajları, turuncu renk parçalanmış fajları, yatay çizgili barlar ise kontrol grubunu göstermektedir.

Şekil 3.



Sağlam ve parçalanmış fajların nişasta yıkım aktivitesine bağlı olarak zon oluşumunu gösteren amilaz testi sonuçları. Salin-Magnezyum (SM) faj tamponu kontrol olarak kullanılmıştır.

Tablo 1. Test edilen iki faj genomunda enzimatik aktiviteye sahip olduğu tahmin edilen yapısal proteinlerin bir özeti.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Faj	Genbank	Protein	Homolog	Domain	Enzimatik fonksiyon
Klebsiella faj GADU21	ON004963.2	Gp11	Tail fiber protein	pectate lyase superfamily	Sugar degradation
Proteus faj RP7	ON529533.1	Gp155	Cell wall hydrolase	Hydrolase_2 superfamily	Sugar degradation

Anahtar Kelimeler: Biyofilm, Bakteriyofaj, Parçalanmış faj

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-145

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Streptococcus pyogenes* Suşlarında Bakteriyofaj Taranması Ve Lizojenik Bakteriyofajların Morfolojik ve Moleküler Karakterizasyonu

Şengül Alpay Karaoğlu¹, Arif Bozdeveci¹, Elif Sevim², Yağmur Çayan¹, Şeyma Suyabatmaz¹, İlkay Bahçeci³

¹Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Fen Edebiyat Fakültesi Biyoloji Bölümü, Moleküler Biyoloji ABD-Rize, Türkiye

²Kırşehir Ahi Evran Üniversitesi Tıp Fakültesi, Temel Tıp Bilimleri, Tıbbi Biyoloji ABD-Kırşehir, Türkiye

³Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Temel Tıp Bilimleri, Tıbbi Mikrobiyoloji ve Klinik Mikrobiyoloji ABD-Rize, Türkiye

Giriş ve Amaç: Dünyada her yıl halk sağlığı için, invaziv grup A beta-hemolitik streptokok (AGBHS) hastalıkları üzerine birçok çalışma yürütülmektedir. Araştırmalar yaklaşık 34 milyon kişinin etkilendiğini ve 10 milyondan fazla hastanın kalıcı olarak sakat kaldığını göstermektedir. AGBHS, Dünya Sağlık Örgütü tarafından dünya çapında insanları etkileyen dokuzuncu bulaşıcı hastalık olarak listelenmiştir. Çalışmamızda klinik örneklerden izole edilen AGBHS izolatlarında virulans genlerin varlığı, bakteriyofaj içeriği ve konak genişliği, bazı fajların karakterizasyonu planlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada 2017-2019 yıllarında RTEÜ-EAH'de 40465587-050.01.04-81 nolu ve 29.04.2019 tarihli etik kurul kararı ile yüksek lisans tezi kapsamında izole edilen AGBHS'lar kullanıldı. Suşların basitrasin duyarlılığı, pirolidonil arilamidaz, katalaz testleri ve hızlı tanı kitiyle AGBHS olduğu doğrulandı. Kültür için %5-koyun kanlı agar, Todd-Hewitt ve Triptik-Soy sıvı besiyerleri kullanıldı. Antibiyotik direnç varlığı disk diffüzyon metodu ve EUCAST Klinik Sınır Değerleri kullanılarak belirlendi. AGBHS'lerden DNA izole edilerek emm moleküler tiplendirilmesi, CDC tarafından önerilen primerler kullanılarak yapıldı. Profaj indüksiyonu Mitomisin-C (0,2 µg/mL) kullanılarak yapıldı. PEG-çöktürmeyle bakteriyofaj yoğunlaştırıldı, SDS-PAGE profilleri belirlendi, TEM görüntüleri (ESOGÜ-ARUM'da) alındı, faj DNA izolasyonu, tüm genom sekanslaması ve biyoinformatik programlar kullanılarak analiz yapıldı. Çalışma "TÜSEB A-Grubu Acil AR-GE Projesi" (TB-16680) kapsamında desteklenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Toplanan 85 adet AGBHS kullanıldı. İzolatlar; kültür pozitifliği, Gr(+) kok-zincir morfolojisi, beta-hemoliz özelliği, Basitrasin duyarlılığı ve SXT dirençliği belirlendi (Şekil-1). BO80'de eritromisin'e %13, tetrasiklin'e %30 direnç belirlenirken, BO93'de direnç gözlenmedi. İndüklenen lizatlarda çapraz (Cross) enfeksiyon yapıldı, izolatların %74'ünde faj varlığı ve geniş konak aralığı içerdikleri belirlendi (Tablo-1). Konaklarda 1/ ≥15 mm çapında açılma ve plak oluşumları gözlemlendi, en iyi konakların BO26 ve BO95 olduğu belirlendi. BO93 izolatında speC, speK ve speM, BO80 izolatında speA ve speC genleri belirlendi (Şekil-2). BO80 fajının 37802 bp nükleotid dizisine sahip linear DNA içerdiği, 52 okuma (ORF) bölgesinin olduğu, 6'sının (-), 46'sının (+) bölgede yer aldığı belirlendi. BLAST yapıldığında, 19 ORF bölgesinin fonksiyonu bilinen bir proteinle eşleştiği, diğer ORF'lerin hypothetical protein olduğu, BO80 fajının (Şekil-2), endolizin, hiyaluronidaz ve endopeptidaz bölgelerini içerdiği belirlendi. Yapısal proteinler

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

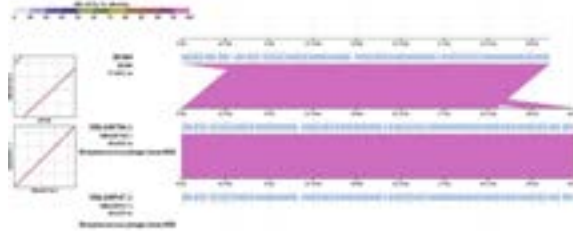
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

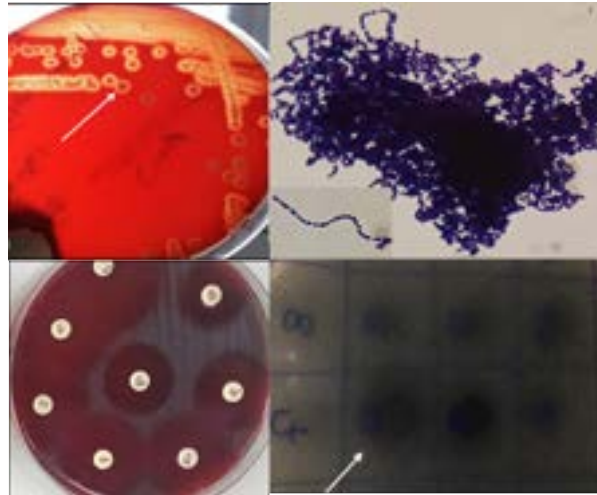


olarak; kuyruk, terminaz büyük alt ünite, portal, kuyruk uzunluğu ölçüm bandı ve majör kapsid (Şekil-2) proteinlerini içermektedir. BO80 tüm genom dizisi, NCBI Virus veri tabanında tarandığında *Streptococcus Javan* 458 ve 505 fajlarıyla %99 benzerlik gösterdi (Şekil-3). Bakteriyofaj BO93'ün tüm genom dizisi oluşturulamadığından biyoinformatik değerlendirilmesi verilmedi.

Şekil 3. BO80 fajının tüm genom dizisinin NCBI veri bankasındaki benzer olduğu *Streptococcus* fajları (Javan 458 ve Javan 505)



Şekil 1. *S. pyogenes* suşlarının Koyun kanlı agarda Beta hemolitik kolonileri, Gram Boyamada zincir şeklinde kok morfolojisi, Antibiyogram ve Damlatma tekniği ile bakteriyofaj varlığının belirlenmesi.



Şekil 2.

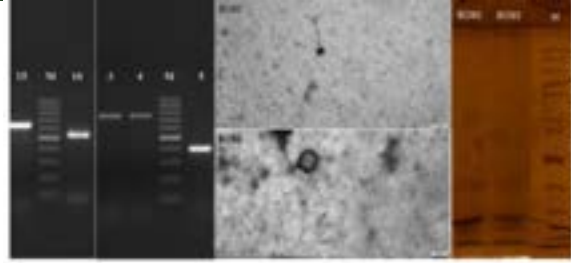
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 2. *S. pyogenes* izolatlarında belirlenen speA, speC, speK ve speM genleri. M) 100 bp DNA ladder (ThermoScientific) 3) *S. pyogenes* BO80 speA, 4) *S. pyogenes* BO93 speA, 5) *S. pyogenes* BO5 speC, 15) *S. pyogenes* YA47 speK, 16) *S. pyogenes* BO53 speM. Bakteriyofaj BO80 ve Bakteriyofaj BO93 TEM görüntülemeleri (100 nm) ve SDS-PAGE profilleri

Tablo 1. Optimize koşullarda ve seçilmiş en uygun konaklarda faj plaklarının gözlenmesi, fajların TEM görüntüleri alınan örneklerin morfolojik ölçümleri ve faj DNA'larının Nanodrop (1 µL) ölçüm değerleri

Faj içeren Lizat No	KONAK ARALIKLARI		Konak Sayısı
	1-3 mm Açılma ve Plak Oluşumu Gözlenenler	4 - ≥15 mm açılma Gözlenenler	
BO80	BO26, BO39, BO94, BO95	-	4
BO93	KU66, BO26, BO28, BO39	BO93, BO95	6
Bakteriyofaj No	Baş Boyutları (nm)	Kuyruk Boyutları (nm)	Kuyruk eni (nm)
BO80	44.45	135.78	9.15
BO93	65.29	158.82	10.80
FAJ DNA	260/230	260/280	Ng/µl Cont
BO80	1.86	1.85	62.14
BO93	1.74	2.03	33.33

Anahtar Kelimeler: AGBHS, Antibiyotik Direnci, Faj İzolasyon/Karakterizasyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-146

Hastane Atık Suyundan *Escherichia coli* Fajı İzolasyonu ve Karakterizasyonu

Merve Özmen, Zafer Habip, M. Esra Koçoğlu, Tuncer Özekinci

¹İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi

²Prof. Dr. Süleyman Yalçın Şehir Hastanesi

Giriş ve Amaç: Antibiyotik direnci, özellikle hastane ortamında çoklu ilaca dirençli (ÇİD) ve panrezistan kökenlerin neden olduğu enfeksiyonların artışıyla, günümüz tıbbının en büyük zorluklarından biri haline gelmiştir. Bu çalışmada, hastanemizde izole edilen ÇİD ve panrezistan *Escherichia coli* suşlarına karşı etkili litik bakteriyofajların, hastane atık suyundan izolasyonu ile in-vitro ve in-vivo etkinliğinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastane kanalizasyonundan elde edilen bir adet atık su numunesinden, ikili agar kaplama yöntemi kullanarak *E.coli* fajı varlığı araştırıldı. Araştırmada biri ESBL (+), diğeri de karbapenem ve seftazidim avibaktam dirençli *E.coli* olmak üzere iki adet hasta izolatu kullanıldı. Bu deneyde bir adet *E.coli* fajı izole edildi. İzole edilen fajın in vitro etkinliği, optimal MOI (Multiplicity of Infection) deneyi, redüksiyon deneyi ve faj konak aralığı tespiti yöntemleriyle değerlendirildi. Faj tedavisinin in vivo etkinliği *Galleria mellonella* (büyük balmumu güvesi) larva modeli kullanılarak değerlendirildi. Bu modelde her biri 10 larvadan oluşan 3 grup oluşturuldu. Tedavi grubuna *E.coli* ve faj, enfeksiyon kontrol grubuna *E.coli* suşu, faj kontrol grubuna ise sadece faj verildi. Sonuçlar ölen ve canlı kalan larvalar sayılarak değerlendirildi. Larva modeli, etik avantajları, maliyet etkinliği, hızlı sonuç verme özelliği ve insan bağışıklık sistemine benzerliği nedeniyle tercih edilmiştir. Bu sayede, faj tedavisinin canlı organizmada etkinliği, daha karmaşık memeli modellerine geçmeden önce değerlendirilmesi planlanmaktadır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, hastane atık suyundan *E. coli*'ye karşı etkili bakteriyofaj başarıyla izole edildi (Şekil 1). İzole edilen fajın, optimal MOI deneyinde 10:1 oranında en etkili olduğu gösterildi. Böylece ortamdaki bakteri başına 10 adet fajın bulunduğu durumlarda enfeksiyonun en etkili şekilde gerçekleştiği sonucu çıkarıldı (Şekil 2). Redüksiyon deneyinde, faj varlığında bakteri üremesinin kısıtlandığı bakteri üreme eğrisi üzerinde gözlendi (Grafik 1). *Acinetobacter baumannii*, *Stenotrophomonas maltophilia*, *Salmonella enterica*'da litik plaklar yönünden değerlendirildi, plak gözlenmedi. In vivo model çalışmalarında tedavi grubunda sağ kalım %50 iken faj kontrol grubunda sağ kalım %90 dı. Enfeksiyon kontrol grubundaki tüm larvalar ölmüştür. Hastanemizin atık suyundan izole edilen litik *E. coli* litik fajının in vitro ve in vivo olarak etkili olduğu gösterilmiştir. Bu bulgular, faj tedavisinin ÇİD *E. coli* enfeksiyonları için potansiyel bir tedavi seçeneği olabileceğini düşündürmektedir. Faj tedavisinin klinik potansiyelini ortaya koymak için daha fazla araştırmaya ihtiyaç duyulmaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

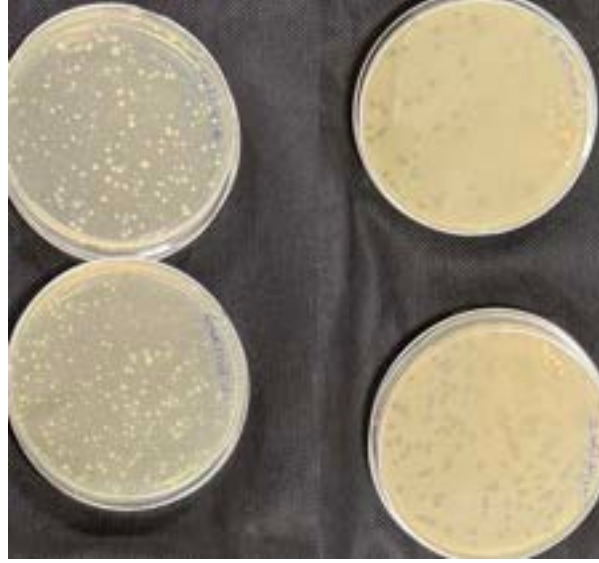
www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Şekil 1



Şekil 2

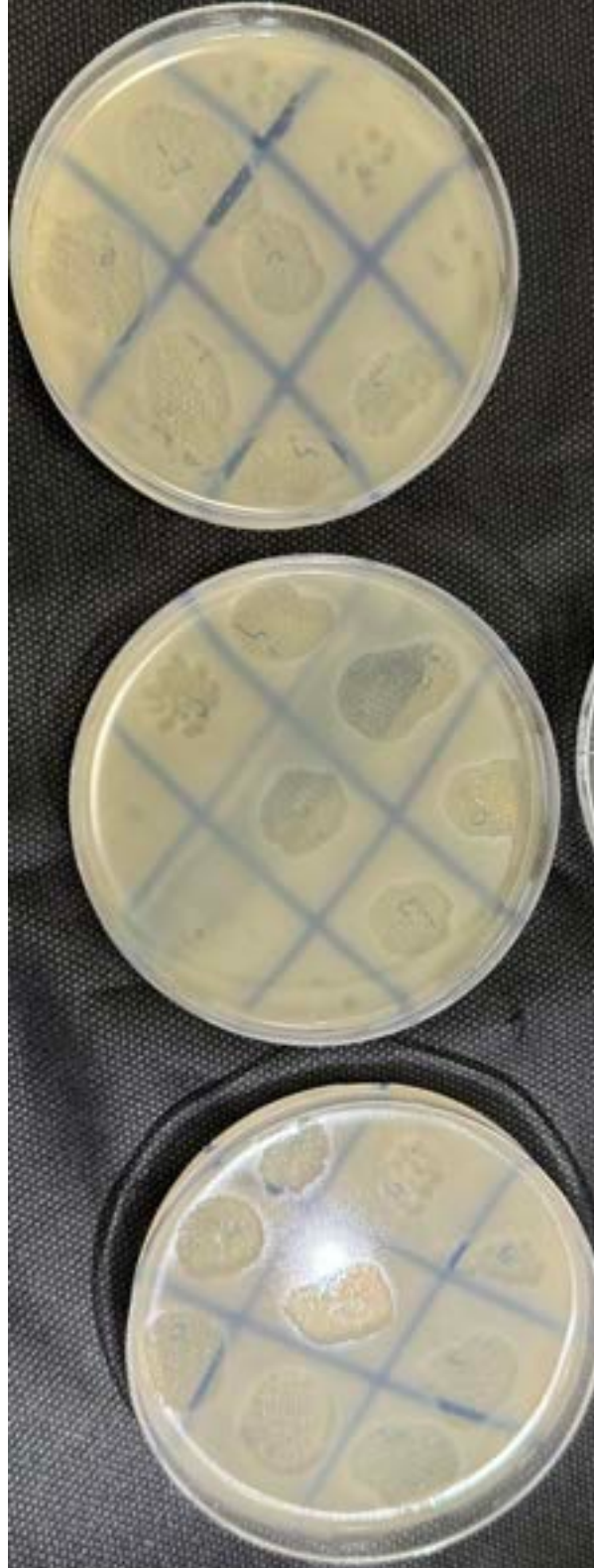
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

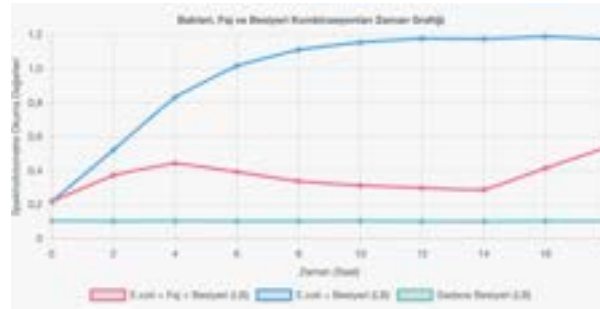
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik 1



Anahtar Kelimeler: Bakteriyofaj, *Escherichia coli*, Faj tedavisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-147

Bir Yara Örneğinden İzole Edilen Tüm Antibiyotiklere Dirençli *Klebsiella pneumoniae* Suşu Üzerinde Antimikrobiyal Fotodinamik Tedavinin Etkinliği

Hüseyin Haydar Kutlu¹, Metin Çalışkan², Serçin Özlem Çalışkan³

¹Uşak Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Uşak Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Biyoloji Anabilim Dalı

³Uşak Üniversitesi Tıp Fakültesi Biyofizik Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Bakteriler arasında hızla yayılan direnç mekanizmaları nedeniyle enfeksiyon hastalıkları küresel bir kriz halini almıştır. Kazandıkları direnç mekanizmaları ile panrezistan kökenler olarak karşımıza çıkabilen bazı bakteri türlerinin neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde çaresiz kalınmaktadır ve antibiyoterapiye ilaveten alternatif tedavi yöntemlerine olan ihtiyaç giderek artmaktadır. Alternatif yöntemlerden biri olan Antimikrobiyal Fotodinamik Tedavi (aFDT) bakteriyel direnç mekanizmalarından etkilenmemesi, birden çok bakteriyel hedefe aynı anda etki etmesi ve minimal invaziv bir tedavi yöntemi olması nedeniyle büyük umut vadetmektedir. Çalışmamızda Rose Bengal (RB) aracılı aFDT'nin bir yara örneğinden izole edilen panrezistan *Klebsiella pneumoniae* (*K. pneumoniae*) suşu üzerindeki antimikrobiyal etkinliği araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızın ilk basamağı aFDT bileşenlerimiz olan RB ve yeşil ışığın tedavide güvenliğini belirlemek amacıyla normal sağlıklı insan bronş epiteli hücre hattı (BEAS-2B) üzerindeki sitotoksik etkilerinin araştırılmasıdır. Tek başına yeşil ışığın, tek başına RB'nin farklı konsantrasyonlarının (8, 16, 32, 64, 128, 256 ve 512 $\mu\text{mol/L}$) ve RB'nin yeşil ışıkla birlikte kullanımının ökaryotik hücre canlılığı üzerindeki etkilerini gözlemlemek üzere hücre kültürü ve canlılık testi (MTT) gerçekleştirilmiştir. İnsan bronş epitel hattında sitotoksik olmayan konsantrasyonlar ve süreler belirlendikten sonra yeşil ışık, RB ve bu ikisinin birlikte kullanımının panrezistan *K.pneumoniae* üzerindeki etkileri mikropalakalar üzerindeki kuyucuklarda test edilmiştir. Işık kaynağı olarak 532 nm dalga boyuna (yeşil ışık) sahip LED sistemi kullanılmıştır. *K.pneumoniae* RB ile inkübe edilerek bakterinin fotosensitizer ajanı içine alması sağlandıktan sonra 10, 20, 30, 40, 50 ve 60 dakika boyunca yeşil ışığa maruz bırakılmıştır. aFDT uygulamasının ardından mikropalakalardaki kuyucuklardan alınan bakteri süspansiyonlarının sulandırılmaları yapılarak Eozin Metilen Mavisı agara (EMB) ekimleri yapılmıştır. 24 saat inkübasyonun ardından canlı bakteri sayıları, üreyen kolonilerin çıplak gözle sayımları yapılarak cfu/mL olarak hesaplanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

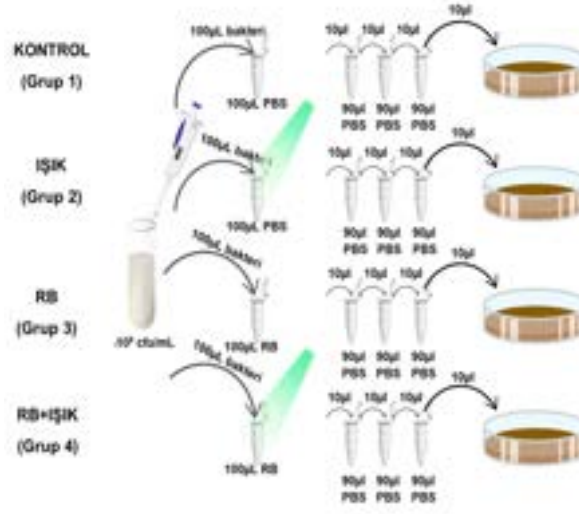
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Rose Bengal aracılı antimikrobiyal Fotodinamik Terapi için deneysel kurulum



Bulgular ve Sonuç: Bir saatlik yeşil ışık uygulamasının, 64 $\mu\text{mol/L}$ ve daha düşük konsantrasyonlardaki 40 dk'lık RB maruziyetinin ve bu konsantrasyonların yeşil ışık kombinasyonlarının BEAS-2B hücreleri üzerinde sitotoksik etki oluşturmadığı tespit edilmiştir. Panrezistan *K.pneumoniae* suşu RB'nin 8 $\mu\text{mol/L}$ konsantrasyonunda 40 dakika inkübe edilerek fotosensitizer ajanın bakteri içine alınmasını sağlanmış ve ardından 60 dakikalık yeşil ışık uygulandığında bakterilerde 2 log₁₀ kadar azalma saptanmıştır. Çalışmamız panrezistan *K.pneumoniae* tedavisinde RB aracılı aFDT'nin etkili bir alternatif olabileceğini in vitro ortamda gösteren ilk çalışmadır. Tüm antibiyotiklere dirençli *K.pneumoniae* suşunun %99 oranında inhibe edilebilmesi, aFDT'nin güçlü antimikrobiyal etkinliğini kanıtlamıştır.

Rose Bengal aracılı antimikrobiyal Fotodinamik Terapinin panrezistan *K. pneumoniae* üremesi üzerindeki etkisi

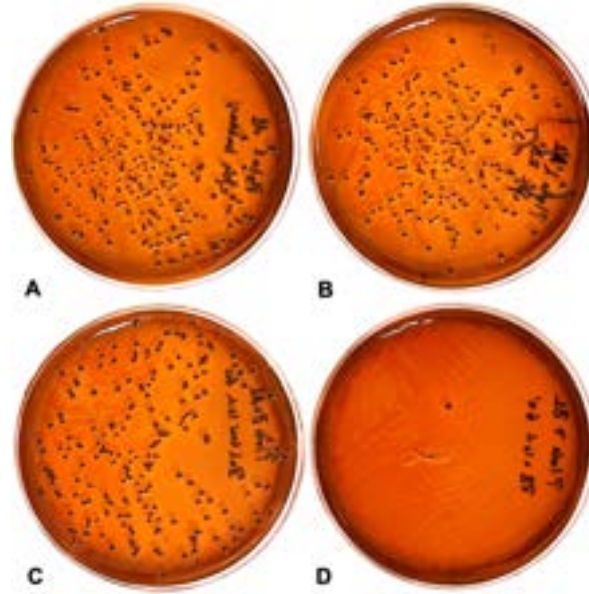
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

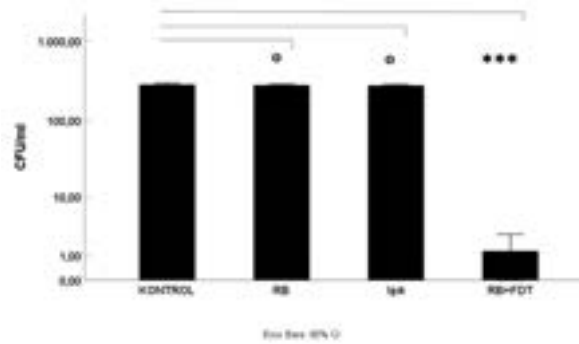
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



A. Kontrol, B. Sadece RB, C. Sadece Işık, D. RB+FDT

Rose Bengal aracılı antimikrobiyal Fotodinamik Terapinin panrezistan *K. pneumoniae* üremesi üzerindeki etki grafiği



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



(n= 3, O p>0.05, ***p <0.001. Nokta grafikleri, üç bağımsız deneyi temsil etmektedir. Hata çubukları %95 güven aralığı)

Anahtar Kelimeler: Antimikrobiyal Fotodinamik tedavi, Rose Bengal, *Klebsiella pneumoniae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-148

İzmir İlindeki Sağlıklı Yetişkinlerde Bağırsak Mikrobiyota Kompozisyonu ve Kardiyometabolik Parametrelerle İlişkisi

Nazlı Arslan¹, Şeyda Şilan Okalin Yamaç¹, Ebru Demiray-Gürbüz¹, Mine Arayıcı², Deniz Kırca², Fatma Duygu Özel Demiralp³, Didem Akdeniz⁴, Pınar Akan⁵, Ayşe Aydan Özkütük¹

¹Dokuz Eylül Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir, Türkiye

²Dokuz Eylül Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, Sinir Bilimler Anabilim Dalı, İzmir, Türkiye

³Dokuz Eylül Üniversitesi, Onkoloji Enstitüsü, İzmir, Türkiye

⁴Bakırçay Üniversitesi, Tıp Fakültesi, İç Hastalıkları Anabilim Dalı, İzmir, Türkiye

⁵Dokuz Eylül Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Biyokimya Anabilim Dalı, İzmir, Türkiye

Giriş ve Amaç: Coğrafyaya, beslenme alışkanlıklarına ve genetik faktörlere göre şekillenen bağırsak mikrobiyotası metabolizmayı etkileyen birçok metabolit üretir. Yıllar içerisinde bazı alışkanlıkların ve çevresel koşulların değişmesiyle disbiyozis oluşmakta ve metabolik hastalıklar ortaya çıkabilmektedir. Çalışmamızda, bağırsak mikrobiyotasının bakteriyel kompozisyonunun sağlıklı yetişkinlerde tanımlanması ve kardiyometabolik risk açısından değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya İzmir'de yaşayan, kabul kriterlerine uyan 82 sağlıklı yetişkin bireyin kan ve dışkı örnekleri dahil edilmiştir. ZymoResearch DNA ekstraksiyon kiti ile dışkı örneklerinden izole edilen DNA'da 16S rRNA analizi ile mikrobiyota kompozisyonu belirlenmiştir. 16S rRNA Nanopore teknolojisi (MinION MK1B cihazı, NBK.114.96 kiti) ile 10x derinlikte dizilenmiştir. Massbiome Fekal Mikrobiyom Analiz yazılımı ile elde edilen okumaların biyoinformatik analizleri yapılarak bağırsak mikrobiyota kompozisyonu belirlenmiştir. Kan örneklerinden açlık glukoz, açlık insülin, CRP, HDL, LDL, total kolesterol, Trigliserid, HbA1 ve homosistein değerleri ölçülerek kardiyometabolik risk parametreleri değerlendirilmiştir. Beden Kitle indeksi (BKİ) gruplarındaki farkların analizi için Kruskal Wallis testi kullanılmış ve p değeri 0.05'ten küçük olan sonuçlar anlamlı kabul edilmiştir. Mikrobiyal taksonların relatif bolluğu ile BKİ ve kan metabolik sağlık belirteçleri arasındaki ilişkiler Spearman Korelasyonları ile incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: : Çalışmaya katılan 82 (66 kadın, 16 erkek) katılımcının yaş ortalaması 43.64 ±9.7; yaş aralığı 19-64'tür. BKİ'ye göre, 82 katılımcının %41.4 ü sağlıklı kilolu, %30.5 u fazla kilolu ve %28.1 i obez olarak tanımlanmıştır. Katılımcıların çoğunda *Segatella (Prevotella) copri* (%51) baskın tür olarak tanımlanmıştır. Tanımlanan diğer baskın türler Şekil 1'de gösterilmiştir. Sağlıklı kilolu katılımcıların Firmicutes/Bacteroidetes oranı (p<0,004) ve alfa çeşitliliği (p<0,005), fazla kilolu ve obez katılımcılara göre anlamlı derecede yüksek bulunmuştur. Çalışma sonuçlarında, BKİ'ye göre bağırsak mikrobiyotasında bulunan bazı bakteri oranlarında farklılık olduğu gözlenmiştir. Obez katılımcılarda Ruminococcus oranının (p < 0.001) anlamlı olarak daha az olduğu ve BMI arttıkça Ruminococcus bolluğunun azaldığı görülmüştür. Bakterilerin metabolik sendrom ilişkisi incelendiğinde, Ulusal Kolesterol Eğitim Programı Erişkin Tedavi Paneli III kılavuz kriterlerine göre metabolik sendrom riski taşıyan 10 katılımcıda, alfa çeşitliliği ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

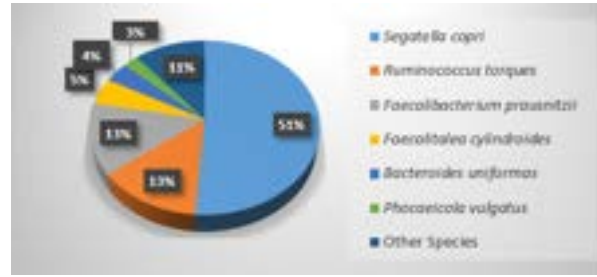
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bacteroides, Lachnospira ve Phocaeicola bolluğu anlamlı derecede düşük, *Segatella copri* ve Prevotella oranı ise yüksek bulunmuştur. Çalışmamızda bağırsak mikrobiyotasında bulunan bazı bakteri oranlarının metabolik sendrom açısından risk oluşturduğu görülmüştür. Özellikle, çalışmamız katılımcılarında baskın saptanan *S. copri* türü ve kardiyometabolik risk ile istatistiksel olarak anlamlı ilişki saptanmıştır, ancak kesin sonuçlar için örneklemin büyük olduğu çalışmalara ihtiyaç vardır.

Şekil 1. Bağırsak mikrobiyotasında tanımlanan baskın türler



Anahtar Kelimeler: Mikrobiyota kompozisyonu, İzmir, Kardiyometabolik parametreler

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-149

Sifiliz Tanısında Kullanılan RPR ve ELISA Test Sonuçlarının Değerlendirilmesi ve Tanı Algoritma Değişikliğinin Karşılaştırılması

Kutay Demirel, Ali Fazıl Anıl, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

Balıkesir Üniversitesi Sağlık Uygulama ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Sifiliz, *Treponema pallidum*'un neden olduğu cinsel yolla bulaşan bir hastalıktır. Tanıda serolojik testlerin kullanım algoritması oldukça önemlidir. Kurumumuzda 2022 tarihine kadar sifiliz serolojik tanısında klasik algoritma kullanılmaktaydı. Ocak 2022 itibarıyla birlikte tarama testi olarak hem non-treponemal (RPR) hem de treponemal (ELISA) testin birlikte çalışılmasına başlanmıştır. Klinisyenlerin istekleri doğrultusunda ve hastane yönetimiyle entegrasyonda yaşanan sorunlar nedeniyle algoritma dışı test istemleriyle sifiliz serolojisi çalışılan hastalar iki dönem için mevcuttur. Bu çalışmayla Balıkesir Üniversitesi Sağlık Uygulama ve Araştırma Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda, 01.01.2020-01.04.2024 tarihleri arasında kullanılan farklı tanı algoritmalarının, elde edilen veriler doğrultusunda retrospektif olarak değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: RPR (Spinreact RPR-Carbon, İspanya) ve ELISA-T. pallidum IgM/IgG (Abbott i2000SR, ABD) testlerine ait sonuçlar, 01.01.2020-31.12.2021 ve 01.01.2022-01.04.2024 tarihleri arası olmak üzere iki grup şeklinde incelenmiş ve karşılaştırılmıştır. Her hastaya ait sadece tek sonuç çalışmaya dahil edilmiştir. İstatistiksel analizde SPSS versiyon 22.0 paket programı kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 4578 hastaya ait test sonuçları değerlendirilmiştir. 01.01.2020-31.12.2021 tarihleri arası 1508 hasta; 01.01.2022-01.04.2024 tarihleri arası ise 3070 hasta örneği incelenmiştir. Hastaların yaş ortalaması Grup 1'de 47.2 ± 18.1 iken, Grup 2'de 45.1 ± 18.4 olarak saptanmıştır. Gruplara göre; erkek/kadın, ELISA çalışılan hasta sayısı, ELISA pozitifliği ve RPR pozitifliği oranları Tablo 1'de sunulmuştur. Grup 1'de *T. pallidum* pozitiflik oranı %1.3 (19/1508) iken bu oran Grup 2'de istatistiksel olarak anlamlı şekilde artarak %2.6'ya (81/3070) yükselmiştir (p 0.003). Hem ELISA hem de RPR testleri pozitif saptanan hastaların oranı Grup 1'de %0.7, Grup 2'de %0.8; ELISA testi pozitif iken RPR testi negatif olan hastaların oranı ise Grup 1'de %0.3, Grup 2'de %1.5 olarak bulunmuş (Tablo 2), gruplar arasında istatistiksel olarak anlamlı fark gözlenmiştir (p 0.016). Erkek/kadın, ELISA pozitifliği ve RPR pozitifliği oranları açısından gruplar arasında istatistiksel olarak anlamlı fark görülmemiştir. Grup 2'de *T. pallidum* pozitiflik oranı (%2.6) istatistiksel olarak anlamlı şekilde yüksek bulunmuştur (p 0.003). Bunun nedeninin gruplar arasındaki numune sayısındaki değişiklikler ve cinsel yolla bulaşan hastalıkların sıklığının her geçen gün artışıyla ilişkili olabileceği göz önünde bulundurulsa dahi en önemli faktörlerden birinin algoritma değişikliği olduğu düşünülmüştür. Grup 2'de ELISA testi pozitif iken RPR testi negatif olan 48 hasta (%1.5), algoritma değişikliği sayesinde saptanabilmiştir (Tablo 2). Her merkezin bölgesindeki sifiliz prevalans verilerini ve test istem maliyetlerini değerlendirerek, kendi tanı algoritmalarını oluşturmaları gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: Gruplara göre erkek/kadın, ELISA çalışılan hasta sayısı, ELISA pozitifliği ve RPR pozitifliği oranları

	Grup 1 (01.01.2020-31.12.2021) n:1508	Grup 2 (01.01.2022-01.04.2024) n:3070	p
Erkek/Kadın	777/731	1600/1470	0.706
Elisa Çalışılan Hasta Sayısı	760 (%50.3)	2799 (%91.1)	≤0.001
Elisa Pozitiflik Oranı	19/760 (%2.5)	81/2799 (%2.9)	0.560
RPR Çalışılan Hasta Sayısı	1165 (%77.2)	2604 (%84.9)	≤0.001
RPR Pozitiflik Oranı	13/1165 (%1.1)	28/2604 (%1.1)	0.912

Tablo 2: Gruplara göre ELISA ve RPR testleri aynı anda pozitif saptanan hastalar ile ELISA testi pozitif iken RPR testi negatif olan hastaların oranları

	Grup 1 (01.01.2020-31.12.2021) n: 1508	Grup 2 (01.01.2022-01.04.2024) n: 3070	p
ELISA (Pozitif) RPR (Pozitif)	11 (%0.7)	27 (%0.9)	0.016
ELISA (Pozitif) RPR (Negatif)	5 (%0.3)	48 (%1.5)	

Anahtar Kelimeler: *Treponema pallidum*, RPR, ELISA

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-150

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'nde Saptanan Adenovirus ve Rotavirus Sıklığı: İki Yıllık Değerlendirme

Selma İnce, Emel Çalışkan, Emel Akbaş, Şükrü Öksüz, Hüseyin Demir

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Adenovirus ve rotavirus tüm dünyada, bölgelere göre sıklığı değişmekle birlikte akut gastroenteritlerin önemli etkenlerindendir. Bu çalışmada hastanemize gastroenterit ön tanısıyla başvuran hastalarda adenovirus ve rotavirus sıklığının belirlenmesi; yaş, cinsiyet ve klinik bölüm farklılıklarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada 01.08.2022-31.07.2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza, çeşitli kliniklerdeki hastalardan gönderilen gaita örneklerine ait adenovirus ve rotavirus sonuçları retrospektif olarak incelendi. Adenovirus ve rotavirus pozitifliği immunokromatografik yöntem (Laboquick Rotavirus Adenovirus Ag Combo test) ile belirlendi. Verilerin istatistiksel analizinde IBM SPSS 23 paket programı kullanıldı. Kategorik değişkenlerin değerlendirilmesinde Ki-kare testi kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 1237'si (%44,8) kadın, 1526'sı (%55,2) erkek olmak üzere toplam 2763 hastanın gaita örneği dahil edilmiştir. Hastaların yaş ortalaması 6,50±7,64 (min:0-max:94) idi. Örneklerin 179'unda (%6,5) adenovirus, 485'inde (%17,6) rotavirus, 90'ında (%3,2) adenovirus ve rotavirus birlikte pozitif olarak tespit edilmiştir. Kadınlarda rotavirus sıklığı % 16,2 iken, adenovirus sıklığı %6,1 olarak bulunmuştur. Erkeklerde de bu oranlar sırasıyla %18,6 ve %6,8 olarak saptanmıştır. Cinsiyetler arasında pozitiflik açısından istatistiksel olarak anlamlı fark saptanmamıştır. 19 yaş ve altı hastalarda rotavirus sıklığı %17,8 iken 19 yaş üstü hastalarda bu oran %5,3 olarak bulunmuştur. (Tablo 1). Örneklerin gönderildiği kliniklere göre değerlendirme yapıldığında, hem adenovirus hem de rotavirus pozitifliğinin gönderildiği kliniklere göre farklılık göstermediği belirlenmiştir (sırasıyla, p=0,282, p=0,137). Bölgemizde hem kadınlarda hem de erkeklerde rotavirus sıklığı adenovirus sıklığından anlamlı şekilde yüksek bulunmuştur. Çocuk hastalardaki rotavirus sıklığı adenovirus sıklığından fazla olup, çocuk hastalardaki rotavirus sıklığı yetişkin yaş grubu hastalardan daha fazla saptanmıştır.

Tablo1. Adenovirus ve rotavirus sıklığının cinsiyet ve yaş gruplarına göre dağılımı

	Adenovirus		Rotavirus		P değeri
	Positif n(%)	Negatif n(%)	Positif n(%)	Negatif n(%)	
Cinsiyet					
Kadın (n=1237)	75 (6,1)	1162 (93,9)	200 (16,2)	1037 (83,8)	<0,001
Erkek (n=1526)	294 (19,3)	1232 (80,7)	285 (18,7)	1241 (81,3)	<0,001
p değeri	0,024		0,149		
Yaş Grubu					
<19 (n=71)	1 (1,4)	70 (98,6)	9 (12,7)	62 (87,3)	0,002
≥19 (n=2792)	178 (6,4)	2614 (93,6)	476 (17,1)	2316 (82,9)	<0,001
p değeri	0,179		0,002		

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Adenovirus, rotavirus, gaita örnekleri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS – 151

Easy, Fast and Accurate Diagnosis of Monkeypox Virus with an Artificial Intelligence Based Application

Cenk Serhan Ozverel¹, Fadi Al Turjman², Erdal Sanlidag¹, Tamer Sanlidag¹

¹Near East University, DESAM Research Institute, Nicosia, Cyprus

²Near East University, Research Center for AI and IoT, AI and Robotics Institute, Nicosia, Cyprus; Near East University, Research Center for Science, Technology and Engineering (BILTEM), Nicosia, Cyprus.

Introduction and purpose: Monkeypox (Mpox) remains a global health threat, with over 100,000 confirmed cases and 220 deaths across more than 120 countries since January 2022. Recent surges in the Democratic Republic of the Congo and other African nations have raised concerns. Mpox spreads through close contact, including skin-to-skin and respiratory interactions. Symptoms range from few lesions to extensive rashes, complicating diagnosis against chickenpox, measles, herpes, and other infections. This study aimed to develop an AI-based application for rapid, accurate Mpox diagnosis from skin images, assisting clinicians.

Materials and Methods: In this study, a total number of 2150 confirmed monkeypox skin lesion images and 1470 negative control images of chickenpox, and 1150 acne, measles, shingles, herpes infections were collected from NCBI database and publications. 3780 images were used for training, 870 images for testing, and 1000 images for validation. Four architectures were used to create models that had high accuracies; these are VGG16, SVC, ResNet50 and a custom CNN. The images from the dataset collected were used to train these different architectures to produce superior models that could rival other studies in terms of accuracies and speed of prediction. On top of the bare models, a web interface based application was built to interact with them to be able to make predictions and review them (Figure 1).

Figure 1



Mpox Web application interface.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Findings and Conclusion: This application enabled fast, accurate, and precise identification of Monkeypox and Chickenpox lesions. A total of 5,650 images were used to test each model's efficacy. From the confusion matrices, the ResNet50 model achieved 2,100 correct and 50 incorrect predictions, reaching the highest accuracy of 97.67%. The VGG16 model obtained 2,050 correct and 100 incorrect predictions, achieving the second highest accuracy of 95.3% whereas the SVC model achieved 2013 correct and 137 incorrect predictions with 93.6% accuracy. Finally, the CNN model produced 2,010 correct and 140 incorrect predictions, resulting in the lowest accuracy of 93.4%. Among the three models tested, the ResNet50 model was identified as the most effective model for diagnosing Monkeypox. In conclusion, this study developed a more accurate and faster tool for differentiating similar skin lesions which might aid clinicians in decision-making for the identification of Mpox.

Keywords: Mpox, Artificial Intelligence, Diagnosis

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-152

Dışkı Örneklerinin Direkt Mikroskopik İncelemesinde Geleneksel Yöntem ve Parafek® Parazitolojik Tanı Kiti ile Konsantrasyon Yöntemlerinin Karşılaştırılması

Arif İrfan Turan, Nida Özcan, Özge Alkan Bilik, Hakan Temiz

Dicle Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilimdalı

Giriş ve Amaç: Parazit yumurtaları, trofozoitleri ve kistlerinin gaitada az sayıda bulunması durumunda geleneksel yöntemle direkt mikroskopik inceleme yanlış negatif sonuçlara yol açabilir. Yoğunlaştırma teknikleri dışkı mikroskopik incelemesinin duyarlılığını arttıracaktır. Bu çalışmada, Dicle Üniversitesi Hastanesi Merkez Laboratuvarı parazitoloji birimine gönderilen dışkı örneklerinin geleneksel yöntem ve Parafek® Parazitolojik Tanı Kiti (Tibo, İnovatif Biyoteknoloji Organizasyonu Tic. Ltd. Şti, Türkiye) ile konsantrasyon yöntemleri uygulandıktan sonra görüntü kalitesi ve içeriği açısından karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvara gelen 50 ishali dışkı örneği geleneksel yöntem ve Parafek Tanı Kiti ile mikroskopik inceleme için hazırlanmıştır. Geleneksel yöntemde örneklerin her birinden ikişer damla alınarak lam üzerine bırakılmış, örneklerin üzerine birer damla serum fizyolojik ve lugol solüsyonu eklenmiş, lamel ile kapatılarak mikroskopta 10X-40X büyütmelerle incelenmiştir. Aynı örneklerden plastik pipetle 3'er ml alınarak Parafek® Parazitolojik Tanı Kiti kutusundaki homojenizasyon, fiksasyon sıvısına konarak çalkalanmış ve sonra emici boncukların eklenerek 3 dakika bekletildikten sonra ikişer damla alınarak lam üzerine bırakılmış, birer damla serum fizyolojik ve lugol solüsyonu eklenmiş, lamel ile kapatılarak mikroskopta 10X-40X büyütmelerle incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda herhangi bir parazit türü saptanmamış ancak tespit edilen eritrosit, lökosit ve maya gibi hücrelerin parafek dışkı kiti ile hem sayısal olarak hem de görüntü netliği olarak daha iyi sonuçlar verdiği gözlenmiştir. Geleneksel yöntemle hazırlanan preparatların incelemesinde 26 örnekte (%52) maya hücresi, 25 örnekte (%50) ise eritrosit ve lökosit, parafek tanı kiti ile yapılan incelemesinde ise 37 örnekte (%74) maya hücresi, 35 örnekte (%70) ise eritrosit ve lökosit tespit edilmiştir. Örneklerde fekal artıklar ya da gereksiz materyallerin gözlenmesi konusunda da iki yöntem karşılaştırılmış; geleneksel yöntemle hazırlanan preparatlarda bu artıklar bütün dışkı örneklerinde fazlasıyla saptanırken parafek tanı kitleriyle hazırlanan preparatlarda bu artıklara çok az rastlanmıştır. Parafek tanı kitinin, dışkı örneklerinin direkt mikroskopik analizlerinin kalitesini arttırma konusunda etkili bir yöntem olduğu sonucuna varılmakla beraber örnek sayısının azlığı ve paraziter bulguların bulunmaması çalışmanın kısıtlılıklarındandır.

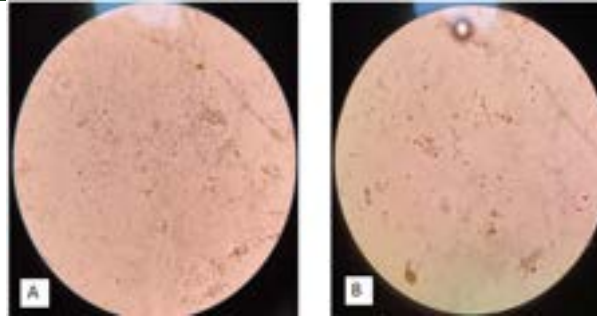
Geleneksel yöntem ve Parafek Tanı Kiti ile hazırlanan bir dışkı örneğinin mikroskopik görüntüleri

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



A: Geleneksel yöntemle hazırlanan dışkı örneğine ait mikroskopik görüntü B: Parafek Tanı Kiti ile hazırlanan dışkı örneğine ait mikroskopik görüntü

Mikroskop Altında İncelenmiş İshalli Dışkı Örneklerinin Geleneksel Nativ- Lugol Yöntemi Ve Parafek Dışkı İşleme Kiti İle Karşılaştırılması

0789	0790	0791	0792	0793	0794	0795	0796	0797	0798	0799	0800	0801	0802	0803	0804	0805	0806	0807	0808	0809	0810	0811	0812	0813	0814	0815	0816	0817	0818	0819	0820	0821	0822	0823	0824	0825	0826	0827	0828	0829	0830	0831	0832	0833	0834	0835	0836	0837	0838	0839	0840	0841	0842	0843	0844	0845	0846	0847	0848	0849	0850	0851	0852	0853	0854	0855	0856	0857	0858	0859	0860	0861	0862	0863	0864	0865	0866	0867	0868	0869	0870	0871	0872	0873	0874	0875	0876	0877	0878	0879	0880	0881	0882	0883	0884	0885	0886	0887	0888	0889	0890	0891	0892	0893	0894	0895	0896	0897	0898	0899	0900	0901	0902	0903	0904	0905	0906	0907	0908	0909	0910	0911	0912	0913	0914	0915	0916	0917	0918	0919	0920	0921	0922	0923	0924	0925	0926	0927	0928	0929	0930	0931	0932	0933	0934	0935	0936	0937	0938	0939	0940	0941	0942	0943	0944	0945	0946	0947	0948	0949	0950	0951	0952	0953	0954	0955	0956	0957	0958	0959	0960	0961	0962	0963	0964	0965	0966	0967	0968	0969	0970	0971	0972	0973	0974	0975	0976	0977	0978	0979	0980	0981	0982	0983	0984	0985	0986	0987	0988	0989	0990	0991	0992	0993	0994	0995	0996	0997	0998	0999

NL: Nativ- lugol yol, PD: Parafek dışkı, —: Yok

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Geleneksel yöntem ve parafek tanı kitinin örneklerin içerikleri açısından karşılaştırılması

Çalışma Yöntemi	Eritrosit- Lökositn n(%)	Maya Hücrelerin n(%)	Parazit	Artık Materyaln n(%)	Diğer m.o
Parafek Tanı Kiti	35 (%70)	37 (%74)	—	Çok az(50)	—
Geleneksel Yöntem	25 (%50)	26 (%52)	—	Çok fazla(50)	—

n: sayı, (%): yüzde, m.o: mikroorganizma

Geleneksel yöntem ve parafek tanı kitinin örneklerin görüntü kalitesi açısından karşılaştırılması

Çalışma Yöntemi	Normal Görüntü Sayısı	İyi Görüntü Sayısı	Çok İyi Görüntü Sayısı
Parafek Tanı Kiti	5 (%10)	2 (%4)	43 (%86)
Geleneksel Yöntem	20 (%40)	7 (%14)	23 (%46)

Anahtar Kelimeler: Parafek tanı kiti, dışkı mikroskopisi, parazit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-154

Ülseratif Kolit Hastalarında Fekal Biyobelirteç Düzeylerinin Araştırılması

Büşra Usta, Demet Gür Vural, Asuman Birinci

Ondokuz Mayıs Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Ülseratif kolit(ÜK) çok faktörlü etiyolojiye sahip, kronik inflamatuvar bağırsak hastalıklarından biri olup remisyon ve aktivasyon dönemleriyle seyir göstermektedir. ÜK hastalığının tanı ve takibinde kullanılan kolonoskopi hem hasta açısından invazif ve tolerasyonu güç hem de maliyeti yüksek bir girişim olduğundan ÜK'nin tanısında ve hastalık aktivitesinin ölçümünde invazif olmayan biyobelirteçlerin araştırılması önem kazanmıştır. Çalışmamızda, ÜK'de fekal kalprotektin (FK) ve fekal laktoferrin (FL) düzeylerinin 3 farklı hastalık aktivite indeksine göre oluşturulmuş hasta grupları ile korelasyonunu ve hastaların peri-nükleer anti nötrofil antikor (p-ANCA) sonuçlarının hastalık şiddeti ile ilişkisini araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Prospektif kohort olarak planlanan çalışmamıza Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesinde 01.05.2023 ve 01.09.2023 tarihleri arasında Gastroenteroloji Polikliniğine başvuran ve/veya Gastroenteroloji servisinde yatmakta olan ÜK tanılı 80 hasta dahil edilmiştir. 'Truelove ve Witts' (TLW) aktivite indeksi, SEO indeksi ve Mayo Skoru kullanılarak hastalar, hastalık aktivite düzeylerine göre gruplara ayrılmıştır. Hastalardan alınan gaita örneklerinde FK ve FL düzeyleri Enzyme-Linked ImmunoSorbent Assay (ELISA), kan örneklerindeki p-ANCA değerlendirmesi indirek immün floresan antikor (İİFA) yöntemi ile çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: FK, FL ve sedimantasyon düzeyleri ağır hasta grubunda anlamlı olarak yüksek bulunmuştur. ROC analiz sonuçları MAYO, TLW, SEO sınıflamalarına göre sırasıyla FK için AUC:0,901-0,733-0,827 ve FL için AUC: 0,719-0,719-0,697 hesaplanmış, FK'nin hastalık şiddet düzeyi düzeyini doğru göstermede FL'den yüksek olduğu gözlenmiştir. MAYO, TLW ve SEO skorlama sistemine göre ağır ve hafif-orta olarak oluşturulmuş hasta gruplarıdaki hastaların FK ve FL dağılım grafikleri şekil 1-3'te gösterilmiştir. Ağır hasta grubunu tahmin etmede alt sınır değer 3 skorlama sisteminde de FK için 300µg/g üzeri; FL için ise 130µg/g üzeri olarak bulunmuştur. MAYO ve SEO sınıflamasında ağır hasta grubunda ANCA pozitifliği ve formalin dirençli ANCA pozitifliği hafif hasta grubuna göre istatistiksel olarak yüksek bulunmuştur. Bu açıdan çalışmamız literatürde kendine az yer bulmuş olan ANCA ile hastalık şiddeti arasında ilişkiyi göstermede aydınlatıcı olmuştur. Çalışmamız sonucu bize FK ve FL'nin, ÜK tanısı ile takip edilmekte olan hastaların, aktif hastalık semptomlarıyla başvurduklarında endoskopik değerlendirme için önceliklendirilmesinde ya da endoskopi için hasta ön hazırlıklarının yapılmadığı durumlarda yardımcı olabilecek potansiyel olarak yararlı takip belirteçleri olduğunu düşündürmüştür.

MAYO sınıflamasına göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması

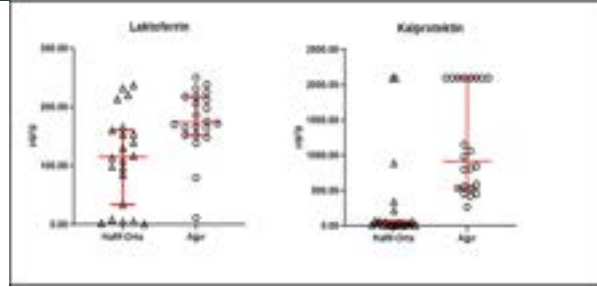
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

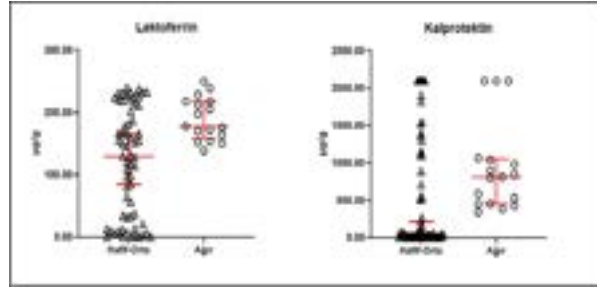
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



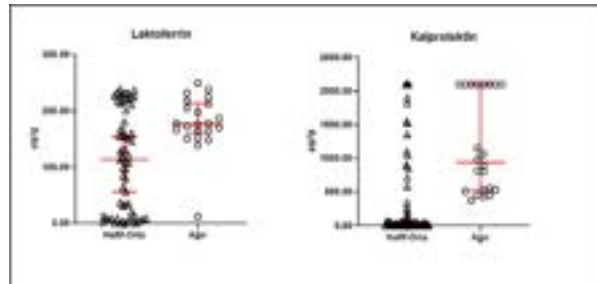
MAYO sınıflamasına göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması

TLW aktivite indeksine göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması



TLW aktivite indeksine göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması

SEO sınıflamasına göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması



SEO sınıflamasına göre FK ve FL düzeylerinin karşılaştırılması

Anahtar Kelimeler: Ülseratif kolit, Laktoferrin, Kalprotektin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-155

Santral Sinir Sistemi Enfeksiyonlarının Tanısında Sendromik Paneller; Testlerin Etkinliği ve Akılcı Kullanımında Madalyonun İki Yüzü, Test İstem Algoritması Geliştirmek Mümkün mü?

Elif Çalışkan¹, Sidre Erganiş², Özge Özgentop³, Anıl Tapısız⁴, Hasan Tezer⁴, Işıl Fidan¹, Gülendam Bozdayı⁴

¹Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Tıbbi Viroloji Bilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

³Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

⁴Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Çalışmamızda, Santral Sinir Sistemi(SSS) enfeksiyonlarında,Menenjit/Ensefalit(M/E) sendromik panelinin tanısal etkinliğini değerlendirmek ve rasyonel kullanımını sorgulayarak, akılcı test isteminde klinik ve laboratuvar parametreleriyle birlikte değerlendirmenin, tanı algoritması ve tanısal yönetim politikası geliştirilmesindeki önemini vurgulamak amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza, Ocak 2023-Haziran 2024 tarihleri arasında SSS enfeksiyonu şüphesiyle gönderilen 83'ü(%45,8) erkek, 98'i(%54,1) kadın, yaşları 1 gün-89 (ortalama 36,9 yıl)olan hastalardan alınan 181 BOS(beyin omurilik sıvısı) örneği çalışılmıştır. Örnekler FilmArray®Meningitis/Encephalitis Panel(BioFire Diagnostics, ABD) ile analiz edilmiştir. Sonuçlar; hücre sayımı, boyalı mikroskopik inceleme, bakteri ve mantar kültürü, istenmesi durumunda serolojik testler ve paraziter incelemeyle birlikte değerlendirilmiştir. Hastalara ait demografik veriler, geçmiş tıbbi öykü ve tedavileri, başvuru anındaki semptom ve muayene bulguları, radyolojik görüntüleme sonuçları, diğer laboratuvar parametreleri (akut faz reaktanları,hemogram parametreleri,BOS biyokimyası sonuçları,diğer immünolojik test sonuçları vb) laboratuvar bilgi sistemindeki medikal kayıtlarından retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Ayrıca M/E panel testinin raporlama süresi ve test sonuçlarının klinik ve laboratuvar bulgularıyla uyumu, hastalara verilen tedaviler de tanısal yönetime etkiyi değerlendirmek için incelenmiştir

Bulgular ve Sonuç: Menenjit/Ensefalit panelinde örneklerin 12'sinde(%6,6) en az bir patojen saptanmıştır; 10 örnekte viral patojen (HSV-1(üç),HSV-2(bir),VZV(bir),CMV(bir),HHV-6(üç)); 2 örnekte bakteriyel patojen (*E.coli* K1(bir), *Haemophilus influenzae*(bir); 1 örnekteyse bakteriyel ve viral patojen kombine pozitif saptanmıştır (CMV+ *Streptococcus agalactiae*). Klinik, radyolojik ve diğer laboratuvar sonuçlarıyla birlikte değerlendirildiğinde 4 hastaya ait pozitif sonuç (HHV-6(üç),*H.influenzae*(bir)) klinikle uyumsuz/klinik önemi belirsiz olarak değerlendirilmiştir. Diğer pozitiflikler singlepleks PCR, kültür ve seroloji sonuçları ve klinik bulgularıyla uyumlu olarak gerçek pozitiflik olarak değerlendirilmiştir.Dört hasta test panelinde yer almayan etkenlerle; İnfluenza B ilişkili ensefalit(iki),nörobruselloz(bir) ve tabes dorsalis(bir) tanıları almış ve bir hasta da panelde negatif bulunmasına rağmen BOS biyokimyası, kan kültürü sonucu,klinik ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



radıyolojik bulgularıyla pnömokok menenjit tanısı almıştır. Test raporlama süresi ortalama 3,8 saat olarak bulunmuştur. Sonuçlarımız, panel içeriklerinin güncellenme gereğini ve tanısal etkinliğini sorgulatmaktadır. Ayrıca, yüksek negatiflik oranımız testlerin uygunsuz kullanımı için endişe uyandırmaktadır. Bu durumun önüne geçmek için çeşitli çalışmalarda da belirtildiği gibi Modifiye Reller Kriterleri gibi kısıtlayıcı algoritmaların uygulanması gerekmektedir. Laboratuvarımıza örnekler bu kriterler dikkate alınarak gönderilmiş olsaydı, pozitifliklerin atlanmadan dahil edilebileceği ve gereksiz test istemlerinin önüne geçilmiş olabileceği görülebilecekti. Verilerimiz rasyonel bir tanısal yönetim politikası geliştirmek için, süreçteki tüm paydaşlar dahil edilerek düzenlenecek geniş örneklemli çok merkezli çalışmalarla tüm laboratuvarlarda uygulanabilecek standart tanı algoritmalarının ve ulusal tanı rehberlerinin oluşturulmasının gerekliliğine dikkat çekmektedir.

Şekil-1. Pozitiflik saptanan hastalara ait klinik ve laboratuvar verileriyle panel sonucu-hasta tanısı korelasyonunun değerlendirilmesi

Menenjit/Ensefalit sendromik tanı panelinde pozitiflik saptanan hastaların demografik özellikleri, başvuru semptomları ve özgeçmişlerindeki immunsupresyona yol açabilecek durum varlığı, laboratuvar verileri, son tanı bilgileri ve panel sonucuyla bu verilerin korelasyonu değerlendirilerek şekilde özetlenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil-2. Örneklerin değerlendirilmesinde kullanılan Modifiye edilmiş Reller kriterlerinin özetlenmesi

**ÇALIŞMADA KULLANILAN MODİFİYE RELLER
KRİTERLERİ**

- Arınan BOS WBC sayısı... WBC $<5/\text{mm}^3$ (transüdinöz alınmış örnek, WBC depleksiyonu yapan durumlarda dikkatli değerlendirilmeye öneriyle)
- Arınan BOS proteini... BOS proteini $>50 \text{ mg/dL}$
- Konjenital ve Edinsel İmmünoşüpresyon Durumu
 - CD4 sayısı $<350/\text{mm}^3$ eşik edisi HIV enfeksiyonu
 - Solid organ transplantasyonu (immünoşüpresif tedaviyle birliktedir)
 - Hematopoetik kök hücre nakli
 - Hematolojik hastalıklar; WBC sayı ve fonksiyonlarında anormalliklerin eşlik ettiği
 - Akut immünoşüpresif tedavi (CT, ET) (immünoşüpresif tedavi eşikliği) altında bulunma
 - Prednison $>20 \text{ mg/gün}$, $>4 \text{ hf}$ eşikliği kortikosteroid tedavi altında bulunma
- Hasta yaş aralığı: <18 yaş >65 yaş risk grubunda bulunma

Anahtar Kelimeler: Menenjit/Ensefalit Sendromik Tanı Paneli, Santral Sinir Sistemi Enfeksiyonu, Tanısal Yönetişim

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-156

**Genital Enfeksiyon Ön Tanısı ile Gönderilen Örneklerde Moleküler Yöntemlerle {*Gardnerella vaginalis*,
Mycoplasma hominis, *M. genitalium* ve *Ureaplasma urealyticum*} Varlığının Değerlendirilmesi**

Emek Türkekel Şen, Ayşe Esra Karakoç

Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Ankara Eğitim Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Moleküler Mikrobiyoloji Laboratuvarına genital enfeksiyon ön tanılarıyla gönderilen vajen ve üretral sürüntü örneklerinde Cinsel Yolla Bulaşan Multiplex PZR Enfeksiyon Paneli ile elde edilen sonuçların dört etken {*Gardnerella vaginalis*, *Mycoplasma hominis*, *M. genitalium* ve *Ureaplasma urealyticum*} açısından değerlendirilmesi, birlikte bulunma durumları ile cinsiyet ve yaş ilişkisinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2023-Haziran 2024 tarihleri arasında laboratuvara genital enfeksiyon ön tanısıyla ve/veya korunmasız cinsel ilişkiye bağlı endişe nedeniyle gönderilen toplam 131 vajen ve üretral sürüntü örneği (Copan, Murrieta, CA, USA) çalışmaya dahil edildi. Etkenlerin tespiti multiplex Real Time Polimeraz zincir reaksiyonu (RT-PZR) Bosphore STIs Panel Kit v7 BT3010, (Anatolia Geneworks, İstanbul, Türkiye) kiti kullanılarak, Magnesia 4896 (Anatolia Geneworks, İstanbul, Türkiye) cihazında çalışıldı. Olguların ön tanısı, demografik verileri, laboratuvar test sonuçları hastane bilgi yönetim sistemi aracılığıyla retrospektif olarak değerlendirildi. Tanımlayıcı istatistikler, Tablo, yüzde dağılımları ve ortalamalar şeklinde gösterildi. İstatistiksel değerlendirmede Kikare testi ve p değerleri kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 131 hastanın yaş aralığı 17 ile 72 yıl arasında ve hastaların %73,3'ü erkekti. Örneklerin 86'sında (%65,7) dört etkenden en az biri tespit edildi. Dört patojenin birlikte saptandığı olgu sayısı üç (%2,3) olarak belirlendi (Şekil 1). Olgularda ortak semptomlar dizüri ve üretral akıntıydı. Tek patojenin tespit edildiği 53 örnekte, *Gardnerella vaginalis* %52,7 oranında pozitif olarak bulundu. *Mycoplasma hominis*, *Mycoplasma genitalium* ve *Ureaplasma urealyticum* pozitiflik oranları sırasıyla %16,8, %13,0 ve %21,4 saptandı. *G. vaginalis* ile *M. hominis* (Kappa = 0,219) ve *U. urealyticum*'un (Kappa = 0,185) birlikte bulunması düşük düzeyde ancak anlamlı uyum gösterdi ($p < 0.001$). *G. vaginalis* ve *M. genitalium* arasında anlamlı bir uyum bulunamadı (Kappa = -0,028). Kadınların %74,3'ünde *G. vaginalis* pozitif iken, erkeklerde bu oran %44,8'di. Kadınlarda *G. vaginalis* varlığı erkeklere kıyasla anlamlı derecede yüksek bulundu ($p = 0,003$). Yirmi ve altı yaş grubunun %22,2'sinde *G. vaginalis* pozitif iken, 41 ve üzeri yaş grubunda %57,1 oranında pozitifdi; ancak gruplar arasında istatistiksel anlamlı fark tespit edilemedi ($p=0,168$). *M. genitalium* ($p=0,11$) ve *U. urealyticum*'un ($p=0,30$) tespit edilme oranları yaş gruplarına göre farklılık gösterdi. Tekrarlayan genital enfeksiyon veya şüpheli cinsel ilişki varlığında cinsel yolla bulaşan (STI) etkeni tespit etmek önemlidir. Moleküler sendromik yaklaşım, RTI/STI yönetiminde önemli rol oynamaktadır. Spesifik olmayan genital enfeksiyonların tanısında araştırılan patojenlerin klinik anlamı ile değerlendirilmesi ihtiyacı doğmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1: *Gardnerella vaginalis*, *Mycoplasma hominis*, *M. genitalium* ve *Ureaplasma urealyticum* Pozitifliklerinin Farklı Kombinasyonlarda Dağılımı

		Gardnerella vaginalis					
		YOK		VAR			
Mycoplasma hominis	YOK	45	7	38	3	YOK	Ureaplasma urealyticum
		6	1	8	1		
Mycoplasma hominis	VAR	2	1	6	1	VAR	Ureaplasma urealyticum
		0	0	9	3		
		YOK		VAR		YOK VAR	
		Mycoplasma genitalium					

Anahtar Kelimeler: Cinsel Yolla Bulaşan Hastalıklar, Sendromik Yaklaşım, Üretrit

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: SS-157

**Bir Eğitim ve Araştırma Hastanesi Moleküler Mikrobiyoloji Laboratuvarında BOS Örnekleri Multipleks
PZR Sonuçlarının Retrospektif Değerlendirmesi**

Emek Türkekuş Şen, Hacer Aytekin Börü, Nadire Altınok Dabeşlim, Irmak Baran, Ayşe Esra Karakoç,
Rukiye Berkem

Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Santral sinir sistemi enfeksiyonlarının hızlı ve doğru bir şekilde tanınması, morbidite ve mortalitenin azaltılması açısından kritik öneme sahiptir. Etkenlerin doğru tanımlanması, etkili tedavi için gereklidir. Geleneksel tanı yöntemleri kültür ve mikroskopi ile tanı zaman alıcı ve sınırlıdır. Son yıllarda, moleküler yöntemler, beyin omurilik sıvısından (BOS) doğrudan menenjit etkenlerini tanımlamada gelişmiş duyarlılık, özgüllük ve hızlı sonuç sunan güçlü araçlar olarak ortaya çıkmıştır. Çalışmada BOS örneklerinde moleküler PZR (Polimeraz Zincirleme Reaksiyonu) test sonuçlarının ve birlikte değerlendirmede kullanılan diğer tanı araçlarının (kültür, hücre sayımı ve anamnez bilgileri) retrospektif olarak değerlendirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 2023 Ocak - 2024 Temmuz ayları arasında SBÜ Ankara Eğitim Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji, Moleküler Laboratuvarı'na gönderilen 287 hasta örneği dahil edildi. Olguların ön tanısı, demografik verileri, laboratuvar test sonuçları hastane bilgi yönetim sistemi aracılığıyla retrospektif olarak değerlendirildi. Örnekler Bio-Speedy® Menenjit/Ensefalit RT-qPCR MX-17 Panel (M/E panel, Bioeksen/Türkiye) kiti kullanılarak, MiC qPCR cihazında çalışıldı, Sigmoida yazılımı (Bioeksen/Türkiye) ile analiz edildi. Çalışmada eş zamanlı olarak kültür ve Sysmex UF-4000 (Sysmex Corporation/Japonya) akım sitometri hücre sayımı sonuçları değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 287 BOS örneğinin 152'si erkek(%53), 135'i(%47) kadın hastalara aitti. Hastaların yaş ortalaması 33,97±27,4 idi. M/E test paneli pozitif çıkan 39(%13,6) hastada 42 etken tespit edildi. Saptanan 42 etkenin dağılımında en sık üç etken HHV-6 (n:14;%4,9), HSV-1 (n:9;%3,1) ve {S. pneumoniae} (n:8;%2,8) olarak saptandı. Diğer saptanan etkenler Enterovirüs(n:3;%1), {Listeria monocytogenes} (n:2;%0,7), HSV-2 (n:2;%0,7), Sitomegalovirüs (n:2;%0,7), Varicella-Zoster Virus(n:1;%0,3),{Streptococcus agalactiae} (n:1;%0,3) şeklindeydi. İki etken tespit edilen üç hastanın ikisinde HHV-6/HSV-1 birlikteliği, birinde {S.pneumoniae}/HSV-1 birlikteliği saptandı. Hastaların kültürlerinde üreme saptanmadı ve sadece bir hastanın hücre sayımı ile panel pozitifliği arasında uyum vardı. Hastaların semptomları/ön tanılarının dağılımı ile buna göre pozitif saptanma oranları Tablo 1'de gösterildi. Menenjit/Ensefalit PZR panelleriyle elde edilen pozitif sonuçların değerlendirmesinde, hasta semptomları/ön tanısı, diğer laboratuvar bulguları kullanıldığında, klinik olarak anlamlı gerçek pozitifliklerin saptanma oranlarının arttığı çeşitli çalışmalarla gösterilmiştir. Multipleks M/E panellerinin önceden belirlenmiş kriterlere göre akılcı test istemi ile kullanıldığında, sonuçlarının çok daha anlamlı olduğu, pozitiflik oranlarının yükseldiği bildirilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Viruslar için diğer bir moleküler testle; bakteriler için kültür ile doğrulama yapılması öneriler arasındadır. Bu doğrultuda test istemi ve onay kriterleri belirlenerek akılcı algoritmaların geliştirilmesine; ve sürecin tıbbi mikrobiyoloji uzmanları tarafından yönetilmesine ihtiyaç vardır.

Tablo 1: Semptom Gruplarına Göre Moleküler Panel Test Pozitifliklerinin Değerlendirilmesi

Semptom Grupları	Sayı (n)	Yüde ¹ (%)	M/İ Panel Test Pozitiflik Sayı(n)	Yüde ² (%)
Ensefalit (Konfüzyon-Ateş)	41	14,3	9	22,0
Gillian Barre Sendromu ve Diğer Nörolojik Tanılar	44	15,3	4	9,1
Nöbet ve Ateş	24	8,4	5	20,8
Multiple Skleroz(MS)	43	15	4	9,3
Ateş	39	13,6	3	7,7
Pseudotumor semberi	20	7	3	15,0
Baş Ağrısı ve Kusma	11	4,2	3	25,0
Nöbet	26	9,3	2	7,7
Sistemik Anamnez Bilgisi Olmayan grup	11	3,8	2	18,2
Nöbet ve Bilinç Değişikliği	11	3,8	2	18,2
İntrik Patençlik Durumu	6	2,3	1	16,7
Nörolojik	2	0,7	1	50,0
Kusma ve Ateş	3	1	-	0,0
Baş Dönmesi ve Ateş	3	1	-	0,0
MS ve Ateş	1	0,3	-	0,0
Brucella Spondilodiskit	1	0,3	-	0,0

1: Sadece yüde olarak değerlendirilen hastalarda semptomların tanı girilene eklenen hasta eder.
2: Sadece yüde olarak değerlendirilen hastalarda pozitiflik oranlarına eklenen hasta eder.

Anahtar Kelimeler: Santral sinir sistemi enfeksiyonu, Multipleks PZR, Akılcı Laboratuvar Uygulamaları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-158

Üriner Sistem Enfeksiyonlarının Tanısında Sendromik Moleküler Testler Kullanılabilir mi?

Tuğçe Özyol Atkaya, Rukiye Berkem

S.B.Ü Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma merkezi

Giriş ve Amaç: Üriner sistem enfeksiyonları (ÜSE), toplumda sık görülen ve sıklıkla ampirik antibiyotik ile tedavi edilen enfeksiyonlardandır. Laboratuvar tanısında yaşanan gecikmeler; yetersiz veya yanlış tanıya, uygunsuz antibiyotik kullanımına yol açmakta bunun sonucunda hasta sağlığı, antibiyotik direnci, toplum sağlığı ve sağlık hizmeti harcamaları üzerinde olumsuz etkilere sebep olmaktadır. Tanının doğru ve hızlı konulmasıyla bu olumsuz etkilerin önlenebileceği gösterilmiştir. Çalışmamızda üriner sistem enfeksiyonlarının rutin laboratuvar tanısında ve antimikrobiyal direncin belirlenmesinde moleküler sendromik testlerin, kullanımı değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Aralık 2023-Ocak 2024 tarihleri arasında SBÜ Ankara Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na kabul edilen 500 orta akım idrar örneği araştırmaya dahil edildi. İdrar analizi Sysmex UF-4000 cihazı ile yapıldı. %5 koyun kanlı agar (KKA) ve eozin metilen mavisi (EMB) agarda mikroorganizma üremesi değerlendirildi. Matriks ile desteklenmiş lazer desorpsiyon/ionizasyon uçuş zamanı kütle spektrometresi (MALDI-TOF MS) ve VITEK-2 Compact ile mikroorganizma tanımlaması yapıldı, antimikrobiyal duyarlılık testleri (ADT) çalışıldı. Örnekler idrar analizi ve besiyeri ekimlerinden sonra Bio-Speedy idrar yolu enfeksiyonları polimeraz zincirleme reaksiyonu (PCR) panel kiti ve Bio-Speedy idrar yolu antibiyotik direnci PCR panel kiti ile çalışıldı. Moleküler testlerin performansı kültür sonuçları ile karşılaştırıldı.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

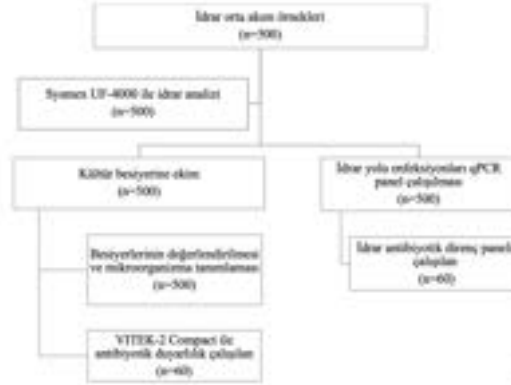
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Örnek İş Akışı ve Sayıları



Bulgular ve Sonuç: Bio-Speedy Üriner Sistem Enfeksiyonları qPCR Panel kiti, kültür yöntemleri ile karşılaştırıldığında duyarlılık %96,5, özgüllük %71,14, pozitif öngörü değeri %66,03, negatif öngörü değeri %97,22 olarak bulundu. Yöntemler arasında genel uyum %80,46; prevalans ve yanlılık ayarlı kappa (PABAK, Prevalence Adjusted Bias Adjusted Kappa) 0,61 ile çok yüksek uyumlu olarak hesaplandı. E.coli çok yüksek uyumlu, diğer tüm mikroorganizmalar mükemmel uyumlu saptandı. Bio-Speedy antibiyotik direnç qPCR panel kiti ile kültür yöntemleri arasındaki genel uyum ise %68,33 olarak hesaplandı. qPCR direnç genleri %70-100 arasında değişen genel uyuma ve 0,36-1,00 arasında değişen PABAK uyumuna sahipti. Bio-Speedy idrar yolu enfeksiyonları qPCR paneli, idrar yolu antibiyotik direnç qPCR paneli sonuçlarının rutin kültür yöntemleri ile uyumlu olması ve hızlı sonuç vermesinden dolayı laboratuvarlarda kullanımı uygun ve yararlı bulundu. Örneklerin ekstraksiyonu dokuz, PCR döngüsü 45 dakika sürmüş olup, yaklaşık iki saat içinde test sonuçlanmıştır. Temel kısıtlılıklardan biri, maliyetler nedeniyle qPCR sonuçları tekrarlanabilirlik açısından değerlendirilememiş ve farklı bir moleküler yöntem ile karşılaştırılamamıştır. Bir diğer kısıtlılığımız ise qPCR ile hızlı tanının laboratuvarlarda kullanımının uygun olacağını göstersek de klinik tanı ve tedavi seçimine etkisi ve tüm bunların maliyetler üzerine etkisi değerlendirilememiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mikroorganizma Saptanmasında Testler Arası Uyum Oranları

Hedef Mikroorganizma	PCR'da saptandığı örnek sayısı	Kültürde saptandığı örnek sayısı	Uyum (%)	PABAK Uyum Analizi
<i>A. baumannii</i>	0	0	100	1,00
<i>S. aureus</i>	2	2	99,2	0,98
<i>K. pneumoniae</i>	42	13	94,2	0,88
<i>M. morganii</i>	5	2	99,4	0,98
<i>S. saprophyticus</i>	2	2	100	1
<i>C. parapsilosis</i>	1	0	99,8	0,99
<i>A. urinae</i>	5	1	99,2	0,98
<i>P. aeruginosa</i>	9	3	98,8	0,97
<i>E. faecium</i>	7	5	99,6	0,99
<i>S. agalactiae</i>	11	11	98,4	0,96
<i>P. stuartii</i>	0	0	100	1,00
<i>E. faecalis</i>	8	19	96,6	0,93
<i>P. vulgaris</i>	7	0	98,6	0,97
<i>C. glabrata</i>	2	3	99,8	0,91
<i>S. marcescens</i>	3	0	99,4	0,98
<i>P. mirabilis</i>	4	6	99,6	0,99
<i>E. coli</i>	135	86	89	0,78
<i>C. albicans</i>	57	18	92,2	0,84
<i>C. urealyticum</i>	18	0	96,4	0,92
<i>K. oxytoca</i>	12	1	97,8	0,95
<i>E. cloacae complex</i>	19	1	96,4	0,92
<i>C. freundii complex</i>	1	0	99,8	0,99
<i>C. aeris</i>	0	0	100	1,00
<i>C. tropicalis</i>	1	2	99,8	0,99
<i>C. krusei</i>	14	2	97,6	0,95

* PABAK uyum analizi değerlendirilirken <0 Uyumsuz; 0-0,20 düşük uyum; 0,21-0,60 orta derevede uyum; 0,61-0,80 yüksek uyum; 0,81-0,90 çok yüksek uyum; 0,91-1,00 mükemmel uyum değerleri dikkate alınmıştır.

Antibiyotik Direnç Saptanmasında Testler Arası Uyum

Genotip-Fenotip Uyumlu		Genotip-Fenotip Uyumsuz	
Duyarlı Fenotip Direnç Geni Yok	Dirençli Fenotip Direnç Geni Var	Duyarlı Fenotip Direnç Geni Var	Dirençli Fenotip Direnç Geni Yok
%38,33	%30	%23,33	%8,33
%68,33		%31,66	

Anahtar Kelimeler: Hızlı tanı testleri, Tanısal yönetim, Üriner sistem enfeksiyonları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-159

Hematolojik Maligniteli Hastalarda Enfeksiyöz İshal Etkenlerinin Belirlenmesinde Gastrointestinal Sendromik Panel Fark Yaratır mı?

Neşe İnan¹, Özge Nur Arıcasoy¹, Sait Demirkaya¹, Ayşe Semra Güreser¹, Turgay Ulaş², Mehmet Sinan Dal², İpek Mumcuoğlu¹, Serap Süzük Yıldız¹, Tuba Dal¹

¹Dr Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

²Dr Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Hastanesi Hematoloji

Giriş ve Amaç: Hematolojik maligniteli hastalarda ishal önemli bir morbidite, mortalite nedenidir. Bu hastalarda beslenme, kemoterapiler, proton pompa inhibitörleri, antibiyotikler, immünoterapiler, cerrahi, radyasyon ve graft-versushost hastalığına (GVHD) bağlı ishaller ve enfeksiyöz ishaller gözlenebilir. Hematolojik maligniteli hastalarda, risk faktörlerinin anlaşılması, uygun tedavilerin erken başlatılması, ayırıcı tanıların yapılması açısından enfeksiyöz ishal etkenlerinin hızlı ve doğru tespiti kritik öneme sahiptir. Kültür, immunokromatografik yöntemler tanıda yetersiz kalmaktadır. Bu çalışmada, hematolojik maligniteli hastalarda sendromik panel ile ishal etkenlerinin tanımlanması ve klinik bulguların değerlendirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 1 Ekim 2023-1 Temmuz 2024 tarihleri arasında hastanemizde tedavi gören hematolojik kanserli ishalleri hastalar alındı. Hastalarda ait gaita örnekleri Salmonella Shigella agar, Campylobacter agar, kanlı agar (bioMérieux) besiyerlerine ekildi. Eş zamanlı olarak gaita örneklerinden sendromik panel (BioFire FilmArray Gastrointestinal Panel) çalışıldı. Parazitlerin mikroskopik incelemesi için wet-mount ve modifiye kinyoun yöntemleri kullanıldı. İmmunokromatografi temelli hızlı kaset test ile *Cryptosporidium* sp, *Giardia lamblia* ve *Entamoeba histolytica* antijenleri, *C. difficile* toksin a/b/GDH (Certest, İspanya), Rotavirüs, Adenovirüs antijenleri (DiagnoFAST, Türkiye) araştırıldı. Klinik ve laboratuvar verileri kaydedildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya katılan 60 hastanın yaş aralığı 25-87 idi. Örneklerin 56'sı (%93,3) hematoloji bölümünden gönderilmişti. Hastaların 26'sı (%43,3) akut miyeloid lösemi, 12'si (%20) akut lenfoblastik lösemi, 6'sı multipl miyelom (%8,3), 4'ü (%6,6) Hodgkin Lenfoma, 4'ü (%6,6) diffüz büyük B hücreli lenfoma, 2'si (%3,33) periferik T hücreli lenfoma hastasıydı. Geri kalan hastalar akut promiyelositik lösemi (n:1), nodal marjinal zone lenfoma (n:1), folliküler lenfoma (n:1), miyelodisplastik sendrom (n:1), T hücreden zengin B hücreli lenfoma (n:1), mantle hücreli lenfoma (n:1) tanısı almıştı. Hastalara ait hiçbir kültürde patojen bakteri üremedi. Modifiye Kinyoun ile aside dirençli parazit gözlenmedi. Kaset testler negatifti. Sendromik panel ile 18 (%30) hastada pozitiflik saptandı. Sendromik panelde en sık patojenler *Campylobacter* spp., (6,%33,3), *C. difficile* toksin a/b (5, %27,7), EPEC (Enteropatojenik *E.coli*) (4, %22,2) idi. İki hastada Norovirüs, 1 hastada STEC (STEC-Shigaliketoxin *E.coli* sxt1/sxt2) saptandı. *Campylobacter* spp. saptanan bir hastada Rotavirüs saptandı. Olgularımız sayıca az olmakla birlikte hastanemizde hematolojik kanserli hastalarda enfeksiyöz ishalin en sık nedenleri *Campylobacter* spp., *C. difficile* toksin



a/b ve EPEC'dir. Tanımlamada kültür ve immunokromatografik yöntem yetersiz kalmıştır. Sendromik panel testleri, ishal etkeninin hızlı tanımlanması, ayırıcı tanı, gereksiz antibiyotik kullanımının önlenmesi ve salgın kontrolü açısından değerlidir.

Tablo 1. Sendromik panel sonucu pozitif çıkan hastalarda diğer tanı testlerinin değerlendirilmesi

No	Yaş	Tanı	Sendromik panel	Kültür	C. difficile testi
1	69	Akut myeloid lösemi	EPEC	Üreme yok	
2	77	Akut myeloid lösemi	Norovirüs g1/g2	Üreme yok	
3	27	Akut lenfoblastik lösemi	EPEC	Üreme yok	
4	54	Akut myeloid lösemi	EPEC	Üreme yok	
5	70	Akut myeloid lösemi	C. difficile toxin a/b	Üreme yok	Negatif
6	47	Multiple myelom	Campylobacter	Üreme yok	
7	60	Hodgkin lenfoma	C. difficile toxin a/b	Üreme yok	Negatif
8	71	Diffüz büyük B hücreli Lenfoma	C. difficile toxin a/b	Üreme yok	
9	35	Akut myeloid lösemi	Campylobacter	Üreme yok	
10	37	Akut lenfoblastik lösemi	Campylobacter	Üreme yok	

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



11	60	Akut myeloid lösemi	C. difficile toxin a/b	Üreme yok	Negatif
12	73	Foliküler (nodüler) non-hodgkin lenfoma	STEC-Shigaliketoxin E.coli sxt1/sxt2	Üreme yok	
13	40	Akut myeloid lösemi	C. difficile toxin a/b	Üreme yok	Negatif
14	63	Multiple myelom	Campylobacter	Üreme yok	
15	25	Akut lenfoblastik lösemi	Campylobacter	Üreme yok	
16	62	Akut myeloid lösemi	EPEC	Üreme yok	
17	46	Multiple myelom	Campylobacter ve RotavirusA	Üreme yok	
18	25	Akut lenfoblastik lösemi	Norovirüs g1/g2	Üreme yok	

Anahtar Kelimeler: Sendromik panel, İshal, Hematolojik kanser

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-160

Yoğun Bakım Hastalarından Eş Zamanlı Alınan Kan Örneklerinde Sendromik Sepsis Paneli Ve Rutin Kan Kültür Sonuçlarının Değerlendirilmesi: Sendromik Sepsis Panelinin Hasta Yönetimine katkısı

Sevim Gayenur Büyükberber¹, Sibel Aydoğan², Nilay Çöplü¹, Sultan Sevim Yakın¹, Temel Kayan¹, Hayriye Dal¹, Sema Turan², Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Bilkent Şehir SUAM

Giriş ve Amaç: Sepsis, dünya çapında yüksek mortalite ve morbiditeye neden olan ciddi bir sağlık sorunudur. Çalışmamızda, yeni bir multipleks gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu esaslı sendromik sepsis panelinin (SSP) patojen tanımlama etkinliğini, rutin yöntemler ve MALDI-TOF MS sistemi ile karşılaştırarak, antibiyotik direnç genlerinin varlığı ile izolatların antibiyotik duyarlılık paternlerini belirlemek amaçlanmıştır. Ayrıca SSP kullanımının hem tanımlama hem de antibiyotik direnç durumunun tespit süresine etkisinin belirlenmesi ile hasta yönetimine katkısı değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Yoğun bakım ünitesinde takip ve tedavi edilen sepsis ön tanılı, yatışı sırasında 155 hastanın 310 kan kültürü örneği ve eş zamanlı alınmış 155 tam kan örneği çalışmaya dahil edildi. Etken tanımlama, VITEK® MS (bioMérieux, Fransa) ile yapıldı. Antibiyotik duyarlılık testleri VITEK®-2 (bioMérieux, Fransa) otomatize sistem ile çalışıldı. Rutin kan kültürü işleyişi devam ederken, bir yandan da pozitif sinyal veren şişeler, inkübasyon süresini dolduran şişeler ve tam kan örnekleri SSP'i ile çalışılmak üzere işleme alındı. Sepsis etkenlerinin ve antibiyotik direnç genlerinin analizi Bio-Speedy Sepsis qPCR MX-30S Panel (Bioeksen,Türkiye) kiti kullanılarak CFX96 Touch Real-Time PCR(BIO-RAD,ABD) cihazında üretici firma önerileri doğrultusunda gerçekleştirildi.

Bulgular ve Sonuç: Gram boyama sonuçları ve kan kültüründe üreyen mikroorganizmaların dağılımı Tabloda(1-4) verilmiştir. Tam kan örneklerinden çalışılan SSP testi ile %53, kan kültür şişelerinden çalışılan SSP testi ile %90 oranında kültürle uyumlu sonuçlar elde edildi. Tam kandan çalışılan örneklerde duyarlılık %21,43, özgüllük % 80; kan kültürü şişesinden çalışılan örneklerde duyarlılık %88; özgüllük %93 olarak hesaplandı. Etken bazında kan kültürü- kan kültürü SSP yöntemlerinin karşılaştırılması; duyarlılık ve özgüllük değerleri Tablo 5'te gösterilmiştir. SSP ile çalışılan tam kan örneklerinin yedisinde direnç geni saptandı. Dördü (%57) antibiyotik duyarlılık sonuçları ile uyumlu iken üçü kültür ile uyumsuz olduğu için antibiyogram sonuçları açısından değerlendirme yapılamadı(Tablo.2). SSP ile çalışılan kan kültürü örneklerinde ise VRE'lerin (n=4), MRSA'ların (n=1) ve MRKNS'lerin (n=17) tümünde direnç geni gösterildi. Karbapenem dirençli K. pneumoniae izolatlarının(n=11) sadece birinde direnç geni saptanamadı(Tablo.3). Rutin işleyişte patojenlerin tanımlama sürelerinin ortalaması 50-74 saat arasında bulunurken, antibiyogram sonuç verme süre ortalamaları 52-78 saat arasında bulundu. SSP ile bu sürelerin 13-23 saate kadar kısaltılabildiği görüldü.Tüm bu faktörler göz önünde bulundurulduğunda, patojenleri ve direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Gram Negatif İncubatörlerde Antimikrobiyal Direnç Durumu

Mikroorganizma	n	VITEK-2					Sepsis Panel				
		KOR. R ⁺	CZA R ⁺	IMP R ⁺	IMP R ⁺	EST R ⁺	OTSA- AB	NDM	TEM	KPC	IMP
<i>E. coli</i>	11	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
<i>S. enteritidis</i>	14	8	1	11	7	11	8	4	-	2	1
<i>K. pneumoniae</i>	2	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
<i>Enterobacter spp.</i>	3	-	-	3	3	NA	-	-	-	-	-
<i>A. baumannii</i>	12	8	NA	12	12	NA	2	3	2	-	-
<i>E. coli</i>	2	-	-	2	2	2	2	-	-	-	-
<i>E. coli</i>	2	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
<i>P. aeruginosa</i>	2	NA	-	-	-	-	2	-	-	-	-
<i>C. coli</i>	2	-	-	-	-	-	2	-	-	-	-
<i>Enterobacter</i>	1	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

Notlar: NA: verilmemiş verilerdir.

** İncubatörlerde VITEK-2 ile yapılan sonuçlar için verilmektedir.

***IMP: Imipenem, IMP: Imipenem, EST: Ertapenem, VITEK-2 sonuçları sonucu ile verilmektedir.

Veriler, %100'dür.

Gram Pozitif İncubatörlerde Antimikrobiyal Direnç Durumu

Mikroorganizma	n	VITEK-2					Sepsis Panel		
		V.A.R.	T.E.R.	OTSA- R	MRS	VISA	MRSA ⁺	MRSA ⁻	MRSA ⁺
<i>S. aureus</i>	17	12	-	17	17 ¹ (100,0)	-	12 ²	5 ³	17
<i>S. aureus</i>	3	-	-	3	3 ¹ (100,0)	-	3	-	3
<i>S. aureus</i>	4	-	-	-	-	-	-	-	-
<i>S. aureus</i>	12	8	3	-	-	4 ² (33,3)	7 ³	4 ³	-
<i>S. aureus</i>	2	2	-	-	-	-	-	-	-

VITEK-2 sonucu (%100) olarak elde edilen sonuçlardır. Mikroorganizma: *S. aureus* verileri ile sonuçlar için verilmektedir.

1) VITEK-2, VITEK-2 ile yapılan sonuçlar için verilmektedir. 2) 100% sonuçlar için verilmektedir. 3) 100% sonuçlar için verilmektedir.

4) 100% sonuçlar için verilmektedir. 5) 100% sonuçlar için verilmektedir. 6) 100% sonuçlar için verilmektedir.

7) 100% sonuçlar için verilmektedir. 8) 100% sonuçlar için verilmektedir. 9) 100% sonuçlar için verilmektedir.

10) 100% sonuçlar için verilmektedir. 11) 100% sonuçlar için verilmektedir. 12) 100% sonuçlar için verilmektedir.

13) 100% sonuçlar için verilmektedir. 14) 100% sonuçlar için verilmektedir. 15) 100% sonuçlar için verilmektedir.

16) 100% sonuçlar için verilmektedir. 17) 100% sonuçlar için verilmektedir. 18) 100% sonuçlar için verilmektedir.

19) 100% sonuçlar için verilmektedir. 20) 100% sonuçlar için verilmektedir. 21) 100% sonuçlar için verilmektedir.

22) 100% sonuçlar için verilmektedir. 23) 100% sonuçlar için verilmektedir. 24) 100% sonuçlar için verilmektedir.

25) 100% sonuçlar için verilmektedir. 26) 100% sonuçlar için verilmektedir. 27) 100% sonuçlar için verilmektedir.

28) 100% sonuçlar için verilmektedir. 29) 100% sonuçlar için verilmektedir. 30) 100% sonuçlar için verilmektedir.

31) 100% sonuçlar için verilmektedir. 32) 100% sonuçlar için verilmektedir. 33) 100% sonuçlar için verilmektedir.

34) 100% sonuçlar için verilmektedir. 35) 100% sonuçlar için verilmektedir. 36) 100% sonuçlar için verilmektedir.

37) 100% sonuçlar için verilmektedir. 38) 100% sonuçlar için verilmektedir. 39) 100% sonuçlar için verilmektedir.

40) 100% sonuçlar için verilmektedir. 41) 100% sonuçlar için verilmektedir. 42) 100% sonuçlar için verilmektedir.

43) 100% sonuçlar için verilmektedir. 44) 100% sonuçlar için verilmektedir. 45) 100% sonuçlar için verilmektedir.

46) 100% sonuçlar için verilmektedir. 47) 100% sonuçlar için verilmektedir. 48) 100% sonuçlar için verilmektedir.

49) 100% sonuçlar için verilmektedir. 50) 100% sonuçlar için verilmektedir. 51) 100% sonuçlar için verilmektedir.

52) 100% sonuçlar için verilmektedir. 53) 100% sonuçlar için verilmektedir. 54) 100% sonuçlar için verilmektedir.

55) 100% sonuçlar için verilmektedir. 56) 100% sonuçlar için verilmektedir. 57) 100% sonuçlar için verilmektedir.

58) 100% sonuçlar için verilmektedir. 59) 100% sonuçlar için verilmektedir. 60) 100% sonuçlar için verilmektedir.

61) 100% sonuçlar için verilmektedir. 62) 100% sonuçlar için verilmektedir. 63) 100% sonuçlar için verilmektedir.

64) 100% sonuçlar için verilmektedir. 65) 100% sonuçlar için verilmektedir. 66) 100% sonuçlar için verilmektedir.

67) 100% sonuçlar için verilmektedir. 68) 100% sonuçlar için verilmektedir. 69) 100% sonuçlar için verilmektedir.

70) 100% sonuçlar için verilmektedir. 71) 100% sonuçlar için verilmektedir. 72) 100% sonuçlar için verilmektedir.

73) 100% sonuçlar için verilmektedir. 74) 100% sonuçlar için verilmektedir. 75) 100% sonuçlar için verilmektedir.

76) 100% sonuçlar için verilmektedir. 77) 100% sonuçlar için verilmektedir. 78) 100% sonuçlar için verilmektedir.

79) 100% sonuçlar için verilmektedir. 80) 100% sonuçlar için verilmektedir. 81) 100% sonuçlar için verilmektedir.

82) 100% sonuçlar için verilmektedir. 83) 100% sonuçlar için verilmektedir. 84) 100% sonuçlar için verilmektedir.

85) 100% sonuçlar için verilmektedir. 86) 100% sonuçlar için verilmektedir. 87) 100% sonuçlar için verilmektedir.

88) 100% sonuçlar için verilmektedir. 89) 100% sonuçlar için verilmektedir. 90) 100% sonuçlar için verilmektedir.

91) 100% sonuçlar için verilmektedir. 92) 100% sonuçlar için verilmektedir. 93) 100% sonuçlar için verilmektedir.

94) 100% sonuçlar için verilmektedir. 95) 100% sonuçlar için verilmektedir. 96) 100% sonuçlar için verilmektedir.

97) 100% sonuçlar için verilmektedir. 98) 100% sonuçlar için verilmektedir. 99) 100% sonuçlar için verilmektedir.

100) 100% sonuçlar için verilmektedir. 101) 100% sonuçlar için verilmektedir. 102) 100% sonuçlar için verilmektedir.

103) 100% sonuçlar için verilmektedir. 104) 100% sonuçlar için verilmektedir. 105) 100% sonuçlar için verilmektedir.

106) 100% sonuçlar için verilmektedir. 107) 100% sonuçlar için verilmektedir. 108) 100% sonuçlar için verilmektedir.

109) 100% sonuçlar için verilmektedir. 110) 100% sonuçlar için verilmektedir. 111) 100% sonuçlar için verilmektedir.

112) 100% sonuçlar için verilmektedir. 113) 100% sonuçlar için verilmektedir. 114) 100% sonuçlar için verilmektedir.

115) 100% sonuçlar için verilmektedir. 116) 100% sonuçlar için verilmektedir. 117) 100% sonuçlar için verilmektedir.

118) 100% sonuçlar için verilmektedir. 119) 100% sonuçlar için verilmektedir. 120) 100% sonuçlar için verilmektedir.

121) 100% sonuçlar için verilmektedir. 122) 100% sonuçlar için verilmektedir. 123) 100% sonuçlar için verilmektedir.

124) 100% sonuçlar için verilmektedir. 125) 100% sonuçlar için verilmektedir. 126) 100% sonuçlar için verilmektedir.

127) 100% sonuçlar için verilmektedir. 128) 100% sonuçlar için verilmektedir. 129) 100% sonuçlar için verilmektedir.

130) 100% sonuçlar için verilmektedir. 131) 100% sonuçlar için verilmektedir. 132) 100% sonuçlar için verilmektedir.

133) 100% sonuçlar için verilmektedir. 134) 100% sonuçlar için verilmektedir. 135) 100% sonuçlar için verilmektedir.

136) 100% sonuçlar için verilmektedir. 137) 100% sonuçlar için verilmektedir. 138) 100% sonuçlar için verilmektedir.

139) 100% sonuçlar için verilmektedir. 140) 100% sonuçlar için verilmektedir. 141) 100% sonuçlar için verilmektedir.

142) 100% sonuçlar için verilmektedir. 143) 100% sonuçlar için verilmektedir. 144) 100% sonuçlar için verilmektedir.

145) 100% sonuçlar için verilmektedir. 146) 100% sonuçlar için verilmektedir. 147) 100% sonuçlar için verilmektedir.

148) 100% sonuçlar için verilmektedir. 149) 100% sonuçlar için verilmektedir. 150) 100% sonuçlar için verilmektedir.

151) 100% sonuçlar için verilmektedir. 152) 100% sonuçlar için verilmektedir. 153) 100% sonuçlar için verilmektedir.

154) 100% sonuçlar için verilmektedir. 155) 100% sonuçlar için verilmektedir. 156) 100% sonuçlar için verilmektedir.

157) 100% sonuçlar için verilmektedir. 158) 100% sonuçlar için verilmektedir. 159) 100% sonuçlar için verilmektedir.

160) 100% sonuçlar için verilmektedir. 161) 100% sonuçlar için verilmektedir. 162) 100% sonuçlar için verilmektedir.

Tablo 4. Kan kültürü şişelerinden yapılan Gram boyama sonuçları

Morfoloji	Aerob 1 (n;%)	Aerob 2 (n;%)	Toplam (n;%)
Mikroorganizma görülmedi	74 (%47,74)	69 (%44,52)	143 (%46)
Gram pozitif kok	44 (%28,39)	46 (%29,68)	90(%29)
Gram negatif basil	23 (%14,84)	25 (%16,13)	48 (%15,4)
Gram pozitif difteroid basil	4 (%2,58)	4 (%2,58)	9 (%2,9)
Maya hücreleri	10 (%6,45)	6 (%3,87)	16 (%5,1)
Gram pozitif kok ve Gram negatif basil	-	3 (%1,94)	3 (%1)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Maya hücresi ve Gram pozitif kok	-	1 (%0,64)	1 (%0,3)
Maya hücresi ve Gram negatif basil	-	1 (%0,64)	1(%0,3)
Toplam (n)	155	155	310

Tablo 5. Etken bazında kan kültürü- kan kültürü sepsis panel yöntemlerinin karşılaştırılması; duyarlılık ve özgüllük değerleri

Mikroorganizma	Kan kültürü (+) ve panel (+) (n)	Sadece panel (+) (n)	Sadece kan kültürü (+) (n)	Duyarlılık (%)	Özgüllük (%)
KNS	62	4	13	%83	%97
<i>S. aureus</i>	3	0	0	%100	%100
<i>S. pneumoniae</i>	2	0*	0	%100	%100
<i>E. faecium</i>	12	5	0	%100	%96,4
<i>E. faecalis</i>	6	2	0	%100	%98,5
<i>K. pneumoniae</i>	14	6	0	%100	%96
<i>K. oxytoca</i>	2	0	0	%100	%100
<i>E.coli</i>	11	3	0	%100	%98
<i>A. baumannii</i>	11	1	1	%92	%99
<i>Pseudomonas spp.</i>	3	4	0	%100	%97
<i>C. albicans</i>	2	1	0	%100	%99
<i>C. parapsilosis</i>	7	2	0	%100	%98,5
<i>C.tropicalis</i>	2	0	0	%100	%100
<i>C. krusei</i>	0	3	0	%0	%98

*İki örnekte panel ile Streptococcus spp. pozitifliği saptandı, kültürde üreme olmadı

Tablo 6. Kan kültürü ve sendromik sepsis paneli ile elde edilen sonuçların karşılaştırılması

	Kan Kültürü (Aerob 1+ Aerob 2)		
	Üreme Var	Üreme Yok	Toplam

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sepsis Panel (Aerob 1+Aerob 2)	Pozitif	147	10*	157
	Negatif	20	133	153
	Toplam	167	143	310
Duyarlılık % 88,02				
Özgüllük % 93				
PPD % 93,63				
NPD % 86,92				
Doğruluk % 90,3				
p<0.05				

*Tekrarlanan kültürlerinde üreme olmadı.

Anahtar Kelimeler: Sepsis, Kan kültürü, Sepsis Sendromik Paneli

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-161

Üriner Sistem Şikayetlerinde Gözden Kaçabilen Üropatojenler: {*Mycoplasma hominis*} ve {*Ureaplasma urealyticum*} Laboratuvarından Klinik Pratiğe Bakış

Merve Gürler, Füsün Kırca, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: {*Mycoplasma hominis*} (MH) ve {*Ureaplasma urealyticum*} (UU), özellikle genitoüriner sistem şikayetleri olan ancak idrar kültüründe üreme saptanmayan hastalarda göz ardı edilmemesi gereken üropatojenlerdir. Bu çalışmada, Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen ön-idrar örneklerinde MH ve/veya UU (MH/UU) üreme sıklığının, antibiyotik duyarlılıklarının ve eş-zamanlı gönderilen idrar kültürü/tam idrar tetkiki (TİT) ile beraber değerlendirilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada 01.01.2020-01.07.2024 tarihleri arasında 3042 hastaya ait sonuçlar hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak tarandı. Her hastanın ilk örneği çalışmaya alındı. MH/UU kültür ve antibiyotik duyarlılıklarının belirlenmesinde Mycoplasma-IES (AutobioDiagnostics, Çin) kiti kullanıldı. Eş-zamanlı gönderilen idrar kültürü ve TİT sonuçlarıyla MH/UU kültür sonuçları karşılaştırıldı. TİT’de lökosit sayısının beşin üzerinde olması ve lökosit esteraz pozitifliği, lökosit-lökosit esteraz yüksekliği olarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada %21’i (643) kadın, %79’u (2399) erkek hastaya ait 6084 sonuç değerlendirildi. Örneklerin %83’ünde (2521) üreme yokken, %16,1’inde (490) UU, %0,2’sinde (9) MH, %1’inde (22) MH+UU koenfeksiyonu saptandı. UU saptanma sıklığının istatistiksel olarak anlamlı yüksek olduğu tespit edildi ($p<0,001$). MH/UU pozitifliği saptanan hastalar sırasıyla en sık Üroloji, Enfeksiyon Hastalıkları ve İç Hastalıkları poliklinik/kliniklerinden gönderilmiş olup hastalara ait demografik özellikler Tablo 1’de verildi. MH/UU pozitifliği olan hasta grupları arasında yaş ve cinsiyet açısından istatistiksel olarak anlamlı bir fark yoktu ($p>0,05$). MH pozitifliği saptanan hastalarda; cinsiyet açısından anlamlı fark yokken ($p=0,36$), 16-40 yaş grubunda istatistiksel olarak anlamlı yüksek olduğu saptandı ($p<0,001$). UU pozitifliğinin 16-40 yaş grubunda ve erkeklerde anlamlı yüksek tespit edildiği görüldü ($p<0,01$). MH pozitifliğinin sıklıkla sonbaharda (%38,7), UU pozitifliğinin ilkbahar-yaz aylarında (%58,8) tespit edildiği görüldü. Yaş ve cinsiyetlere göre antimikrobiyal direnç oranlarına bakıldığında; MH/UU pozitifliği olanlarda, josamisin direnci >65 yaş grubunda istatistiksel olarak anlamlı yüksek bulunurken (sırasıyla $p<0,001$; $p=0,002$); UU pozitifliği olanlarda siprofloksasin, levofloksasin, ofloksasin klindamisin ve klaritromisin direnci kadınlarda istatistiksel olarak anlamlı yüksek saptandı (sırasıyla, $p=0,002$; $p=0,002$; $p<0,001$; $p=0,003$; $p=0,003$) (Tablo 2). MH/UU pozitifliği olan hastalara ait eş-zamanlı idrar kültürü ve TİT istemleri değerlendirildiğinde; idrar kültürlerinde üreme oranlarının MH’de %7, UU’da %10 olduğu; TİT’de lökosit-lökosit esteraz yüksekliğinin MH’de %52, UU’da %28 olduğu tespit edildi (Şekil-1). MH pozitifliği ile idrar kültürlerinde üreme olmaması arasında, üreme varlığına göre anlamlı fark görülürken ($p<0,001$); UU pozitifliği ile idrar kültürlerinde üreme olmaması ve lökosit-lökosit esteraz yüksekliğinin bulunmaması,

üreme olmasına/lökosit-lökosit esteraz yüksekliğine göre aralarında anlamlı fark bulundu (sırasıyla; $p < 0,001$, $p < 0,001$).Klinisyenler özellikle genitoüriner sistem şikayetleri olan hastalarda idrar kültüründe ürememenin olmaması ve/veya TİT’de lökosit-lökosit esteraz yüksekliğinin bulunmaması durumlarında uyanık olup MH ve UU gibi rutin idrar kültüründe saptanamayan üropatojenleri akıldan çıkarmamalıdır.

Şekil-1: {*Mycoplasma hominis*}(MH) ve/veya {*Ureaplasma urealyticum*}(UU) pozitifliği olan hastalara ait eş-zamanlı idrar kültürü ve TİT istemlerinin değerlendirilmesi



Tablo 1: {*Mycoplasma hominis*}(MH) ve/veya {*Ureaplasma urealyticum*}(UU) pozitifliği saptanan hastalara ait demografik veriler

Yaş	MH (n=9)		UU (n=490)		Koenfeksiyon (MH+UU) (n=22)	
	Kadın (n=3)	Erkek (n=6)	Kadın (n=152)	Erkek (n=338)	Kadın (n=10)	Erkek (n=12)
0-15 yaş, n (%)	0(%0)	0(%0)	0(%0)	0(%0)	0(%0)	0(%0)
16-40 yaş, n (%)	2(%67)	6(%100)	92(%60)	276(%82)	5(%50)	10(%83)
41-65 yaş, n (%)	1(%33)	0(%0)	53(%35)	60(%18)	3(%30)	2(%17)
>65 yaş, n (%)	0(%0)	0(%0)	7(%5)	2(%1)	2(%20)	0(%0)

Tablo 2: Yaş ve cinsiyetlere göre antimikrobiyal direnç oranları

Antibiyotik	Cinsiyet	<i>Mycoplasma hominis</i> (n=31)			<i>Ureaplasma urealyticum</i> (n=512)		
		16-40 yaş	41-65 yaş	>65 yaş	16-40 yaş	41-65 yaş	>65 yaş
Siprofloksasin n, (%)	K	3 (%43)	4 (%100)	2 (%100)	83 (%86)	49 (%87)	8 (%89)
	E	9 (%56)	1 (%50)	0 (%0)	220 (%77)	39 (%63)	2 (%100)
Levofloksasin n, (%)		1 (%14)	1 (%25)	2 (%100)	37 (%38)	32 (%57,1)	4 (%44)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	K	7 (%44)	0 (%0)	0 (%0)	87 (%30)	20 (%32,2)	2 (%100)
	E						
Ofloksasin n, (%)	K	0 (%0)	2 (%50)	2 (%100)	63 (%65)	45 (%80)	5 (%55)
	E	3 (%19)	0 (%0)	0 (%0)	142 (%50)	26 (%42)	2 (%100)
Josamisin n, (%)	K	0 (%0)	0 (%0)	2 (%100)	0 (%0)	0 (%0)	2 (%22)
	E	1 (%6)	0 (%0)	0 (%0)	8 (%3)	2 (%3)	0 (%0)
Klindamisin n, (%)	K	3 (%43)	4 (%100)	2 (%100)	73 (%75)	46 (%82)	9 (%100)
	E	8 (%50)	1 (%50)	0 (%0)	190 (%66)	40 (%64)	1 (%50)
Tetrasiklin n, (%)	K	0 (%0)	1 (%25)	1 (%50)	12 (%12)	6 (%11)	3 (%33)
	E	1 (%6)	0 (%0)	0 (%0)	49 (%17)	11 (%18)	0 (%0)
Eritromisin n, (%)	K	*	*	*	18 (%18)	10 (%18)	2 (%22)
	E	*	*	*	37 (%13)	9 (%14)	0 (%0)
Klaritromisin n, (%)	K	*	*	*	22 (%23)	9 (%16)	2 (%22)
	E	*	*	*	32 (%11)	5 (%8)	0 (%0)
Roksitromisin n, (%)	K	*	*	*	15 (%15)	6 (%11)	2 (%22)
	E	*	*	*	33 (%11)	8 (%13)	0 (%0)

* Doğal dirençli antibiyotikler

Anahtar Kelimeler: Mycoplasma hominis, Ureaplasma urealyticum, İdrar kültürü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-162

Gram Negatif Bakterilerde VITEK 2 İkinci Jenerasyon Yöntemi ile Elde Edilen Kolistin Duyarlılığı Sonuçlarının Sıvı Mikrodilüsyon Yöntemi ile Karşılaştırılması

Betül Günaydın¹, Hüseyin Haydar Kutlu², Mine Aydın Kurç³

¹Uşak Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Uşak Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD

³Tekirdağ Namık Kemal Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD

Giriş ve Amaç: Kolistin, çoklu ilaca dirençli gram negatif bakteri enfeksiyonlarının tedavisinde son seçenek olarak kullanılmaktadır. Kolistine direncinin artmasıyla birlikte, hızlı ve güvenilir duyarlılık testlerinin önemi de giderek artmaktadır. Referans olarak önerilen sıvı mikrodilüsyon yöntemi (SMD) rutin mikrobiyoloji laboratuvarları için pratik değildir. Hızlı ve kolay şekilde antibiyotik duyarlılığı sunan VITEK2 cihazının, birinci jenerasyon kitlerinde kolistin duyarlılığını doğru şekilde belirleme performansı düşük olduğundan ikinci jenerasyon kiti geliştirilmiştir. Çalışmamızda; 100 gram negatif bakteri izolatının kolistin duyarlılığında ikinci jenerasyon kiti ve sıvı mikrodilüsyon yönteminin karşılaştırılması, ayrıca mcr-1 direnç geni varlığının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Uşak Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na Mayıs 2023-Nisan 2024 tarihleri arasında gönderilen klinik örneklerden izole edilen çoklu ilaca dirençli 100 gram negatif bakteri izolatı çalışmaya alınmıştır. VITEK2 (BioMérieux, Fransa) cihazı ile bakteri identifikasyonu ve kolistin MİK değerleri (XN-21 kaseti) belirlenmiştir. Ayrıca ISO-20776 protokolüne göre SMD yöntemi çalışılarak MİK değerleri karşılaştırılmıştır. Temel uyum, kategorik uyum, büyük hata ve çok büyük hata analiz edilmiş, sonuçların uyumu için Kappa istatistiği kullanılmıştır. Bakterilerin ticari kit ile DNA ekstraksiyonları yapılarak, PCR yöntemiyle mcr-1 gen bölgesi varlığı araştırılmıştır

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 67 *Klebsiella pneumoniae*, 25 *Acinetobacter baumannii*, 8 *Pseudomonas aeruginosa* izolatı dahil edilmiştir. Çalışılan izolatlar içerisinde yalnızca bir *K. pneumoniae* izolatında mcr-1 geni pozitif olarak tespit edilmiştir. Referans yöntem olan SMD sonuçlarına göre *K. pneumoniae*, *A. baumannii*, *P. aeruginosa* izolatlarının kolistin direnç oranları sırasıyla %68,7, %44, %25 olarak tespit edilmiştir (Tablo 1). VITEK 2 sonuçları ile karşılaştırıldığında %71 temel uyum, %82 kategorik uyum görülmüştür. Bununla birlikte %6 büyük hata, %12 çok büyük hata tespit edilmiştir (Şekil 1). Çok büyük hataya sebep olan izolatlar incelendiğinde 4 *K. pneumoniae*, 1 *A. baumannii*, 1 *P. aeruginosa* izolatlarının SMD plakalarında atlayan kuyucuk olduğu görülmüş, bu durum da heterojen direnç varlığını düşündürmüştür. 1 izolatta ise mcr-1 gen bölgesinin pozitif olduğu görülmüştür. Sonuç olarak heterojen direnç profiline sahip izolatların kolistin duyarlılık sonuçlarında VITEK 2 sonuçlarının yanıltıcı olabileceğini tespit ettik. Çalışmamızın sonuçlarını önceki çalışmalar ile kıyasladığımızda ikinci jenerasyon kolistin kitinin olumlu yönde bir farklılık oluşturmadığını tespit ettik. Ancak bu konuda daha fazla sayıda izolatla yapılacak yeni çalışmalara ihtiyaç olduğunu düşünüyoruz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

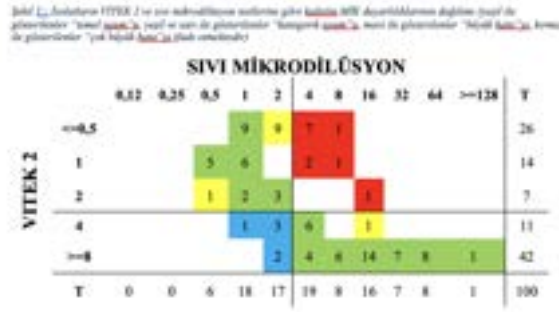
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1:: İzolatların VITEK 2 ve sıvı mikrodilüsyon testlerine göre kolistin MİK duyarlılıklarının dağılımı



(Yeşil ile gösterilenler “temel uyum”u, yeşil ve sarı ile gösterilenler “kategorik uyum”u, mavi ile gösterilenler “büyük hata”yı, kırmızı ile gösterilenler “çok büyük hata”yı ifade etmektedir)

Tablo 1: Çalışmaya dahil edilen izolatların VITEK 2 ve sıvı mikrodilüsyon testlerine göre kolistin duyarlılık sonuçları (SMD: Sıvı mikrodilüsyon)

	<i>K. pneumoniae</i>				<i>A.baumannii</i>				<i>P.aeruginosa</i>			
	S	R	T	%	S	R	T	%	S	R	T	%
VITEK 2	27	40	67	59,7	13	12	25	48	7	1	8	12,5
SMD	21	46	67	68,7	14	11	25	44	6	2	8	25

S: Duyarlı, R: Dirençli, T: Toplam

Anahtar Kelimeler: kolistin, VITEK, sıvı mikrodilüsyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-163

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Kolistin Duyarlılığının Değerlendirilmesinde Altın Standart Mikrodilüsyon ve Güncel Otomatize Ticari Sistemimin Performans Kıyaslaması ve {mcr} Gen Varlığının Araştırılması

Irmak Özkubat Korkmaz¹, Nilay Çöplü¹, Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Bilkent Şehir SUAM

Giriş ve Amaç: Kolistin, çok ilaca dirençli gram negatif bakterilerin tedavisinde son çare olarak kullanılmaktadır. Sıvı mikrodilüsyon (MD) yöntemi, EUCAST tarafından kolistin duyarlılık testi için referanstır. Otomatize sistemler iş yükünü azaltır, ancak çok büyük hata oranlarının yüksek olması sebebiyle otomatize sistemleri önerilmemektedir. mcr genleri, kolistin direncinden sorumlu olup türler arası direncinin yayılımına neden olmaktadır. Çalışmamızın amacı, *Klebsiella pneumoniae* izolatlarında kolistin duyarlılık saptanmasında kullanılan otomatize sistemi MD ile karşılaştırmak, dirençli izolatlarda mcr (1-10) gen varlığını qPCR ile aramak ve diğer antibiyotiklerle kolistin duyarlılık profillerini karşılaştırmaktır.

Gereç ve Yöntem: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına Temmuz-Aralık 2023 tarihleri arasında gelen klinik örneklerden izole edilen 284 *Klebsiella pneumoniae* suşu çalışıldı. Her hastanın ilk izolatu kullanıldı. Kolistin duyarlılığına MD ve VITEK 2 AST XN21 kartı ile test edildi. Kolistin dirençli izolatlarla PCR öncesi DNA izolasyonu Hızlı Nükleik asit Ekstraksiyon Kiti (Bioeksen, Türkiye) kullanılarak Zybiox EXM3000 (Çin) cihazında gerçekleştirildi. mcr (1-10) gen varlığı qPCR Panel (Bioeksen, Türkiye) kullanılarak CFX96 Touch Real-Time PCR (BIO-RAD-USA) cihazında gerçekleştirildi (Tablo 1 ve 2).

Çalışma Akış Şeması



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: Üretici Firmanın Forward ve Reverse Primer Tasarımı

Mcr(1-10)	Primer Dizilim
mcr_1_177_F	ATGCTCCAAAATGCCCTACAGA
mcr_1_177_R	TGCCACGATCAAGCCCAAT
mcr_1_177_P_FAM	CGACCAAGCCGAGACCAAGGAT
mcr_2_287_F	CTGATGGGTTTGGTGGCGT
mcr_2_287_R	TGGTCGGTTTGCATGGCAT
mcr_2_287_P_ROX	GCGATGGCGGTCTATCCTGTATCG
mcr_3_150_F	ACACATGCTATGACGAGGTTGT
mcr_3_150_R	CAGGGGTGAACTGACGATGA
mcr_3_150_P_CY5	TGCTCAAATGAAAGGGGATAAGCTGGT
mcr_4_208_F	CAATCTACTGCTGACTGGGCTAT
mcr_4_208_R	GGTAGGGACAATGTAACGCCT
mcr_4_208_P_FAM	GTTTCGTTGGCATTGGGATAGTCGC
mcr_5_93_F	GTTTCATCAGCCTTGTGTTACC
mcr_5_93_R	AGCCATGTTCCAGAAGTTAGGG
mcr_5_93_P_HEX	GGAATGCCCTTCTTGCTGGACGC
mcr_6_211_F	CACCGTTTATGACACCACCATG
mcr_6_211_R	TGCCATCACCCTGCCAC
mcr_6_211_P_ROX	GTGGCGTGGGTCAAGGTGGATTATC
mcr_7_158_F	GAATTCTCGATGAACGGCTAC
mcr_7_158_R	TGTCATCAAACCTCTTGCGC
mcr_7_158_P_FAM	GTCGGTGCCCTGCATGTTCTCCA
mcr_8_117_F	TCCGTTCTTTTCTTTCCACTCT
mcr_8_117_R	CGCCAACCACCACAATTCAATT
mcr_8_117_P_HEX	GCCTTCAACAGACAATAAGCGGGGA
mcr_9_129_F	GTGATGCTGGAAAACCTTGATGAT
mcr_9_129_R	CATGAAGTGGCGATGCTCA
mcr_9_129_P_ROX	GACCGACTTATTACCTGCGTTATCCG
mcr_10_185_F	ATGGGCATTCTTCCGGCTAT
mcr_10_185_R	TCTTTGTTTCAGCGTCGGGT
mcr_10_185_P_CY5	CACCGGCTGCTTTCCATGCT



Tablo 2: qPCR Termal Döngü Basamakları:

Basamak	Döngü Sayısı	Sıcaklık	Süre
Enzim Aktivasyonu	1	52 °C	3 dk
Bekleme	1	95 °C	10 sn
Denatürasyon	12 Touchdown Döngüsü: Döngü başına bağlanma sıcaklığında 1 °C azalma	95 °C	1 sn
Bağlanma/Uzama	12 Touchdown Döngüsü: Döngü başına bağlanma sıcaklığında 1 °C azalma	95 °C	1 sn
Denatürasyon	35	67 °C- 56 °C	15 sn
Bağlanma/Uzama	35	55 °C	15 sn
Tespit (Okuma)	35	(FAM-Green) /(HEX-Yellow)	(FAM-Green) /(HEX-Yellow)

Termal cycler olarak CFX96 Touch Real-Time PCR (BIO-RAD-Amerika Birleşik Devletleri) cihazı kullanıldı. qPCR çalışması için üreticinin önerileri doğrultusunda, uygun ısı-döngü profili ile çalışma başlatıldı.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların toplandığı klinikler ve örnek tipleri Tablo 3' te gösterilmektedir. Kolistin duyarlılığı MD ile %52,1; VITEK 2 ile %49,3 idi (Tablo4). Yoğun bakımda yatan hastalarda elde edilen K.pneumoniae izolatlarının %75,73'ü MD'a göre kolistin dirençliydi. Karşılaştırma sonuçlarına göre, VITEK

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



2 ile MD yöntemi arasında KU, BH ve ÇBH oranları sırasıyla %96,6; %3,3 ve %0,1 bulundu, KU ve ÇBH kabul edilebilirken BH kabul edilebilir sınırların dışında olduğu gözlemlendi. VITEK 2 duyarlılığı %99,3, özgüllüğü %93,9, PPD %93,8, NPD ise %99,3 ve testin toplam geçerliliği %96,5 idi. Kolistin dirençli izolatlar da eravasiklin, seftazidim-avibaktam, gentamisin ve meropenem-vaborbaktam haricinde diğer antibiyotiklere karşı da %90'ın üzerinde direnç saptandı (Tablo 5). İzolatların %7,0'si otomatize sisteme göre panrezistan bulundu. Bulgularımız diğer çalışmalardan farklı olarak, otomatize sistemin dirençli sonuç vermeye (BH) daha yatkın olduğunu gösterdi. Dirençli izolatlar da mcr geni saptanmadı ve dirençten başka mekanizmaların sorumlu olabileceği düşünüldü. Ülkemizdeki diğer çalışmalarda da sonuçlar benzer bulundu. Türkiye'de henüz kullanıma girmemiş antibiyotiklere dair direnç profili de saptanmış olup, en yüksek duyarlılık eravasiklinde (%77,5) saptandı.

Tablo 4: İzolatların Yöntemlere Göre Kolistin Duyarlılık Profili

Yöntem		N	%
MD Kolistin Dilüsyon (µg/ml)	≤0,5	129	45,4
	1	15	5,3
	2	4	1,4
	4	19	6,7
	8	53	18,7
	16	36	12,7
	32	13	4,6
	>32	15	5,3
MD Kolistin Duyarlılık	S	148	52,1
	R	136	47,9
VITEK 2 Kolistin Dilüsyon (µg/ml)	≤0,25	2	0,7
	0,5	128	45,1
	1	4	1,4
	2	6	2,1
	4	11	3,9
	≥8	133	46,8
VITEK 2 Kolistin Duyarlılık	S	140	49,3
	R	144	50,7

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 5. Kolistin Duyarlılığı ile Diğer Antibiyotiklerin Duyarlılıkları Arasındaki İlişki

Kolistin duyarlılık		Duyarlı		Dirençli		p
		N	%	N	%	
Temosilin	Duyarlı	60	40,5	6	4,4	<0,001
	Dirençli	88	59,5	130	95,6	
Tikarsilin Klavulanik Asit	Duyarlı	14	9,5	1	0,7	0,001
	Dirençli	134	90,5	135	99,3	
Sefoperazon Sulfaktam	Duyarlı	50	33,8	6	4,4	<0,001
	Dirençli	98	66,2	130	95,6	
Seftazidim Avibaktam	Duyarlı	80	54,1	50	36,8	0,003
	Dirençli	68	45,9	86	63,2	
Seftolezan Tazobaktam	Duyarlı	46	31,1	5	3,7	<0,001
	Dirençli	102	68,9	131	96,3	
Meropenem Vaborbaktam	Duyarlı	86	58,1	53	39,0	0,001
	Dirençli	62	41,9	83	61,0	
Gentamisin	Duyarlı	93	62,8	56	41,2	<0,001
	Dirençli	55	37,2	80	58,8	
Tobramisin	Duyarlı	47	31,8	11	8,1	<0,001
	Dirençli	101	68,2	125	91,9	
Levofloksasin	Duyarlı	23	15,5	3	2,2	<0,001
	Orta duyarlı	28	18,9	4	2,9	
	Dirençli	97	65,5	129	94,9	
Moksifloksasin	Duyarlı	26	17,6	3	2,2	<0,001
	Dirençli	122	82,4	133	97,8	
Eravastiklin	Duyarlı	117	79,1	103	75,7	0,504
	Dirençli	31	20,9	33	24,3	

Tüm analizler ki-kare testi ile yapılmıştır.

Tablo 3: İzolatların Elde Edildiği Klinik ve Örnek Tipleri

Klinik	N	%
Yoğun Bakım	199	70,1
Servis	57	20
Poliklinik	28	9,9
Örnek tipi	N	%
Derin Trakeal Aspirasyon	81	28,5
idrar	74	26,1
Kan	63	22,2
Yara	22	7,7

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İdrar Sonda	14	4,9
Doku	8	2,8
Bal	6	2,1
Balgam	6	2,1
Katater	5	1,8
Apse	3	1,1
Plevra	2	0,7

Anahtar Kelimeler: Antibiyotik duyarlılık testleri, Kolistin, mcr

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-164

Erken Tanı İçin Moleküler Yöntemlerin Kullanımı: Akut Gastroenterit ve Enfektif Ajanlar Üzerine Bir Çalışma

İsmail Selçuk Aygar¹, Kemal Tekin¹, Tuğrul Hoşbul²

¹Sağlık Bakanlığı Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Akut gastroenteritler çocukluk ve yetişkinlik döneminde bir çok nedene bağlı olarak ortaya çıkabilirken, en önemli sebepleri enfeksiyöz ajanlardır. Özellikle erken çocukluk döneminde ve immünsuprese yetişkinlerde enfektif gastroenteritler hastaneye yatış gerektirebilecek boyutlarda ciddi seyredebilirler. Bu nedenden dolayı hızlı bir şekilde enfektif gastroenteritlere tanı konulması hayati önem taşımaktadır. Çalışmamızda laboratuvarımızda kullanılan moleküler temelli tanı yöntem sonuçlarını irdeleyerek tespit edilen etkenlerin yanı sıra, hastalara ait sosyodemografik verileri sunmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Şubat 2024-Temmuz 2024 tarihleri arasında akut gastroenterit tablosuyla hastanemize başvuran hastalardan alınan 87 gaita numunesi çalışmaya dahil edilmiştir. Hastalardan steril kaba alınan gaita numuneleri laboratuvara ulaşır ulaşılmaz çalışmaya alınmıştır. Test üretici firma önerileri doğrultusunda FilmArray Torch (Biofire, Fransa) cihazıyla, FilmArray Gastrointestinal Panel(Biofire, Fransa) tanı kiti kullanılarak çalışılmıştır. Sonuçlar kitin araştırdığı etkenler (Tablo 1) saptandı veya saptanmadı olarak raporlanmıştır. Tek bir etken saptanması durumunda tekli, birden fazla etken saptanması durumunda çoklu olarak çalışmaya dahil edilmiştir. Hastalara ait yaş, cinsiyet gibi sosyodemografik verilerde irdelenmiştir. İstatistiksel değerlendirmede tanımlayıcı değerler ortalama ve (%) yüzde olarak verilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların %41,38(n:36)'i erkek, %58,62(n:51)'i kadındı. Genel yaş ortalaması 43.65'ken, erkeklerin ve kadınların yaş ortalamaları sırasıyla 42.15 ve 45.87'di. Hastaların 74'ü yetişkin yaş grubundayken 13'ü çocuk yaş grubundaydı. Çocukların yaş ortalaması 11.6, yetişkinlerin ise 50.33'tü. Etken saptanan hasta grubunun ise yaş ortalaması 46.62'ydi. Tanı kiti tarafından araştırılan etkenler ve saptanma oranları Tablo 1'de gösterilmiştir. Ayrıca tekli ve çoklu etken saptanma oranları ve yaş gruplarına göre dağılımları ise Tablo 2'de özetlenmiştir. Sonuç olarak paraziter ve bakteriyel ajanların araştırılmasında kullanılan konvansiyel yöntemler zaman gerektirmelerinin yanı sıra bazı türlerin soyutlanmasında da zorluklar çekilmektedir. Ayrıca viral etkenler de gözden kaçabilmektedir. Kullanılan panelin çeşitliliğine göre değişmekle birlikte yaklaşık bir saat gibi bir sürede birden fazla etkeni aynı anda ortaya koyabilmesi altın standart yöntem olmasalar bile moleküler temelli testleri erken tanıda konvansiyel yöntemlere göre öne çıkarmaktadır.

Tablo 1. FilmArray Gastrointestinal Panel tarafından araştırılan etkenler ve pozitiflik oranları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Etken	Sayı(n)	Yüzde(%)
Enteropatojenik <i>E. coli</i> (EPEC)	7	17,07%
Enteroaggregatif <i>E. coli</i> (EAEC)	7	17,07%
Shiga toxin üreten <i>E. coli</i> (STEC) stx1/stx2	6	14,63%
Enterotoksijenik <i>E. coli</i> (ETEC) lt/st	5	12,20%
<i>Clostridium difficile</i> toxin A/B	4	9,76%
<i>Campylobacter</i> (<i>C.jejuni</i> / <i>C.coli</i> / <i>C.upsaliensis</i>)	3	7,32%
<i>Salmonella</i> spp.	2	4,88%
Norovirus GI, GII	2	4,88%
Adenovirus F40/41	1	2,44%
<i>Plesiomonas shigelloides</i>	1	2,44%
Shigella/Enteroinvasif <i>E. coli</i> (EIEC)	1	2,44%
Sapovirus	1	2,44%
<i>Giardia lamblia</i>	1	2,44%
<i>Cryptosporidium</i>	0	0,00%
<i>Yersinia enterocolitica</i>	0	0,00%
<i>E. coli</i> O157	0	0,00%
Astrovirus	0	0,00%
Rotavirus	0	0,00%
<i>Cyclospora cayetanensis</i>	0	0,00%
<i>Entamoeba histolytica</i>	0	0,00%
Toplam	41	100,00%

Tablo 2. Tekli ve çoklu etken saptanma oranları ve yaş gruplarına göre dağılımları

Yaş Grubu	Tekli		Çoklu	
	n(sayı)	%(yüzde)	n(sayı)	%(yüzde)
Yetişkin	10	83,33%	9	75,00%
Çocuk	2	16,67%	3	25,00%
Toplam	12	100,00%	12	100,00%

Anahtar Kelimeler: Akut Gastroenterit, Multipleks PCR, Sendromik Test

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-165

Deprem Bölgesinden Gelen Dışkı Örneklerinde Gastroenterit Etkenlerinin Multiplex PCR Yöntemiyle Tespiti

Özlem Kirişçi, Şeyma Nur Bozok Uzun

Kahramanmaraş Sütçü İmam Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Doğal afet veya doğa kaynaklı afet insanların kontrolü dışında gerçekleşen, mal ve can kaybına neden olabilen, büyük ölçekli bir tehlike ve olaydır. Bu olaylar sonucu kıtlık ve salgınlar görülebilir. Bölgemizde Şubat 2023'te meydana gelen deprem felaketi sebebiyle birçok konut, iş yeri ve araç zarar gördü. Depremi ardından çoğu insan ağır hasarlı binalarda konaklamanın mümkün olmaması ve de korku sebebiyle evlerinde kalamadı. İlk günler araçlarda, toplu yerlerde sonrasında çadırlarda ve konteynerlerde yaşam devam etti. Bu yüzden su ve gıdalla bulaşan hastalıkların takibi ve salgına neden olabilecek gastroenterit etkenlerinin tespitine yönelik çalışmalar yaptık. Bu çalışmamızda bölgeden gelen dışkı örneklerinden multiplex PCR yöntemiyle saptanan etkenlerin dağılımını belirlemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada Şubat 2023 - Haziran 2023 tarihleri arasında depremin merkez üssü Pazarlık ilçesinden gelen 47 örnek ile beraber toplam 131 gaita örneği Bosphore Gastroenteritis Panel kiti (Anatolia Geneworks, Türkiye) ile çalışıldı. Bu kit, gaita numunelerinde Sapovirus (I, II, IV, V), Astrovirus, Rotavirus A, Norovirus GI, Norovirus GII, Adenovirus, *Clostridium difficile* toksin A/B, *Campylobacter* (*C. jejuni*, *C. upsaliensis*, *C. coli*, *C. lari*), *Salmonella* spp., *Shigella*, *Yersinia enterocolitica*, *Entamoeba histolytica*, *Cryptosporidium* spp., *Giardia lamblia*, *Cyclospora cayatanensis*, Enteropatogenik *E. coli*(EPEC), Enteroinvaziv *E. coli*(EIEC), Enterotoksijenik *E. coli* (ETEC), Shiga toksin üreten *E. coli* (STEC), Enteroagregatif *E. coli*(EAEC), Verotoksin üreten *E. coli* (VTEC), *Plesiomonas shigelloides*, *Vibrio cholerae*, *Vibrio parahaemolyticus* ve *Vibrio vulnificus* patojenlerini tespit eder.

Bulgular ve Sonuç: Gastrointestinal panel ile çalışılan 131 örnekten 33'ünde herhangi bir etken saptanmadı. Tek etken saptanan örnek sayısı 43, iki etken saptanan örnek sayısı 33, üç ve daha fazla etken saptanan örnek sayısı 22 idi. Bosphore Gastroenteritis Panel kiti ile çalışılan örneklerde 14 farklı etken tespit edildi. En sık saptanan etkenler 41 vaka EPEC, 40 vaka Rotavirus ve 28 vaka Norovirus oldu. Saptanan etkenlerin dağılımı Tablo 1 ve 2'de gösterildi. Moleküler yöntemler doğru tedavi yaklaşımlarının belirlenebilmesi için önemli tanı metotlarıdır. Moleküler yöntemlerde karşılaşılan en önemli sorunlardan biri, çoklu etken pozitifliğinde hangi etkenin öncelikli olarak değerlendirilmesi gerektiğidir. Gastroenterit tanısında moleküler yöntemler; dezavantajları olmakla birlikte, etken bazında dağılım yönünden doğru epidemiyolojik verilerin elde edilmesi açısından sağladığı faydalar ile öne çıkmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Etkenlerin Hasta Sayısına Göre Dağılımı



Tablo 1: ÖRNEKLERDE GİS PANELİ İLE TESPİT EDİLEN ETKENLERİN DAĞILIMI

ETKEN	n	%	ETKEN	n	%	ETKEN	n	%
EAEC	19	%11,2	Norovirus	28	%16,6	Clostridium Difficile Toxin A/B	4	%2,4
EPEC	41	%24,3	Adenovirus	7	%4,1	Salmonella	1	%0,6
STEC	8	%4,7	Rotavirus	40	%23,7	Cryptosporidium	3	%1,8
EIEC	2	%1,2	Astrovirus	8	%4,7	Giardia Lamblia	2	%1,2
VTEC	4	%2,4	Sapovirus	2	%1,2	Toplam	169	%100

Tablo 2: ÖRNEKLERDE GİS PANELİ İLE TESPİT EDİLEN ÇOKLU ETKENLERİN DAĞILIMI

Tek etken enfeksiyonu	İkili Etken enfeksiyonu	Üçlü Etken enfeksiyonu	Dört ve üzeri etken enfeksiyonu
n (%)	n (%)	n (%)	n (%)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EAEC	2 %0.2	EPEC Rotavirus	7 %0.5	EPEC Norovirus Adenovirus	1 %0.1	Norovirus STEC VTEC EPEC	1 %0.1
EPEC	14 %1.1	EPEC Norovirus	4 %0.3	EPEC Norovirus EAEC	5 %0.4	Norovirus EAEC EPEC <i>Cryptosporidium</i>	1 %0.1
STEC	1 %0.1	EPEC EAEC	2 %0.2	EPEC Rotavirus Norovirus	1 %0.1	Rotavirus Norovirus Adenovirus ETEC	1 %0.1
EIEC	0 %0	EPEC EIEC	1 %0.1	EPEC Rotavirus EIEC	1 %0.1	Rotavirus Astrovirus Norovirus <i>E. coli</i>	1 %0.1
VTEC	2 %0.2	Rotavirus Norovirus	2 %0.2	EPEC Rotavirus Clostridium Difficile Toxin A/B	1 %0.1	Rotavirus Norovirus Giardia Lamblia E. Coli	1 %0.1
E. Coli (Belirtilmemiş)	1 %0.1	Rotavirus Astrovirus	3 %0.2	EPEC ETEC Astrovirus	1 %0.1	Rotavirus Sapovirus	1 %0.1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



						E. Coli	
						Giardia Lamblia Norovirus	
Norovirus	5 %0.4	Rotavirus Clostridium Difficile Toxin A/B	1 %0.1	EPEC EAEC STEC	1 %0.1		
Adenovirus	2 %0.2	Rotavirus Salmonella	1 %0.1	Rotavirus Astrovirus <i>E. coli</i>	2 %0.2		
Rotavirus	11 %0.8	Rotavirus STEC	1 %0.1	Rotavirus Astrovirus <i>Cryptosporidium</i>	1 %0.1		
Astrovirus	1 %0.1	Rotavirus EAEC	2 %0.2	Rotavirus Adenovirus <i>E. coli</i>	1 %0.1		
Sapovirus	1 %0.1	Norovirus EAEC	3 %0.2	Rotavirus STEC ETEC	1 %0.1		
Clostridium Difficile Toxin A/B	2 %0.2	Norovirus Adenovirus	1 %0.1				
Salmonella	0 %0	Adenovirus Clostridium Difficile Toxin A/B	1 %0.1				
Cryptosporidium	1 %0.1	EAEC STEC	2 %0.2				

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Giardia Lamblia	0	EAEC	1				
	%0	ETEC	%0.1				
		STEC	1				
		VTEC	%0.1				
TOPLAM	43	TOPLAM	33	TOPLAM	16	TOPLAM	6

Anahtar Kelimeler: Multiplex PCR, Gastroenterit, Gastrointestinal panel

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-166

Çeşitli *Aspergillus* Metabolitlerinin Anti-Leishmanial Etkinliklerinin Ve Leishmania Virusunun Patogeneze Olan Etkilerinin Moleküler Düzeyde Araştırılması: Ülkemizden Farklı Leishmania Türleriyle İn Vitro Çalışmalar

Buse Kaymaz¹, İbrahim Sertdemir², Günseli Bayram Akçapınar¹, Özgür Kurt³

¹Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi Sağlık Bilimleri Enstitüsü Medikal Biyoteknoloji A.D., İstanbul

²Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi Sağlık Bilimleri Enstitüsü Biyoistatistik ve Biyoinformatik A.D., İstanbul

³Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji A.D., İstanbul

Giriş ve Amaç: Antibiyotik direnci, günümüzde sadece bakteri enfeksiyonları için değil ölümcül parazitler enfeksiyonları için de küresel bir tehdittir. Bunlarda leishmaniasis, kamçılı kan protozoonlarından olan *Leishmania* spp. ile oluşan, ülkemizde ve komşularımızda deri (Kutanöz Leishmaniasis–KL) veya ölümcül iç organ (Viseral Leishmaniasis–VL) tutulumuyla giden vektör kaynaklı bir enfeksiyondur. Tedavisinde antimon bileşikler yıllardır başarıyla kullanılmaktadır, ancak son yıllarda artış gösteren dirençli olgular nedeniyle başta Amfoterisin B (AmpB) olmak üzere pahalı, toksik ama etkin ilaçlara yönelim artmış, yeni ilaç araştırmaları da hız kazanmıştır. Bu çalışmada, antimikrobiyal etkileri bilinen, biri Anadolu’dan toplanmış *Aspergillus* cinsi mantarların farklı besiyerlerinde hazırlanmış ekstraktlarının anti-leishmanial etkinlikleri, ülkemizde klinik olgulardan izole edilmiş, KL etkeni *Leishmania major* ve VL etkeni *L. infantum* üzerinde araştırılmış, ilgili genlerin ekspresyonunda oluşan tedaviyle ilişkili değişimler iki aşamada ölçülmüştür.

Gereç ve Yöntem: İlk aşamada, dördü Viyana Teknik Üniversitesi arşivinden (TUCIM) gelen biri ise yerli beş *Aspergillus* izolatu (TUCIM 2874, 3508, 3616, 3766, and Uşak6), ülkemizde iki ayrı klinik olgudan izole edilmiş KL etkeni *L. major*’un *Leishmania* Virüsü (LRV) içeren ve içermeyen suşları üzerinde denenmiştir. Ayrıca LRV-pozitif ve negatif *L. major* suşlarındaki patogeneze ilişkili bazı genlerin (DHFR, GP63, TRYR) ifade farklılıkları araştırılmıştır. İkinci aşamada ise, *Aspergillus* 2874 ve 3508 izolatları beş ayrı besiyerinde çoğaltılmış ve VL etkeni *L. infantum* üzerinde AmpB ile karşılaştırılmıştır. Ayrıca, *L. infantum* patogeneziyle ilişkili 14 genin ekspresyonlarında tedaviye bağlı değişimler moleküler testlerle izlenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

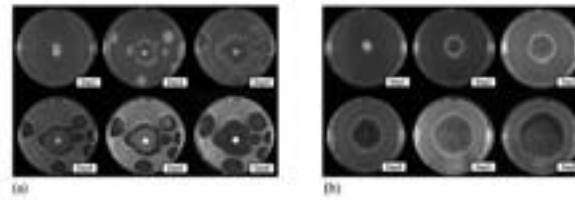
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

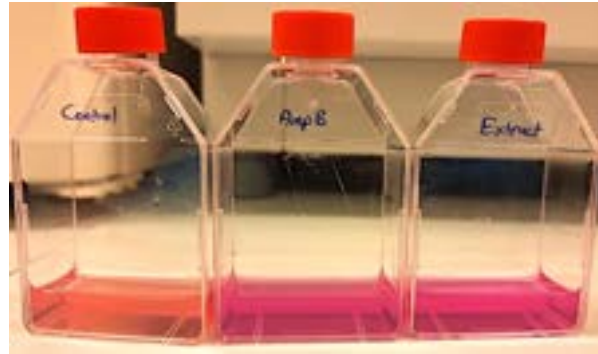


Aspergillus spp. 2874 (a) ve 3508 (b) numaralı izolatların malt ekstreli besiyerindeki günlük gözlemleri



Bulgular ve Sonuç: İlk aşamada, *Aspergillus* Minimal Besiyerinde çoğaltılan beş *Aspergillus* izolatından 2874 ve 3508'ye ait süpernatantlar, en az referans ilaç meglümin antimonat kadar etkili bulunmuştur. Meglümin antimonatın etkin dozu LRV-negatif *L. major* için 128, LRV-pozitif izolat içinse 256 ug/ml olarak ölçülmüştür. Uygulamaya bağlı olarak LRV-pozitif *L. major*'de DHFR geninin ekspresyonu LRV-negatife göre üç kat artmış, GP63 geninin ifadesiyse LRV-negatife göre üç kat azalmıştır. İkinci aşamada ise, malt ekstreli besiyerinde üretilmiş *Aspergillus* 3508'in TFA ekstraktının (Asp3508) AmpB'ye göre daha düşük dozda etkili olduğu, *L. infantum*'da apoptozla ilişkilendirilen kalsinörin b ekspresyonun 4 kat arttığı belirlenmiştir. Asp3508 ve AmpB'nin 10 genin 8'inde gen ekspresyonlarında aynı yönde (beşinde artış, üçünde azalış yönünde) etki gösterdiği saptanmıştır. Sonraki çalışmalarda, Asp3508 TFA ekstraktının içeriğindeki aktif bileşiklerin belirlenip in vivo çalışmalara geçilmesi, bileşiklerin anti-leishmanial etkileri sırasındaki gen değişimlerinin daha ayrıntılı araştırılması planlanmaktadır.

Çalışmanın ikinci aşamasında işlemin 48. saati sonunda *Leishmania infantum* kültürlerinin görünümü



Analiz edilen *Leishmania infantum*'a ait genlerin ekspresyonlarındaki değişim oranları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Gae	Kontrol C1 Ortalama	Ampl B C1 Ortalama	Monter okulor C1 Ortalama	Kontrol TUBA Kath Oran	Ampl TUBA Kath Oran	Monter okulor TUBA Kath Oran	Ampl Kath Gen İndeksi (Kontrol Gires)	Monter okulor Kath Gen İndeksi (Kontrol Gires)
GAPEH	32.2	33.0	33.6	0.62	0.23	0.37	0.41	0.39
TUBA	30.8	33.1	31.9	1.00	1.00	1.00	1.00	1.00
CAN	30.2	30.6	29.6	1.29	3.31	6.87	4.29	3.78
TRYB	28.7	31.1	29.4	7.28	3.08	3.80	0.13	0.80
GP63	30.4	31.7	31.6	1.13	2.39	1.48	2.34	1.33
EFF7	24.3	21.0	24.3	145.61	267.49	201.32	1.84	1.39
SQLE	30.2	32.5	31.2	1.23	1.42	1.69	1.13	1.35
GP14	30.7	32.6	32.2	6.87	1.39	0.69	1.49	0.79
DHFR	35.0	36.8	33.0	0.09	0.08	0.32	0.83	1.39
LP02	27.8	29.4	28.0	16.80	18.70	14.83	0.67	0.93
PFX2	-	-	-	-	-	-	-	-
PD1	-	-	-	-	-	-	-	-
CPB	-	-	-	-	-	-	-	-
ACC	-	-	-	-	-	-	-	-

Anahtar Kelimeler: *Leishmania* spp., *Aspergillus* spp., Tedavi

"Bu çalışma Acıbadem Üniversitesi Bilimsel Araştırma Projeleri Komisyonu (ABAPKO E-2022/01-26) ve TÜSEB (28318) tarafından desteklenmiştir"

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-167

Dışa Atım Pompa İnhibitörleri ve Antileishmanial İlaç Kombinasyonlarının *Leishmania tropica* ve *Leishmania infantum* İzolatlarına Etkisi

Yener Özel¹, İbrahim Çavuş², Varol Tunalı², Tülay Aksoy², Mehmet Ünlü¹, Ahmet Özbilgin²

¹Balıkesir Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Balıkesir

²Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Parazitoloji Anabilim Dalı, Manisa

Giriş ve Amaç: İnsanlığın karşı karşıya kaldığı en önemli halk sağlığı sorunlarından birisi olan ilaç direnci, antileishmanial ajan geliştirmede yeni stratejileri ve yaklaşımları zorunlu kılmaktadır. Dışa atım pompa inhibitörleri ve diğer aday ajanlar ile ilgili gelişmeler umut verici olmakla birlikte, mevcut antileishmaniallerin kullanım sürelerini ve etkinliklerini artırabilme arayışları da devam etmektedir. Bu çalışmada rezepin, berberin ve verapamil olmak üzere üç adet dışa atım pompa inhibitörünün (DAPI) antileishmaniallere etkisinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: DAPI'ler, pentostam ve mitefosinin, *Leishmania tropica* ve *Leishmania infantum* suşlarına karşı, antileishmanial etkinliği sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile belirlenmiştir. MPK (minimum parazitisit konsantrasyonu) değerleri invert mikroskop ile IC50 değerleri ise MTT canlılık tayin yöntemi ile saptanmıştır. Antileishmanial etkinlikleri belirlenen dışa atım pompa inhibitörlerinin miltefosin ve pentostam üzerine etkileri dama tahtası (Checkerboard) yöntemi ile araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Antileishmanial ilaçlardan miltefosin ve pentostamın *L. tropica* ve *L. infantum* için MPK değerleri sırasıyla 24 ve 48. saatlerde 64 ve 196 µg/mL olarak saptanmıştır. DAPI'lerden rezepin ve berberin için MPK değerleri aynı inkübasyon süreleri için sırasıyla 314 ve 64 µg/mL, verapamil için 24. saatte 80 µg/mL, 48. saatte ise 40 µg/mL olarak belirlenmiştir. Antileishmaniallerden miltefosinin IC50 değerleri *L. tropica* ve *L. infantum* için 24 ve 48 saatlerde sırasıyla, 4.91/3.47 ve 4.05/2.91 µg/mL, pentostamın ise aynı inkübasyon sürelerinde sırasıyla, 34,58/59,86 ve 18,48/40,63 µg/mL olarak hesaplanmıştır. DAPI'lerden rezepin, berberin ve verapamilin IC50 değerleri *L. tropica* için 24/48 saatlerde sırasıyla, 74.05/50.61, 7.27/6.1 ve 12.52/4.53 µg/mL, *L. infantum* için ise 64.52/51.72, 8.21/8.01 ve 11.59/7.69 µg/mL olarak hesaplanmıştır. Miltefosinin; rezepin, berberin ve verapamil ile kombinasyonunda, 24 ve 48 saatlik inkübasyon koşullarında sinerjik etkileşim görülmüştür. Pentostamın, rezepin ile kombinasyonunda 24. saatte kısmi sinerji, 48. saatte ise sinerji görülürken, berberin ve verapamil ile kombinasyonunda her iki inkübasyon koşulunda da sinerjik etkileşimler saptanmıştır. Sinerji sonuçları hem *L. tropica* hem de *L. infantum* suşlarında aynı bulunmuştur. Son yıllarda yeni antimikrobiyallerin keşfine yönelik araştırmaların hızının, önemli ölçüde azalmasıyla direnç mekanizmalarına etki edebilecek yeni moleküllerin araştırılması zorunlu hale gelmiştir. DAPI'lerin, ilaç direnciyle mücadelede antileishmanial ajanların klinik performansını artırabilecek ve yan etki düzeyini azaltabilecek umut verici bir yaklaşım olabileceği düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Antileishmanial ilaç direnci, Efflux pompası, Kutanöz leishmaniasis

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-168

***Enterobius vermicularis* Olgularının Değerlendirilmesi ve Selefobant Örneklerinden Mitokondriyal DNA cox1 Geni Karakterizasyonu**

Harun Gülbudak¹, Seda Tezcan Ülger², Taylan Bozok², Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Mersin

²Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Mersin

Giriş ve Amaç: *Enterobius vermicularis* dünyada en yaygın görülen intestinal helmintlerden birisidir, özellikle 5-10 yaş arası çocukları etkilemektedir. Son yıllarda yapılan çalışmalarda, *E. vermicularis* mitokondriyal DNA, sitokrom c oksidaz alt birimi-1 (cox1) gen dizilerine göre, insanlarda ve şempanzelerde parazitin üç ana genotipte (tip A, B ve C) kümelendiği tanımlanmıştır ve az sayıda ülkeden genotip çalışması bildirilmiştir. Bu çalışmada Mersin Üniversitesi Hastanesi'nde görülen *E. vermicularis* olgularının değerlendirilmesi ve cox1 genotip karakterizasyonu amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmaya, Ocak 2017-Aralık 2023 tarihleri arasında 1496 selefobant örneğinden *E. vermicularis* yumurtası saptanan 75 olgu dahil edildi. Olguların yaş, cinsiyet, semptom ve yaş gruplarına göre dağılımları belirlendi. Moleküler çalışma için 31 selefobant örneğinden DNA izolasyonu yapıldı. Her selefobant örneğinden parazit yumurtasının fazla olduğu 1-2 cm'lik bant parçası çıkartılarak ependorf tüpe alındı ve fenol klorofom yöntemi ile izolasyon yapıldı. cox1 geni nested PCR (birinci tur EVM1, EVM2; ikinci tur EVIF, EVIR) ile amplifiye edildi ve sonrasında DNA dizi analizi yapıldı. Elde edilen dizi verileri NCBI veri tabanında yayınlanmış referans dizi verileri ile karşılaştırıldı ve filogenetik analizi yapıldı. **Bulgular ve Sonuç:** Çalışmada %5 (n=75/1496) oranında *E. vermicularis* tespit edildi. Enterobiasis prevalansı kadınlarda %4.9 (n=37/749), erkeklerde %5.1 (n=38/747) ve hastaların yaş ortalaması 8,7±7,7 (min-maks 1-57) bulundu. Olgularının %93,3(n=70)'ü pediatrik, %6,7(n=5)'si erişkin hastalardı. Yaş gruplarına göre en yüksek pozitiflik 5-10 yaş (%9, n=35) ve 0-5 yaş (%4,8, n=25) grubunda tespit edildi. Olgularda en sık kaydedilen semptomlar %49,3(n=37) karın ağrısı, %40(n=30) perianal kaşıntı ve %33,3 (n=25) gece ağızdan salya gelmesiydi. DNA dizi analizi yapılan 15 örneğin filogenetik analizi sonucunda örneklerin hepsinin genotip B olduğu; İran, Irak ve Yunanistan'dan bildirilen *E. vermicularis* dizileriyle birlikte gruplandığı görüldü. Sonuç olarak çalışmamızda son yıllarda görülen *E. vermicularis* olgu sayısı azalma eğilimi gösterse de çocuklarda halen sık görülen bir bağırsak nematodudur. Genotip karakterizasyonu, *E. vermicularis*'in yayılımını izlemek ve kontrol programlarını planlamak için yararlı bir araçtır. Bu çalışmada ilimizden ve ülkemizden *E. vermicularis* genotipleri hakkında ilk kez veri sunulmuştur. Yapılan çalışmalarda Ortadoğu ve Avrupa'da baskın olan genotip B'nin bölgemizde de baskın tip olduğu görülmüştür. Bölgemizde ve ülkemizde *E. vermicularis* epidemiyolojisini ve genotip dağılımını daha iyi tanımlayabilmek için farklı bölgelerden çok sayıda *E. vermicularis* izolatu içeren çok merkezli çalışmalara gereksinim vardır.

Anahtar Kelimeler: *Enterobius vermicularis*, Genotip, Sitokrom c oksidaz alt birimi-1 (cox1)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-169

Yoğun Bakım Dışındaki Servis Hastalarında Seftazidim-Avibaktam İhtiyacı

Cisem Karaoğlu¹, Elif Saldere², Güle Çınar², Alpay Azap², Zeynep Ceren Karahan¹

Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları Ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Dünya Sağlık Örgütü tarafından en yüksek öncelikli patojenler arasında sınıflandırılan karbapenem-dirençli Enterobacterales, artmış mortalite ve morbidite ile ilişkilidir. Seftazidim-avibaktam(CZA), metallo-beta-laktamazlar dışındaki β -laktamazlara karşı in-vitro aktiviteye sahip bir beta-laktam/non-beta laktam beta-laktamaz inhibitör kombinasyonudur. Komplike intra-abdominal, üriner sistem ve hastane kaynaklı alt solunum yolu enfeksiyonlarının tedavisi için onaylanmıştır. Ülkemizde, Sağlık Uygulama Tebliği'ne (SUT) göre in-vitro aminoglikozit ("ventilatör ile ilişkili pnömoni" hariç), karbapenem ve 3. kuşak sefalosporinlere dirençli, CZA'ye duyarlı etkenlerin tedavisinde yoğun bakım ünitesinde (YBÜ) yatan hastalara enfeksiyon hastalıkları uzmanı tarafından reçete edilmesi durumunda karşılanmaktadır.Bu çalışmanın amacı, servislerde yatan ve diğer SUT ödeme kriterlerini sağlayan hastalarda CZA tedavisi alan ve almayan hastaların prognozunun karşılaştırılması, CZA başlanmayan hastalarda kullanılan tedavi protokollerinin etkinliğinin değerlendirilmesi ve CZA duyarlılığının erken dönemde tespiti önemi araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya AÜTF İbni Sina Hastanesi'ne 1.7.2023-1.7.2024 tarihleri arasında klinik örneklerden izole edilen Enterobacterales ve *Pseudomonas* türleri dahil edilmiştir. Her hastadan her örnek türüne ait direnç profili farklı olan ilk izolat değerlendirmeye alınmıştır.Üreyen kolonilerden tanımlama MALDI-TOF MS(Bruker,ABD) ile yapılmıştır. Antibiyotik duyarlılıkları, ilgili yılın EUCAST kriterleri doğrultusunda kolistin için sıvı mikrodilüsyon (MİK), diğer antibiyotikler için disk difüzyon testi veya BD Phoenix(BD,ABD) otomatize sistemi ile çalışılarak değerlendirilmiştir.01.7.2023-31.11.2023 arasında (1.Dönem) sadece klinik istem üzerine servis hastalarının izolatlarına CZA duyarlılığı çalışılırken 1.12.2023'den sonra (2. Dönem)tüm servis hastalarının izolatlarında CZA rutin olarak çalışılmaya başlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma süresince 1258(%14) izolat değerlendirilmiştir.2.dönemde 632 izolatın tamamına CZA çalışılmıştır(Şekil-1).SUT kriterlerine göre her üç grup antibiyotiğe dirençli/CZA duyarlı bulunan 94 hastaya ait izolat sayısı 116(%9) olarak bulunmuştur.94 hastanın 34'ü(%37) exitus olmuştur.Bu hastalarda sepsis varlığı, mekanik ventilasyon ihtiyacı, vazopressor kullanımı,ek enfeksiyon odağı ve santral katater varlığı mortalite ile anlamlı ölçüde ilişkili bulunmuştur($p<0,05$)(Tablo-1).15 hasta YBÜ'ye yatırılıp CZA tedavisi almıştır.Antimikrobiyal duyarlılık testi(ADT) sonucundan sonra hemen CZA başlanan hastalarda mortalite %57,1; süreç içinde CZA'ya geçilenlerde mortalite %75 olarak bulunmuştur.izolatların çoğunu *K. pneumoniae*(%57) oluşturmuştur. Bu gruptaki enteriklerin hepsi($n=61$) karbapenem pozitif bulunmuş,61'inin(%96) karbapenem MİK değeri ≥ 32 olarak belirlenmiştir.Kolistin çalışılan 63 izolattan

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

[illegible]

Anahtar Kelimeler: seftazidim-avibaktam, antimikrobiyal direnç, nozokomiyal enfeksiyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-170

İmmün Sistem Hücrelerinin Ciddi Enfeksiyon ile Seyreden Yoğun Bakım Hastalarındaki Durumu; Ön Çalışma

Selin Uğraklı¹, Şeyma Çelikkilek Çelik², Funda Gök³, Ahmet Oğuz³, Metin Doğan¹, Mehmet Özdemir¹, İsmail Reisli⁴

¹Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı,

³Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Anesteziyoloji ve Reanimasyon Anabilim Dalı

⁴Necmettin Erbakan Üniversitesi Meram Tıp Fakültesi, Çocuk Allerji ve İmmünoloji Bilim Dalı, Konya, Türkiye

Giriş ve Amaç: Çoklu ilaca dirençli Gram-negatif bakteri kaynaklı enfeksiyonlar yoğun bakım ünitelerinde ciddi morbidite ve mortaliteye sebep olmaktadır. Bu patojenler; ventilatör ilişkili pnömoni, kateter, yumuşak doku enfeksiyonu ve yaşamı tehdit eden sepsis gibi ciddi nazokomiyal enfeksiyonlara sebep olabilmektedir. Dengesiz inflamatuvar yanıt ve periferik kandaki farklı immün sistem hücrelerindeki fonksiyon bozuklukları sepsisin erken uyarı göstergeleridir. Miyeloid kökenli baskılayıcı hücreler (MDSC); inflamasyon ve biyolojik stres ile indüklenir; aşırı reaktif immün yanıtı bastırır, immünotoleransı ve homeostazı korur. Planlanan bu ön çalışmada gram negatif bakteri kaynaklı enfeksiyonu olan yoğun bakım hastalarında MDSC, Doğal katil hücreler ve Mukoza ilişkili invariant T(MAIT) hücre periferik kan düzeylerinin yaş ve cinsiyet uyumlu kontrol grubu ile karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Anestezi ve Reanimasyon yoğun bakım ünitesinde 01.07.2024-30.08.2024 tarihleri arasında yatan; sepsisi olan 3 hasta {Klebsiella pneumoniae , Pseudomonas aeruginosa, Acinetobacter baumannii} ve ventilatör ilişkili pnömonisi olan {P.aeruginosa} 3 hasta ile yaş/cinsiyet uyumlu 6 kontrol çalışmaya dahil edildi(n=12). EDTA'lı tüpler içerisindeki kan numunelerinden periferik kan mononükleer hücresi izolasyonu gerçekleştirildi. Sonrasında MDSC'lerin akan hücre ölçer ile immün fenotiplenmesinde HLADR(Immu-357), CD11b (Bear1), CD15 (80H5), CD14 (RM052), CD66b(80H3), CD33(P67.6), CD16 FITC monoklonal antikorları kullanılarak; MAIT hücreleri için CD3 (OKT3), CD8(SK1), TCRV α 7.2(3C10), CD161(W18070C), CD4(RPA-T4) ile; NK hücreleri için; CD3, CD56 (NCAM 16.2), CD16 (3G8), CD57(HNK-1) antikorları ile yüzey boyaması yapıldı. Navios, Beckman Coulter akımsitometri cihazında okuma; analizler ise Kaluza software programı kullanılarak gerçekleştirildi. Hasta ve kontrollere ait kapılama stratejileri Fotograf1-3'te verilmiştir.

{Klebsiella pneumoniae}'bağlı septik şok gelişen hastanın periferik kan MDSC hücre kapılama görüntüsü

13-17 Kasım
2024

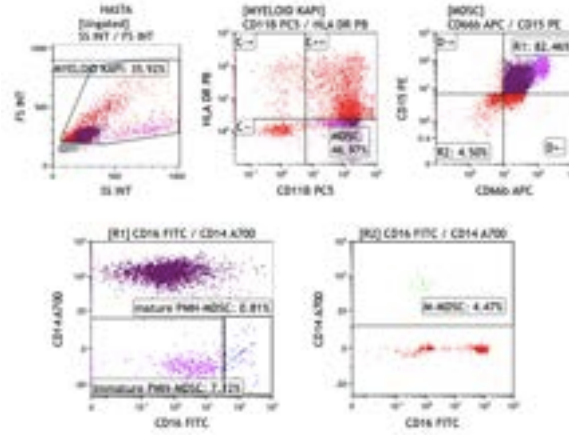
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

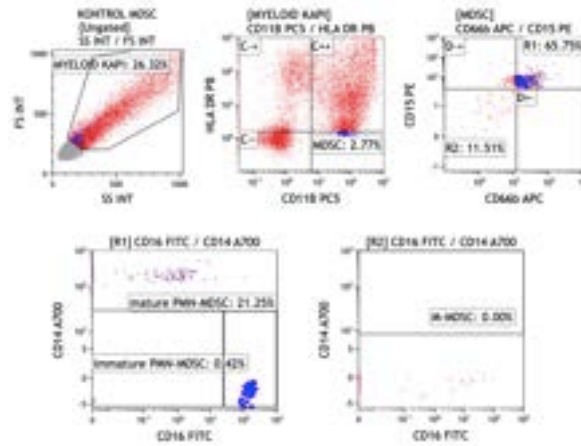
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kontrole ait MDSC hücrelerinin akimsitometrik görüntüsü



Hastaya ait MAİT hücre görüntüsü

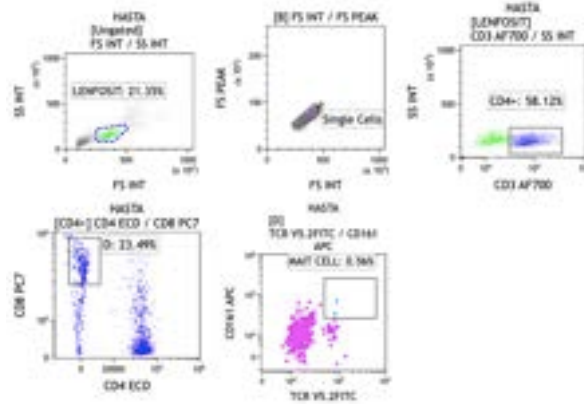
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: MDSC hücre oranı ortalamaları hasta grubunda (15,2) kontrol grubuna (1,7) göre yüksek bulunmuştur. MDSC alt tiplerinden mature Polimorfonükleer (PMN) MDSC hücre düzey ortalamaları kontrol grubunda (27,1) hastalara göre (14,5) yüksek iken; immature PMN-MDSC hasta grubunda (26,9) sağlıklı kontrollere (3,9) yüksek saptanmıştır. MAIT hücre düzeyleri ise literatürle uyumlu olarak hastalarda sağlıklı kontrollere göre daha düşük düzeyde rastlanmıştır. MDSC ve diğer immün sistem hücrelerin yoğun bakım enfeksiyonu olan hastalarda immüdisregülasyonu gösterebilecek önemli prognostik parametreler olabileceğini düşündürmektedir. Çalışmamız bir ön çalışma olup MDSC hücrelerinin biyolojisinin ve diğer immün sistem hücreleriyle ilişkilerinin incelendiği sepsis modellerine ihtiyaç olduğunu söyleyebiliriz.

Anahtar Kelimeler: "Enfeksiyon, biyobelirteç, immün sistem hücreleri"

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-171

Kantitatif HBV DNA, CMV DNA, HCV RNA, HIV RNA, EBV DNA Testlerinin Analitik Performansının Değerlendirilmesi ve Korelasyon Analizi

Muhammed Alper Özarslan¹, Gözde Akkuş Kayalı², Tansu Aydoğan³, Selda Erensoy²

¹Tepecik Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

²Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

³Kastamonu Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: HBV, HCV, CMV, HIV ve EBV enfeksiyonlarının tanı ve yönetiminin başarılı olabilmesi için kullanılan testin performansının iyi olması önemlidir. Amaç: Türkiye'de ilk kez kullanılmaya başlanan Alinity-m (Abbott Molecular Diagnostics; ABD) tam otomatize rastgele erişimli gerçek zamanlı PCR sisteminde HBV, HCV, CMV, HIV ve EBV viral yük testlerinin analitik performansının değerlendirilmesi ile Cobas-6800 sistemi ve Artus test sonuçlarıyla uyum analizi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Kesinlik analizi için çalışma içinde 3 pozitif ve 3 düşük pozitif örnek ve çalışmalar arasında 1 pozitif ve 1 düşük pozitif örnek olmak üzere, örnekler üçer kez çalışıldı. Doğrusallık analizi için kalite kontrol örnekleri (MOTAKK Dış Kalite Kontrol Programı, Türkiye), 1/10, 1/100 ve 1/1000 dilüsyonlarında iki ayrı sette çalışıldı. Ayrıca, laboratuvarımızda rutinde kullanmış olduğumuz, verifikasyon çalışmaları yapılmış ve dış kalite kontrol programlarında başarılı bulunmuş Cobas-6800 Sistemi (Roche Diagnostics, ABD) ve EBV DNA için Artus PCR kiti (QIAGEN, Almanya) ile Alinity-m sonuçları arasındaki korelasyon 272 hasta örneğinde değerlendirildi. EBV için Artus, diğer etkenler için Cobas-6800 sistemi korelasyon analizi için kullanıldı. Doğruluk analizi için 3 pozitif, 3 düşük pozitif, 3 negatif örnek değerlendirildi. Tüm analizler Log₁₀ değerleri üzerinden gerçekleştirildi.

Bulgular ve Sonuç: Kesinlik analizinin tüm varyasyon katsayısı" (VK) sonuçları tablo-1'de gösterilmiştir. Doğruluk analizinde tüm logaritma değerlerinin farkı 0.5 Log₁₀'un altında kalmıştır. Doğrusallık analizinde, tüm R² değerleri ≥0.96 bulunmuştur (tablo-2). HBV, HIV, HCV ve CMV viral yük için Alinity-m ile Cobas-6800 Sistemi arasındaki Pearson korelasyon katsayısı değeri ≥0.9, EBV viral yük için Artus® RT-PCR ile bu değer 0.96 olarak saptanmıştır (tablo-3). Tartışma: Alinity-m'nin HBV, HCV, HIV, CMV viral yük için kesinlik ve doğrusallık analiz sonuçları başarılı bulunmuştur. EBV için doğrusallık ve çalışma içi kesinlik analizi sonuçları başarılı iken çalışmalar arasında sınıra yakın VK değeri (%11) elde edilmiştir. Çalışma genelinde düşük pozitiflerde daha yüksek VK değerleri tespit edilmesine rağmen, Log₁₀ değerlerindeki varyasyonlar kabul edilebilir sınırlar içindedir (maksimum 0.32 Log₁₀). Alinity-m sisteminden elde edilen sonuçlarla Cobas-6800 Sistemi ile HBV, HCV, HIV, CMV ve Artus® PCR ile EBV viral yük sonuçları arasında yüksek düzeyde uyum tespit edilmiştir. Sonuç olarak Alinity-m sistemi, HBV, HCV, HIV, EBV ve CMV viral yük takibine yönelik gerçek zamanlı PCR testi için güvenilir bir alternatif olarak değerlendirilebilir.

Tablo-1: Alinity-m kesinlik analizi sonuçları (logaritma değerleri üzerinden)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo-1: Alinity-m ile çalışılan örneklerin logaritma değerleri sonuçları

Parametre	Yaygınlaşma katsayısı	1. Etkinlik	2. Etkinlik	3. Etkinlik	Ortalama	SD
HBV İnterasya pozitif, F1	1	4,57	4,56	4,61	4,58	0,03
HBV İnterasya pozitif, F2	1	3,72	3,78	3,67	3,72	0,06
HBV İnterasya pozitif, F3	3	3,67	3,78	3,86	3,77	0,1
HBV İnterasya negatif, DP1	3	2,59	2,54	2,55	2,56	0,12
HBV İnterasya negatif, DP2	1	2,68	2,6	2,78	2,68	0,09
HBV İnterasya negatif, DP3	7	3,4	3,37	3,78	3,35	0,06
HBV İnterasya pozitif, H4	2	3,72	3,78	3,65	3,72	0,07
HBV İnterasya negatif, DP4	2	2,78	2,63	2,68	2,63	0,15
HCV İnterasya pozitif, F1	0	3,12	3,1	3,12	3,13	0,01
HCV İnterasya pozitif, F2	3	3,1	3,17	3,21	3,19	0,1
HCV İnterasya pozitif, F3	1	2,87	2,89	2,96	2,94	0,04
HCV İnterasya negatif, DP1	5	1,1	1,2	1,1	1,13	0,06
HCV İnterasya negatif, DP2	1	1,99	1,95	1,97	1,97	0,02
HCV İnterasya negatif, DP3	2	1,85	1,78	1,8	1,81	0,04
HCV İnterasya pozitif, H4	4	3,12	3,08	2,9	3,03	0,12
HCV İnterasya negatif, DP4	0	1,99	1,95	1,67	1,87	0,17
HIV İnterasya pozitif, F1	1	3,5	3,47	3,51	3,49	0,02
HIV İnterasya pozitif, F2	3	2,62	2,56	2,72	2,63	0,08
HIV İnterasya pozitif, F3	1	3,04	3,05	3,01	3,03	0,02
HIV İnterasya negatif, DP1	0	1,1	1,3	1,3	1,3	0
HIV İnterasya negatif, DP2	18	1,85	1,51	1,3	1,55	0,28
HIV İnterasya negatif, DP3	16	1,53	1,94	1,45	1,64	0,26
HIV İnterasya pozitif, H4	3	3,5	3,64	3,43	3,52	0,11
HBV İnterasya negatif, DP4	23	1,85	1,3	1,1	1,48	0,22
CMV İnterasya pozitif, F1	2	3,51	3,58	3,86	3,52	0,07
CMV İnterasya pozitif, F2	0	3,97	4	3,97	3,98	0,02
CMV İnterasya pozitif, F3	4	3,52	3,72	3,76	3,67	0,13
CMV İnterasya negatif, DP1	2	2,48	2,6	2,6	2,56	0,07
CMV İnterasya negatif, DP2	6	2,79	2,84	2,83	2,82	0,03
CMV İnterasya negatif, DP3	4	2,58	1,95	2,07	2,06	0,11
CMV İnterasya pozitif, H4	5	3,52	3,39	3,39	3,33	0,17
CMV İnterasya negatif, DP4	16	2,48	2,64	2,47	2,53	0,1
EBV İnterasya pozitif, F1	2	1,48	1,6	1,58	1,55	0,06
EBV İnterasya pozitif, F2	1	1,81	1,71	1,75	1,76	0,04
EBV İnterasya pozitif, F3	0	3,32	3,33	3,34	3,33	0,01
EBV İnterasya negatif, DP1	3	1,85	1,96	1,9	1,9	0,06
EBV İnterasya negatif, DP2	11	1,1	1,57	1,3	1,39	0,16
EBV İnterasya negatif, DP3	4	2,24	2,19	2,17	2,22	0,09
EBV İnterasya pozitif, H4	11	2,11	2,54	2,85	2,57	0,27
EBV İnterasya negatif, DP4	18	1,3	1,63	1,79	1,57	0,25

Tablo-2: Alinity-m ile çalışılan MOTAKK kalite kontrol örneklerinin 1/10, 1/100, 1/1000 dilüsyonlarının linearite sonuçları

Tablo-2: Alinity-m ile çalışılan MOTAKK kalite kontrol örneklerinin 1/10, 1/100, 1/1000 dilüsyonlarının linearite sonuçları

Parametre	Linearite R2 sonuçları (logaritma değerleri üzerinden)
HBV	0,995
HCV	0,990
HIV	0,999
CMV	0,991
EBV	0,999

Tablo-3: Pozitif örneklerde Alinity-m'in Cobas-6800 sistemi ve Artus® RT-PCR ile korelasyonu

Tablo-3: Pozitif örneklerde Alinity-m'in Cobas-6800 sistemi ve Artus® RT-PCR ile korelasyonu

Parametre	n	Pozitif örneklerin oranı (%)	Korelasyon katsayısı (Spearman)	Korelasyon katsayısı (Spearman)	Korelasyon katsayısı (Spearman)
Cobas-6800 sistemi & Alinity-m	40	0,97	0,91	0,91	0,91
Artus® RT-PCR & Alinity-m	31	0,93	0,91	0,91	0,91
Artus® RT-PCR & Alinity-m	31	0,93	0,91	0,91	0,91
Artus® RT-PCR & Alinity-m	31	0,93	0,91	0,91	0,91

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Tam otomatize rastgele erişimli gerçek zamanlı PCR, Testlerin performans analizi, Hepatitler ve HIV

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: SS-172

Sitoplazmik ve Mitotik HEp-2 Hücre Paternlerini Ne Sıklıkta Raporluyoruz?

Melahat Gürbüz

Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı.
Afyonkarahisar, Türkiye

Giriş ve Amaç: İndirekt immün floresan (IIF) yöntemi ile Hep-2 hücrelerinde bulunan farklı antijenlere karşı gelişen antikorlara ait farklı boyama paternleri belirlenmektedir. Otoimmün hastalıkların taranmasında hücre çekirdeğindeki antijenleri hedef alan Anti-nükleer antikorların (ANA) saptanması altın standart yöntemdir. ANA varlığı yanı sıra veya izole olarak sitoplazmik ve mitotik yapılara karşı da otoantikorlar gözlenebilmektedir. Bu çalışmada, ANA araştırılması için gönderilen örneklerde saptanan sitoplazmik ve mitotik Hep-2 hücre paternleri retrospektif olarak değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarında 2020-2022 yılları arasında 3 yıllık sürede IIF yöntemiyle çalışılan 12674 ANA test sonucu retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Örnekler 1/100 dilüsyonda Hep-20-10 /Karaciğer(Maymun) Mozaik IIF kiti (Euroimmun, Almanya) kullanılarak üretici firma önerileri doğrultusunda çalışılarak immunfloresan mikroskopta görsel olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: 12674 örnekte 3070 (%24.2) ANA pozitifliği tespit edildi. Sitoplazmik-mitotik patern saptanan örnek sayısı 1173 (%9.2) olup 996'sı (%84.9) ANA negatif olarak raporlandı. 177 örnekte eş zamanlı ANA pozitifliği raporlandı. AMA, ASMA, anti-Jo-1, anti-ribosomal P-protein gibi otoimmün hastalıklara özgül paternler değerlendirme dışında tutularak sitoplazmik ve mitotik hücre paternlerinin sayı ve oranları Şekil 1'de gösterilmiştir. İzole sitoplazmik-mitotik patern saptanan hastaların 658'i (%66.1) kadın, 338'i (%33.9) erkekti. Yaş ortalaması 33 (min 1-max 90) olan hastaların 456'sı (%45.8) romatoloji kliniğinden, 57'si (%5.7) pediatri kliniklerinden ve 483'ü (%48.5) ise diğer birimlerden. Hastaların yaşı, cinsiyeti ve hangi klinikten geldiği ile sitoplazmik/mitotik patern saptanması arasında istatistiksel anlamlı bir fark saptanmadı ($p>0.05$). ANA pozitif ve negatif raporlanan her iki grupta da en yaygın olarak saptanan patern AC-27 (hücreler arası köprü) idi. Romatoloji hastalarında gözlenen izole sitoplazmik-mitotik paternlerin dağılımı Tablo 1'de verilmiştir. Bu hastalarının tanıları incelendiğinde (Tablo 2) tanı ve paternler arasında istatistiksel anlamlı fark saptanmadı. %2-21 gibi geniş bir aralıkta saptanabilen sitoplazmik ve mitotik paternlerden sentrozom, hücreler arası köprü ve iç iplikcikleri gibi paternlerin SLE, RA ve PBC tanısına yardımcı olabileceğini, NuMA ve hücreler arası köprü gibi paternlerin ise idiopatik ürtiker, SS, RA ve nörofibromatozis gibi durumlarla ilişkilendirerek saptandığını gösteren çalışmalar literatürde yer almaktadır. Sınırlı sayıda hasta içeren çalışmamızda paternlerin spesifik bir hastalığı işaret ettiğini saptamadık. Anti-hücre antikor tanımları altında tespit edilen bu paternler tanıya destek olabileceğinden ANA negatif raporda açıklama olarak belirtilmesinin ve doğrulamak için daha ileri monospesifik testler yapılmasının yol gösterici olabileceğini düşünmekteyiz.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Şekil 1: ANA testi iş akış şeması; sitoplazmik ve mitotik paternler n (%)



ANA: antinükleer antikor

Tablo 1: Romatoloji hastalarında gözlenen izole sitoplazmik-mitotik paternlerin dağılımı

Sitoplazmik-mitotik paternler (AC kodları)	n (%)
Hücreler arası köprü (AC-27)	266 (58.4)
Sentrozom (AC-24)	94 (20.6)
İğsi iplikcikler (AC-25)	78 (17.1)
Çubuk ve halkalar (AC-23)	7 (1.5)
Sitoplazmik polar/Golgi-benzeri (AC-22)	5 (1,1)
Sitoplazmik ayırık noktalar (AC-18)	2 (0,43)
Sitoplazmik filamentöz fibriller (AC-16)	2 (0.43)
Sitoplazmik segmental fibriller (AC-17)	1 (0.22)
NuMA-benzeri (AC-26)	1 (0.22)
Toplam	456 (100)

Tablo 2: İzole sitoplazmik-mitotik patern gözlenen romatoloji hastalarının tanıları

	EA	RA	SNRA	AS	HFA	OA	SS	WG	BD	RS	P	Toplam
AC-16	1			1								2
AC-17	1											1
AC-18	2											2
AC-22	5											5
AC-23	7											7
AC-24	81	4		3	5						1	94

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



AC-25	68	4		2					2	2		78
AC-26	1											1
AC-27	212	18	3	14	8	3	2	1	4		1	266
Toplam	378	26	3	20	13	3	2	1	6	2	2	456

EA: eklemde ağrı, RA: romatoid artrit, SNRA: seronegatif romatoid artrit, AS: anklozan spondilit, HFA: heredit r familyal amiloidoz, OA: osteoartrit, SS: sj gren sendromu, WG: wegener gran lomatozis, BD: Beh et hastalığı, RS: raynoud sendromu, P: ps riasis

Anahtar Kelimeler: İndirekt imm nofloresan, sitoplazmik patern, mitotik patern

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SESLİ OLGU LİSTESİ

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sesli Olgular

EP-001

Bruton Agamaglobulinemili Bir Hastada *Campylobacter jejuni* Bakteriyemisi

Ayşe Betül Keleş, Mehmet Ali Tanrıseven, Gözde Arslanca, Giul Khanım Yusufli, Sibel Yıldız Kaya, Fatma Köksal Çakırlar

EP-002

Periton Diyalizi Hastasında Nadir Görülen Bir Patojen Olan *Pseudomonas stutzeri*'nin Neden Olduğu Peritonit Olgusu

Hülya Parimli, Sevinç Yenice Aktaş, İlhan Kılıç

EP-003

Prematüre Bir Bebekte *Raoultella planticola* Menenjit: Olgu Sunumu

Giul Khanım Yusufli, Gözde Arslanca, Hrisi Bahar Tokman, Fatma Köksal Çakırlar

EP-004

Edinsel İmmün Yetmezlik Sendromlu Bir Hastadan, "*Bartonella henselae*'nin" İzolasyonu Ve Moleküler Tanımlaması

Meral Turan, Bekir Çelebi, İpek Kuzucuoğlu, Elmas Eminoğlu, Alparslan Cerit, Ayşe Çam, Yusuf Yılmaz, Ertuğrul Turan, Seniha Şenbayrak

EP-005

Akut EBV Enfeksiyonuna Bağlı Beklenmedik Serolojik Profilin Yorumlanması, Bir Vaka Örneği

Sevinç Yenice Aktaş, Cihan Yüksel

EP-006

Erken Tanı ve Tedavi Hayat Kurtarır! Nadir Görülen Goodpasture Sendromu Olgusu

Rukiye Berkem, Şeyma Yavuz, Merve Özkan Ahmetoğlu, Başak İşbilen

EP-007

Multipl Myelomu Olan Sepsis Hastasında Kandan İzole Edilen *Lomentospora prolificans*; Vaka Sunumu

Emel Akbaş, Şükrü Öksüz, Emel Çalışkan, Birgül Öneç, Nilgün Karabıçak

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-008

Yabancı Cismin Eşlik Ettiği Lamellar Korneal Kesi Sonrası Gelişen *Curvularia* veya *Bipolaris*'in
Etken Olduğu Fungal Keratit Olgusu

Burcu Turalı Meral, Nuray Gündoğdu, Gözde Şahin Vural, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

EP-009

Revolutionizing Tick Species Identification: Harnessing Artificial Intelligence for Precision and
Speed

Prof. Dux, Cenk Serhan Ozverel, Fadi Al Turjman, Erdal Sanlidag, Ayse Seyer Cagatan, Ibrahim
Ame, Tamer Sanlidag

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SESLİ OLGULAR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-001

Bruton agamaglobulinemili bir hastada *Campylobacter jejuni* bakteriyemisi

Ayşe Betül Keleş¹, Mehmet Ali Tanrısever¹, Gözde Arslanca¹, Giulikhanım Yusufli¹, Sibel Yıldız Kaya², Fatma Köksal Çakırlar¹

¹İstanbul Üniversitesi-Cerrahpaşa, Cerrahpaşa Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İstanbul Üniversitesi-Cerrahpaşa, Cerrahpaşa Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: X'e bağlı agamaglobulinemi (XLA), genetik mutasyona bağlı olarak B hücreleri ve serum immünoglobulin oluşumunda eksiklik ile karakterize primer immün yetmezlik hastalığıdır. Bu hastalığın temel klinik bulgusu, özellikle kapsüllü bakterilerden kaynaklanan tekrarlayan enfeksiyonlardır. Bununla birlikte, *Campylobacter* türleri ile de spesifik bir ilişki saptanmıştır. *Campylobacter* spp. çiğ veya az pişmiş kümes hayvanlarının ve süt ürünlerinin tüketimi ile bulaşır ve ishalin yaygın bir nedenidir. İmmüsupresif hastalarda bakteriyemi gelişebilir. Mikroaerofil, ince ve kıvrık basil şeklinde, genellikle flagellaya sahip olup, katalaz ve oksidaz pozitif özellik gösterir. XLA hastaları kronik bağırsak taşıyıcıları haline gelebilir ve *Campylobacter* semptomları olmasa bile tekrarlayan bakteriyemi riski taşır. Bu çalışmada, kan kültüründe *Campylobacter jejuni* saptanan XLA hastası olgusunu sunuyoruz.

Gereç ve Yöntem: Acil polikliniğe ishal, yüksek ateş, baş ağrısı şikayetleriyle başvuran 19 yaşındaki erkek hastanın, 5 yaşında Bruton agamaglobulinemisi (XLA) tanısı aldığı ve aylık IVIG tedavisi ile takip edildiği öğrenildi. 5 gün önce günde 4-5 defa, koyu renkli, kan ve mukusun görülmediği ishalin, iki gün sonra ise ateş, eklem ağrısı ve baş ağrısı başladığı bildirildi. Hastanın acil polikliniğinde alınan kan kültürü, Rende otomatik kan kültürü sisteminde 3. günde pozitif sinyal verdi. Ancak Gram preparatında mikroorganizma saptanamadı. %5 koyun kanlı, MacConkey ve Çikolatamsı agara ekimi yapıldı, 37°C'de 48 saat inkübe edildi, ancak üreme görülmedi. Anaerob veya güç üreyen bir bakteri olabileceği düşünülerek, Schaedler agar besiyerlerine ekim yapıldı ve Thermo-Scientific AnaeroGen pack ve AGS CampyGen mikroaerofilik pack ile jarda 48 saat inkübe edildi. Bu süre sonunda üremesi oldu. Üreyen bakterinin katalaz ve oksidaz tepkimeleri pozitif. Kültür Gram boyamasında martı kanadı morfolojisinde Gram negatif çomaklar görüldü. Maldi-ToF MS ile *Campylobacter jejuni* olarak tanımlandı, EUCAST rehberine göre disk difüzyon yöntemiyle yapılan testte eritromisin duyarlı, tetrasiklin ve siprofloksasin dirençli bulundu. Parenteral meropenem tedavisi uygulanan hastanın kontrol kanında üreme olmaması üzerine Azitromisin 500mg 1*1 üç günlük tedavisi ile taburcu edildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

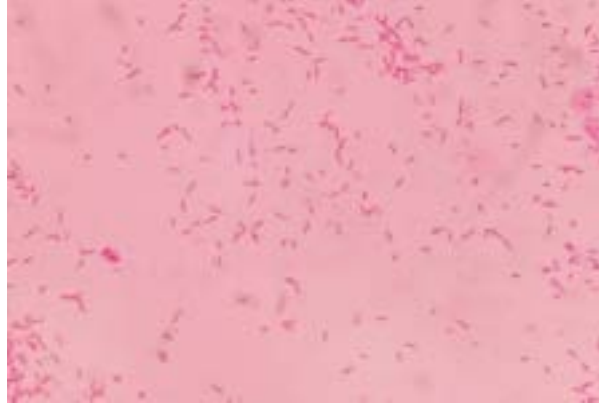
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kültür Gram boyamasında Gram negatif çomaklar



Kültür Gram boyamasında Gram negatif kıvrık çomak (Martı kanadı görünümü)

Bulgular ve Sonuç: Sistemik enfeksiyon belirti ve semptomları gösteren XLA hastaları gibi immun yetmezlik hastalarında *C. jejuni* bakteriyemisi düşünülmelidir. Tanı ve üretilmesindeki zorluklar nedeniyle akla getirilmeyen durumlarda gözden kaçabilmektedir. *Campylobacter* spp.'nin tür düzeyinde tanımlanması, antibiyotik duyarlılığının belirlenmesi, tedavinin yönlendirilmesi açısından kritik öneme sahiptir. Otomatize kan kültür sisteminde pozitif sinyal olduğu ancak rutin yöntemlerle mikroorganizmanın izole edilemediği durumlarda, özellikle immünsüprese hastalarda anaerobik ve mikroaerofilik kültür ortamlarının kullanılması önemlidir.

Anahtar Kelimeler: *Campylobacter jejuni*, Bakteriyemi, Bruton agamaglobulinemisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-002

Periton Diyalizi Hastasında Nadir Görülen Bir Patojen Olan *Pseudomonas stutzeri*'nin Neden Olduğu Peritonit Olgusu

Hülya Parimli¹, Sevinç Yenice Aktaş¹, İlhan Kılıç²

¹Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Tıp Fakültesi Nefroloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Pseudomonas stutzeri*; gram negatif basil şeklinde olup hareketli, floresans vermeyen, non-fermentatif bakteridir. Genellikle toprakta ve suda bulunur. Düşük virülanslı bir patojen olarak kabul edilmesine rağmen nadiren hastane ve toplum kaynaklı enfeksiyonlara sebep olabilmektedir. Bu olgumuzda *P.stutzeri*'nin neden olduğu bir peritonit olgusunu sunuyoruz.

Gereç ve Yöntem: Böbrek yetmezliği sebebiyle 2018 yılından itibaren periton diyalizi yapılan 42 yaşındaki erkek hasta, bir haftadır olan karın ağrısı şikayetiyle hastanemizin acil servisine başvurdu. Bilinen hipertansiyonu olan hastanın fizik muayenesinde genel durumu orta, tansiyonu 140/100 mmHg, nabız 90 /dakika bulunup ateş yüksekliği görülmedi. Karında yaygın hassasiyeti olup diğer sistem ve organ muayeneleri olağandı. Periton sıvısında bulanıklaşma görülmesi üzerine periton sıvısı kültürü gönderilip örnek aynı zamanda kan kültür şişesine (BacTAlert 3D, Fransa) ekildi. Tedavisi için intraperitoneal vankomisin ve sefepim başlandı. Laboratuvar tetkikleri ise; WBC 6,33×10³/μl (%71,3 PNL), Hb 6,4 g/dl, Hct 19,8, CRP 241 mg/dl, kreatinin 10.16 mg/dl, kan üre azotu 77 mg/dl, albümin 20.9 g/dl, kalsiyum 7.8 mg/dl, sodyum 128 mmol/l, serum/plazma fosforu 6.1 mg/dl, LDH 112 U/L dışında normal bulundu. Periton sıvısından yapılan hücre sayımı 1700 hücre/mm³ PNL olarak görülüp bakteri görülmedi. Yatışının üçüncü gününde CRP'sinde gerileme olmaması nedeniyle geçici juguler hemodiyaliz kateteri takıldı. Periton sıvısının sadece kan kültürü şişesine ekilen örneğinde 5. gün üreme olması üzerine yapılan direkt boyamasında gram negatif basil görüldü. Koyun kanlı agara (bioMérieux, Fransa) ekim yapıldı ve aerobik ortamda inkübasyona bırakıldı. Mevcut antibiyotik tedavisine oral siprofloksasin eklenen hastanın periton kateteri çekilerek kalıcı kateter takıldı. Besi yerinde 24 saat sonunda sarı, kuru, buruşuk koloniler görüldü. Katalaz ve oksidaz testi pozitif olup Vitek 2 (Biomerieux, Fransa) otomatize sisteminde *Pseudomonas stutzeri* olarak tanımlandı. Antimikrobiyal duyarlılık sonucu EUCAST v14.0 standartlarına göre disk difüzyon yöntemiyle de aynı şekilde yorumlandı (Tablo 1). Piperasilin/tazobaktam, seftazidim, sefepim, aztreonam, siprofloksasin, imipenem orta duyarlı, meropenem, amikasin duyarlı bulundu. Bunun üzerine mevcut antibiyotik tedavisi kesilip meropenem 1×500 gr başlandı. Tedavisi değiştikten sonra genel durumu düzelen hasta hemodiyaliz raporu ile taburcu edildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

ANTİMİKROBİYAL	MIK	YORUM
Piperasilin/tazobaktam	≤ 4	Orta duyarlı
Seftazidim	$\leq 0,5$	Orta duyarlı
Sefepim	$\leq 0,12$	Orta duyarlı
Aztreonam	≤ 1	Orta duyarlı
İmipenem	$\leq 0,25$	Orta duyarlı
Meropenem	$\leq 0,25$	Duyarlı
Amikasin	2	Duyarlı
Siprofloksasin	$\leq 0,06$	Orta duyarlı

Vitek 2 (Biomerieux, Fransa) otomatize sisteminin antimikrobiyal duyarlılık sonucu

Bulgular ve Sonuç: Peritonit olgularında tanı amacıyla kan kültür şişesine ekim yapılması, etken saptanmasında ve uygun tedavinin düzenlenmesinde yardımcı olacaktır.

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas stutzeri*, Peritonit, Diyaliz

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 003

Prematüre Bir Bebekte *Raoultella planticola* Menenjit: Olgu Sunumu

Giulkhanım Yusufli, Gözde Arslanca, Hrisi Bahar Tokman, Fatma Köksal Çakırlar

İstanbul Üniversitesi - Cerrahpaşa

Giriş ve Amaç: *Raoultella planticola*, Enterobacteriaceae ailesine ait oksidaz negatif, katalaz pozitif, hareketsiz, fakültatif anaerob bir gram-negatif bakteridir. Önceleri *Klebsiella planticola* olarak sınıflandırılmış olan bu bakteri, 16S rRNA ve rpoB sekanslamasına dayanarak *Raoultella* cinsine dahil edilmiştir. Toprak, su, bitki yüzeyleri ve çeşitli çevresel ortamlarda bulunabilir. Genellikle fırsatçı patojen olarak kabul edilir ve sağlıklı bireylerde nadiren enfeksiyona neden olur. Olgumuz bildiğimiz kadarıyla Türkiye'den bildirilen ilk *Raoultella planticola* menenjit olgusudur. Bu çalışmada *Raoultella planticola* gibi nadir enfeksiyon etkenlerinin tespit edilmesi ve tanınması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 32 yaşındaki annenin 27+5 gestasyon haftasında 1099 gr doğan hasta spontan solunumu zayıf olması üzerine sürfaktan verilerek entübe şekilde fakültemizin yenidoğan yoğun bakım ünitesine sevk edildi. Pnomotoraks, Patent duktus arteriosus öyküleri olan hastanın izleminde aralıklı oksijen ihtiyacı oldu, non-invaziv mekanik ventilasyon ile takip edildi. Postnatal 41 günlükken genel durum bozukluğu nedeniyle tetkik edilip akut faz reaktanları yüksek saptandı. Hastaya geç neonatal sepsis nedeniyle menenjit ön tanısıyla lomber ponksiyon yapıldı. Kan kültürleri alındı. Amikasin ve sefoperazon-sulbaktam tedavisi başlandı. Boş hücre sayımında mm³'te 10 lökosit saptandı. BOS gram boyalı mikroskopik incelemesinde gram negatif çomaklar görüldü. BOS kültürü %5 koyun kanlı agar, çikolatamsı agar, ve mac conkey agara ekilerek aerobik şartlarda 37 derecede inkübe edildi.

Bulgular ve Sonuç: 24-48 saatlik inkübasyon sonunda her üç besiyerinde üreyen 2-4 mm çapındaki beyaz koloniler saptandı. İdentifikasyon için VITEK® 2 Compact otomatize sistem kullanıldı. İzolat *Raoultella planticola* olarak tanımlandı. Antibiyotik duyarlılık testi için EUCAST 2024 yönergeleri izlenerek disk difüzyon yöntemi ve VITEK® 2 Compact otomatize sistemi kullanıldı. Amikasin, siprofloksasin, trimetoprim sülfametaksazol, sefoksitin, seftazidim, seftriakson, sefepim, ertapenem, meropenem, imipenem, amoksisilin klavulanik asit, piperasilin tazobaktam duyarlı, ampisillin dirençli olarak bulundu. Bir gün sonra kan kültüründe de *Raoultella planticola* üremesi saptandı. 4 gün Amikasin ve sefoperazon-sulbaktam alan hasta menenjit olarak değerlendirilip Meropenem tedavisine geçildi, antibiyoterapi 21 güne tamamlandı. Hastanın 3 gün sonraki kan ve bos kültürlerinde üreme olmadı. Sonuç olarak, *Raoultella planticola*'nın prematüre bebeklerde menenjit etkeni olabileceği bu olgu sunumuyla vurgulanmaktadır. Giderek artan *Raoultella* spp klinik ve patojenesinin öğrenilmesi için doğru ve zamanında tanımlanması önemlidir. *Raoultella* ve *Klebsiella* cinsi bakteriler fenotipik ve biyokimyasal olarak benzerlik gösterebilir, bu da karışıklığa neden olabilir. Ancak ileri laboratuvar yöntemleri kullanılarak bu iki cinsin doğru bir şekilde ayırt edilmesi mümkündür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Raoultella planticola koloni morfolojisi



Raoultella planticola antibiyotik duyarlılık sonuçları

Amikasin	Duyarlı
Siprofloksasin	Duyarlı
Trimetoprim Sülfametaksazol	Duyarlı
Sefoksitin	Duyarlı
Seftazidim	Duyarlı
Seftriakson	Duyarlı
Sefepim	Duyarlı
Ertapenem	Duyarlı
Meropenem	Duyarlı
İmipenem	Duyarlı
Amoksisillin Klavulanik asit	Duyarlı
Piperasilin Tazobaktam	Duyarlı
Ampisillin	Dirençli

Anahtar Kelimeler: *Raoultella planticola*, *Klebsiella*, Menenjit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 004

Edinsel İmmün Yetmezlik Sendromlu Bir Hastadan, "*Bartonella henselae*'nın" İzolasyonu ve Moleküler Tanımlaması

Meral Turan¹, Bekir Çelebi¹, İpek Kuzucuoğlu², Elmas Eminoğlu¹, Alparslan Cerit¹, Ayşe Çam¹, Yusuf Yılmaz¹, Ertuğrul Turan¹, Seniha Şenbayrak²

¹Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları Dairesi Başkanlığı Ulusal Yüksek Riskli Patojenler Referans Laboratuvarı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi İstanbul Haydarpaşa Numune Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Bartonella türleri insanlarda ve hayvanlarda hücre içi yerleşim gösteren Gram negatif bakterilerdir. "*Bartonella henselae*", insanlarda genellikle lenfadenopati ile karakterize kedi tırmığı hastalığına neden olmaktadır. İnsan gibi rastlantısal konaklardan izolasyonu genellikle zor ve uzun süre alır. Kedi tırmığı hastalığında genelde tanı anamnez, klinik ve patolojik bulgulara ve serolojik testlere dayanılarak konulmaktadır. Bu olgu sunumunda edinsel immün yetmezlik sendromu olan bir hastadan, ülkemizde ilk defa insandan "*B. henselae*'nın" izolasyonu ve moleküler olarak tanımlanması ele alınmıştır.

Gereç ve Yöntem: HIV pozitifliğine bağlı edinsel immün yetmezlik sendromu tanısı almış, 25 yaşında kadın hasta 4 gündür süren 40°C ateş, üşüme, titreme, ve sol kasıkta ağrılı şişlik ile acil servise başvurdu. Batın USG, batın BT, kontrastlı MRI sonuçlarında generalize lenfadenopati, hepatosplenomegali gözlemlendi. Laboratuvar tetkiklerinde, beyaz küre:5930/μL, lenfosit:2250/μL, hemoglobin:9.1g/dL, CRP:65mg/dL, AST:38U/L, ALT:36 IU/L, prokalsitonin:0.73, sedimentasyon:51mm/saat idi. Kedi tırmalaması öyküsüne dayanılarak bartonellozis şüphesi üzerine referans merkeze serum ve lenf biyopsi örneği gönderildi. Bartonellozise yönelik mikrobiyolojik tanıda kültür, serolojik ve moleküler yöntemler kullanıldı. Lenf biyopsi örneğinden %5 koyun kanlı BHI agara ekimler yapıldı, ayrıca ssrA gen bölgesini hedefleyen Real-time PCR (in-house) çalışıldı. Üremiş *Bartonella* kolonilerinden *Bartonella* ssrA konvansiyonel PCR uygulandı. PCR pozitif amplifikasyon ürünlerinin Sanger sekans yöntemi ile ssrA gen bölgesi DNA dizisi elde edildi.

Bulgular ve Sonuç: Hastanın birinci serum örneğinde *B. henselae* IgG IFA testi 1/128 titrede pozitif belirlenirken iki hafta sonra 1/512 titrede pozitiflik saptandı. Lenf biyopsi örneğinin Real-time PCR testinde pozitiflik gözlemlendi (Resim 1). Kültürde 7.günde gözlenen karnabahar görünümündeki muhtemel Bartonella kolonilerinin (Resim-2) PCR sonuçları pozitif. SsrA bölgesi 301 bp DNA sekansı Genbank verileri ile karşılaştırıldığında birçok "*B. henselae*" DNA sekansları ile %100 identik olduğu gözlenirken, en yakın diğer *Bartonella* türü "*Bartonella harusii*" %94 benzerlik gözlemlendi. Filogenetik analizde de "*B. henselae*" suşları ile aynı cluster içinde yer aldığı belirlendi (Resim 3). Kedi tırmığı hastalığının HIV pozitif bireylerde sıklıkla gözlemlendiğine yönelik birçok uluslararası bildirim bulunmaktadır. Bu olgu sunumunda ülkemizde ilk defa

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

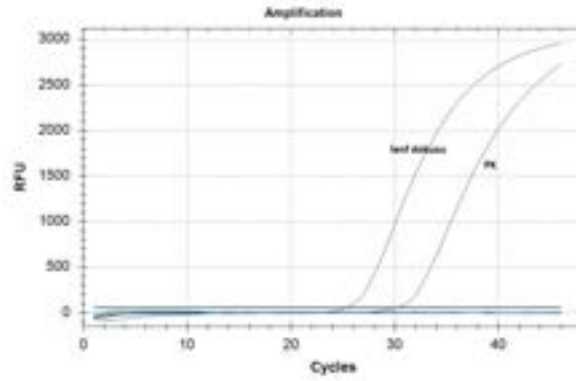
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



HIV pozitif bir bireyde, mikrobiyolojik yöntemlerle teyit edilmiş kedi tırmığı hastalığı vakası bildirilmektedir.

Bartonella Real-Time PCR Çalışması



BHI Agarda Üremiş *Bartonella henselae* İstanbul Suşunun 10.Günde Koloni Görüntüsü



HIV pozitif hasta örneğinden izole edilmiş *Bartonella henselae* İstanbul suşunun referans *Bartonella* türlerine göre konumunu vurgulayan ssrA gen bölgesinin temel alındığı filogenetik ağaç

13-17 Kasım
2024

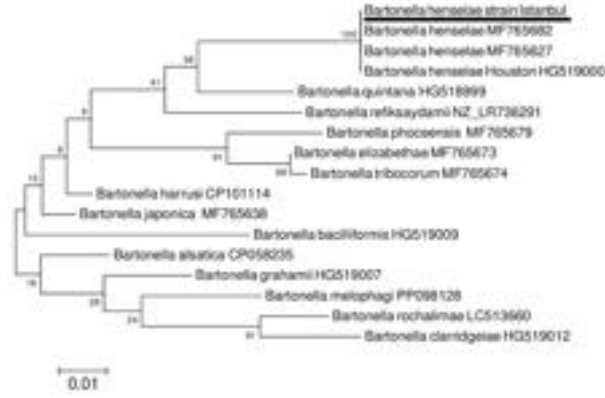
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Diziler ClustalW kullanılarak hizalanmıştır. Filogenetik ağaç, MEGA yazılımı sürüm 7.0 içinde Maximum Likelihood yöntemi ve Kimura 2-parametresi kullanılarak çıkarılmıştır.

Anahtar Kelimeler: "*Bartonella*" "Kedi tırmığı"

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 005

Akut EBV Enfeksiyonuna Bağlı Beklenmedik Serolojik Profilin Yorumlanması, Bir Vaka Örneği

Sevinç Yenice Aktaş¹, Cihan Yüksel²

¹Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: EBV enfeksiyonlarında serolojik testlerde beklenmedik sonuçlar gözlenmektedir. Bu vaka örneği ile birden fazla etkene yönelik pozitif sonuçların nasıl yorumlanacağı tartışılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hipertansiyon, diyabetes mellitus, kronik böbrek hastalığı, lenfoma ve siroz tanıları olan 78 yaşındaki erkek hasta senkop ile acile getirildi. Geçici pacemaker takılan hasta ABY bulgularıyla dahiliye yoğun bakıma devredildi. İstenen serolojisinde HBsAg reaktif, Anti HBs non-reaktif, Anti HBc Total reaktif, Anti HBc Ig M reaktif, HBeAg reaktif, Anti HBe non-reaktif, AntiHIV ve AntiHCV non-reaktif bulunmuştur. CRP 144mg/L, ALT:131, AST:225 sonuçları ile enfeksiyon hastalıkları konsültasyonu istenmiş ve enfeksiyon hastalıkları tarafından istenen EBV VCA IgM reaktif, EBV EBNA IgG nonreaktif ve heterofil antikor nonreaktif, Anti CMV IgM ve IgG reaktif, Anti HAV IgM non-reaktif, Anti HAV IgG reaktif, Anti Toxo IgM ve IgG non-reaktif ve Rubella IgM ve IgG reaktif olarak bulundu. Takibinde istenen HBV PCR (5918000IU/ml) pozitif ve EBV PCR (105 kopya/ml) pozitif, CMV PCR negatif olarak bulundu. Bu sonuçlar hastada Kronik hepatit B'nin akut alevlenmesini ve beraberinde EBV enfeksiyonunu düşündürdü. Hasta yatışının yedinci gününde kardiyak arrest sebebiyle kaybedildi.

Bulgular ve Sonuç: Literatürde EBV'ye bağlı kronik HBV alevlenmesi olgusu bildirilmiştir. Ancak bu hastanın öyküsünde veya takiplerinde ateş yüksekliğinin olmaması, entübe takip edilmesi sebebiyle orofaringeal veya posterior servikal bölge muayenelerinin optimal değerlendirilememiş olması, vücudunda belirgin döküntü saptanmaması, abdomen ultrasonografisinde hepato/splenomegalinin bulunmaması, hafif-orta düzey karaciğer fonksiyon testleri yüksekliğini açıklayabilecek başka sebebin bulunması (HBV reaktivasyonu), EBV DNA kopya sayısının düşük düzeyde saptanmış olması gibi tüm bu durumların varlığı; hastanın klinik olarak EBV enfeksiyonu tanısı almasını zorlaştırmaktadır. Geçmişte rituksimab kullanım öyküsü olan ve profilaktik antiviral tedavisine uyum sağlamadığı görülen hastada HBV reaktivasyonunun buna bağlı olabileceği de düşünüldü. İleri yaşta, immünyetmezliği ve komorbiditeleri olan hastaların serolojik testlerinde yorumlanması zor sonuçlar görülebilir. Bu durumlarda klinisyen laboratuvar işbirliği ve ilave olarak moleküler testler gerekir. Serolojik testlerin seçiminde ayırıcı tanı için yardımcı olmayacak istemlerin yapılmasından kaçınılmalıdır.

Anahtar Kelimeler: Seroloji, HBV, EBV

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 006

Erken Tanı ve Tedavi Hayat Kurtarır! Nadir Görülen Goodpasture Sendromu Olgusu

Rukiye Berkem¹, Şeyma Yavuz¹, Merve Özkan Ahmetoğlu¹, Başak İşbilen²

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara, Türkiye

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Nefroloji Kliniği, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Goodpasture sendromu (GS), anti-glomerüler bazal membran hastalığı (anti-GBM hastalığı) pulmoner-renal sendrom ile karakterize nadir otoimmün bir hastalıktır. Hastaların %90'ı hızla ilerleyen glomerulonefritin klinik özellikleriyle, %25-%60'ı ise eş zamanlı alveoler hemoraji bulgularıyla başvurur. Halsizlik, kilo kaybı, ateş, eklem ağrısı gibi sistemik şikayetlerin ve belirtilerin birkaç haftadan daha uzun sürmesi, anti-GBM ve anti-miyeloperoksidaz (MPO-ANCA)'ın birlikte pozitif ve eş zamanlı vaskülit olduğunu düşündürür, bu tablo daha az oranda görülür. Tanı pulmoner hemoraji ile birlikte hızlı ilerleyici glomerulonefrit kliniği ve anti-GBM antikor varlığı ve/veya tipik renal biyopsi bulguları ile konur. Erken tanı ve tedavi, tedaviye yanıtın ve uzun vadeli prognozun temel belirleyicileridir. Erken tanı ve tedavinin planlanabilmesi için tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarları bu testleri acil testler kapsamında çalışmalı ve kantitatif sonuçlar verebilmelidir. Tedavide; pulse metilprednizolon, siklofosamid ve plazmaferez kullanılır. Anti-GBM antikor düzeyleri, iki ardışık durumda tespit edilemeyece kadar ilk altı hafta boyunca haftalık izlenmelidir. Bu çalışmada nadir görülen, erken tanı ve tedaviyle iyileşen Goodpasture sendromu olgusunu sunduk.

Gereç ve Yöntem: Hasta verilerine hastane bilgi yönetim sisteminden ulaşıldı. Anti-GBM, MPO ve PR3 antikorları; IDS (Immunodiagnosticssystem) cihazında Chemiluminescent Immunoassay (ChLIA) yöntemiyle, anti-GBM ayrıca Indirect Immunofluorescence (IIF) yöntemiyle (Euroimmun, Germany) çalışıldı.

Bulgular ve Sonuç: COVID sonrası geçmeyen öksürük, nefes darlığı şikayetleri ile takip edilen 48 yaşında kadın hasta; böbrek fonksiyon testleri (BFT)'nin normal olmaması nedeniyle hastanemize yönlendirilmiştir. Nefroloji polikliniğine başvuran hastanın yatışı yapılmıştır. Fizik muayenesinde akciğer sağ orta zonlarda ve bazallerde raller saptanan hastadan istenen; anti-GBM 289 AU/mL (<40 AU/mL) ve MPO 43.7 AU/mL (10-20 AU/mL) pozitif; PR3 0.0 AU/mL (20-25 AU/mL) ise negatif saptandı. Anti-GBM sonucu IIF yöntemi ile (1/32-1/100 titrede pozitif) (<1/10 titre) doğrulandı (Şekil 1). Goodpasture sendromu tanısıyla; hastaya eş zamanlı pulse steroid, siklofosamid ve plazmaferez tedavisi başlandı. Anti-GBM düzeyleri ChLIA yöntemiyle kantitatif olarak haftalık izlendi. Tedavinin birinci haftasından itibaren anti-GBM sonuçları negatif (31.1; 10.9) saptandı. Hastanın sağ böbrek biyopsi patolojisi anti-GBM hastalığı (Kresentrik glomerulonefrit) olarak tanımlandı. Tedavilerle BFT'leri düzelen ve plazmaferez tedavisi tamamlanan hasta önerilerle taburcu edildi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

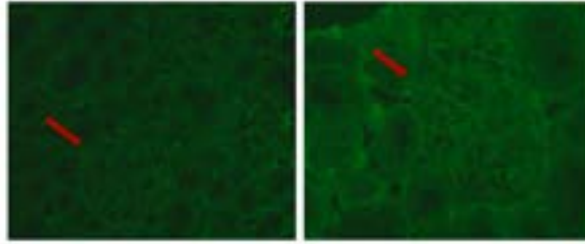
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anti-GBM hastalığında erken tanı ve tedavi, organ ve hasta sağ kalımı için kritik öneme sahiptir. Hem tanı hem de tedavi takibinde kullanılan antikorlar yüksek duyarlılığa ve özgüllüğe sahip serolojik yöntemlerle acil testler kapsamında çalışılmalıdır.

Şekil 1. Anti GBM Antikor IIF Görüntüsü



IIF Maymun böbrek dokusu (X20) / IIF Maymun böbrek dokusu (X40)

Anahtar Kelimeler: Anti GBM antikor, Goodpasture sendromu, Vaskülit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 007

Multipl Myelomu Olan Sepsis Hastasında Kandan İzole Edilen *Lomentospora prolificans*; Vaka Sunumu

Emel AKBAŞ¹, Şükrü ÖKSÜZ¹, Emel Çalışkan¹, Birgül ÖNEÇ², Nilgün KARABIÇAK³

¹Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hematoloji Anabilim Dalı

³Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Ulusal Mikoloji Referans Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Eskiden *Scedosporium prolificans* olarak bilinen *Lomentospora prolificans* (*L. prolificans*) Malloch ve Salkin tarafından ilk olarak 1984 yılında insanlarda hastalığa neden olan bir patojen olarak bildirilmiştir. *Lomentospora* enfeksiyonlarının, transplant alıcılarındaki tüm *Aspergillus* dışı mantar enfeksiyonlarının %25'inden sorumlu olduğu bulunmuştur. *L. prolificans* enfekte kişinin bağışıklık durumuna bağlı olarak lokalize enfeksiyondan ciddi invaziv enfeksiyonlara kadar geniş bir klinik yelpaze gösteren, mortalitesi yüksek bir patojendir. Solid organ nakli, hemotopoetik kök hücre nakli ve hematolojik maligniteleri olan immun suprese hastalar invaziv *L. prolificans* enfeksiyonu gelişmesi açısından özellikle risk altındadır. *L. prolificans* izolatları genellikle mevcut tüm antifungal ajanlara karşı yüksek minimum inhibitör konsantrasyonları (MİK) değerlerine sahip olduğundan, invaziv enfeksiyonların tedavisi oldukça zordur ve yüksek mortalite ile seyretmektedir.

Gereç ve Yöntem: OLGU: Non-sekretuar multipl myelom tanılı 74 yaşında erkek hasta, 2016 yılındaki ilk tanısından sonra dokuz sıra kombine kemoterapi alması ve iki kez otolog kök hücre nakli yapılmasına rağmen relaps-refrakter hastalık nedeni ile izlenmekte idi. Hastada ateş gelişmesi ve sekresyonların artması, hırıltılı solunum eklenmesi ile kan kültürü ve derin trakeal aspirat örnekleri alındı. Eski geçirilmiş enfeksiyon nedeniyle vorikonazol tedavisi profilaksisi devam etmekte olan hastada kültür sonuçlarının çıkması planlandı. Hasta progrese olan nörolojik bulgular ve solunum yetmezliği ile exite oldu. Hastanın exite olmasından sonra alınmış olan kan kültüründe *L. prolificans* üremesi olduğu görüldü.

Bulgular ve Sonuç: Laboratuvara gönderilen hastaya ait sinyal veren kan kültürü örneğinden yapılan Gram boyamada hif yapıları görüldü (Şekil 1). %5 Kanlı, Çikolata, EMB ve Sabourad Dextroze agara ekimi yapılarak 48 saat 37 oC'de inkübe edildi. Değerlendirmede bütün besiyerlerinde saf olarak küf mantarı üremesi olduğu görüldü (Şekil 2). Koloni ön yüz ve arka yüz morfolojisi, konvansiyonel yöntemlerle incelenerek köken *Lomentospora (Scedosporium) prolificans* tanımlandı. Gönderilen derin trakeal aspirat örneğinde rutin ekimleri yapılarak değerlendirilmede aynı küf mantarının yoğun ve saf olarak ürediği tespit edildi. İzolatlar, doğrulanma ve antifungal duyarlılıklarının saptanması amacıyla Ulusal Mikoloji Referans Laboratuvarı'na gönderildi. Burada kültürde üretilen küf kolonisi MALDI-TOF Microflex LT/SH Smart MS (Bruker Daltonics-Almanya) cihazı ile *L. prolificans* olarak tanımlandı. Kökenin amfoterisin B, itraconazol, vorikonazol, posakonazol ve anidilofungine duyarlılıkları mikrodilüsyon yöntemi ile çalışıldı. MIC (Minimum inhibitör konsantrasyon) değerleri Clinical and Laboratory Standards Institute; (CLSI) göre belirlendi (Tablo 1).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

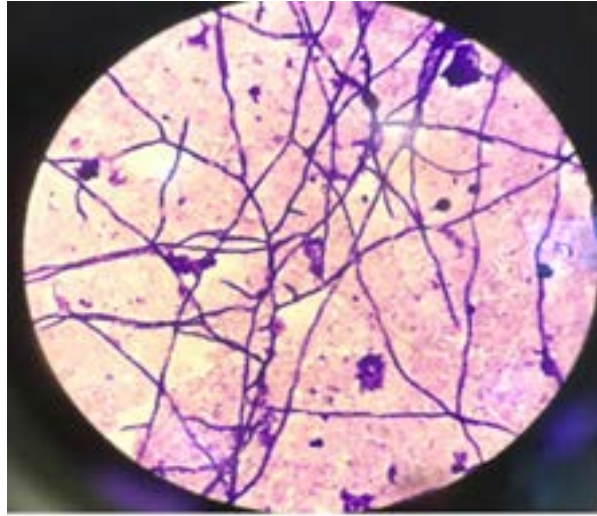
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

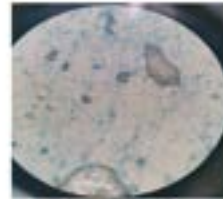
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Kan kültür şişesinden yapılan direk mikroskopi incelemesinde hif görüntüsü



Şekil 2. SDA besiyerinde küf mantarı ve Laktofenol pamuk mavisi ile inceleme



Tablo 1. *L. prolificans* için saptanan antifungal MIC değerleri.

Antifungal	MIC
Posaconazole	4
Itraconazole	8
Anidulofungin	2
Amphotericin B	32
Voriconazole	4

Anahtar Kelimeler: *Lomentaspora prolificans*, *Scedosporium prolificans*, hematolojik malignite

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 008

Yabancı Cismin Eşlik Ettiği Lamellar Korneal Kesi Sonrası Gelişen *Curvularia* veya *Bipolaris*'in Etken Olduğu Fungal Keratit Olgusu

Burcu Turalı Meral¹, Nuray Gündoğdu³, Gözde Şahin Vural², Tuğba Kula Atik¹, Aslı Gamze Şener¹

¹Balıkesir Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD.

²Balıkesir Üniversitesi Tıp Fakültesi Göz Hastalıkları AD.

³İzmir Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Mikrobiyoloji AD.

Giriş ve Amaç: Keratit, korneanın enfeksiyonu sonucu oluşan ve genellikle ağrı, kızarıklık, görme kaybı gibi belirtilerle seyreden bir göz hastalığıdır. Fungal keratit, daha az yaygın olmakla birlikte, ciddi görme kaybına yol açabilecek bir durumdur. Bu olgu sunumunda, bir hastada göz travması sonrası gelişen ve başlangıçta *Curvularia hawaiiensis* olarak değerlendirilen ancak *Bipolaris australiensis* olasılığının da bulunduğu bir fungal keratit vakası ele alınmıştır. Mikroskopik ve makroskopik bulgular her iki tür ile de uyumlu olduğundan, kesin tanımlama için moleküler analiz gerekmektedir.

Gereç ve Yöntem: Temmuz ayında motorsiklet kullanırken, sol gözüne toprak kaçması sonrası sol gözde batma ve yanma şikayetleri ile dış merkeze başvuran, tobrased tedavisi verilen 29 yaşındaki erkek hasta şikayetlerinin devam etmesi üzerine iki gün sonra merkezimize başvurdu. Yapılan göz muayenesinde sol göz kornea inferior parasantralde derin yerleşimli kornea endoteline temas eden yabancı cisim ve yabancı cismin superiorotemporalinde lamellar korneal kesi saptandı. Yabancı cisim ameliyathane koşullarında çıkarıldı ve hastanın göz hastalıkları servisine yatırışı yapıldı. Hastanın gözünden alınan kornea kazıntısı örneği, hasta başında glukonatlı buyyona alındı ve laboratuara gönderildi. Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen numune 6-8 saat etüvde zenginleştirme sonrası SDA, %5 koyun kanlı agar ,EMB agar ve çikolatamsı agara ekildi ve inkübasyona bırakıldı. SDA 'daki koloni görünümü makroskopik olarak değerlendirildi. Laktofenol pamuk mavisini ile boyanan koloniler mikroskopik olarak incelendi.

Bulgular ve Sonuç: Plaklar 25°C ve 37°C'de 3 gün inkübe edildi. Bu süre sonunda koyu gri-kahverengi-yeşil renkli, yünsü görünümlü koloniler saptandı. Kolonilerden selofan bantla alınan örnekler laktofenol pamuk mavisini ile boyanarak mikroskopta incelendi ve distoseptalı, klavat konidyumlar görülmesi *Bipolaris* veya *Curvularia* türü bir etken olabileceğini düşündürdü. Bu benzerlik nedeniyle kesin tanımlama için moleküler analiz yapılmak üzere örnek, laboratuvara gönderilmiş olup, sonuçlar beklenmektedir. Hastaya, antifungal tedavi olarak intrastromal amfoterisin B ve vorikonazol başlandı , lezyonlarda gerileme gözlemlendi. Takip muayenelerinde, hastanın görme keskinliğinin arttığı ve klinik iyileşme kaydedildi. *Curvularia hawaiiensis* ve *Bipolaris australiensis*, Pleosporaceae familyasına ait pigmentli mantar türleri olup, özellikle bağışıklığı baskılanmış bireylerde fırsatçı enfeksiyonlara ve travma sonrası keratite neden olabilirler. Bu olgu tedaviye cevap vermeyen keratit olgularında fungal etkenlerin enfeksiyonun kaynağı olabileceğinin akılda tutulması, klinik-laboratuvar işbirliği ile tanı ve tedavi sürecinin hızlanmasının önemini vurgulamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

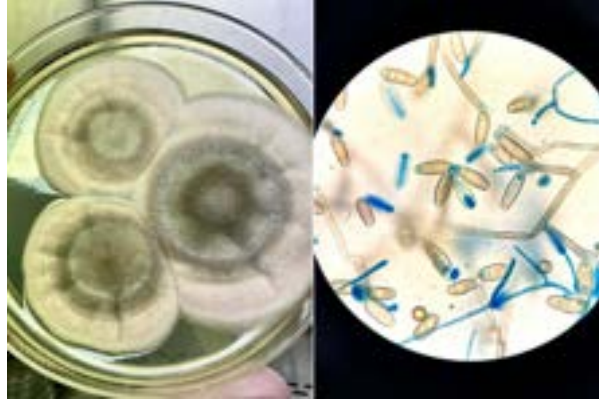
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Küf kolonilerinin SDA besiyerindeki üstten (solda) ve alttan (sağda) görüntüsü



Hastanın tedaviden önceki (solda) ve sonraki (sağda) göz görüntüleri



Anahtar Kelimeler: Fungal keratit, *Curvularia* spp, *Bipolaris* spp

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 009

Revolutionizing Tick Species Identification: Harnessing Artificial Intelligence for Precision and Speed

Prof. Dux¹, Cenk Serhan Ozverel², Fadi Al Turjman¹, Erdal Sanlidag², Ayse Seyer Cagatan³, Ibrahim Ame¹, Tamer Sanlidag²

¹Research Center for Science, Technology and Engineering (BILTEM), Near East University, Nicosia, Cyprus; Artificial Intelligence Engineering Department, AI and Robotics Institute, Near East University, Nicosia, Cyprus

²Near East University, DESAM Research Institute, Nicosia, Cyprus

³Cyprus International University, Faculty of Medicine, Department of Microbiology, Nicosia, Cyprus

Introduction and purpose: Vector-borne diseases are on the rise globally, making accurate identification of vectors essential for managing disease risks. Ticks from the *Hyalomma* and *Rhipicephalus* genera transmit various pathogens, posing significant health risks to humans and animals. This study aimed to use artificial intelligence-based algorithms to identify *Hyalomma* and *Rhipicephalus* ticks with high precision and accuracy.

Materials and Methods: The data were collected in the form of images of 35 *Hyalomma* and *Rhipicephalus* ticks, collected from Cyprus, were obtained in the laboratory following species and gender identification by entomologists. A total number of 19,345 images were taken from different angles of each single tick specie. On top of this, 6000 images of spiders and non-tick images were obtained from web databases and were used as a control group. Three architectures were used to create models that had high accuracies; these are VGG16, ResNet50 and a custom CNN. The images from the dataset collected were used to train these different architectures to produce models that could rival other studies in terms of accuracies and speed of prediction. On top of the bare models, a web interface was built to interact with them to be able to make predictions and review them. The interface was designed in a user-friendly manner making it usable for everyone without requiring any expertise (Figure 1).

Figure 1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Web application interface.

Findings and Conclusion: The confusion matrices revealed that, VGG 16 model obtained 3924 correct and 23 wrong answers whereas the ResNet50 model obtained 3817 correct and 130 wrong answers. Finally, the CNN model obtained 3749 right and 198 wrong answers. Out of the three models tested, VGG16 was found to have the highest accuracy at 99.57%, then followed by the ResNet50 model at 98.98% (Table 1). The lowest accuracy was obtained by the CNN model with a rate of 95.71%. Data indicated that the VGG16 model is the most suitable model for identifying tick species. The aforementioned model produced less error rate and could easily differentiate tick images from non-tick images. In conclusion, this study developed a more accurate, faster, cost-effective, and user-friendly tool for distinguishing between two tick species, simplifying identification without specialized expertise.

Table 1

Model	Accuracy (%)	Reference
VGG16	99.57	This Study
ResNet50	98.98	This Study
Custom CNN	95.71	This Study
Random Forest (RF)	97.00	Pérez-Otáñez et al., 2024
ResNet-50, Custom-Built	80.00	Omodior et al., 2021
TickIDNet (CNN)	87.80	Justen et al., 2021
CNN Model	92.00	Akbarian et al., 2020

Model Accuracy Comparisons Across Different Studies

Keywords: Ticks, Artificial Intelligence, Vector-borne diseases

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



SESLİ E-POSTER LİSTESİ

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Sesli E-Posterler

EP-010

Tigesiklin ve Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Yeni, Hızlı ve Kolay Bir Test
Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu, **Ekin Kırbaş**, Özgen Eser, Banu Sancak

EP-011

Oxa-48 Pozitif *Klebsiella pneumoniae* Suşlarında Seftazidim/Avibaktam Duyarlılığının Disk
Difüzyon Ve Gradient Testi Yöntemleri Kullanılarak Doğrudan Kan Kltrlerinden Hızlı
Antimikrobiyal Duyarlılık Testi (Hadt) Yöntemi İle Değerlendirilmesi
Gizem Ekiz, Mervenur Demir, Gülşen Hazırolan

EP-012

Bağışıklığı Baskılanmış Hastada *C. septicum*'a Bağlı Gelişen Fatal Nontravmatik Miyonekrozis
Olgus
Abdurrahman Ersoy, Mervenur Demir, Selman Kesici, Şule Ünal, Yasemin Özşürekçi, Gülşen
Hazırolan

EP-013

Bir Üniversite Hastanesinde İzole Edilmiş *Salmonella* Suşlarının, Serogrup Dağılımının ve
Antimikrobiyal Direnç Durumunun Araştırılması
Murat Telli, Ayşe Çoban Acar

EP-014

Kan Örneklerinden İzole Edilen Meropenem Duyarlı ve Dirençli *Bacteroides fragilis* İzolatlarının
Karşılaştırmalı Metabolik Analizi
Şeyma Nigiz, Ceren Özkul Koçak, Engin Koçak, Sevilay Erdoğan Kablan, Emirhan Nemutlu,
Gülşen Hazırolan

EP-015

Lökositli Dışkı Örneklerinin Multipleks PCR ve Kltr İle Değerlendirilmesi
Şeyda Vural, Ayşe Noyan Satır, Candan Çiçek, Sabire Şöhret Aydemir

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-016

Hekimlerin Antimikrobiyal Direnç Hakkında Bilgi, Tutum Ve Davranışı, Hastane Ortamında Bir Çalışma

Abdurrahman Gülmez, Gül Ergör

EP-017

Oxa-347 Pozitif İmipenem Dirençli *Bacteroides fragilis* Kan İzolatı

Mervenur Demir, Jozsef Soki, Bakhtiyar Mahmood, Abdurrahman Ersoy, Gülşen Hazirolan

EP-018

Escherichia coli, *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* Suşlarında İn Vitro

Seftazidim- Avibaktam Duyarlılığı

Salim Yakut, **Arjen Ulaba**, Ayşegül Alataş Eroğlu, Sümeyye Özel, Firdevs Ronayi Ayçiçek Köse, Fadile Yıldız Zeyrek

EP-019

Hastanemizde Saptanan Karbapenem Dirençli {Enterobacteriaceae} ve Vankomisine Dirençli Enterokok Kökenlerinin İncelenmesi

Özcan Sarbat, Egemen Bolat, Feriha Çilli, Şöhret Aydemir

EP-020

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi 2023-2024 Lyme Tanı Testleri Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Saliha Kazcı, **Esra Sert**, Alparslan Toyran, Bedia Dinç

EP-021

Bir Onkoloji Hastanesine Başvuran Kadın Hastalarda Yüksek Riskli HPV Genotipleri Ve Patoloji ile İlişkisi

Ayşe Semra Güreser, **Özge Nur Arıcasoy**, Neşe İnan, İpek Mumcuoğlu, Serap Süzük Yıldız, Ayla Yenigün, Funda Atalay, Gülay Bilir Dilek, Tuba Dal

EP-022

Hepatit C Virus RNA Kantitasyonunda Diard-HCV Rt Qpcr Kiti ile Artus HCV PCR Kitinin Karşılaştırılması

Ülker Çuhacı, Bengül Durmaz, Hande Toptan, Mehmet Köroğlu, Rıza Durmaz

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-023

Shotgun Metagenomics On Air: Surveillance of Viral Pathogens in a Daycare Centre and Indoor Air Virome

Mustafa Karataş, Caspar Geenen, Els Keyaerts, Emmanuel Andre, Jelle Matthijnsens

EP-024

Fotoaktivatör Olarak Metilen Mavisi Kullanılan Kırmızı Led Işık Uygulamasının Antifungal Etkinliğinin İn Vitro Koşullarda Gösterilmesi

Sidre Erganiş, Yavuz Kemal Arıbaş, Kamil Bilgihan, Ayşe Kalkancı

EP-025

Maldi-Tof/Ms Yöntemi ile *Malassezia furfur* Tanımlanmasında Farklı Besiyerlerinin Kullanılması
Çağrı Ergin, **Gözde Gülcen Ünal**, Tuğrul Hoşbul, İlknur Kaleli

EP-026

{*Candida glabrata* (*Nakaseomyces glabrata*)} Dediklerimiz Acaba {*Candida auris*} mi?
Ayşe Nedret Koç, **Ebru Başalan Sakallı**, Mustafa Altay Atalay

EP-027

Sarayköy Umut Termal Pleidoterapi Havuzunun Mikrobiyota ve Mineralojik Özelliklerinin Değerlendirilmesi

Gülün Fındıkoğlu Ergin, Barış Semiz, Caner Vural, Aycan Gündoğdu, **Çağrı Ergin**

EP-028

Mycobacterium tuberculosis Suşlarında Gyra Mutasyonlarının Tespitinde Kullanılacak Qpcr Testinin Tasarımı

Oğuz Arı, Rıza Durmaz, Ahmet Arslantürk, Sedat Vezir

EP-029

Çok İlaça Dirençli *M. tuberculosis* İzolatlarındaki Rifampisin Ve İzonyazid Direnç Bölgelerinin Genotype Mtbdplus Testi İle Saptanması

Nilay Uçarman, Alper Sarıbaş, Derya Altun, Ekrem Sağtaş, **Ahmet Arslantürk**

EP-030

Draft Genome Sequences of Two *Mycobacterium kansasii* Isolates From Human Pulmonary Infections In Türkiye

Hakan Farzin Mehmetzade, Süleyman Yalçın, Ahmet Arslantürk

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-031

Hızlı Sepsityper® Kiti İle Hızlı Tanımlama ve Eucast Hadıt Kullanılarak Kan Kültürü Şişelerinden Doğrudan Sepsis Etkenlerinin Belirlenmesi

Canberk Çınar, Yeliz Tanrıverdi Çaycı, İlknur Bıyık, Ayşegül Çolak, Asuman Birinci

EP-032

Pseudomonas mosselii ile Kontamine Dezenfektan Solüsyonu

Özlem Aydemir, Sema Çetin, Ertuğrul Güçlü, Mehmet Köroğlu, Aslı Vatan

EP-033

Çevresel Örneklerden *{Salmonella}* Enteritidis Fajlarının İzolasyonu ve Karakterizasyonu

İrem Nur Uşaklı, **Ebru Torun**, İnci Başak Müştak, Hamit Kaan Müştak

EP-034

Yeni Bir Antimikrobiyal Olan Lefamulinin Klinik *{Streptococcus pneumoniae}* ve Metisilin Dirençli *{Staphylococcus aureus}* İzolatları Üzerine Etkinliğinin İncelenmesi

Duygun Şahin, **Ayşegül Ateş**, Melike Yaşar Duman, Şafak Ermertcan

EP-035

Gözden Kaçan Dirençli Patojen *{Stenotrophomonas maltophilia}*: Antimikrobiyal Direnç, Virülans Özellikleri, Biyofilm Yapımı ve Alternatif Tedavi Ajanları

Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu, Öznur Gürpınar Tosun, Merve Gürler, Zeynep Ceren Karahan, Özgen Eser

EP-036

Karbapenem Dirençli *{K. pneumoniae}* İzolatlarında Karbapenemaz Varlığının Fenotipik ve Genotipik Yöntemlerle Araştırılması

Serpil Genç, Ayten Nur Uzun, Hilal Ak Tanrıverdi

EP-037

Dental Hasta Protezlerinde *Helicobacter pylori* Varlığı ve Protez Materyallerinde Biyofilm Oluşumunun İncelenmesi

Aykut Kurt, **Cihan Yeşiloğlu**, Betigül Öngen

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



SESLİ E-POSTERLER

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 010

Tigesiklin ve Kolistin Duyarlılığının Belirlenmesinde Yeni, Hızlı ve Kolay Bir Test

Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu¹, Ekin Kırbaş², Özgen Eser¹, Banu Sancak¹

¹Hacettepe Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

²Erciş Şehit Rıdvan Çevik Devlet Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Van

Giriş ve Amaç: Çoklu ilaç direncine sahip Enterobacterales'in önemli mortalite ve morbidite sebeplerinden biri haline geldiği günümüzde, son seçenek antibiyotiklerin minimum inhibitör konsantrasyon(MİK) değerlerini belirlemek önemlidir. Sıvı mikrodilüsyon (SMD) yöntemi, tedavide son seçenek ilaçlardan olan tigesiklin ve kolistine karşı in vitro duyarlılığı test etmek için kullanılan altın standart yöntemdir. Ancak emek yoğun ve zaman alıcı olduğundan bu yöntemin klinik laboratuvarın rutin iş akışı içinde uygulanması pratik değildir. Bu çalışmanın amacı tigesiklin ve kolistin MİK değerlerini belirlemek için sıvı disk elüsyon yöntemine dayalı basit ve hızlı bir yöntem geliştirmektir.

Gereç ve Yöntem: CLSI (M100-ED33-Tablo3D) kılavuzunun önerileri doğrultusunda, kolistin(10µg) ve tigesiklin(15µg) diskleri, katyon ayarlı Mueller Hinton sıvı besiyeri (KAMHB) içeren tüplere eklenerek beş farklı konsantrasyon (1,2,4,8 ve 16µg/mL) elde edildi. Tüpler, antibiyotiklerin disklerden besiyerine yayılması amacıyla oda sıcaklığında 45 dakika boyunca inkübe edildi(Şekil 1). Daha sonra iki farklı yaklaşım uygulandı: i) Her tüpten 50µl numune, bir mikropiğin (A) her sırasının ilk beş kuyucuğuna sırayla aktarıldı; ii) 16µg/mL ilaç içeren tüpten ilk kuyucuklara 100µl numune aktarıldı ve seri seyreltme yapıldı (B)(Şekil2). Her iki mikropiaktan resazurin deneyini de gerçekleştirmek için ikiye adet hazırlandı(Şekil3). Son inokulum yaklaşık 5x10⁵cfu/ml olacak şekilde, tigesiklin veya kolistin içeren kuyucuklara KAMHB'de seyreltilmiş 50µl bakteri süspansiyonu ilave edildi. Testlerde; *Escherichia coli*-ATCC25922, *Enterococcus faecalis*-ATCC29212, *Staphylococcus aureus*-ATCC29213, *Pseudomonas aeruginosa*-ATCC27853, *Escherichia coli*-NCTC13846 suşları ile tekrarlayan deneylerle tigesiklin ve kolistin MİK değerleri önceden belirlenmiş 4 adet klinik izolat kullanıldı. Tüm deneyler üç kez tekrarlandı.

Antibiyotik dilüsyonlarının hazırlanması



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

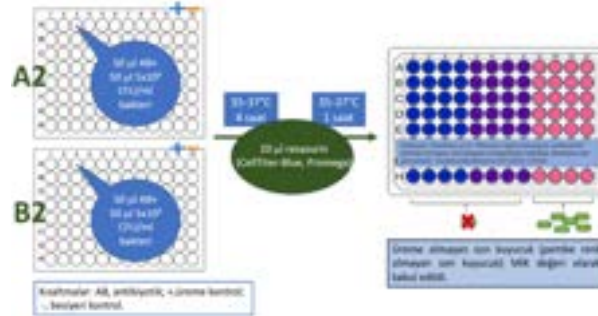
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mikroplakların hazırlanması



Resazurin deneyi



Bulgular ve Sonuç: Resazurin eklenmiş/eklenmemiş A ve B yöntemiyle elde edilen MİK değerleri, her ATCC izolatu ve klinik izolat için beklenen MİK değeri aralıkları içinde saptanmıştır. Bu çalışmada ilk kez uygulanan her iki SMD yöntemi de ATCC suşları ve klinik izolatlar için doğru tigesiklin ve kolistin MİK değerlerinin belirlenmesini sağlamıştır. Resazurin bazlı SMD testleri uygulandığında 6,5-7 saat olmak üzere kısa sürede MİK sonucu elde edilmiştir. Geliştirdiğimiz yeni yöntemin uygulanabilirliğine yönelik ön veriler sunulmuş olup, farklı tür klinik izolatlar üzerinde optimizasyon çalışmalarımız ve deneylerimiz devam etmektedir. Bu iki testin hem uygulamasının kolay hem de maliyetinin düşük olması nedeniyle klinik mikrobiyoloji laboratuvarlarında rutin iş akışında uygulanabileceği ve başta kolistin, tigesiklin olmak üzere birçok ilaç için, klasik SMD yöntemine iyi bir alternatif olabileceği düşünülmüştür. Elde edilen sonuçların doğrulanması amacıyla kolistin ve/veya tigesikline karşı farklı duyarlılık paternine sahip çok sayıda klinik izolatın dahil edildiği çalışmalara ihtiyaç bulunmaktadır.

Anahtar Kelimeler: Hızlı antimikrobiyal duyarlılık testi, sıvı disk elüsyon, resazurin testi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 011

OXA-48 Pozitif *Klebsiella pneumoniae* Suşlarında Seftazidim/Avibaktam Duyarlılığının Disk Difüzyon ve Gradient Testi Yöntemleri Kullanılarak Doğrudan Kan Kültürlerinden Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testi (HADT) Yöntemi ile Değerlendirilmesi

Gizem Ekiz¹, Mervenur Demir², Gülşen Hazırolan¹

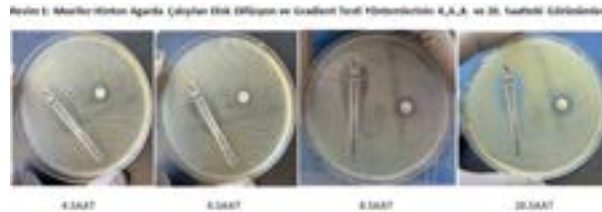
¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Kahramanmaraş Elbistan Devlet Hastanesi

Giriş ve Amaç: Çok ilaca dirençli OXA-48 pozitif *Klebsiella pneumoniae* enfeksiyonlarında etkili ve son tedavi seçeneklerinden biri, β -laktam/ β -laktamaz inhibitörü kombinasyonu seftazidim/avibaktam (CZA)'dır. Çalışmanın amacı, OXA-48 pozitif *K. pneumoniae* suşlarında CZA duyarlılığının doğrudan kan kültürü şişelerinden belirlenmesinde, EUCAST Hızlı Antibiyotik Duyarlılık Testi (HADT) yöntemi ve gradient test (DET)-HADT yönteminin performanslarının değerlendirilmesidir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya polimeraz zincir reaksiyonu (PZR) ile OXA-48 pozitif olarak belirlediğimiz 62 *K.pneumoniae* suşu alınmıştır. Suşlar kanlı agar besiyerine ekilerek 37°C'de inkübe edilmiştir. On altıncı saatte saf üremelerden hazırlanan 0.5 McFarland bakteri solüsyonu steril salin ile seri dilüe edilerek 1:1.000.000 son konsantrasyona ulaşılmıştır. 1/1000000 konsantrasyondaki bakteri çözeltisinden 1 ml ve 5 ml insan kanı aerob simüle kan kültürü şişesine eklenmiş, kan kültürü cihazında (Bactec FX, BD) inkübe edilmiştir. Pozitif sinyal veren şişelerden 125 μ l örnek, doğrudan Mueller-Hinton agara EUCAST-HADT standartlarına uygun biçimde ekilmiş, CZA 10-4 μ g disk (Oxoid Ltd, UK) ve gradient testi (BioMérieux, France) yerleştirilmiştir. İnhibisyon zonları ve minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerleri 37°C'de 2, 4, 6, 8 ve 16-20 saatlik inkübasyondan sonra manuel okunmuştur. Üremenin görüldüğü ve net inhibisyon zonları değerlendirilmiştir. Sonuçlar EUCAST rehberi referansı ile yorumlanmıştır. BD Phoenix™ M50 otomatik mikrodilüsyon sistemi ile kategorik uyumları(KU) analiz edilmiştir. (DET)-HADT yönteminin performansı incelenirken küçük hata(KH), büyük hata(BH), çok büyük hata(ÇBH) oranları analiz edilmiştir (Kabul edilebilir performans; KU > %89.9, ÇBH $\leq$ %1.5, BH $\leq$ %3, KH $\leq$ %5 olarak tanımlandı).

Mueller Hinton Agarda Çalışılan Disk Difüzyon ve Gradient Testi Yöntemlerinin 4,6,8 ve 20. Saatteki Görünümleri



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mueller Hinton agarda çalışılan disk difüzyon ve gradient testleri 4,6,8 ve 20. saatte net olarak değerlendirilebilmiştir

Bulgular ve Sonuç: Simule kan kültürü şişelerinden ortalama on dört saatte pozitif sinyal alınmıştır. Sinyal sonrası doğrudan ekim yapılan plaklar 2, 4, 6, 8, ve 16-20. saatte değerlendirilmiştir. İkinci saatte plaklarda yeterli üreme saptanamamıştır. Dördüncü saatte %96.8'inde yeterli üreme izlenmiş, disk difüzyon ve gradient test sonuçları değerlendirilebilmiştir (Resim 1). EUCAST-HADT ve (DET)-HADT yönteminin performansı Tablo 1'de özetlenmiştir. (DET)-HADT sonuçlarında, 4. saatte, KH %3.2 oranında gözlenirken ÇBH saptanamamıştır. Altıncı, 8., ve 16-20. saatlerde ÇBH oranları %1.7 olarak tespit edilmiştir. EUCAST-HADT yöntemi, OXA-48 pozitif *K. pneumoniae* ile gelişen sepsis olgularında CZA duyarlılık profilini aynı gün içinde saptayarak tedaviye başlamada klinisyene yol gösterebilir. (DET)-HADT yönteminin en büyük avantajı MİK belirlenmesidir. Dört saatlik inkübasyonla elde edilen MİK değerleri, yüksek KU oranları ve düşük hata oranları ile, klinisyene hızlı sonuç vermede kullanılabilir. (DET)-HADT sonuçlarının validasyonu için daha fazla çalışmaya ihtiyaç bulunmaktadır.

Tablo 1: OXA-48 pozitif *K.pneumoniae* suşlarında seftazidim/avibaktam(CZA) için EUCAST-HADT ve (DET)-HADT performansları

CZA Duyarlılık Profili	EUCAST-HADT								(DET)- HADT			
	4.saat		6.saat		8.saat		16-20.saat		4.saat	6.saat	8.saat	16-20.saat
	TBA (n) KU (%)		TBA (n) KU (%)		TBA (n) KU (%)		TBA (n) KU (%)		KU (%)	KU (%)	KU (%)	KU (%)
	20	56.4	11	72.6	12	72.6	12	72.6	96.8	98.3	98.3	98.3

EUCAST-HADT, Disk difüzyon-hızlı antibiyotik duyarlılık testi; (DET)-HADT, Gradient test-Hızlı Antibiyotik Duyarlılık Testi ; CZA, seftazidim/avibaktam; TBA, teknik belirsizlik alanı; KU, kategorik uyum.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2: (DET)-HADT yönteminin hata oranları.

	KH	BH	ÇBH
<u>4.saat</u>	%3.2	-	-
<u>6.saat</u>	-	-	%1.7
<u>8.saat</u>	-	-	%1.7
<u>16-20.saat</u>	-	-	%1.7

KH, küçük hata; BH, büyük hata; ÇBH, çok büyük hata.

Anahtar Kelimeler: hızlı antimikrobiyal duyarlılık testi, *Klebsiella pneumoniae*, doğrudan kan kültürü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 012

Bağışıklığı Baskılanmış Hastada *C. septicum*'a Bağlı Gelişen Fatal Nontravmatik Miyonekrozis Olgusu

Abdurrahman Ersoy¹, Mervenur Demir¹, Selman Kesici², Şule Ünal³, Yasemin Özsürekcı⁴, Gülşen Hazırolan¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Yoğun Bakım Bilim Dalı

³Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Hematolojisi Bilim Dalı

⁴Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Klostridyal miyonekroz, genellikle yakın zamanda geçirilmiş cerrahi veya travmayla ilişkili, hızlı seyirli, yaşamı tehdit eden bir enfeksiyondur. Bu bildiride, travma öyküsü olmayan hastada, *Clostridium septicum*'a bağlı gelişen bir miyonekrozis olgusu sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Olgu/ÖyküSiklik nötropeni tanılı 13 yaşında erkek hasta, bir gündür olan karın ağrısı, ateş, kusma, terleme ve sol kalçada ağrı şikayetleriyle acil servise başvurmuştur. Hasta anamnezinde travma, intramusküler enjeksiyon veya böcek ısırması gibi bir öyküsünün olmadığını belirtmiştir. Hastanın 10 yıl önce siklik nötropeni tanısı aldığı, yapılan tetkiklerde ELANE geninde heterozigot P139L mutasyonu saptandığı öğrenilmiştir. Fizik muayenede sol gluteal bölgenin ekimotik görünümde, ağrılı ve şiş olduğu saptanmıştır. Hastanın ateşi 37,5 °C, nabızı 148 atım/dk, kan basıncı 130/80 mmHg ve solunum sayısı 18/dk olarak kaydedilmiştir. Laboratuvar tetkiklerinde WBC 0,98x103/µL(3,84-9,84), nötrofil sayısı 0,59x103/µL(1,54-7,04), hemoglobini 8,7 g/dl(11-14,5), CRP 237 mg/L(0-5), kreatin kinaz 12230 U/L(74-390) olarak saptanmıştır. Ultrasonografide sol gluteal bölgede deri altı kalınlaşma ve bozulma, selülit, nekrotizan fasiit veya piyomiyozitle ilişkili olabilecek ekojenik odaklar tespit edilmiştir.Hasta nekrotizan fasiit olarak değerlendirilerek intravenöz amikasin, vankomisin, meropenem ve klindamisin tedavisi başlanmıştır. İlerleyen saatlerde hastada solunum güçlüğü, uzamış kapiller dolum zamanı, hipotermi, konfüzyon gelişmiştir. İntravenöz salin ve adrenalin infüzyonu (0,1 mcg/kg/dk) uygulanan hasta takibi sırasında iki kez arrest olmuş ve KPR uygulaması yapılmıştır. Çocuk Hastalıkları Yoğun Bakım Ünitesi'ne (YBÜ) yatırılı yapılmıştır. İkinci gün ekimotik eritemli alan hızla sol batin ve sol baldır distaline doğru ilerlemiş ve yaygın krepitasyon saptanmıştır. Fasyotomi uygulanan hastadan alınan doku aerob ve anaerob kültürü ve kan aerob ve anaerob kültürü mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiştir. Dokunun Gram boyalı incelemesinde PMNL ve mikroorganizma görülmemiştir. Hastanın hemodinamik instabilitesi ve etkilenen vücut yüzey alanının geniş olması nedeniyle hastaya cerrahi debridman uygulanamamıştır. Klinik durumu gittikçe kötüleşen hasta kültür alındıktan üç gün sonra hayatını kaybetmiştir. Anaerob kan kültürü şişesi üçüncü günde sinyal vermiş ve Gram boyamasında gram-pozitif basiller görülmüştür. İki gün sonra anaerob katı besiyerinde üreyen bakteri MALDI-TOF MS ile *C. septicum* olarak tanımlanmıştır. Doku aerob kültüründe üreme olmamış, doku anaerob kültüründe dördüncü gün üreyen bakteri *C. septicum* olarak tanımlanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Bu olgu, klostridyal miyonekrozun spontan ve travma öyküsü olmaksızın gelişmesi nedeniyle nadir bir vakadır. Enfeksiyonun hızlı seyretmesi ve mortalitenin yüksek olması, erken teşhis ve tedavinin önemini artırmaktadır.

Anahtar Kelimeler: Klostridyal miyonekroz, Siklik nötropeni, Anaerob bakteri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 013

Bir Üniversite Hastanesinde İzole Edilmiş *Salmonella* Suşlarının, Serogrup Dağılımının Ve Antimikrobiyal Direnç Durumunun Araştırılması

Murat Telli, Ayşe Çoban Acar

Aydın Adnan Menderes Üniversitesi

Giriş ve Amaç: *Salmonella*, insanlarda ve hayvanlarda gıda kaynaklı enfeksiyon etkenlerinin başında gelmektedir. Özellikle insanlarda, en önemli gastroenterit etkeni bakteriyel patojenlerden biridir. Enfeksiyonu çoğunlukla hafif seyretse dahi, konağa ve serotipe bağlı olarak, ciddi, hayatı tehdit eden klinik tablolar oluşturabilmektedir. Antibiyotiklere direnç oranlarında, son yıllarda artış bildirilmektedir. Bu durum, ciddi klinik tabloların tedavisinde önemli problem oluşturmaktadır. Çalışmamızın amacı; hastanemizde 2020-2023 yıllarında izole edilmiş *Salmonella*’ ların serogruplarını ve tedavide en sık kullanılan antibiyotiklere direnç oranlarını belirlemektir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza, 2020-2023 yıllarındaki *Salmonella* spp. izolatları dahil edilmiştir. Her hastaya ait tek izolat alınmıştır. Dışkı örnekleri, Selenit-F zenginleştirmesinden sonra, Hektoen-Enterik agar, XLD agar, *Salmonella*-*Shigella* agar besiyerlerine paslaşmış ve şüpheli koloniler tanımlamaya alınmıştır. Diğer örnekler kanlı agar ve EMB agar besiyerlerine ekilmiş ve tanımlama işlemlerine geçilmiştir. Suşların tanımlanmasında, dışkı örnekleri için, geleneksel biyosimik testler ve *Salmonella* O (somatik) polivalan antiserum (Difco, BD, USA) kullanılmıştır. Diğer örnekler ise tam otomatize bakteri tanımlama sistemi (Phoenix, BD, USA) kullanılmıştır. *Salmonella* spp. olarak cins düzeyinde tanımlanan bakterilerin A, B, C, D, E, somatik antijenlerine göre serogruplaması, Vi antijenin varlığı, spesifik antiserumlar (Difco, BD, USA) kullanarak lam aglütinasyon yöntemi ile araştırılmıştır. Suşların antibiyotik duyarlılığı, disk difüzyon yöntemi ile belirlenmiştir. Kinolon duyarlılıkları pefloksasin diski ile taranmıştır. Duyarlılık sonuçları EUCAST kılavuzuna göre yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: 2020-2023 yılları arasında toplam 138 *Salmonella* spp. suşu izole edilmiştir. Suşların, 119’u (%86) gaita, 15’i (%11) kan, 3’ü (%2,3) idrar, 1’i (%0,7) yara yeri örneklerinden izole edilmiştir. Suşların, 92’si (%66,6) D, 17’si (%12,3) B, 17’si (%12,3) C, 4’ü (%3) A, 2’si (%1,5) E serogrubu, ve 6’sı (%4,3) gruplandırılmamıştır. Serogrup D suşların, 7’si (tüm suşların %5’i) Vi antijeni pozitif bulunmuştur. Suşların; 23’ü (%17) 2020, 22’si (%16) 2021, 43’ü (%31) 2022 ve 50’si (%36) 2023 yılında izole edilmiştir. Gaita örneklerinden izole edilen suşların %63’ü, kan örneklerinden izole suşların ise %93’ü D grubu bulunmuştur. Suşların %14,4’ü ampisiline, %3’ü siprofloksasin ve trimetoprim/sülfametaksazole, %1,5’i sefotaksime dirençli bulunmuştur. Sonuç olarak; hastanemizde izole edilen *Salmonella* suşlarında en sık D serogrubu bulunmuştur. Tifoidal *Salmonella* bulgusu olan Vi antijeni %5 oranında bulunmuştur. 2020’ den 2023 yıllarına doğru *Salmonella* izolasyonu artmıştır (%17’ den %36). *Salmonella* suşlarına en yüksek direnç ampisiline, en düşük direnç sefotaksime karşı bulunmuştur. Suşların %84’ünde test edilen antibiyotiklerden hiçbirine direnç bulunmamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Salmonella spp., Serogrup, Antibiyotik direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 014

Kan Örneklerinden İzole Edilen Meropenem Duyarlı ve Dirençli *Bacteroides fragilis* İzolatlarının Karşılaştırmalı Metabolik Analizi

Şeyma Nigiz¹, Ceren Özkul Koçak¹, Engin Koçak², Sevilay Erdoğan Kablan³, Emirhan Nemutlu³, Gülşen Hazırolan⁴

¹Hacettepe Üniversitesi Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Gülhane Eczacılık Fakültesi, Analitik Kimya Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

³Hacettepe Üniversitesi Eczacılık Fakültesi, Analitik Kimya Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

⁴Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Kolon mikrobiyotasının önemli bir elemanı olarak *Bacteroides fragilis*, ölümcül fırsatçı enfeksiyonlara neden olabilmektedir. Anaerob enfeksiyonlarda en sık izole edilen bakteridir. Bu bildiride, kan örneklerinden izole edilen meropenem duyarlı ve dirençli *B. fragilis* izolatları arasındaki metabolik farklılıkları ortaya koyan GC-MS tabanlı bir metabolomik çalışma sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Hacettepe Üniversitesi Klinik Bakteriyoloji Laboratuvarına gelen kan örneklerden izole edilen dört *B. fragilis* izolatı çalışmaya dahil edilmiştir. İzolatların tanımlanmasında MALDI-TOF-MS (Bruker Daltonik Microflex LT kütle spektrometre cihazı, Almanya) kullanılmıştır. Meropenem duyarlılık profili 0.015-128 µg/mL MİK aralığında agar dilüsyon yöntemi ile belirlenmiştir. Kalite kontrol izolatı olarak *B. fragilis* ATCC 25285 kullanılmıştır. İzolatların meropenem duyarlılık profilleri Tablo 1’de verilmiştir. Meropenem dirençli (n=2) ve meropenem duyarlı (n=2) *B. fragilis* izolatlarının metabolomik analizi gaz kromatografisi kütle spektroskopisi (GC-MS (Shimadzu GCMS-QP2010 Ultra, Kyoto, Japonya) ile yapılmıştır.

Tablo 1

N	Örnek Türü	Servis	MİK değerleri [mg/L]	Duyarlılık profili
1	Kan	Medikal Onkoloji	0.094	S
2	Kan	Ortopedi	>32	R
3	Kan	Yetişkin Acil	0.125	S
4	Kan	İç Hastalıkları Yoğun Bakım	32	R

S: Duyarlı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

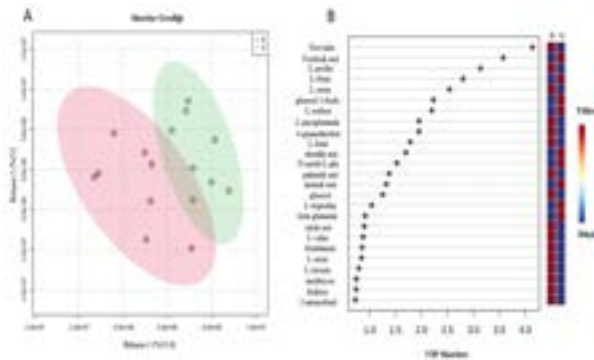


R: Dirençli

{*Bacteroides fragilis*} izolatlarının meropenem duyarlılık profili

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda meropenem direnci GC/MS tabanlı metabolomik yaklaşım kullanılarak araştırılmıştır. 92 metabolit retention index veritabanı aracılığıyla tanımlanmıştır. Tanımlanan tüm metabolitler, dirençli ve duyarlı izolatlar arasındaki genel metabolom yapısının farklılaşmasını gözlemlemek için PLS-DA analizinde kullanılmıştır (Şekil 1). PLS-DA (kısmi en küçük kareler ayrıştırma analizi), meropenem direncine sahip *B. fragilis* metabolizmasının duyarlı izotlardan farklı olduğunu göstermiştir. Gruplar arasında değişen metabolitlere Metaboanalyst 5.0 platformunda istatistiksel analiz uygulanmış ve toplamda tanımlanan 92 metabolit arasında 8 metabolitin dirençli ve duyarlı gruplar arasında önemli ölçüde değiştiği görülmüştür (Şekil 1A-1B.). Sekiz metabolit için duyarlı gruba kıyasla dirençli grupta fenilalanin, sitrik asit, urasil, L-prolin, sistidin, ve noradrenalin metabolitlerinin arttığı, L-triptofan ve beta-glutamik asit metabolitlerinin ise azaldığı bulunmuştur. Yolak analizi sonuçları, amino asit, aminoasıl tRNA biyosentezi ve ABC taşıyıcı sistemlerinin gruplar arasında farklılaştığını göstermiştir (Şekil 2A-2B).

Şekil 1. A.) Deney gruplarının S-PLSDA analizi B.) Metabolitlerin VIP skorları (S: Duyarlı izolatlar, R: Dirençli izolatlar)



Şekil 2. A) Log 2'deki değişen metabolitler, B) Duyarlı ve dirençli izolatlarda değişen biyolojik yollar

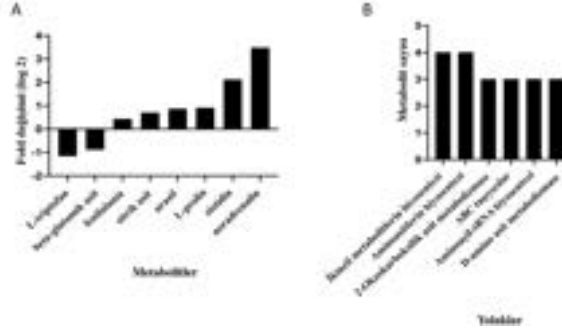
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Anahtar Kelimeler: {Bacteroides fragilis}, Meropenem, GC-MS

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 015

Lökositli Dışkı Örneklerinin Multipleks PCR ve Kültür ile Değerlendirilmesi

Şeyda Vural, Ayşe Noyan Satır, Candan Çiçek, Sabire Şöhret Aydemir

Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Gastrointestinal enfeksiyonlar, dünyada önemli morbidite ve mortalite nedenlerindendir. Akut gastroenteritin (AGE) en sık etkeni virüsler olup bunu bakteriyel ve paraziter etkenler izlemektedir. Bu çalışmada, AGE şüphesiyle bakteriyoloji laboratuvarına gönderilen dışkı örneklerinde bakteriyolojik kültür ve multipleks PCR ile tespit edilen etkenlerin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışma, 29.05.2024-01.08.2024 tarihleri arasında Ege Üniversitesi Bakteriyoloji Laboratuvarına gönderilen, direkt bakısında lökosit görülen 40 dışkı örneğini kapsamaktadır. Örnekler, bakteriyolojik kültür için; EMB agar, hektoen enterik agar, Skirrow agara ekildi; direkt bakısında eritrosit görülenler ek olarak Sorbitol-MacConkey agara ekildi. Kültür işleminin ardından örnekler -80°C'de saklandı. Bakteriyoloji laboratuvarımızda rutin olarak enteropatojen bakterilerden; *Salmonella*, *Shigella*, *Campylobacter* türleri ve Shigatoksin üreten *Escherichia coli* (STEC)(EHEC) araştırılmaktadır. Bakteriyolojik tanıda, MALDI-TOF MS (Vitek MS, BioMerieux) ve serum aglütinasyon (BD, Difco) yöntemleri, moleküler tanıda ise Real time PCR (Bio-Speedy® Gastroenterit RT-qPCR MX-24 Panel, Bioeksen, Türkiye) yöntemi kullanıldı. Bu multipleks panel ile virüslerden; Sapovirus (GI/GII/GIV/GV), AsV, NoV (GI/GII), RoV(A), AdV, bakterilerden; *Salmonella* spp. *Campylobacter* spp. *Vibrio parahaemolyticus*, *Vibrio cholerae*, *Yersinia enterocolitica*, *Plesiomonas shigelloides*, *Shigella*/Enteroinvasive *E. coli* (EIEC), Enteraggregative *E. coli* (EAEC), Shigatoksin üreten *E. coli* (STEC), Enteropathogenic *E. coli* (EPEC), Enterotoxigenic *E. coli* (ETEC), *Clostridium difficile*, *Clostridium difficile* toxin A, *Clostridium difficile* toxin B, *Clostridium difficile* binary toxin A/B, parazitlerden; *Giardia lamblia*, *Entamoeba histolytica*, *Cryptosporidium* sp., *Cyclospora cayentanensis* etkenleri araştırıldı. 40 örnek, üretici firma önerileri doğrultusunda hazırlanarak Bio-Rad CFX96 RT-PCR cihazında çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmadaki 40 örneğin 13'ünde kültürde enteropatojen bakteri üredi. Bu örneklerin dokuzunda *Campylobacter jejuni*, birinde *Campylobacter coli*, ikisinde *Shigella sonnei*, birinde *Salmonella enterica* üretildi. PCR ile kültürde üreyen etkenlerin 11'i (%84.61) saptanabildi. İki farklı örnekte *Salmonella enterica* ve *C. jejuni* kültürde üretilebildi; PCR'da saptanamadı. Örneklerin 2sinde PCRda saptanan pozitiflikler kültürde doğrulanamadı (*Salmonella* spp. ve EHEC). Ayrıca çoklu enfeksiyonu düşündürecek şekilde altı örnekte bakteriyel etkenlere ek olarak Adenovirüs pozitifliği. Bu altı örnek FTD 5T Viral Gastroenteritis (Fast Track Diagnostics, Luxembourg) testi ile de çalışıldı. Üçü her iki panelde de Adenovirüs pozitif bulundu. Sekiz örnekte kültür ve PCR ile etken saptanamadı. Bu çalışmada AGE tanısı için kültür ile PCR'ın etkinliğinin benzer olduğu ancak PCR ile çoklu enfeksiyonların saptanabildiği gösterilmiştir. Kültür sonuçlarını; antibiyotik kullanımı, enfeksiyonun dönemi gibi faktörlerin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

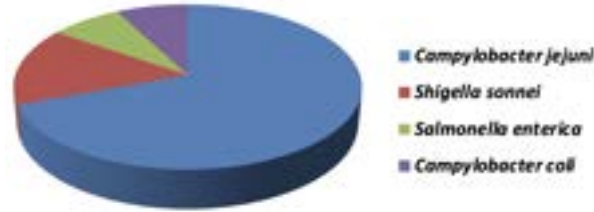
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



etkileyebileceği göz önünde bulundurulmalıdır. Çalışmamız bir ön çalışma niteliğinde olup daha geniş hasta popülasyonlarında değerlendirme gerekmektedir.

Şekil 1. Kültür pozitif örneklerde tespit edilen etkenlerin dağılımı



Tablo 1. Kombine Bakteriyel ve Viral Etkenlerin Tespit Edildiği Klinik Örnekler

Direkt Bakı (hücre/her sahada)	Kültür	Bioeksen 24 Etkenli Panel	FTD 5T Viral Panel
5-6 lökosit	<i>Shigella sonnei</i>	<i>Shigella</i> + Adenovirus	Adenovirus
Bol lökosit, bol eritrosit	<i>Salmonella enterica</i>	Adenovirus	Adenovirus
7-8 lökosit	<i>Campylobacter jejuni</i>	Adenovirus	Saptanmadı
5-6 lökosit	<i>Campylobacter coli</i>	<i>Campylobacter</i> spp. + Adenovirus	Saptanmadı
Bol lökosit, bol eritrosit	<i>Campylobacter jejuni</i>	<i>Campylobacter</i> spp. + Adenovirus	Adenovirus
(2 farklı örnek)			Saptanmadı

Anahtar Kelimeler: gastroenterit, bakteriyolojik kültür, Multipleks PCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 016

Hekimlerin Antimikrobiyal Direnç Hakkında Bilgi, Tutum Ve Davranışı, Hastane Ortamında Bir Çalışma

Abdurrahman Gülmez¹, Gül Ergör²

¹Aydın Atatürk Devlet Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi, Halk Sağlığı Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Antimikrobiyal direnç Dünya Sağlık Örgütü tarafından 10 küresel sağlık tehdidinden biri olarak tanımlanan, yılda yaklaşık 1,27 milyon insanın ölümüne ve ulusal düzeyde sağlık maliyetlerinin artmasına yol açan bir sorundur. Antimikrobiyal direncin gelişmesinde birden fazla faktör etkilidir. Hekimlerin reçeteleme davranışları da bunlardan birisidir. Bu araştırma hekimlerin antimikrobiyal direnç hakkında bilgi, tutum ve davranışlarını incelemek amacıyla yapılmıştır.

Antimikrobiyal direncin yayılımı



Gereç ve Yöntem: Araştırmanın evreni Aydın Atatürk Devlet Hastanesi'nde çalışan toplam 141 hekimden oluşmaktadır. Araştırmanın bağımlı değişkenleri hekimlerin bilgi, tutum ve davranış düzeyi yeterliliğidir. Bu amaçla literatüre bilgileri ile katılımcıların kendilerinin dolduracağı anket formu oluşturulmuş, ortalama üzerinde olan katılımcılar yeterli kabul edilmiştir. Araştırmanın bağımsız değişkenlerini yaş, cinsiyet, uzmanlık durumu, uzman ise uzmanlık alanı, çalışılan birim, meslekte çalışma yılı, en çok çalışılan birim, 1 günde bakılan hasta sayısı ortalaması, 1 hastaya ayrılan süre ortalaması, son 1 haftada antibiyotik reçetesi ortalaması, en çok reçete edilen antibiyotik, uzmanlık döneminde akılcı antibiyotik kullanma eğitimi alma durumu, son 1 yıl içerisinde antibiyotik kullanma eğitimi alma durumu, eğitim kaynağıdır.

Bulgular ve Sonuç: Araştırmaya 27 farklı bölümden toplam 99 kişi katılmıştır. Ulaşılma oranı %70,2' dir. Katılımcıların 74'ü uzman (%74,7'si), 25'i pratisyen (%25,3'ü) hekimdir. Katılımcıların yaş ortalaması 40,29 ± 8,48 ve median değeri 40,0 bulunmuştur. En sık reçete edilen antibiyotik grubunun "Penisilin/Beta Laktamaz İnhibitörü" kombinasyonu olduğu saptanmıştır (%48,5). Uzmanlık döneminde akılcı antibiyotik



kullanımı eğitimi alanların oranı %64,4 iken, son 1 yıl içerisinde bu eğitimi alma oranı %11,1 bulunmuştur. Kötü el hijyeninin Antimikrobiyal Direnç yol açabileceğini düşünenlerin oranı %70,5'tir. Antimikrobiyal direnç kendi hastanesine bir sorun olarak gören katılımcıların oranı %57,3, ulusal düzeyde sorun olarak görenlerin yüzdesi ise %90 bulunmuştur. Katılımcıların %82,7'si akılcı antibiyotik kullanımına yönelik eğitim ihtiyacından bahsetmiştir. Antibiyotik reçetesinden önce bakteri tanımlama ve antibiyotik duyarlılık raporuna bakanların oranı ise %43,3 bulunmuştur. Araştırmamızda Antimikrobiyal Direnç hakkında bilgi düzeyi yeterli kabul edilen hekimlerin akılcı antibiyotik kullanma eğitimi alma ($p:0,021$) ve son bir yıl içerisinde eğitim alma ($p:0,004$) olasılıkları bilgi düzeyi yetersiz olanlara göre daha yüksek bulunmuştur. Antimikrobiyal direnç hakkında tutum düzeyi yüksek olan katılımcıların 1 hastaya ayırdıkları ortalama süre daha fazla bulunmuştur ($p:0,041$). Davranış düzeyi yeterli katılımcıların ise yaş ($p: 0,036$) ve meslek yılları ($p: 0,024$) anlamlı olarak fazla bulunmuştur

Tablo 1. Katılımcıların Bilgi düzeylerinin bazı bağımsız değişkenlerle ilişkisi

	Bilgi Düzeyi Yeterli		Bilgi Düzeyi Yetersiz		
	Ortalama $\pm$ SS	Median	Ortalama $\pm$ SS	Median	p
Yaş (yıl)	39,81 $\pm$ 7,87	42,0	40,47 $\pm$ 8,75	40,0	0,947
Meslek yılı	15,37 $\pm$ 7,22	17,0	15,36 $\pm$ 8,81	14,0	0,759
Günde Bakılan Hasta Sayısı	50,08 $\pm$ 26,79	50,0	72,82 $\pm$ 55,84	50,0	0,232
Bir Hastaya Ayırılan Ortalama Süre (dk)	7,83 $\pm$ 5,71	6,0	6,58 $\pm$ 3,87	5,0	0,586
Son Bir Haftada Yazılan Antibiyotik Reçete Sayısı	20,29 $\pm$ 30,99	8,0	16,63 $\pm$ 22,01	10,0	0,917
	Sayı	Yüzde(%)	Sayı	Yüzde(%)	
Cinsiyet					
Erkek	16	59,3	35	48,6	0,345
Kadın	11	40,7	37	51,4	
Uzmanlık Durumu					
Uzman	22	81,5	52	72,2	0,345
Pratisyen	5	18,5	20	27,8	
Uzmanlık Grubu					
Dahili	20	74,1	57	79,2	0,587
Cerrahi	7	25,9	15	20,8	
Akılcı A.B. Kullanma Eğitimi Alma (n:73)					
Evet	22	81,5	40	55,6	0,021
Hayır	5	18,5	31	43,1	

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Son bir Yılda Akılcı A.B. Eğitim Alma					
Evet	7	25,9	4	5,6	0,004*
Hayır	20	74,1	67	94,4	

Tablo 2. Katılımcıların Tutum düzeylerinin bazı bağımsız değişkenlerle ilişkisi

	Tutum Düzeyi Yeterli		Tutum Düzeyi Yetersiz		p
	Ortalama ± SS	Median	Ortalama ± SS	Median	
Yaş (yıl)	40,07 ± 8,65	40,0	40,42 ± 8,45	40,0	0,974
Meslek yılı	15,02 ± 8,46	14,0	15,57 ± 8,38	15,0	0,911
Günde Bakılan Hasta Sayısı	61,05 ± 43,75	45,0	70,12 ± 54,47	55,0	0,489
Bir Hastaya ayrılan ortalama süre (dk)	7,85 ± 4,74	7,0	6,36 ± 4,17	5,0	0,041
Son Bir Haftada Yazılan Antibiyotik Reçete Sayısı	15,13 ± 19,35	10,0	19,23 ± 27,59	9,0	0,863
	Sayı	Yüzde(%)	Sayı	Yüzde(%)	
Cinsiyet					
Erkek	20	39,2	31	60,8	0,861
Kadın	18	37,5	30	62,5	
Uzmanlık Durumu					
Uzman	30	40,5	44	59,5	0,448
Pratisyen	8	32,0	17	68,0	
Uzmanlık Grubu					
Dahili	30	78,9	47	77,0	0,825
Cerrahi	8	21,1	14	23,0	
Akılcı A.B. Kullanma Eğitimi Alma (n:73)					
Evet	22	35,5	40	64,5	0,380
Hayır	16	44,4	20	55,6	
Son Bir Yılda Akılcı A.B. Eğitim Alma					
Evet	3	27,3	8	72,7	0,406
Hayır	35	40,2	52	59,8	



Tablo 3. Katılımcıların Davranış düzeyleri ile bazı bağımsız değişkenlerin ilişkisi

	Davranış Düzeyi Yeterli		Davranış Düzeyi Yetersiz		
	Ortalama $\pm$ SS	Median	Ortalama $\pm$ SS	Median	p
Yaş (yıl)	41,05 $\pm$ 8,59	42,0	39,02 $\pm$ 8,42	38,0	0,036
Meslek yılı	16,48 $\pm$ 8,69	18,0	13,60 $\pm$ 7,83	13,0	0,024
Günde bakılan hasta sayısı	66,25 $\pm$ 49,72	50,0	68,80 $\pm$ 52,76	50,0	0,833
Bir Hastaya Ayırılan Ortalama Süre (dk)	7,13 $\pm$ 4,77	6,0	6,61 $\pm$ 3,95	5,0	0,655
Son Bir Haftada Yazılan Antibiyotik Reçete Sayısı	18,70 $\pm$ 25,64	10,0	17,07 $\pm$ 23,95	10,0	0,160
	Sayı	Yüzde(%)	Sayı	Yüzde(%)	
Cinsiyet					
Erkek	14	46,7	37	55,2	0,435
Kadın	16	53,3	30	44,8	
Uzmanlık Durumu					
Uzman	24	80	48	71,6	0,384
Pratisyen	6	20	19	28,4	
Uzmanlık Grubu					
Dahili	23	76,7	52	77,6	0,918
Cerrahi	7	23,3	15	22,4	
Akılcı A.B. Kullanma Eğitimi Alma (n:71)					
Evet	19	63,3	43	65,2	0,863
Hayır	11	36,7	23	34,8	
Son Bir Yılda Akılcı A.B. Eğitim Alma					
Evet	2	6,7	9	13,6	0,494*
Hayır	28	93,3	57	86,4	

Anahtar Kelimeler: Halk Sağlığı, Antimikrobiyal Direnç, Reçeteleme

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 017

OXA-347 Pozitif İmipenem Dirençli *Bacteroides fragilis* Kan İzolatı

Mervenur Demir¹, Jozsef Soki², Bakhtiyar Mahmood², Abdurrahman Ersoy¹, Gülşen Hazırolan¹

¹Hacettepe Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Szeged Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Enstitüsü, Szeged, Macaristan

Giriş ve Amaç: *Bacteroides fragilis*'te karbapenem direncine yol açan en sık mekanizma cfiA geni tarafından kodlanan bir metallo-laktamaz enzimidir. Bu çalışmada, karbapenem cfiA geni taşımayan imipenem dirençli bir *B. fragilis* izolatında karbapenem direnç mekanizmasının incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: İzolatın antibiyotik duyarlılık testi Fastidious Anaerobe Agar (FAA)'da gradient test yöntemi ile iki kez çalışılmıştır. MİK değerleri EUCAST v14.0 sınır değerlerine göre sınıflandırılmıştır. Beta-laktam direnç genleri (cfxA, cepA, cfiA, crxA, OXA-347) ve diğer antibiyotik direnç genleri (nim, tetQ, tetX, tetX1, ermF, ermB, ermG, mefA, mrsSA, linA) gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (qPCR) ve erime eğrisi analizi ile araştırılmıştır. *B. fragilis* 638R (cepA), *B. fragilis* O:21 (cfiA, nimB, ermF), *B. vulgatus* CLA341 (cfxA, tetQ), *C. difficile* 630 (ermB, tetM), *B. fragilis* BM13 (tetX, tetX1), *B. fragilis* 83915 (ermG, mefA, mrsSA, linA), *B. xylanisolvens* 14880 (crxA), *B. fragilis* O42 (OXA-347) suşları qPCR deneylerinde pozitif kontrol olarak kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İncelenen *B. fragilis* izolatı 92 yaşında bir kadın hastanın kan kültüründen izole edilmiştir. İzolat ampicilin (>256 µg/mL), ampicilin-sulbaktam (32/4 µg/mL), piperasilin-tazobaktam (128/4 µg/mL), imipenem (4 µg/mL) ve klindamisine (32 µg/mL) dirençli; ertapenem (1 µg/mL), meropenem (1 µg/mL), amoksisilin-klavulanik asit (2 µg/mL) ve metronidazole (0.25 µg/mL) duyarlı bulunmuştur. EUCAST'da sınır değer bulunmayan sefoksitin, moksifloksasin, tigesiklin MİK değerleri sırasıyla 8 µg/mL, >32 µg/mL ve 0.125 µg/mL olarak saptanmıştır. Nitrofein diski ile beta laktamaz testi pozitif sonuçlanmıştır. İzolatta sefalosporinaz üretiminden sorumlu cepA geni pozitif iken, cfxA geni negatif saptanmıştır. İmipenem dirençli *B. fragilis* izolatının karbapenem direnci ile ilişkilendirilen cfiA veya crxA genlerini taşımadığı saptanmıştır. İzolatın sınıf D bir beta laktamaz kodlayan OXA-347 genini taşıdığı saptanmıştır. OXA-347 pozitif izolatla incelenen diğer direnç genlerinden klindamisin direnç geni (ermF) ve tetrasiklin direnç genleri (tetQ, tetX1) genleri de saptanmıştır. OXA-347 çeşitli bakterilerde bulunabilen plazmid aracılı sınıf D bir beta laktamaz genidir ve penisilin, sefalosporin ve imipenem direnci ile ilişkilendirilmiştir. Literatürde, anaerob bakterilerden *Bacteroides* spp. ve *Porphyromonas* spp.'de nadir olarak bulunduğu dair çalışmalar bulunmaktadır. Ülkemizde bugüne kadar anaerob bakterilerde saptandığı bildirilmemiştir. Kan kültüründen izole edilen imipenem dirençli ve OXA-347 pozitif *B. fragilis* izolatının bildirilmesi literatüre katkıda bulunabilir.

Anahtar Kelimeler: *Bacteroides fragilis*, OXA-347, imipenem direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 018

***Escherichia coli*, *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* Suşlarında İn Vitro Seftazidim-Avibaktam Duyarlılığı**

Salim Yakut, Arjen Ulaba, Ayşegül Alataş Eroğlu, Sümeyye Özel, Firdevs Ronay Ayçiçek Köse, Fadile Yıldız Zeyrek

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada hastanemiz yoğun bakım ünitelerinde çeşitli klinik örneklerden izole edilen *E.coli*, *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* suşlarında in vitro Seftazidim-avibaktam (CZA) duyarlılığının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Nisan 2022-Mart 2024 tarihleri arasında hastanemiz yoğun bakım ünitelerinde yatan hastalardan alınan çeşitli klinik örneklerde etken olarak saptanan 65 *E.coli*, 217 *K.pneumoniae* ve 85 *P.aeruginosa* olmak üzere toplam 367 izolat dahil edildi. İzolatlar 'matrix-assisted laser desorption ionization-time of flight mass spectrometry' (MALDI-TOF MS, Biomerieux) cihazıyla tür düzeyinde tanımlama yapıldı. Vitek2 (Biomerieux) otomatize sistem ile karbapenem duyarlılığı, Kirby-Bauer disk difüzyon yöntemiyle CZA (10-4 µg) (Bioanalyse) ve meropenem (10 µg) (Bioanalyse) duyarlılığı çalışıldı. Sonuçlar European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) v.14.0'a göre değerlendirildi. Kalite kontrol amacıyla *E.coli* ATCC 25922 ve *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853 suşu kullanıldı. Çalışmaya aynı hastadan gönderilen, farklı örneklerde üreyen aynı izolatlar dahil edilmedi.

Bulgular ve Sonuç: *E.coli*, *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* suşlarının en fazla izole edildiği örnekler sırasıyla idrar, kan ve derin trakeal aspirat (DTA) kültürü olmuştur. İzolatların saptandığı klinik örnekler Tablo 1'de verilmiştir. Tüm örneklerde CZA duyarlılığı %78'iken kan kültür örneklerinde % 75 saptandı. CZA duyarlılığı 2022, 2023 ve 2024 yıllarında sırasıyla %80, %75 ve %81 olarak tespit edildi. *E.coli*, *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* suşlarında CZA duyarlılık oranları sırasıyla %91, %70 ve %87 olarak saptanmıştır. Karbapenem duyarlı izolatların yalnızca ikisinde CZA direnci bulunurken (bir *K.pneumoniae* suşu ve bir *P.aeruginosa* suşu), karbapenem dirençli *E.coli*, *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* suşlarında CZA duyarlılığı sırasıyla %68,4, %64 ve %79 olarak bulunmuştur. Çalışmaya dahil edilen karbapenem duyarlı 46 *E.coli* izolatında CZA duyarlılığı %100, karbapenem dirençli 19 *E.coli* izolatında ise %68 olarak saptanmıştır. CZA duyarlılık oranlarının izolatlar göre dağılımı Tablo.2'de verilmiştir. *K.pneumoniae*'nin hastanemiz yoğun bakım ünitelerinde en sık saptanan etken olması ve CZA duyarlılığının *E.coli* ve *P.aeruginosa*'ya göre düşük olması endişe vericidir. Sonuç olarak antibiyotik direnci en önemli halk sağlığı sorunlarından biridir ve direncin önlenmesinde en kritik adımlardan biri uygun antibiyotik kullanım politikalarının uygulanmasıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo.1: Suşların izole edildiği örnekler

Örnek türü	<i>E. coli</i> (n)	<i>K. pneumoniae</i> (n)	<i>P. aeruginosa</i> (n)
İdrar	37	35	11
Kan	13	77	11
Kateter	-	6	1
Balgam	1	19	6
Derin Trakeal Aspirat	6	62	48
Bronkoalveolar lavaj	1	6	5
Abse	3	6	-
Aspirasyon mayi	2	-	-
Yara	2	6	3
Toplam	65	217	85

Tablo.2: Karbapenem duyarlı ve dirençli suşların seftazidim-avibaktam (CZA) duyarlılık oranları

	Karbapenem duyarlı izolatlar	CZA duyarlılığı (%/n)	
		Karbapenem dirençli izolatlar	Tüm izolatlar
<i>E. coli</i>	100/46	68/13	91/59
<i>K. pneumoniae</i>	98/43	64/111	70/154
<i>P. aeruginosa</i>	97/36	79/38	87/74

Anahtar Kelimeler: Seftazidim-avibaktam, karbapenem direnci, antimikrobiyol duyarlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 019

Hastanemizde Saptanan Karbapenem Dirençli {Enterobacteriaceae} ve Vankomisine Dirençli Enterokok Kökenlerinin İncelenmesi

Özcan Sarbat, Egemen Bolat, Feriha Çilli, Şöhret Aydemir

Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Günümüzde giderek yaygınlaşan antibiyotik direnci küresel bir halk sağlığı sorunudur. Vankomisin Dirençli Enterokok (VRE) ve Karbapenem Dirençli Enterobacteriaceae (CRE) enfeksiyonları tedavi seçenekleri kısıtlı olan ve yüksek morbidite ve mortaliteye neden olan enfeksiyonlardır. Bu çalışmada hastanemizde saptanan VRE ve CRE kökenleri ile bunların antimikrobiyallere karşı dirençlerinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, 01 Ağustos 2022 - 01 Ağustos 2023 tarihleri arasında Ege Üniversitesi Hastanesi Bakteriyoloji Laboratuvarında klinik örneklerden saptanan CRE (n=1099) ve VRE(n=262) kökenleri değerlendirildi. Her hastadan ilk kez saptanan tek bir köken değerlendirilmeye alındı. Bakterilerin tür düzeyinde tanımlanması MALDI-TOF MS (Biomerieux, Fransa) ile gerçekleştirildi. Kökenlerin duyarlılık testleri EUCAST önerileri doğrultusunda Kirby Bauer disk difüzyon yöntemi ve VITEK-2(Biomerieux, Fransa) otomatize mikrodilüsyon yöntemi kullanılarak yapıldı. CRE kökenlerinde amikasin, ampicilin, ertapenem, gentamisin, meropenem, piperasilin/tazobactam, sefepim, seftriakson, sefuroksim, siprofloksasin, trimetoprim/sulfametoksazol, imipenem direnç oranları incelendi. Karbapenem dirençli saptanan kökenlerde imipenem, ertapenem ve/veya meropenem gradient test (Biomerieux, Fransa) ile MİK değerleri belirlendi. Bu kökenlerde ayrıca seftazidim-avibaktam direnci araştırıldı. VRE kökenlerinde penisilin, vankomisin, teikoplanin, levofloksasin, linezolid, tigesiklin ve yüksek düzey gentamisin direnç oranları incelendi. Disk difüzyon ile vankomisin ve/veya teikoplanin direnci saptanan kökenlerin gradient test (Biomerieux, Fransa) yöntemiyle vankomisin ve teikoplanin MİK değerleri araştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Saptanan 1099 CRE kökeninin %87,4'ü *Klebsiella pneumoniae*, %7,2'si *Escherichia coli*, %4,2'si *Enterobacter* spp. olarak tanımlanmıştır (Şekil 1). Saptanan kökenlerin direnç oranları Tablo 1'de yer almaktadır. Saptanan 262 VRE kökeninin %98,5'i *Enterococcus faecium*, %1,5'i *Enterococcus faecalis* olarak tanımlanmıştır. Kökenlerin %19,1'i üriner, %3,4'ü dolaşım sistemi enfeksiyonu etkeni olarak belirlenmiş, %77,5'i ise rektal sürüntü kültürlerinden soyutlanmıştır(Şekil 2). Saptanan kökenlerin direnç oranları Tablo 2'de yer almaktadır. Çalışmamızda en yüksek CRE oranı Anestezi, Acil Servis ve Göğüs Hastalıkları kliniğinde; en yüksek VRE oranı ise Dahiliye, Çocuk Hastalıkları ve Göğüs Hastalıkları kliniğinde gözlemlendi. Her iki patojenin de ağırlıklı olarak üriner ve solunum sistemi enfeksiyonlarına neden olduğu görüldü. CRE ve VRE kökenlerine karşı en etkili ajanlar sırasıyla amikasin ve linezolid olarak belirlendi. Her iki patojenin de test edilen antimikrobiyallere karşı çoklu direnç gösterdiği gözlemlendi. Bu nedenle risk grubu hastalarda CRE ve VRE yayılım ve salgınlarını önlemek için gerekli kontrol önlemleri alınmalı ve akılcı antibiyotik kullanımı yaygınlaştırılmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

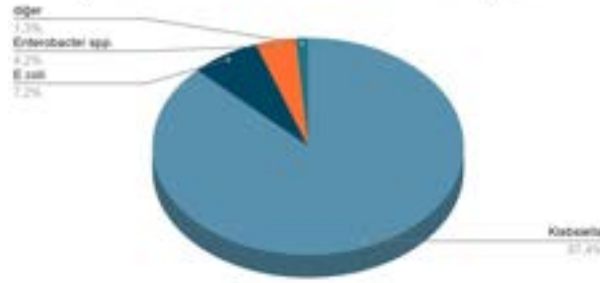
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



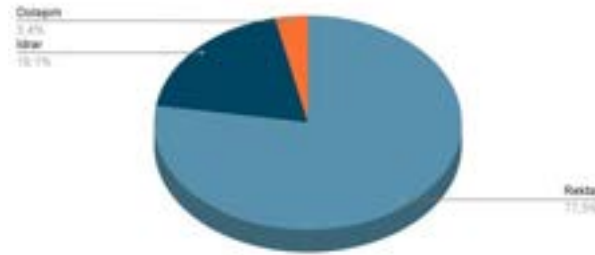
CRE Kökenlerinin Etkene Göre Dağılımı

Şekil 1 - CRE Kökenlerinin Etkene Göre Dağılımı



VRE Kökenlerinin Örnek Dağılımı

Şekil 2 - VRE Kökenlerinin Örnek Dağılımı



CRE ve VRE Kökenlerinin Direnç Dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: CRE Kökenlerinde Direnç Dağılımı

Antibiyotikler	Direnç %	Dirençli/çalışan
Amikasin	59,4	435/734
Ampisilin	100	734/734
Ertapenem	99,1	942/951
Gentamisin	66,4	253/381
Meropenem	88,5	973/1099
Piperasilin/Tazobaktam	99,4	697/701
Sefepim	99,2	705/718
Seftriakson	99,7	717/719
Sefuroksim	100	676/676
Siprofloksasin	99,8	720/721
Trimetoprim/Sulfametoksazol	67,2	484/720
Imipenem	89,6	454/507
Seftazidim/Avibaktam	61,3	389/620

Tablo 2: VRE Kökenlerinde Direnç Dağılımı

Antibiyotikler	Direnç %	Dirençli/çalışan
Ampisilin	100	64/64
Gentamisin	79,7	51/64
Linezolid	0	0/64
Tigesiklin	3,1	2/64
Levofloksasin	95,3	61/64

Anahtar Kelimeler: CRE, VRE, Antimikrobiyal Direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 020

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi 2023-2024 Lyme Tanı Testleri Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Saliha Kazcı¹, Esra Sert¹, Alparslan Toyran¹, Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²SBÜ Ankara Bilkent Şehir SUAM, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Lyme hastalığı, *Borrelia burgdorferi*'nin neden olduğu ciddi bir enfeksiyondur. Hastalığın erken belirtileri arasında ateş, baş ağrısı, kas ve eklem ağrıları ile karakteristik "boğa gözü" şeklinde genişleyen kızarıklık (eritema migrans) bulunur. Tedavi edilmediğinde enfeksiyon, eklemler, kalp ve nörolojik sistemi tutabilir. Erken tanı ve uygun tedavi, hastalığın daha ciddi formlarının önlenmesine yardımcı olabilir. Hastalığın tanısı, *Borrelia burgdorferi*'ye karşı antikorlara yönelik serolojik testlere dayanır. Tanı için, ilk aşamada enzim immünoassay (EIA) ve ikinci aşamada Western Blot (WB) kullanılan standart iki aşamalı algoritma önerilmektedir. Çalışmamızda, hastanemizde istenen Lyme testlerinin standart iki aşamalı algoritmaya uygunluğu değerlendirilmiş, eksikliklere dikkat çekilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemiz Seroloji laboratuvarına 1 Ocak 2023 - 30 Haziran 2024 tarihleri arasında Lyme hastalığı şüphesiyle 2881 hasta örneği kabul edilmiştir. Anti *Borrelia* ELISA Ig M ve Ig G, 'Anti – *Borrelia* plus VlsE, Euroimmun, Almanya'; WB 'Anti – *Borrelia* EUROLINE – RN – AT, Euroimmun, Almanya' kitiyle çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 2881 hastanın yaş ortalaması 42,6 ±19,4 (min.:0 – maks.: 96) olup, %60,6'sı kadındır. Gönderilen örneklerin %53,8'i Nöroloji Bölümü'nden, %12'4'ü Göz Hastalıkları ve %12,4'ü Çocuk Hastalıkları bölümlerindendir. Hastaların demografik verileri ve test sonuçları dağılımı Tablo 1'de sunulmuştur. Ig M ve/veya Ig G pozitif/ara değer sonuçlanan (n=533) hastaların 33'ünde WB zayıf pozitif / pozitif bulunmuştur (Tablo 2). WB çalışılan 58 hastaya ait test sonuçları Tablo 2'de detaylandırılmıştır. Buna göre, bu hastaların 34'ünde Lyme hastalığı olabileceği, 16'sında Ig M ve/veya Ig G pozitifliğinin çapraz reaksiyona bağlı olabileceği ve testlerin tekrarlanması gerektiği, 8'inde Lyme hastalığına dair laboratuvar kanıtı olmadığı sonucuna varılmıştır. On sekiz aylık test verilerini içeren çalışmamızda toplam 2881 hastadan Lyme şüphesiyle test çalışılmış, 34 hastada (%1,2) enfeksiyona dair laboratuvar kanıtı bulunmuştur. Hastalık başta Nöroloji, Göz, Çocuk, Kardiyoloji ve Enfeksiyon hastalıkları olmak üzere 20'den fazla branşta tanı/ayırıcı tanıya girmiştir. Ig M ve/veya Ig G ara değer veya pozitif saptanan 533 hasta bulunduğu halde, 58 hastadan (%10,9) WB istemi yapıldığı görülmüştür. Test istemine yönelik bu eksik dikkat çekicidir ve akılcı test istemini vurgulamaktadır. Çalışmamızın, Lyme hastalığı serolojik tanısında standart iki aşamalı test prosedürü için farkındalık oluşturma amaçlanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Hastaların demografik özellikleri ve test sonuçları

	n	%
Cinsiyet		
Erkek	1134	39,4
Kadın	1747	60,6
Yaş		
Ortalama ±SS	42,6 ±19,4	
Medyan (min. - maks.)	44 (0 - 96)	
Test istenen bölge		
Nöroloji	1551	53,8
Göz Hastalıkları	358	12,4
Cocuk Hastalıkları	337	12,4
Kardiyoloji	219	7,6
Enfeksiyon Hastalıkları	147	5,1
İç Hastalıkları	89	3,1
Dermatoloji	46	1,6
Diğer*	114	4,0
Ig M (n= 2815)		
Negatif	2485	88,3
Ara değer	105	3,7
Pozitif	225	8,0
Ig G (n= 2784)		
Negatif	2548	91,5
Ara değer	117	4,2
Pozitif	119	4,3
Western Blot (n= 58)		
Negatif	34	41,4
Zayıf pozitif	17	29,3
Pozitif	17	29,3

*Aile hekimliği, Anestezi, Beyin Cerrahi, Fark Tedavi ve Rehabilitasyon, Gastroenteroloji, Genel Cerrahi, Göğüs Hastalıkları, Hematoloji, Kulak Burun ve Boğaz, Nefroloji, Psikiyatri, Romatoloji, Ortopedi, Organ Nakli, Kadın Hastalıkları ve Doğum.

Tablo 2. WB istenen hastaların Ig M ve Ig G sonuçları ile test sonuçlarının değerlendirilmesi

n	Western Blot	Ig M	Ig G	Değerlendirme
4	Negatif	Negatif	Negatif	Negatif
4	Negatif	-	-	Negatif
2	Negatif	Ara değer	Negatif	Çapraz reaksiyon / Test tekrar
12	Negatif	Pozitif	Negatif	Çapraz reaksiyon / Test tekrar
2	Negatif	Pozitif	Pozitif	Çapraz reaksiyon / Test tekrar
13	Pozitif	Pozitif	Negatif	Erken enfeksiyon
1	Pozitif	Pozitif	Ara değer	Erken enfeksiyon
1	Pozitif	Pozitif	-	Enfeksiyon
2	Pozitif	Pozitif	Pozitif	Enfeksiyon
6	Zayıf pozitif	Ara değer	Negatif	Klinik şüphle devam ederse: 1-2 hafta sonra test tekrar
10	Zayıf pozitif	Pozitif	Negatif	Erken enfeksiyon
1	Zayıf pozitif	Pozitif	Ara değer	Erken enfeksiyon

Anahtar Kelimeler: Lyme hastalığı; Borrelia burgdorferi; Western Blot.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 021

Bir Onkoloji Hastanesine Başvuran Kadın Hastalarda Yüksek Riskli HPV Genotipleri ve Patoloji İle İlişkisi

Ayşe Semra Güreşer¹, Özge Nur Arıcasoy¹, Neşe İnan¹, İpek Mumcuoğlu¹, Serap Süzük Yıldız¹, Ayla Yenigün¹, Funda Atalay², Gülay Bilir Dilek³, Tuba Dal¹

¹Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi Jinekolojik Onkoloji Cerrahisi Kliniği

³Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Patoloji

Giriş ve Amaç: Yüksek riskli insan Papilloma virüsleri (HRHPV) kadınlarda anogenital kanserlerin önemli bir sebebidir. Çalışmamızda Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi'nin Jinekolojik Onkoloji Cerrahisi kliniğine başvuran kadın hastalardaki HRHPV sıklığını, genotip dağılımını ve servikal smear sonuçları ile ilişkisini saptamayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza 1 Şubat -30 Haziran 2024 tarihleri arasında hastanemize başvuran 404 kadın hastadan alınan servikal sitoloji örnekleri dahil edildi. DNA çalışması Anatolia Geneworks Montania 4896 cihazı ve Bosphore HPV Screening Kit v1 tanı kiti ile yapıldı. Kit ile HRHPV Tip 16 ve Tip 18 ayrı ayrı saptanırken, Tip 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66, 67 ve 68 tipleri diğer HRHPV (dHRHPV) olarak birlikte saptanabilmekteydi. Hastalara ait veriler hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak alındı. İstatistiksel analiz için ki-kare testi kullanıldı, $p < 0,05$ ise anlamlı olarak kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: 404 hastanın yaş ortalamaları 47,2 (25-74)'idi. Hastaların 59 (%14,6)'unda HRHPV saptandı. Yaş gruplarına göre HRHPV saptanma oranları Tablo 1'de gösterilmektedir. Yaş gruplarına göre HRHPV pozitiflik oranları arasında istatistiksel olarak anlamlı fark saptanmadı ($p=0,009$). 45 (%11,1) hastada dHRHPV, sekiz (%2) hastada Tip 16, üç (%0,7) hastada Tip 16 + dHRHPV, üç (%0,7) hastada ise Tip 18 + dHRHPV genotipleri saptandı. Genotiplerin yaş göre dağılımı ise Resim 1'de gösterilmektedir. 304 (%75) hastadan eş zamanlı servikal smear örneği alındığı saptandı. Smear testinde saptanan patolojilerin HRHPV'ye göre dağılımı Tablo 2'de gösterilmektedir. HRHPV pozitif hastalarda istatistiksel olarak anlamlı oranda servikal smear örneğinde patoloji saptandığı görüldü ($P < 0,05$). Çalışmamızda HRHPV saptanan 59 hastanın 43 (%72,9)'ünde smear örneğinde patoloji saptanmazken 3 (%5) hastada ise eş zamanlı smear örneği alınmadığı görüldü. Sonuç olarak hastanemize başvuran kadınlarda servikal smear örneklerinde %14,6 oranında HRHPV, en sık da (%11,1) dHRHPV genotipleri saptanmıştır. HRHPV saptanan hastaların %72,9'unda smear örneğinde herhangi bir patoloji saptanmamış olması nedeniyle, servikal kanser taramasında erken tanı için sadece patolojik yöntemlerin kullanılması bazı hastaların gözden kaçmasına yol açabilir. Patolojik yöntemlere ilave olarak HRHPV DNA testinin kullanımı hem hastaların erken tanısına hem de takibine yardımcı olacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik 1: HRHPV genotiplerinin yaş grubuna göre dağılımı



Tablo 1: Yaş gruplarına göre HRHPV saptanma oranları

Yaş Grupları	HRHPV (+) n/N (%)	<i>p=0.009</i>
25-34	12/42 (%3)	
35-44	16/108 (%4)	
45-54	16/173 (%4)	
55 ve üzeri	15/81 (%3,7)	
Toplam	59/404 (%14,6)	

Tablo 2: Servikal smear sonuçlarının HRHPV pozitifliklerine göre dağılımı

Smear sonucu	HRHPV Negatif	HRHPV Pozitif	<i>p<0,05</i>
ASC-US	3	2	
HGSIL (CIN3)	-	4	
LSIL	-	7	
Normal sitoloji	246 (%80,9)	43 (%14,1)	
Toplam	249 (%81,9)	56 (%18,4)	

ASC-US: Önemi belirsiz atipik skuamöz hücreler, HGSIL(CIN3): Yüksek dereceli intraepitelyal lezyon, LSIL: Düşük dereceli intraepitelyal lezyon

Anahtar Kelimeler: HPV, Genotiplendirme, yüksek riskli HPV

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 022

Hepatit C Virus RNA Kantitasyonunda Diard-HCV RT Qpcr Kiti ile ARTUS HCV PCR Kitinin Karşılaştırılması

Ülker Çuhacı¹, Bengül Durmaz², Hande Toptan³, Mehmet Köroğlu³, Rıza Durmaz⁴

¹Yüksek İhtisas Üniversitesi

²Lokman Hekim Üniversitesi

³Sakarya Üniversitesi

⁴Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Hepatit C virüs (HCV) başta kan yoluyla olmak üzere, cinsel temasla ve plasenta yolla bulaşarak karaciğeri etkileyen hepatit C hastalığına neden olmaktadır. Anti-HCV antikorları pozitif hastalarda kronik enfeksiyonu ve tedavi ihtiyacını belirlemek ve tedavi sonrası HCV eradikasyonunu doğrulamak için nükleik asit amplifikasyon testlerine gereksinim duyulmaktadır. Bu çalışmada klinik örneklerde HCV RNA yükünü belirlemek amacıyla geliştirilmiş yeni bir kit olan DiaRD-HCV RT qPCR kitinin klinik örnekler üzerindeki performansını değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: DiaRD-HCV RTqPCR kitinin klinik örnekler üzerindeki etkinlik çalışmaları Sakarya Üniversitesi Eğitim Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarında Artus HCV PCR test kiti (Qiagen) ile çalışılmış ve hasta bilgileri anonimleştirilmiş 47 HCV RNA pozitif, 154 negatif olmak üzere toplam 201 örnek üzerinde test edilmiştir. Bir yıl içerisinde HCV RNA saptanması amacıyla gönderilen örneklerin tamamı çalışmaya alınmıştır. Örneklerden DNA izolasyonunda Diarex Viral DNA/RNA ekstraksiyon kit (www.diagen.com.tr) kullanılmıştır. Multipleks olarak kurulan RTqPCR amplifikasyon miksi içerisinde HCV genomunun 5'UTR (untranslated region=UTR) içerisindeki 105 bazlık bölgenin amplifikasyonunu sağlayan primerler, çoğalmayı saptayacak TaqMan probu ile internal kontrol primer/probu bulunmaktadır. HCV RNA miktarını belirlemek için dört adet kantitasyon standardı kullanılmaktadır. Artus HCV PCR kitinden elde edilen sonuçlar referans alınarak DiaRD HCV RTqPCR kitinin klinik etkinliği belirlenmiştir. Kitinin kantitasyon aralığı WHO HCV standardı (NIBSC code: 18/184) kullanılarak HCV RNA yükü 1.3×10^{11} IU/ml olarak belirlenmiş plazmit RNA'nın negatif plazma içerisinde yapılan seri seyreltileri üzerinde gerçekleştirilen sekizli tekrar çalışmalarıyla saptanmıştır. Kitin deney içi ve deneyler arası tekrarlanabilirlik çalışmaları HCV RNA yükü 5.10×10^5 IU/ml, 1.40×10^4 IU/ml ve 1.42×10^3 IU/ μ L olan klinik örnekler ile kurulan sekizli RT-PCR tekrarlarıyla yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Artus kitiyle pozitif olan 47 örneğin 46 (%97,8)'sından DiaRD-HCV kitiyle de pozitif sonuç alınmıştır. Pozitif olan örneklerin 41'inde iki kitle saptanan HCV RNA kantitasyon değerleri arasındaki fark $< 0.5 \log_{10}$, altısında 0.5 ile $0.9 \log_{10}$ olarak gözlenmiştir. İki kitin kantitatif sonuçları arasındaki korelasyon, lineer regresyon analiziyle gösterilmiştir (Şekil). Negatif olan 154 örneğin tamamı DiaRD HCV RTqPCR kitiyle negatif sonuç vermiştir. Kitin duyarlılığı %97,8, özgüllüğü en az %99,9, doğruluğu %99,5, pozitif prediktif değeri %100, negatif prediktif değeri %99,4 olarak belirlenmiştir. Kantitasyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

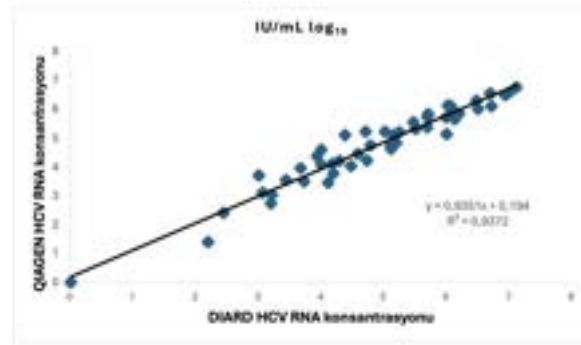
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



aralığı <13 IU/ml->1.3x10¹⁰ IU/mL olarak saptanmıştır. Tekrarlanabilirlik sonuçlarının analizleri tabloda verilmiştir. Elde edilmiş olan veriler DiaRD HCV RTqPCR kitinin klinik örneklerde kullanılabileceğini desteklemektedir.

Şekil. Pozitif örneklerde her iki kitle saptanmış olan kantitasyon değerlerinin lineer regresyon analizi



Tablo. HCV RNA kantitasyon değerlerine göre tekrarlanabilirlik sonuçları

HCV RNA	Standard sapma	Varian	Varian Katsayısı (%)
5,18E+05 IU/ml			
Deney içi tekrar	0,066184	0,001157	0,011568
Deneyler arası tekrar	0,04797	0,002301	0,009589
Toplam varyasyon	0,082795	0,006855	0,018716
HCV RNA			
1,48E+04 IU/ml			
Deney içi tekrar	0,029186686	0,00057632	0,00651142
Deneyler arası tekrar	0,041352843	0,001718058	0,010048918
Toplam varyasyon	0,029879189	0,000892798	0,00733261
HCV RNA			
1,42E+03 IU/ml			
Deney içi tekrar	0,000289003	0,00000004	0,00000017
Deneyler arası tekrar	0,001690962	0,000005775	0,00000102
Toplam varyasyon	0,00118474	0,000005818	0,000001294

Anahtar Kelimeler: Hepatit C virüs, qPCR, DiaRD HCV RNA qPCR kit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 023

Shotgun Metagenomics on Air: Surveillance of Viral Pathogens in a Daycare Centre And Indoor Air Virome

Mustafa Karataş¹, Caspar Geenen¹, Els Keyaerts², Emmanuel Andre², Jelle Matthijnssens¹

¹KU Leuven (University of Leuven), Dept. Microbiology, Immunology and Transplantation, Laboratory of Clinical Microbiology - Leuven (Belgium)

²University Hospitals Leuven, Department of Laboratory Medicine and National Reference Centre for Respiratory Pathogens, - Leuven (Belgium)

Introduction and purpose: Traditional viral pathogen surveillance relies on testing for a limited number of pathogens among symptomatic patients. These established approaches may overlook asymptomatic and mild infections and miss infections caused by untested or emerging pathogens. We employed viral-like particle (VLP) enriched shotgun metagenomics to analyze air samples from a daycare center for children up to three years old. We aimed to identify a spectrum of viruses and provide genomic insights into their presence in air samples, potentially identifying a novel method for environmental surveillance.

Materials and Methods: From January 2022 to December 2022, we collected 42 air samples using an AerosolSense active air sampler for two hours, during operational hours of the daycare center. At least three samples were collected each month except for July (n=2) and December (n=1) due to holidays at the daycare center. VLPs were extracted and random-amplified using The Novel Enrichment Technique of Viromes protocol. High-throughput sequencing was performed on an Illumina NovaSeq 6000 system, yielding an average of 25 million reads per sample after quality control and trimming. We identified viruses using EsVirtu, a tool for mapping reads against reference genomes of human and animal viruses. Consensus sequences were verified using BLASTN.

Findings and Conclusion: Alongside the expected respiratory viruses (e.g. rhinoviruses), our metagenomic analysis revealed the presence of a wide spectrum of viruses (Figure 1). Polyomaviruses were consistently detected in all but eight samples, with a notable prevalence of WU Polyomavirus during the summer and Human polyomavirus 10 (HPyV10) throughout the rest of the year. Human and animal enteric viruses such as Rotavirus A, D, F, G, Sapovirus, Human Mastadenovirus, and astroviruses were identified in 15 out of 42 samples (Figure 2). The retrieved genomic information allowed the species and subspecies-level identification of several viruses - including rhinoviruses, matching with the general epidemiological patterns of the nearby hospital and nationwide Rotavirus A epidemiology (Figure 3). Our results show that untargeted shotgun metagenomics provides a promising framework for analyzing such samples for enteric, respiratory and skin-associated viruses, generating high-quality genomic data that can be used for further pathogen characterization. Further validation of this novel approach could complement current surveillance systems.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

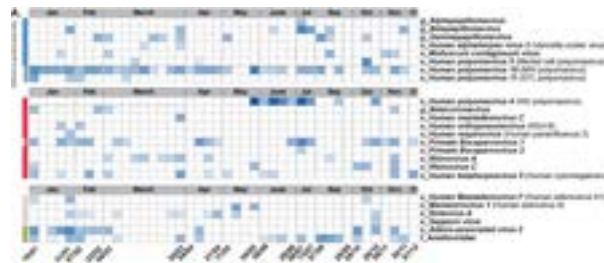
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Figure 1



Human-associated viruses. On x-axis, first and last sample collection in each month is visible and y-axis represents taxonomical level viruses were identified.

Figure 2

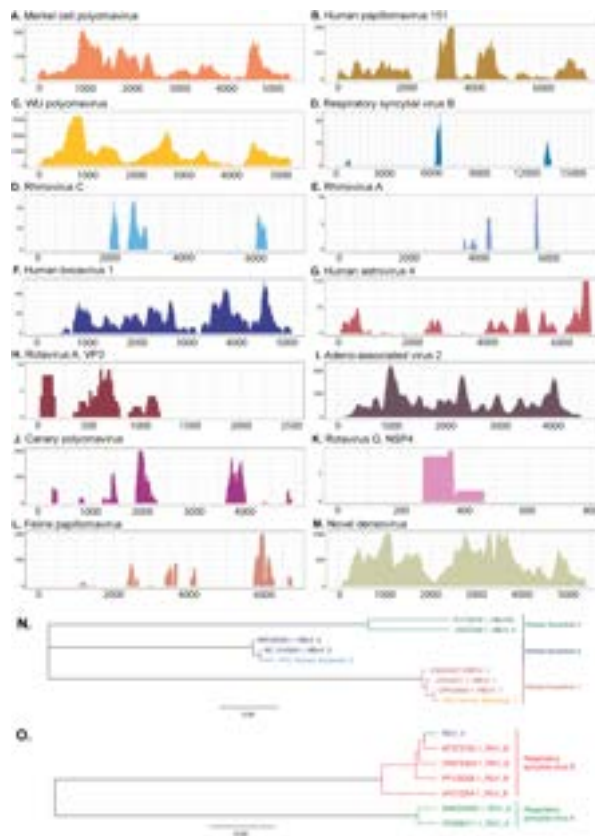


Figure 2. Panel A to M. Coverage plots of viruses found in indoor air samples. y-axis for each panel is different and shows the depth of coverage while the x-axis shows nucleotide position. Panel N-O.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Phylogenetic tree of 2 Human bocaviruses and RSV found in indoor air samples. Sequences were aligned using ClustalW and trees were constructed based on the number of differences.

Figure 3

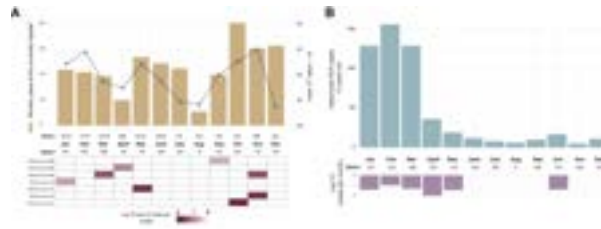


Figure 3. A. Monthly enterovirus (including Rhinovirus) cases at the university hospital and qPCR CT values measured from indoor air samples of the daycare center coupled with a heatmap (below) created using data from shotgun metagenomics. B. Monthly rotavirus cases nationwide coupled with inverted bar plot of aligned reads (log10 scale) per month.

Keywords: indoor air surveillance, viral metagenomics, emerging viruses

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 024

Fotoaktivatör Olarak Metilen Mavisi Kullanılan Kırmızı LED Işık Uygulamasının Antifungal Etkinliğinin İn Vitro Koşullarda Gösterilmesi

Sidre Erganiş¹, Yavuz Kemal Arıbaş², Kamil Bilgihan³, Ayşe Kalkancı¹

¹Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Göz Hastalıkları Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

³Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Göz Hastalıkları Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Fotodinamik antimikrobiyal tedavi (AFDT) dirençli enfeksiyonların tedavisinde yeni bir seçenek olarak kullanılmaya başlanmıştır. Fungal keratitler dünya çapında körlük nedenleri arasındadır. Fungal keratit tedavisi için natamisin, amfoterisin B, flukonazol ve vorikonazol dahil olmak üzere sınırlı sayıda seçenek bulunmaktadır. Ayrıca direnç gelişmesi nedeniyle, yeni tedavi yaklaşımlarına ihtiyaç duyulmaktadır. Bu çalışmada, fungal keratit etkeni olarak en sık izole edilen *Candida albicans* ve *Fusarium keratoplasticum*'un yanında, son yıllarda çoklu ilaca dirençli bir tür olarak karşımıza çıkan *Candida auris*'in LED ışık ve metilen mavisi ile oluşturulan fotodinamik uygulamaya duyarlılıklarının mikropalak üzerinde gösterilmesi ve devam edecek in vivo çalışmalara temel oluşturulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Doksan altı kuyucuklu polistren mikro plaklar kullanılmıştır. *Candida albicans*, *Fusarium keratoplasticum* ve *Candida auris* referans kökenleri kuyucuklara 10² CFU/ml'lik konsantrasyonda, 100 µl volümde eklenmiştir. Belirlenen tedavi kuyucuklarına 100 ul metilen mavisi son konsantrasyonu %0.1 olacak şekilde eklenmiştir. Diğer kuyucuklar, LED ışığının yansımalarının önlenmesi için siyah renkli çini mürekkebi ile doldurulmuştur. Her mikroorganizma ve voltaj (10 mV ve 20 mV ayrı ayrı) için altışar kuyucuk ve altışar kontrol kuyucuğu belirlenmiştir. Tedavi kuyucukları 15 dk kırmızı LED ışığa maruz bırakılmıştır. Süre sonunda her kuyucuktan canlı mikroorganizma sayımı yapılmıştır. LED ışığı uygulanan ve uygulanmayan kuyucukların kültürde üreyen koloni sayılarına göre antifungal etkinliğinin karşılaştırılması hesaplanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: 10 ve 20 mV LED ışığa maruz kalan; *Candida albicans* tedavi kuyucuklarında kültür sonrasında üreme saptanmaz iken, *Candida auris* tedavi kuyucuklarında 20 mV uygulanan altı kuyucuktan birinde bir koloni *Candida auris* üremesi olmuştur. *Fusarium keratoplasticum* tedavi kuyucuklarından 10 mV uygulanan altı kuyucuğun dördünde ve 20 mV uygulanan altı kuyucuğun üçünde üreme saptanmıştır. Fotodinamik tedavi uygulanan grubun antifungal etkinliği uygulanmayan gruba göre anlamlı bulunmuştur (p<0.05).%0.1'lik metilen mavisi ile yapılan fotodinamik tedavinin *Candida albicans* ve *Candida auris* için antifungal etkili olduğu ve in vivo çalışmalara temel oluşturabileceği, *Fusarium keratoplasticum* için ileri çalışmalara gerek olduğu düşünülmüştür.

Anahtar Kelimeler: fotodinamik tedavi, antifungal etkinlik, metilen mavisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 025

Maldi-ToF/MS Yöntemi ile *Malassezia furfur* Tanımlanmasında Farklı Besiyerlerinin Kullanılması

Çağrı Ergin¹, Gözde Gülcan Ünal¹, Tuğrul Hoşbul², İlknur Kaleli¹

¹Pamukkale Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Gülhane Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Ankara

Giriş ve Amaç: Lipitlere bağımlı olarak üreyebilen *Malassezia furfur*, immünsüprese hastalarda ve yenidoğanlarda giderek artan sıklıkla enfeksiyon etkeni olarak bildirilen bazidiyomiset maya mantaridir. Özellikle yenidoğan yoğun bakımlarında lethal seyredebilen fungemilere neden olmaktadır. Klinik mikrobiyoloji laboratuvarlarında mikolojik kültürler için rutin olarak kullanılan besiyerlerinde üreyemez ve kültürü için modifiye Dixon agar (mDA), modifiye Leeming-Notman agar (mLNA) veya Fast-Fung agar (FFA) kullanılmaktadır. Her besiyerinin lipid ve protein içerikleri farklıdır. Hızlı tanımlamada kullanılan Maldi-ToF/MS tekniği, mayanın hücre duvarının kütle spektrometresini temel alan proteomiks analizine dayanır. mDA, mLNA ve FFA farklı lipid ve protein içeriğinden dolayı bu besiyerlerinden üreyen mayaların hücre duvarlarında oransal farklılıklar beklenmelidir. Bu çalışmanın amacı, *M. furfur* kökenlerinin Maldi-ToF/MS yöntemi ile tanımlanmasında en etkin besiyerinin saptanmasıdır.

Gereç ve Yöntem: Araştırmaya dizi analizi tanımlaması doğrulanan 15 *M. furfur* ve bir standart köken (CBS 1878) alındı. İzolatların genotipik olarak tanımlanması, 26S rDNA'nın D1/D2 bölgesinin 5'-TAACAAGGATTCCCCTAGTA-3' ve 5'-ATTACGCCAGCATCCTAAG-3' primerleri ile hedef alınarak çoğaltılması ve ardından ampikonların dizilenmesi ile gerçekleştirildi. Tüm kökenler laboratuvarında hazırlanan mDA, mLNA ve FFA besiyerlerine tek koloniden ekildi ve 33°C'de beş gün süre ile üremeye bırakıldı. Üreyen kökenlerin hücre duvarı lipidleri %50'lik etanolde çözdürüldü ve santrifüj ile uzaklaştırıldı. Pelet havada kurutuldu ve distile su ile süspanse edilerek standart Maldi-ToF/MS (Bruker Daltonik GmbH, Bremen, Almanya) analizi protokolüne alındı. Her analizin log skor değerleri ve m/z profilleri (*.txt olarak) kaydedildi. m/z profilleri kompozit bağıntı indeksi (CCI) hazırlanarak incelendi. Verilerin istatistik analizi MALDI Biotyper (Bremen, Almanya) ve PAST (Ø.Hammer, 2023) programı ile yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: mLNA besiyerinde üreyen kökenler diğer besiyerlerinde üretilen kökenlerden daha yüksek log değerlerine sahipti ($p<0.05$). CCI incelenmesinde besiyeri grupları arasında farklılıklar belirgin şekilde ayrıştı. mLNA besiyeri ile altı köken >1.70 log skoruna sahipken, bu değere FFA ile beş, mDA ile iki kökende ulaşılabildi. mDA verileri mLNA ile negatif, FFA ile pozitif korelasyon gösterdi. Sonuç: Elde edilen veriler Maldi-ToF/MS analizi ile *M. furfur*'un tanımlanmasında kökenlerin mLNA besiyerinde kültüre edilmesi gerekliliğini göstermiştir. *Malassezia* sp. kökenlerinin Maldi-ToF/MS ile tanımlanmasında halen kullanılan veritabanının oluşturulmasında mLNA besiyerinin kullanımı bunun bir nedeni olabilir. mDA veya FFA ile yapılacak tanımlamalar için her laboratuvarın kendi veritabanı kütüphanesi oluşturmasını öneriyoruz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Malassezia, Maldi-ToF/MS

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 026

{*Candida glabrata* (*Nakaseomyces glabrata*)} Dediklerimiz Acaba {*Candida auris*} mı?

Ayşe Nedret Koç, Ebru Başalan Sakallı, Mustafa Altay Atalay

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: {*Candida glabrata* (*Nakaseomyces glabrata*)}, kan kültürlerinden sıklıkla izole edilen ve flukonazol direnci olabilen maya türüdür. {*Candida auris*}, hastalık etkeni olarak yeni ortaya çıkan, çoklu ilaca dirençli ve hastanelerde salgınlara neden olabilen bir {*Candida*} türüdür. {*Candida auris*'u} standart laboratuvar yöntemleriyle tanımlamak zordur ve moleküler yöntemleri olmadan yanlış tanımlanabilmektedir. {*Candida auris*'u} fenotipik yöntemlerle ve flukonazol yüksek Minimum İnhibitör Konstantrasyon (MİK) belirlenmesi nedeniyle {*Candida glabrata*} türleri ile karıştırılabilir. Bundan dolayı bu çalışmada; hastanemizde {*Candida auris*} suşunun ilk tanımlanması sonrası, 5 yıllık kan kültürlerinden fenotipik olarak izole ettiğimiz {*Candida glabrata*} suşların arasında {*Candida auris*'in} olup olmadığının ve suşlarının klinik önemi ve antifungal duyarlılıkların araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde 2018-2023 yılları arasında kan kültüründen fenotipik yöntemlerle izole edilen 48 {*Candida glabrata*} şusu çalışmaya alındı. Fenotipik yöntemlerle (mikroskopik ve makroskopik morfolojisi, kromojenik besiyesindeki koloni rengi (Brilliance Candida agar (Oxoid, England), üreaz aktivitesi, ısı toleransı ve karbonhidrat asimilasyon testi (the API 20C AUX (bioMerieux, France) ve MALDI-TOF MS (Matriks Assisted Lazer Desorption Ionization Time of Flight Mass Spectrometry - Vitek MS Prime (bioMerieux, France) tekrardan tanımlanması yapıldı. Suşların gradient Strip Etest yöntemiyle (bioMerieux, France) belirlenen antifungal duyarlılıkları değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 48 kan kültüründen fenotipik olarak tanımlanan suşların %100' ü MALDI-TOF MS ile {*Candida glabrata*} olarak tanımlandı. Hastaların %60'nın yoğun bakımlarda (YBÜ) (Dahiliye ve Genel Cerrahi YBÜ) yatışı olduğu belirlendi. Hastaların yaş ortalamaları 59,3'dü. Hastaların hepsinde en az bir alt hastalık, üriner katater, ve % 85,5'inde santral venöz katater olduğu görüldü. Tüm hastalar en az ikili antibakteriyel ilaç kullanmıştı (Tablo 1). Hastaların sadece bir tanesi izolasyon öncesi flukonazol alırken, %77'si izolasyon sonrası antifungal tedavi aldı ve mortalite %62,5 idi. Suşların antifungal MİK50/MİK90 ve Geometrik Ortalama (GO) değerleri incelendiğinde; en yüksek MİK flukonazol, vorikonazolde, en düşük MİK kaspofungin ve amfoterisinB de olduğu görüldü (Tablo 2). Sonuç olarak, bu çalışmada fenotipik olarak tanımlanan {*Candida glabrata*} suşlarının hiçbirinde {*Candida auris*} belirlenmemesine rağmen, hastanelerde {*Candida auris*'in} salgınlar yapabilme yeteğinden dolayı rutin yöntemlerimize moleküler yöntemleri de eklemek gerekmektedir. Yoğun bakım ve onkoloji servisinde yatan, nötropenisi olmayan, özellikle üriner ve/ veya santral kateterli, antibiyotik kullanımı olan hastaların fungemisinde {*Candida glabrata*} etken olabileceğini düşünölmeli ve dirençli olabileceğinden dolayı antifungal seçimini ona göre yapılmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 027

Sarayköy Umut Termal Pleidoterapi Havuzunun Mikrobiyota ve Mineralojik Özelliklerinin Değerlendirilmesi

Gülin Fındıkoğlu Ergin¹, Barış Semiz², Caner Vural³, Aycan Gündoğdu⁴, Çağrı Ergin⁵

¹Pamukkale Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Fiziksel Tıp ve Rehabilitasyon Anabilim Dalı, Denizli

²Pamukkale Üniversitesi, Mühendislik Fakültesi, Jeoloji Mühendisliği Bölümü, Mineroloji-Petrografi, Denizli

³Pamukkale Üniversitesi, Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Moleküler Biyoloji, Denizli

⁴Erciyes Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Kayseri

⁵Pamukkale Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Denizli

Giriş ve Amaç: Peloidler jeolojik ve biyolojik, kimyasal ve fiziksel süreçlerle oluşan mineral ve organik bileşenlerden oluşan özel çamur veya kildir. Uluslararası Tıbbi Hidroloji Derneği çamur (peloid) tedavisini (pleidoterapi); “Organik veya inorganik malzeme (katı faz) ve deniz-tuz gölü/maden suyu (sıvı faz) birlikteliğinden oluşan doğal ürününün, biyolojik aktivitesi ve jeolojik (kil mineralleri) içeriğinin kataplazma (sarma, paket, maske olarak düzenli aralıklarla hastalara seri halde tekrarlanması) veya banyo ile terapötik ajan olarak topikal uygulanması” olarak tanımlar. Pleidoterapi diz osteoartriti, romatoid artrit, psoriatik artrit, kronik bel ağrısı ve fibromiyalji hastalarının tedavisinde yer almaktadır. Yöntemin iyileştirici etkileri iyi tanımlanmakla birlikte bu kürlerin kesin mekanizması, kimyasal bileşenlerin varlığı ile ilişkisi hakkında bilgiler çok sınırlıdır. Sülfoglikolipitler, glikogliserolipitler, diasilgliserolipitler, galaktolipitler gibi antiinflamatuvar organik bileşikler peloid mikrobiyotası ile ilişkilidir ve ortamdaki mikroorganizmalar tarafından mineral ve elementler kullanılarak sentezlenir. Araştırmada, Denizli Sarayköy Umut Termal peloid havuzunun fizik tedavi uygulamalarında etkinliği gösterilen ortamının mikrobiyotası ve mineralojik özellikleri çalışılmış, antienflamatuvar organik bileşikler sentezleyen bakterilerin varlığı araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Araştırmaya peloid havuzu(PelH), gölet kaynak alanı(Gölk) ve çamur oluşu(ÇamO) örnekleri alındı. Her bölgeden üçer örnek alınarak birleştirildi. Örneklerin mikrobiyata analizi Illumina MiSeq Platform'u (Kalifornia, ABD) kullanılarak yapıldı. X-ışınları kırınımı (XRD) tüm kayaç analizleri Bruker D8 Advance marka difraktometre ile, X-ışınları Floresans (XRF) analizleri ise Spectro XEPOS marka Polarize Enerji Dağılımlı X-ışını Floresans Spektrometresi (PEDXRF) kullanılarak yapıldı. Elde edilen verilerin analizinde R-Studio (Ver 1.3.1093) kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: İncelemeye alınan her örnekte Proteobacteria (Pseudomonadota) en sık saptanan (ÇamO:%66.2; PelH: %26.4, Gölk:%17.6) şubelerdi. Gölk, diğer iki bölgeye göre daha fazla bakteriyel çeşitlilik içermekteydi (Shannon indeksleri; ÇamO=14.2; Gölk=21.9; PelH=18.0). 188 bakteriyel sınıftan dört tanesi (Chlorobi_alt sınıf, Chloroflexi_alt sınıf, GNO2_alt sınıf ve OP11-4) sadece PelH örneklerinde saptandı. Nitrosomonadaceae, Desulfomicrobiaceae, Aeromonadaceae ve Alteromonadaceae aileleri de sadece PelH örneğindeydi. PelH ve Gölk örneklerinde Al₂O₃ yüksek saptanırken, dolomit (%11) ve kuvars

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



(%42) ÇamO ortamında, kalsit (%35) GölK ortamında ve feldspat (%15) PelH ortamında yüksek saptandı. İz elementlerden Cr, Zr ve W ÇamO'da; Sr, Cs ve Co GölK'da yüksek iken Hf, Cs ve Co PelH'de çok düşük seviyelerde ölçüldü. Pleidoterapi ortamlarında jeomikrobiyal birlikteliklerin araştırılması bakteriler tarafından üretilen antienflamatuvar bileşiklerin sentez yollarının anlaşılmasında ilk basamaktır. Ülkemizdeki pleidoterapi havuzlarının jeomikrobiyal olarak incelenerek, içeriklerine göre etkinliklerinin saptanması, tedavi planının çizilmesi açısından önemlidir.

Anahtar Kelimeler: Mikrobiyota, mineral, Pleidoterapi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 028

***Mycobacterium tuberculosis* Suşlarında GyrA Mutasyonlarının Tespitinde Kullanılacak Qpcr Testinin Tasarımı**

Oğuz Arı¹, Rıza Durmaz², Ahmet Arslantürk³, Sedat Vezir⁴

¹Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Merkez Araştırma Laboratuvarı

²Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Tıp fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

³Türkiye Halk Sağlığı Kurumu, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı

⁴Atatürk Sanatoryum Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: *Mycobacterium tuberculosis*'in neden olduğu tüberküloz hastalığının tedavisi, bakterinin çok ilaca dirençli (ÇİD) ve yaygın ilaç dirençli (YİD) suşlarının ortaya çıkmasıyla daha da zor bir hal almıştır. ÇİD-TB suşları rifampisin ve izoniazid direnci ile ortaya çıkmaktadır. ÇİD-TB'ye ek olarak en az bir kinolona dirençli olan suşlar Ön-YİD, bir parenteral ilaca daha direnç olması durumunda ise YİD olarak sınıflandırılmaktadır. Kinolon ilaçları, topoizomeraz II (DNA giraz) enzimini inhibe ederek mikobakteriyel DNA replikasyonu ve transkripsiyonuna müdahale etmektedir. DNA giraz enzimini kodlayan gyrA geninin kinolon direnç tespit bölgesinde (QRDR) ortaya çıkan mutasyonlar (A90V, S91P, D94A, D94G, D94H, D94N, D94Y) kinolon direnci ile ilişkilendirilmiştir. Bu çalışmada, *M. tuberculosis* suşlarında gyrA geni mutasyonlarını tespit eden moleküler beacon prob temelli bir qPCR testinin geliştirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: PCR denemeleri, amplifikasyon karışımı toplam hacmi 20 µl olacak şekilde; 10 µl master miks (2x), 5 µl primer/prob miksi ve 5 µl kalıp DNA eklenerek çalışıldı. PCR'da kullanılmak amacıyla, gyrA genini hedefleyen ve vahşi (wild) tip diziyeye spesifik primerler ve gyrA geninin 89-95. kodonları arasına bağlanacak bir moleküler beacon probu tasarlandı. Çalışılan örneklerde bu bölgede bir mutasyon olması durumunda PCR amplifikasyonu aşamasında floresan sinyali alınmayacaktır. PCR denemelerinde, bir duyarlı kontrol suşu (H37Ra) ve beş kinolon dirençli suşun DNA örnekleri kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Kinolon direncinden sorumlu gyrA geni mutasyonlarını tespit etmek amacıyla tasarlanan ve optimize edilen gyrA primer ve problemleriyle yapılan PCR çalışmalarında *M. tuberculosis* H37Ra suşundan yaklaşık 1000 RFU sinyal alınırken, test edilen klinik örneklerin çoğundan 300 RFU veya daha düşük seviyede sinyal alındı (Şekil 1). Bu örnekler ile yapılan DNA dizileme analizleri sonucunda düşük sinyal veren klinik örneklerde prob bağlanma bölgesinde kinolon direnciyle ilişkilendirilmeyen bir nokta mutasyon (S95T) tespit edildi. Ayrıca toplamda beş örnekte, kinolon direncine neden olan üç farklı mutasyon saptandı. Bu mutasyonlar, D94A (n=2), D94G (n=2) ve A90V (n=1) olarak belirlendi (Şekil 2). Sonuç olarak, bu çalışmada tasarlanan qPCR metodu ile gyrA geni QRDR bölgesindeki mutasyonlar tespit edilebilmektedir. Bu bölgede bulunan ancak kinolon direnci ile ilişkilendirilmemiş bir mutasyon (S95T), kinolon dirençli/duyarlı ayırımı zorlaştırmaktadır. Bu sorunun çözümüne yönelik, QRDR bölgesini hedefleyen prob, ilgili mutasyonu dışarıda bırakacak şekilde revize edilerek PCR metodunun güncellenmesi planlanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

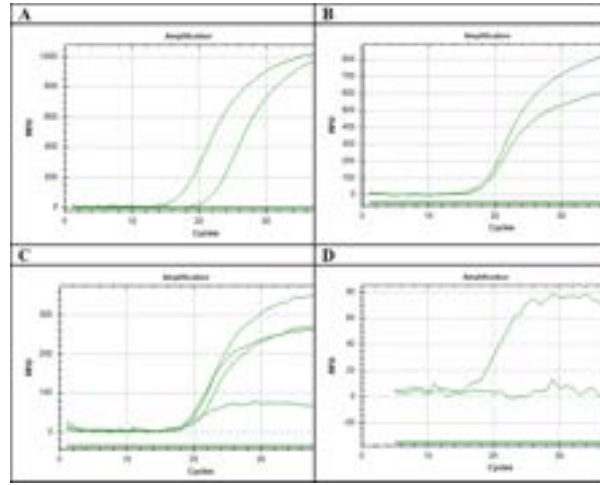
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi

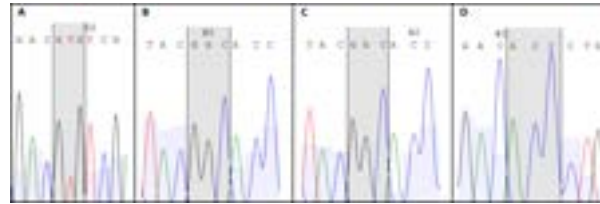


Şekil 1



Wild tip H37Ra suşu ve klinik örneklerden alınan PCR sinyalleri A: wild tip H37Ra B: Mutasyon bulunmayan klinik örnekler C: S95T mutasyonu bulunan klinik örnekler D: S95T ve D94A mutasyonlu klinik örnekler.

Şekil 2



DNA dizileme sonucunda gyrA geninde tespit edilen nokta mutasyonları. A: A90V B: D94A C: D94G D: S95T

Anahtar Kelimeler: Tüberküloz, Kinolon direnci, qPCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 029

Çok İlaça Dirençli *M. tuberculosis* İzolatlarındaki Rifampisin ve İzoniyaizid Direnç Bölgelerinin GenoType MTBDRplus Testi ile Saptanması

Nilay Uçarman¹, Alper Sarıbaş¹, Derya Altun¹, Ekrem Sağtaş², Ahmet Arslantürk¹

¹SB Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Dairesi Başkanlığı, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı

²SB Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Daire Başkanlığı

³Tüberküloz Laboratuvar Çalışma Grubu Üyeleri

Giriş ve Amaç: En az İzoniaizid (INH) ve Rifampisine (RIF) karşı dirençli basillerin neden olduğu tüberküloz "Çok İlaça Dirençli Tüberküloz (ÇİD TB)" olarak tanımlanmaktadır. Çok ilaca dirençli tüberküloz tedavilerindeki kötü seyir, düşük kür oranları, yüksek tedavi maliyetleri tüberküloz kontrol programı için önemli bir sorun oluşturmaktadır. Bu nedenle tüberküloz (TB) saptanan örneklerin hızlı bir şekilde ilaç duyarlılıklarının moleküler olarak belirlenerek tedaviye başlanması, bulaş zincirinin kırılması açısından kritiktir. Çalışmamızda Ocak 2019- Aralık 2021 yılları arasında S.B. Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ulusal Tüberküloz Referans Laboratuvarı'na yürütülen surveyans (TULSA) kapsamında gönderilerek tespit edilen ÇİD-TB kültür izolatlarında GenoType MTBDRplus testi ile dirençle ilgili rpoB, katG ve inhA gen bölgelerinin incelenmesi ve hangi kodonların en sık görüldüğünün belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2019- Aralık 2021 yılları arasında toplam 2.694 adet kültür izolatına GenoType MTBDRplus (HAIN Lifescience) testi uygulanmıştır. Test katı ya da sıvı kültürden üretici firma önerilerine göre çalışılmıştır. Rifampisin direnci için rpoB wild type (WT1-8) kaybı ve rpoB mutasyonları (MUT1-3), izoniyaizid için hem katG wild type (WT) kaybı ve KatG mutasyonları (MUT1,2) ile inhA wild type (WT1,2) kaybı ve inhA mutasyonları (MUT1-3) değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Kullanılan moleküler yöntemlere göre 2019 yılında 1201 adet ve 2020 yılında 666 adet, 2021 yılında 827 adet olmak üzere toplam 2694 adet kültür örneği moleküler olarak çalışılmıştır. Bunların 319'unda Rifampisin ve İzoniyaizid birlikte dirençli olarak saptanmıştır. Rifampisin ve İzoniyaizid dirençli 319 adet suştan 246'sında (%77,1) rpoB WT8 kaybı MUT 3 (S531L mutasyonu), 35 (%10,9)'inde mutasyon olmayıp rpoB WT kaybı görülmüştür. İzoniyaizid direnci için ise KatG WT kaybı ve MUT1 (S315T1 mutasyonu) saptanan izolat sayısı 205 (%64,2), hem inhA WT kaybı, MUT, hem de katG WT kaybı, MUT1 bantlarının bir arada görüldüğü suş sayısı ise 70 (%21,9) olarak bulunmuştur. Sonuç: Bu çalışma ile Ulusal TB Referans Laboratuvarındaki ÇİD-TB izolatlarındaki rifampisin ve izoniyaizid için en çok karşılaşılan mutasyonlar gösterilmiştir. İlaç direnç mutasyonlarının gösterilmesi açısından moleküler yöntemlerin kullanılması büyük fayda sağlamakta ancak tek başına yeterli olmamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Moleküler yöntemlerle mutasyon saptanmaması, sonucun her zaman duyarlı olduğu anlamına gelmediği gibi, saptanan mutasyonlar da duyarlılığı etkilemeyen sessiz mutasyonlar olabileceği için her zaman direnci göstermeyebilir. Mutlaka kültüre dayalı yöntemler ile moleküler yöntemlerin doğrulanması gerekmektedir.

Anahtar Kelimeler: *Mycobacterium tuberculosis*, Genotype MTBDRplus, ilaç direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 030

Draft Genome Sequences of Two *Mycobacterium kansasii* Isolates from Human Pulmonary Infections in Türkiye

Hakan Farzin Mehmetzade¹, Süleyman Yalçın², Ahmet Arslantürk²

¹Hacettepe Üniversitesi

²T.C. Sağlık Bakanlığı Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü

Introduction and purpose: *Mycobacterium kansasii*, a Nontuberculous mycobacterium, is an opportunistic pathogen of humans. It induces pulmonary or disseminated infections in humans infected with HIV. It is known to cause fibrocavitary lung disease in non-HIV patients. *M. kansasii* isolates have been recovered from environmental samples such as dust, soil, and water. In this study, we present the data set of draft genome sequences of 2 *M. kansasii* strains isolated from patients diagnosed with pulmonary infection in Türkiye for the first time. The isolates were obtained through project GO 22/853 (09.20.2022).

Materials and Methods: The DNA extraction process was performed on oropharyngeal, skin Lesion, and nasopharyngeal samples using the EZ1&2™ Virus Mini Kit (Qiagen, Germany) according to the manufacturer's instructions. Extracted DNA was quantified on Qubit 4.0 Fluorometer (Invitrogen, Singapur) using dsDNA High Sensitivity Assay kit (Life Technologies, USA) following the protocol according to the manufacturer's guidelines. The DNA concentration was found to be 8,4 ng/ul. To prepare the library barcoded sequencing library was prepared and whole genome sequencing was performed using 700 ng of the extracted DNA using the Native Barcoding Genomic DNA kit (SQK-NBD114.24) - Oxford Nanopore Technologies (ONT, UK). The library was loaded onto FLO-MIN114, R10 version flow cells on the GridION device (ONT, UK). For the analysis of sequencing dataset, de novo assembly was performed using Flye (v.2.9.3) assembler. Generated contigs were aligned to the reference genomes that are found in "nucleotide" database in NCBI using BLAST (v.2.15). Species with more than 90% pairwise identity and 80% query coverage were identified, and sequencing reads were mapped to the respective genomes using minimap2 (v.2.26). Downstream analyses were performed for the best alignment according to reference sequence percentage and mean coverage statistics.

Findings and Conclusion: In this study we could show the whole genome of two *M. kansasii* from Türkiye for the first time. This sequencing project revealed mutations, virulence factors, Polymorphisms and Antimicrobial resistances. This whole-genome shotgun project has been deposited in GenBank under the accession numbers PRJNA1101765 and PRJNA1102304 for these two *M. kansasii* strains. The sequencing and bioinformatics work were funded by Massive Bioinformatics.

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 031

Hızlı Sepsityper® Kiti ile Hızlı Tanımlama ve Eucast Hadt Kullanılarak Kan Kültürü Şişelerinden Doğrudan Sepsis Etkenlerinin Belirlenmesi

Canberk Çınar, Yeliz Tanrıverdi Çaycı, İlknur Bıyık, Ayşegül Çolak, Asuman Birinci

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: Kan dolaşım enfeksiyonlarının uygun tedavisi etkenlerin tanımlanmasını ve etkene yönelik antimikrobiyal duyarlılık testini gerektirir. Ancak etkenin tanımlanması ve antimikrobiyal duyarlılık testinin (AST) sonuçlanması birkaç gün sürebilir. Bu çalışmada hızlı Sepsityper® kiti ile hızlı tanımlama ve EUCAST hızlı antimikrobiyal duyarlılık testi (HADT) kullanılarak kan kültürü şişelerinden sepsis patojenlerinin doğrudan hızlı tanımlanarak etkin tedavinin başlanmasına kadar geçen süresinin kısaltılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarımıza, gelen kan kültürü örneklerinde üreyen 22 izolat (*Klebsiella* spp, *E. coli*, *Pseudomonas aeruginosa*, *Acinetobacter* spp., *S. aureus*, *Enterococcus faecium*, *Enterococcus faecalis*) çalışmaya dahil edilmiştir. Birden fazla üremesi olan aynı hastanın kan kültürü örneklerinden ilk izolat çalışmaya alınmıştır. BD BACTECTM FX sistemi (Becton Dickinson, ABD) kan kültürü örnekleri yüklenmiştir. Pozitif sinyal veren örnekler gram boyama ile değerlendirilmiştir. Ayrıca etkenler hızlı Sepsityper® kiti (Bruker Daltonics) uygulanarak, MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics, Bremen, Almanya) cihazı ile tanımlanması yapılmıştır. EUCAST HADT kriterleri kullanılarak AST'leri belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Hızlı Sepsityper® kiti kullanılarak tanımlama yaklaşık 30 dk ila 1 saat arasında değişmektedir. Bu test sonucuna göre değerlendirmeye alınan 22 izolattan 20'sinin tanımlanması gerçekleşmiştir. Tanımlaması yapılmayan izolatların rutin kültürden tanımlama ile karşılaştırıldığında *Pseudomonas aeruginosa* ve *Acinetobacter* spp. olduğu belirlenmiştir. Bakterilerin cihaz sonuçlarının EUCAST HADT sonuçları ile uyumluluk oranları karşılaştırılmıştır. *Klebsiella* spp.'nin 4.,6., 8.ve 16-20. saatteki tüm sonuçlarının uyum oranının %80,28 olduğu belirlenmiştir. *S. aureus*'un 4.,6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları sırasıyla %60, %80, %80 ve %80 olduğu belirlenmiştir. *E. coli*'nin 4.,6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları sırasıyla %75, %81,25, %81,25 ve %81,25 olduğu belirlenmiştir. *P. aeruginosa*'nın 6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları sırasıyla %37,5, %50 ve %75 olduğu belirlenmiştir. *Acinetobacter* spp.'nin 4.,6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları sırasıyla %85,71, %100, %100 ve %100 olduğu belirlenmiştir. *Enterococcus faecium*'un 4.,6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları sırasıyla %41,66, %66,66, %75 ve %75 olduğu belirlenmiştir. *Enterococcus faecalis*'un 4.,6., 8.ve 16-20. saatlerde ki tüm sonuçlarının uyum oranları %50 olduğu belirlenmiştir. Ampirik tedavinin uygulanma süresi AST sonuçları elde edilene ve yeterli tedavi yönetilene kadar mümkün olduğunca kısaltılmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bunun sonucunda enfeksiyonlara neden olan etkenlerin hızlı tanımlanarak, antibiyotik duyarlılığın belirlenmesi tedavinin seyri açısından önemlidir.

Anahtar Kelimeler: Kan Kültürü, Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testi, Hızlı Sepsityper® Kiti

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 032

Pseudomonas mosselii ile Kontamine Dezenfektan Solüsyonu

Özlem Aydemir¹, Sema Çetin¹, Ertuğrul Güçlü², Mehmet Köroğlu¹, Aslı Vatan²

¹Sakarya Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı, Sakarya, Türkiye

²Sakarya Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı, Sakarya, Türkiye

Giriş ve Amaç: Hastalık Kontrol ve Önleme Merkezi (CDC), sağlık hizmeti ilişkili enfeksiyonların yıllık 1,7 milyon enfeksiyon, 99.000 ölüm ve 4,5 milyar dolarlık fazla sağlık hizmeti maliyetinin sebebi olduğunu bildirmektedir. Etkin el hijyeni, invaziv girişim öncesi uygun cilt antisepsisi yapılması, tıbbi cihazların ve yüzeylerin dezenfeksiyonu ve sterilizasyonu bu enfeksiyonları önlemenin en önemli aşamalarıdır. Bu amaçla hastanelerde farklı dezenfektanlar kullanılmaktadır. Kuaterner amonyum bileşikler hastanelerde yaygın kullanılan dezenfektanlardır. Üreticinin talimatlarına göre kullanıldığında güvenli kabul edilirler. Ancak nadiren bu dezenfektanlar çeşitli gram negatif bakterilerle kontamine olabilmektedir. Bu durum bu bileşiklere karşı edinsel ve intrensek direnç kaynaklı olabilmektedir. Biz bu çalışmada yeni bir tür olan *Pseudomonas mosselii* ile kontamine olan dezenfektanın neden olduğu yalancı salgını sunacağız.

Gereç ve Yöntem: Hematoloji kliniğinde tedavi alan 2, nefroloji kliniğinde tedavi alan 1 hastanın kan kültürlerinde *Pseudomonas mosselii* üremesi saptandı. Hastaların tümünde eş zamanlı farklı periferik venden alınan iki şişeden birinde üreme saptandı. Bakteriler MALDI TOF (Matrix-assisted Laser Desorption/Ionization, VITEK MS®; Biomerieux, France) ile tanımlandı, antibiyotik duyarlılık testi VITEK-2 ile yapıldı. Suşların tümü tüm antibiyotiklere dirençli saptandı. Salgın ihtimali için enfeksiyon kontrol komitesine bildirildi. Kültür sonuçları hastaların bulgularıyla değerlendirildi ve kontaminasyon ihtimali düşünüldü. Kontaminasyon kaynağını bulabilmek için ortam kültürleri alındı, üreme saptanmadı. Kan kültür şişelerinin kontaminasyon ihtimali için şişeler BacT/ALERT (bioMérieux) kan kültür cihazında inkübe edildi ve üreme olmadı. Hastalardan kan alırken kontaminasyon olma ihtimal için personelden gözetim altında tekrar kan alması istendi. Personelin elinden, kullandığı malzemelerden numune alındı, kültür yapıldı. Bu işlemler sonunda üreme olmadı. Son olarak kan kültürü alırken kullanılan dezenfektan olan %4' lük klorheksidin glukonat solüsyonundan ekimler yapıldı. Koyun kanlı agar yapılan ekimlerde üreme saptanmadı. Yapılan gram boyamada gram negatif basil görüldü. Steril distile su ile farklı oranlarda sulandırılan dezenfektan kan kültür şişelerine ekildi ve kan kültür cihazında inkübe edildi. İnkübasyonun ikinci gününde pozitif sinyal alındı. Şişeden hazırlanan preperatta gram negatif basil görüldü. Şişelerden yapılan ekimde 24 saatlik inkübasyon sonunda gram negatif basil üredi. VITEK MS® ile *Pseudomonas mosselii* olarak tanımlandı. Kullanılmakta olan ve henüz açılmamış dezenfektan şişelerinden ekimler yapıldı, hepsinde aynı etken üredi.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Dezenfektan kaynaklı salgınlar nadiren bildirilmiştir. Hastanemizde % 4'lük klorhesidin glukonat'ta *Pseudomonas mosselii* üremiştir. Cilt antisepsisi için dezenfektan seçiminde farklı kriterlerin yanında klorheksidin solüsyonlarının dirençli bakterilerle kontaminasyon ihtimali düşünülmedir.

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas mosselii*, Dezenfektan, Klorheksidin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 033

Çevresel Örneklerden {*Salmonella*} Enteritidis Fajlarının İzolasyonu ve Karakterizasyonu

İrem Nur Uşaklı², Ebru Torun¹, İnci Başak Müştak¹, Hamit Kaan Müştak¹

¹Ankara Üniversitesi Veteriner Fakültesi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Türkiye Cumhuriyeti Ankara Üniversitesi Sağlık Bilimleri Enstitüsü

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada, insanlarda gıda kaynaklı enfeksiyonlara neden olan *S. Enteritidis*'in alternatif bir biyokontrol ajanı olarak kullanılabilen bakteriyofajlarının izolasyonu ve konak spektrumlarının belirlenmesi ile bu fajların saklama sürelerinin saptanması amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Faj izolasyonu için, Ankara ilinde kanatlı kesimhanelerinden toplanan 40 adet atık su örneği faj kaynağı olarak kullanıldı. Litik aktivitenin belirlenmesi amacıyla spot test uygulandı. Litik faj aktivitesi görülen filtratlar agar-overlay yöntemi ile saflaştırıldı. Elde edilen *S. Enteritidis* fajlarının litik spektrumları 20 adet *S. Enteritidis* suşunda spot test yöntemi ile belirlendi. Litik spektrumu %90 ve üstü bir adet SF-En3 fajı seçilerek, faj adsorbsiyon oranının belirlenmesi için Sanders ve Klaenhammer'in bildirdiği, faj latent süreleri için Hyman ve Abedon'un bildirdiği yöntemle göre 0, 30, 45 ve 45 dk sonra faj sayımı yapılarak kontrol edildi. Fajın saklama süresini belirlemek için, RTD'nu 1×10 üzeri 9'a ayarlandı ve tüplere alınarak oda ısı, +4°C, -20°C ve -80°C'de bekletildi. Bu preparatlardan gittikçe artan zaman aralılarında örnekler alınarak faj aktivitesi ve sayısı agar-overlay yöntemi ile incelendi.

Bulgular ve Sonuç: Toplanan 40 atık su örneğinin 19'unda faj aktivitesi belirlendi. 8 faj saf olarak izole edildi. Saf olarak elde edilen 8 fajdan SF-En3 fajının en geniş (%94.5) spektruma sahip olduğu belirlendi. SF-En3 fajının optimum MOI değeri 0,0001 olarak belirlendi. Bununla birlikte, SF-En3 fajın %96'sının, 20 dk içerisinde konak hücrelerine adsorbe olduğu, konak *S. Enteritidis* suşu için SF-En3'nin latent süresinin 57 dk olduğu belirlendi. Bu çalışmada seçilen Sf-En3 fajının oda ısıda 4 gün, 4°C'de, 2 hafta, -20°C'de 3 ay, -80°C ise 7 ay titresinde herhangi bir değişim görülmedi, bununla beraber titresi logaritmik olarak azalarak oda ısıda 2 hafta, 4°C'de, 2 ay, -20°C'de 2 yıl, -80°C ise 2,5 yıl yaşamaya devam etti. Çalışmada seçilen Sf-En3 fajının litik spektrumunun yüksek, optimal MOI değerinin düşük, yüksek adsorbsiyon oranına sahip olması, ayrıca fajın saklama sürelerinin, dekontaminasyon ve biyokontrol ajanı olarak kullanımlarında transfer ve saklanma için yeterli olduğu kanısına varılmıştır.

Anahtar Kelimeler: {*Salmonella*} Enteritidis, Bakteriyofaj, Biyokontrol

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 034

Yeni Bir Antimikrobiyal Olan Lefamulinin Klinik {*Streptococcus pneumoniae*} Ve Metisilin Dirençli {*Staphylococcus aureus*} İzolatları Üzerine Etkinliğinin İncelenmesi

Duygun Şahin¹, Ayşegül Ateş¹, Melike Yaşar Duman², Şafak Ermertcan¹

¹Ege Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, 35040, İzmir, Türkiye

²Ege Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, 35100, İzmir, Türkiye

Giriş ve Amaç: Toplum kökenli bakteriyel pnömoni (TKBP), antibiyotik tedavisine rağmen dünya genelinde hastaneye yatışın ve ölümlerin en önemli nedenlerinden biridir. *Streptococcus pneumoniae* ve metisiline dirençli *Staphylococcus aureus* (MRSA), TKBP'de yaygın olarak izole edilen bakteriyel patojenlerdir. Lefamulin pleuromutilin grubunun bir üyesidir. Yakın zamanda TKBP tedavisi için geliştirilmiş, Avrupa ve ABD'de tıbbi kullanım için onaylanmıştır. Ancak henüz Türkiye'de kullanılmamaktadır. Ülkemizde lefamulinin MRSA ve *S. pneumoniae* izolatlarına karşı etkinliğini araştıran bir çalışma bulunmamaktadır. Bu çalışmada lefamulinin klinik *S. pneumoniae* ve MRSA izolatlarına karşı antibakteriyel ve antibiyofilin etkinliğinin incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı Bakteriyoloji laboratuvarından izole edilen klinik *S. pneumoniae* (n:30) ve MRSA izolatları (n:30) kullanılmıştır. İzolatların antibiyotik duyarlılıkları VITEK-2 Compact otomatize sistemi ile belirlenmiştir. Lefamulinin izolatlara karşı aktivitesi EUCAST kılavuzuna uygun olarak sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile belirlenmiştir. Lefamulinin MRSA ve *S. pneumoniae* izolatlarının biyofilm oluşumu üzerine etkisi MİK altı değerlerde (MİK/2, MİK/4) kristal viyole yöntemi ile değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Lefamulinin antibakteriyel etkinliği incelendiğinde 28 MRSA izolatı lefamuline duyarlı ($\leq 0,25$ mg/L.), 2 izolat ise lefamuline dirençli bulunmuştur ($> 0,25$ mg/L). *S. pneumoniae* için lefamulin etkinliği değerlendirildiğinde 29 izolatın duyarlı (≤ 0.5 mg/L (n:29)), 1 izolatın dirençli (> 0.5 mg/L) olduğu görülmüştür. Biyofilm oluşumu üzerine etkisi incelendiğinde, Lefamulinin 24 MRSA izolatının biyofilm oluşumunu önemli ölçüde azalttığı, *S. pneumoniae* biyofilm oluşturma kapasitesi üzerine etki göstermediği saptanmıştır. Türkiye'de lefamuline dirençli MRSA ve *S. pneumoniae* izolatlarının varlığı ulusal surveyans verileri açısından önemlidir. Ayrıca, literatürde lefamulinin anti-biyofilm aktivitesini araştıran bir çalışma bulunmamaktadır. Çalışmamız lefamulinin anti-biyofilm aktivitesine dair ilk verileri sunmaktadır.

Anahtar Kelimeler: Lefamulin, Metisiline dirençli *Staphylococcus aureus*, *Streptococcus pneumoniae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 035

Gözden Kaçan Dirençli Patojen *{Stenotrophomonas maltophilia}*: Antimikrobiyal Direnç, Virülans Özellikleri, Biyofilm Yapımı ve Alternatif Tedavi Ajanları

Şeyma Aybüke Özyar Kurtçu¹, Öznur Gürpınar Tosun¹, Merve Gürler³, Zeynep Ceren Karahan², Özgen Eser¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

²Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

³Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara

Giriş ve Amaç: *Stenotrophomonas maltophilia* enfeksiyonlarının tedavisi, antibiyotik direnci ve bakterilerin biyofilm üretme yeteneği gibi çeşitli virülans özellikleri nedeniyle zordur. Bu çalışmada, *S. maltophilia* izolatlarında antimikrobiyal duyarlılık, direnç/virülans genleri ve virülans özelliklerinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Kasım 2020-Nisan 2022 tarihleri arasında Ankara Üniversitesi Tıp Fakültesi İbn-i Sina Hastanesine başvuran hastaların klinik örneklerinde üreyen 102 *S. maltophilia* izolatı dahil edilmiştir. İzolatların tür tanımlaması MALDI-TOF-MS (VITEK MS, BioMérieux, Fransa) ile yapılmış ve konvansiyonel yöntemler ile doğrulanmıştır. İn vitro antimikrobiyal duyarlılık testleri trimetoprim/sulfametoksazol(TMP-SMX) ve sefiderokol için disk difüzyon yöntemi ile; polimiksin B, minosiklin ve levofloksasin için sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile gerçekleştirilmiştir. Virülans genleri (fliC, hlyIII, virB), sul1, sul2, gyrA, parC, smeE, smeD, smeF ve smqnr genleri polimeraz zincir reaksiyonu yöntemiyle araştırılmıştır. İzolatların biyofilm yapımını saptamak için kantitatif mikropalak yöntemi kullanılmıştır ve test üç kez tekrarlanmıştır. Optik dansite (OD), 492 nm'de ölçülmüş ve cut-off değeri (ODc) belirlenmiştir. ODc, negatif kontrol kuyucuklarının ortalama OD'sinin üzerine standart sapmasının üç katı eklenerek tespit edilmiştir. Biyofilm yapımı; izolat OD'si ODc-2×ODc arasındaysa “zayıf”, 2×ODc-4×ODc arasındaysa “orta”, >4×ODc ise “güçlü” olarak değerlendirilmiştir. Hareket testleri yüzme agarı (10g/l tripton,5g/l NaCl,3g/l agar), yayılma agarı (8g/l nütrient buyyon,5g/l dekstroz,5g/l agar) ve seçirme agarında (10g/l tripton,5g/l maya ekstraktı,10g/l NaCl,10g/l agar) gerçekleştirilmiştir. Proteoliz deneyi %1 yağsız süt tozu içeren nütrient agarda, lipoliz deneyi %1 gliserol-tribütirat içeren tribütirin agarda uygulanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan hastaların 73'ü erkek, 29'u kadın olup ortalama yaş 62,4 bulunmuştur. İzolatların %32,4(s=33)'ü YBÜ'de yatan hastalardan izole edilmiştir. İzolatların klinik örnek tipine göre dağılımı Şekil.1'de verilmiştir. TMP-SMX'e dirençli izolatlar idrar yolu(s=3), solunum yolu(s=3), plevra sıvısı(s=1), doku(s=1) örneklerinden izole edilmiştir ve bu izolatların %62,5 (s=5)'inde sul1, %12,5(s=1)'inde sul2 direnç geni varlığı saptanmıştır. Levofloksasine orta duyarlı ve dirençli izolatların tümünde gyrA, parC, smeE, smeD ve smeF genleri, %55,5(s=15)'inde smqnr geni tespit edilmiştir. İzolatların antibiyotiklere karşı duyarlılık, MİK50/90 değerleri ve MİK aralıkları Tablo.1, virülans gen varlığı, biyofilm oluşumu, ekzoenzim

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

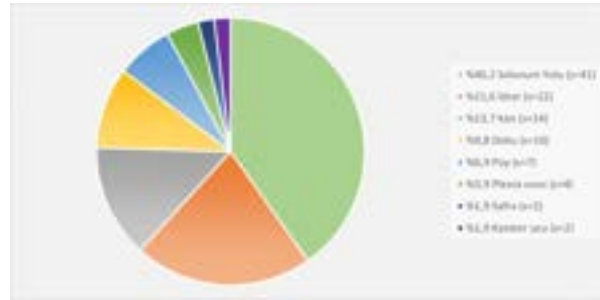
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



aktivitesi ve hareket testi sonuçları Tablo.2’de verilmiştir.Bu çalışma, *S. maltophilia*’ya bağlı gelişen enfeksiyonlarda alternatif tedavi seçeneklerinin ortaya konulması gerektiğini göstermiştir. Sonuçlarımız; *S. maltophilia* klinik izolatlarında biyofilm yapımı, hareket yeteneği ve virülans genlerinin yüksek olması nedeniyle birinci seçenek ilaçlara direnç durumunda, yüksek mortalite ve morbiditeyi önlemek amacıyla *S.maltophilia* enfeksiyonlarında sefiderokolün iyi bir alternatif olabileceğini desteklemektedir.

Şekil 1. İzolatların Klinik Örnek Tipine Göre Dağılımı (s= 102)



Tablo 1: *S. maltophilia* Klinik İzolatlarının Antibiyotik Duyarlılık Sonuçları (s= 102)

	S	S	R	MİK ₅₀ (µg/ml)	MİK ₉₀ (µg/ml)	MİK Anahip (µg/ml)
TMP-SMX*	0	84 (84,2)	8 (7,8)	—	—	—
Sefiderkol**	102 (100)	0	0	—	—	—
Levofloksasol**	71 (69,6)	9 (8,8)	18 (17,6)	1	8	0,075-10
Minosiklin**	40 (39,2)	11 (10,8)	11 (10,8)	0,5	4	<0,075-8
Polimiks B***	0	40 (39,2)	12 (11,8)	0,5	4	<0,075-8

*: TMP/SMX (Trimetoprim-Sulfametoksazol) 100/1250 mg/gün 2 dozda

** (10-1000-1000-1000) 1000 mg/gün 2 dozda

*** (10-1000-1000-1000) 1000 mg/gün 2 dozda

Tablo 2: *S. maltophilia* Klinik İzolatlarının Virülans Özellikleri (s= 102)

	Negatif İzolat Sayısı	Pozitif İzolat Sayısı		
		Zayıf	Orta	Güçlü
Biyofilm üretimi	3	28	63	10
Seğirme hareketi	3	20	71	8
Yapıma hareketi	102	0		
Yüzme hareketi	0	102		
Proteolitik aktivitesi	0	102		
Lipolitik aktivitesi	0	102		
fliC geni	18	84		
fliH geni	18	84		
virB geni	11	91		

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Stenotrophomonas maltophilia, Biyofilm ve virülans, Antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 036

Karbapenem dirençli *{K.pneumoniae}* izolatlarında karbapenemaz varlığının fenotipik ve genotipik yöntemlerle araştırılması

Serpil Genç, Ayten Nur Uzun, Hilal Ak Tanrıverdi

KSBÜ Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Kütahya

Giriş ve Amaç: {Enterobacterales}'te karbapenem direnci, ülkemizde en sık blaOXA-48 nedeniyle görülmektedir. KPC/NDM gibi yüksek düzey karbapenem direnciyle seyreden karbapenemazların varlığı da sıklıkla bildirilmektedir. Bu çalışmayla, kolay ve ucuz bir fenotipik yöntem olan inhibitör tabanlı kombinasyon disk testinin (İTKT) karbapenemaz tiplerini saptamadaki etkinliğinin, altın standart genotipik test olan polimeraz zincir reaksiyonu (PZR)'a göre değerlendirilmesi hedeflenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Mayıs 2023-temmuz 2024 arasında her biri farklı hasta örneğinden enfeksiyon etkeni olarak izole edilmiş 136 karbapenem dirençli *{K.pneumoniae}* (KDKP) izolatında, sıklıkla izole edilen 5 karbapenemaz (OXA-48, NDM, KPC, IMP, VIM), iki farklı reaksiyonla multipleks PZR'la genotipik olarak; inhibitör (EDTA, Boronik Asit, kloksasilin) emdirilmiş meropenem diskleriyle birlikte meropenem ve temosilin içeren antibiyotik diskleri kullanılarak İTKT'yle fenotipik olarak araştırılmıştır. İzolatların tanımlama ve duyarlılıkları; Phoenix (BD), Autobiomic-1600 (China), Autof MS1000 (China) tam otomatize cihazlarıyla çalışılmıştır. Kolistin minimum inhibisyon konsantrasyon değerleri, sıvı mikrodilüsyon, seftazidim-avibaktam duyarlılığı disk difüzyon testiyle belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların 96'sı yoğun bakım, 34'ü servis örneklerinden izole edilmiştir. En duyarlı antimikrobiyaller, kolistin (%58,1) ve seftazidim/avibaktam (%55,1) olmuştur. 136 KDKP izolatının 135'inin en az bir gen taşıdığı, PZR'la saptanmıştır. Genlerin %54,8'inin blaOXA-48, %44,4'sinin blaKPC ve %30,3'unun blaNDM olduğu belirlenmiştir. blaOXA-48 ve blaNDM'nin birlikte bulunma sıklığı %28,2, blaNDM ve blaKPC'nin %2,2, blaOXA-48 ve blaKPC'nin %1,5 olarak saptanmıştır. İTKT'deyse MBL, KPC ve OXA-48 sırasıyla, %44,1, %43,4 ve %12,5 olarak saptanmıştır. Genlerin dağılımı tablo 1'de gösterilmiştir. PZR'la karşılaştırıldığında, İTKT en yüksek duyarlılık ve özgüllüğü blaKPC'de göstermiştir. blaOXA-48 için özgüllüğü yüksek ancak düşük bir duyarlılığa sahip olduğu görülmüştür (tablo 2). PZR ile OXA-48+NDM olarak saptanan tüm izolatlar, İTKT'yle MBL olarak değerlendirilmiş, OXA-48 varlığı atlanmıştır. MBL'lerin OXA-48'e göre yüksek düzey dirençle seyretmesi ve bakteriler arası gen aktarımı açısından 2 gen arasında fark olmaması, İTKT'nin OXA-48'i atlamasının önemli bir sorun olmayacağını düşündürmüştür. PZR'la OXA-48 pozitif 19 izolat, İTKT'yle yanlış sonuç vermiş, MBL olarak yorumlanmıştır. İTKT değerlendirmesinde, zon içi üremeler çeldirici olmuştur (resim 1). Disk difüzyon testlerinde, istisnaları olmakla birlikte zon içi üremeler dirençli olarak yorumlanmaktadır. Literatürde, sinerji çalışmalarında zon içi üremelere ilişkin bir veriye rastlanmamıştır. Ancak İTKT ile bu durumda olanlar PZR'la KPC veya OXA-48+NDM olarak doğrulandı. Dirençli kabul edilirse çoğu izolat OXA-48 olarak yorumlanacaktı. Karbapenemazları saptamada İTKT yüksek duyarlılığa sahiptir. Karbapenemaz tipini

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



belirlemedeyse PZR'la uyumlu (%86) olmakla birlikte, tiplere göre değişen özgüllüğe sahiptir. İTKT özellikle OXA-48'lerde, MBL olarak yalancı pozitiflik verse de, laboratuvarlarda karbapenemaz varlığını bildirmek, enfeksiyon kontrolü açısından faydalı olacaktır.

Resim1. İTKT KPC (zon içi üreme)



Tablo 1. Yöntemlere göre genlerin dağılımı (n)

	PZR						
İTKT	NDM	KPC+OXA-48	KPC+NDM	KPC	OXA-48+NDM	OXA-48	NEGATİF
KPC		1	3	55			
MBL	3				38	19	
OXA-48		1				15	1

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2. İTKT duyarlılık ve özgüllük (%)

	Duyarlılık	Özgüllük
KPC	98,33	100
MBL	93,18	79,34
OXA-48	21,62	98,38

Anahtar Kelimeler: OXA-48, NDM, KPC

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 037

Dental Hasta Protezlerinde *Helicobacter pylori* Varlığı ve Protez Materyallerinde Biyofilm Oluşumunun İncelenmesi

Aykut Kurt, Cihan Yeşiloğlu, Betigül Öngen

İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Helicobacter pylori* dünyada en sık rastlanan enfeksiyon etkenlerinden biridir. *H. pylori* enfeksiyonlarının kronik gastrit, peptik ülser, mide adenokarsinomu ve mukoza ile ilişkili lenfoid doku lenfomasi gibi çeşitli gastroduodenal hastalıkların gelişmesinde rol oynadığının kesinleşmesi ile birlikte *H. pylori*'yi konu alan çalışmalar önem kazanmıştır. *H. pylori*'nin oral kavitede diş plağında, tükürükteki varlığı ve bu durumun peridontal enfeksiyon, gastrik enfeksiyon, reenfeksiyon ve tedaviye etkisi birçok araştırmacının ilgisini çeken bir konu olmuştur. Çalışmamızda oral kavitede *H. pylori* için enfeksiyon/reenfeksiyon açısından kaynak olabilecek tükürük, diş plağı, vb. dışında başka bir niş olabileceği düşünülerek sabit dental protezlerin iç yüzeylerinde *H. pylori* varlığı araştırılmış ayrıca *H. pylori*'nin dental protez materyallerinde biyofilm oluşturma oluşturmadağı incelenmiştir

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızın ilk aşamasında 200 hastanın dental protezlerinde *H. pylori* varlığı real-time PCR yöntemiyle araştırılmıştır. Örneklem büyüklüğü Güven Aralığı: %95 olacak şekilde $n = t_{2pq} / d^2$ formülü ($p:0,15$ $d:0,05$) ile hesaplanarak çalışmaya 200 hasta dahil edilmiştir. İkinci aşamada ise taramalı elektron mikroskopu (SEM) yardımıyla dental protez baz materyallerinden krom-kobalt, krom- nikel, zirkonyum, titanyum dental seramik ve akrilikte ayrıca polistrende *H. pylori*'nin biyofilm oluşturma potansiyeli incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Real-time PCR ile 200 hastaya ait protezin 19'u *H. pylori* açısından pozitif bulunmuştur. SEM analizi sonucunda *H. pylori*'nin en yoğun olarak dental seramikte ve daha sonra titanyumda biyofilm oluşturduğu saptanmıştır. Biyofilm oluşumu krom- kobalt, zirkonyum, ve akrilik materyallerinde düşük yoğunlukta, krom nikel materyalinde ise en düşük yoğunlukta gözlenmiştir. Kontrol materyali olarak kullanılan polistrende orta yoğunlukta saptanmıştır. Elde ettiğimiz sonuçlar oral kavitede tükürük ve diş plağında bulunduğu bildirilen *H. pylori*'nin dental protezlerde de bulunabileceğini ve protezlerin kolonizasyon için uygun bir ortam oluşturabileceğini göstermiştir. Bu nedenle, *H. pylori*'nin dental protezlerin iç yüzeylerinde biyofilm oluşturma potansiyelinin, bakterinin antibiyotik tedavisinden etkilenmeyerek tedavide başarısızlığa/reenfeksiyona yol açabileceği düşünülmüştür. Dental protezlerle yapılan ilk araştırma niteliğindeki bu çalışmadan elde edilen verilerin, *H. pylori*'nin oral kavitede biyofilm oluşturma potansiyeli, eradikasyonu ve tedaviye direncini araştırarak olan sonraki çalışmalara katkı sağlayacağını düşünmekteyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

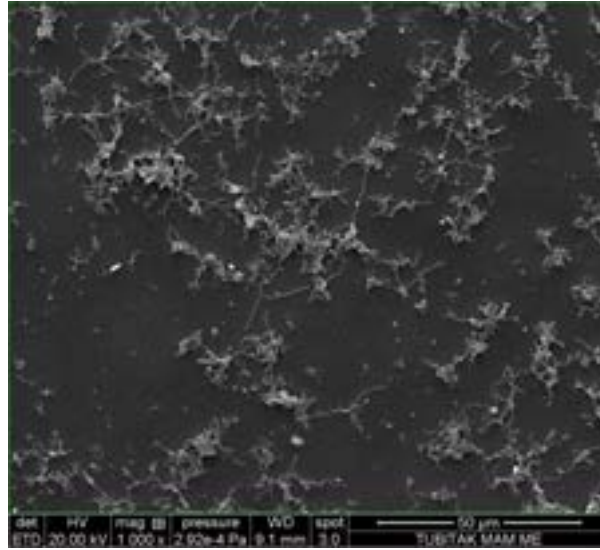
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Fotoğraf 1



Dental seramik maddesi taramalı elektron mikroskopi görüntüsü.

Fotoğraf 2



Zirkonyum maddesi taramalı elektron mikroskopi görüntüsü.

Fotoğraf 3

13-17 Kasım
2024

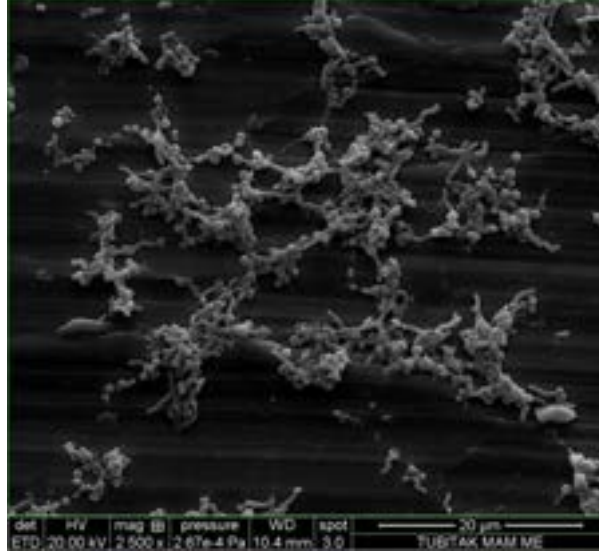
Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Titanyum maddesi taramalı elektron mikroskopi görüntüsü.

Anahtar Kelimeler: *Helicobacter pylori*, SEM, Dental protez

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



E-POSTER LİSTESİ

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



E-Poster Bildiriler

EP-038

Kan Anaerob Kültürde {*Murdochiella asaccharolytica*} Üremesi

Akın Göksu Oktayer, Gülşen Hazırolan

EP-039

Kantitatif İdrar Kültürlerinde 1 Ve 10 Mikrolitrelik Kalibre Özelerin Performanslarının Değerlendirilmesi

Ali Fazıl Anıl, Kutay Demirel, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

EP-040

Eikenella corrodens: İnsan Isırığı Sonrası Gelişen ve Tenosinovit İle Komplike Olan Yara Yeri Enfeksiyonu Olgusu

Mihriban Yücel, **Ali Furkan Yahşi**, Irmak Baran, Rukiye Berkem, Abdullah Anıl Sabaz, Bircan Bütün, Rabia Sümeyye Ay

EP-041

Müzik Aletlerindeki Potansiyel Enfeksiyon Etkenleri ile Müzik Aleti Kullanıcılarının El Mikrobiyotaları Arasındaki İlişkinin Araştırılması

Okan Aydoğan, Volkan Gidiş, Ezgi Gözün Şaylan, **Arkut Berkin Yetim**, İbrahim Yıldıztepe, Ayşegül Çopur Çiçek

EP-042

Citrobacter Sp. Klinik İzolatlarında Karbapenem Direncine Neden Olan Mekanizmaların Araştırılması

Ayşe Çoban Acar, Murat Telli

EP-043

Bir Şehir Hastanesinde Kulak Kültürü Örneklerinin Üç Yıllık Verilerinin İncelenmesi

Beyza Öncel, **Ayşe Nur Ceylan**

EP-044

Beyin Omurilik Sıvısı Örneklerinden İzole Edilen Mikroorganizmalar ve Antibiyotik Duyarlılıkları: Beş Yıllık Çalışma

Ayşenur Baltacıoğlu, Mehmet Başoğlu, Elif Başak Karagöz, İlkay Bahçeci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-045

Klebsiella İzolatlarının Yıllara Göre Antimikrobiyal Dirençlerinin Değerlendirilmesi

Sibel Gümüş, **Başak Sandal**, Bayhan Bektöre, Elçin Kal Çakmaklıoğulları

EP-046

İki Kan Kültür Sisteminin Karşılaştırılması

Deniz Dereli, İlknur Kaleli

EP-047

Yanıklı Hastada Nadir Bir Patojen: *Achromobacter xylosoxidans*

Ebru Aykut Arca, Füsün Kırca, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

EP-048

Pseudevernia furfuracea (L.) Zopf Liken Türünün Wistar Albino Sıçan Modelinde *Helicobacter pylori* Eradikasyonuna Etkisi

Elif Aydın, Birkan Açıkgöz, Meliha Koldemir Gündüz, Ayşe Koçak Sezgin, Güllü Kaymak, Sercan Şimşek

EP-049

{*Streptococcus dysgalactiae* Subsp. *equisimilis*}’E Bağlı Septik Artrit/Protez Enfeksiyonu Olgusu

Eda Acar, **Emel Akbaş**, Elif Nur Dalkıran Ekşi, Şükrü Öksüz, Dilek Akıncı

EP-050

Prevalence Of Catheter-Related Bloodstream Infections In A University Hospital In Northern Cyprus: A Retrospective Study

Arnaud Pelama Pelama Tiogo, Samuel S. Suah, Hazal Cemre Yorulmaz, Arcel Taguiadzeh, Melika Yavari, Kaya Süer, **Emrah Ruh**

EP-051

Nosocomial Infections In Patients With External Ventricular Shunt Following Meningioma Surgery

Fatih Mehmet Akıllı, Mustafa Ulukanlıgil

EP-052

Kahramanmaraş Depremi Öncesi ve Deprem Sonrasında Adıyaman İlinde Tanımlanan Enfeksiyon Etkenleri Ve Direnç Profilleri

Funda Şahin, Gülnur Tarhan, Sadık Akgün, Tuncay Çelik

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-053

Ankara Bilkent Şehir Hastanesinde 2019-2024 Yılları Arasında İzole Edilen *Salmonella* Spp. Suşlarının Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

Saliha Kazıcı, Nilay Çöplü, **Füsun Kırca**, Bedia Dinç

EP-054

Genişlemiş Spektrumlu Beta-Laktamaz Pozitif Enterobacteriaceae Dışkı Kolonizasyonunun Belirlenmesinde Çift Disk Sinerji Testi Ve Kromojenik Agar Besiyerinin Karşılaştırılması: Farklı Ticari Besiyeri Deneyimleri

Gizem Ekiz, Gülşen Hazirolan

EP-055

Son Seçenek Antibiyotik Kolistin: Sıvı Mikrodilüsyon Plagında Kolistin Kalite Kontrol Sonuçlarında Varyasyon

Gülşen Hazirolan

EP-056

İmmünsüprese Bir Hastada *Listeria monocytogenes*'e Bağlı Fatal Seyirli Sepsis ve Menenjit Olgusu

Habib Özbudak, Şeyma Kurul, Mustafa Deniz Özden, Bahar Akgün Karapınar, Betigül Öngen

EP-057

Bir Üniversite Hastanesinde Saptanan Nadir Gram Negatif Fırsatçı Patojenler: E-Test Yöntemiyle Mik Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Handenur Ulukan, Fethiye Şevik, Rufig Hasanlı, Sena Agın, Sidre Erganiş, Elif Ayça Şahin, Ayşe Kalkancı, Kayhan Çağlar

EP-058

Isparta İlinde Bir Üniversite Hastanesinde 3 Yıllık Bruselloz Seroprevelansı

Hayriye Nur Kılınç, Emel Sesli Çetin, Mümtaz Cem Şirin

EP-059

Rektal Sürüntü Örneklerinde Vankomisin Dirençli Enterokokların Değerlendirilmesi

Elif Başak Karagöz, Ayşenur Baltacıoğlu, Mehmet Başoğlu, **İlkay Bahçeci**

EP-060

Akut Farenjit Öntanılı Çocuklarda Hızlı Antijen Saptama Testinin Değerlendirilmesi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Berrak Çakmakçı, Ismail Davarcı, Mehmet Solak, Hüseyin Güdücüoğlu

EP-061

Nükleik Asit Ekstraksiyon Yöntemlerinin Grup B Streptokok Pcr Analizindeki Etkinliğinin Karşılaştırılması
Leyla Sirekbasan, Ayşe İstanbullu Tosun, Gülseren Polat, Ayşegül Çopur Çiçek, Rümeysa Gökçe

EP-062

Anaerob Bakteri Şüpheli Klinik Örneklerden Konvansiyonel Yöntemlerle Seviye 1 Laboratuvarı Düzeyinde Tanımlanan Anaerob Bakterilerin Kliniğe Sunulmasının Önemi

Mehmet Akif Alkan, Selahattin Atmaca, Erdal Özbek, Nida Özcan, Hakan Temiz

EP-063

Pasteurella multocida'nın Etken Olduğu Sellülit Olgusu

Mehmet Atça, İlknur Kaleli

EP-064

Bir Üniversite Hastanesine Başvuran Erişkinlerde Tetanoz Igg Düzeylerinin Araştırılması

Burak Ezer, Hilal Sena Çiftci, Tunahan Uygun, Mehmet Özdemir

EP-065

Çeşitli Bitki Ekstrelerinin *Staphylococcus aureus*'a Karşı İn Vitro Etkinlikleri: Atopik Dermatite Karşı Yeni Bir Yaklaşım İçin Ön Çalışma

Meltem Ayaş, Murat Türkoğlu, Hakan Sevinç, Özgür Kurt

EP-066

Onkolojik Hastalarda Vankomisin Dirençli Enterokokların Kolonizasyon Ve Enfeksiyon Değerlendirilmesi: Tarama Kültürlerine Devam Etmeli miyiz?

Mert Emre Ölmez, İpek Mumcuoğlu, Mikail Bülbül, Duygu Mert, Gülşen İskender, Semra Tunçbilek, Mustafa Ertek, Tuba Dal

EP-067

Dışkı Örneklerinde {Enteropatojenik *E.coli*} Ve {Enteroagregatif *E.coli*} Sıklığının Gastrointestinal Multipleks Panel Kullanılarak Araştırılması ve Bu Türlerin Klinik Bulgularla İlişkisinin Değerlendirilmesi

Merve Gürler, Ömer Uslu, Filiz Demirel, Bedia Dinç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-068

Multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu (M-PZR) Yöntemi İle Akut Gastroenterit Etkenlerinin Belirlenmesi ve Hastaların Demografik Özelliklerin Araştırılması

Miraç Derya Güdükboy, Can Berk Kurt, Tuğçe Şimşek Bozok, Taylan Bozok, Seda Tezcan Ülger, Gönül Aslan

EP-069

Sepsis Tanısında Pozitif Kan Kültüründen Polimeraz Zincir Reaksiyon Test Panelinin Performansı

Nisel Yılmaz, Gülfem Terek Ece, Yeşer Karaca Derici, Selin Gamze Kılıç Sinci, Fulya Bayındır, Sebahat Taş, Gizem Akbaş, Tuba Karataş

EP-070

Türkiye'de Nadir Görülen Bir {*Salmonella*} Serotipi Olan {*Salmonella*} Muenster'in Etken Olduğu bir Gastroenterit Olgusu

Sertaç Küçükaya, Bahar Akgün Karapınar, Belkıs Levent, Betigül Öngen

EP-071

Tüberküloz Kültüründe Farlı Dekontaminasyon Kitleri ve Besiyerlerinin Etkinliğinin Değerlendirilmesi Yunus Emre Alpdoğan, **Soner Yıldız**, Ömer Faruk Duran, İlkay Bahçeci

EP-072

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'ndeki {*Clostridium difficile*} Toksin Pozitifliği ve Etki Eden Faktörler

Şermin Baykoca, Emel Akbaş, Hüseyin Demir, Elif Nur Dalkıran Ekşi, Şükrü Öksüz

EP-073

Disseminated Gonococcal Infection in a Patient Receiving Eculizumab Treatment

Seyma Kurul, Bahar Akgün Karapınar, Kıvanç Koruk, Sevgi Beşışık, Betigül Öngen

EP-074

Pozitif Kan Kültürlerinden Gram Boyama ile Koagülaz Negatif Stafilokokların Hızlı Tanımlanması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Sümeyye Özkaya, Banu Sancak, Kemal Bilgin, Demet Gür Vural, Asuman Birinci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-075

Klinik Örneklerden Soyutlanan *{Enterococcus}* Spp. Kökenlerine Karşı Antibiyotik ve Antiseptik Kombinasyonlarının Araştırılması

Nuray Filiz, **Yener Özel**, Gülhan Vardar Ünlü

EP-076

Trueperella bernardiae Cerrahi Alan Enfeksiyonu: Türkiye'den Bildirilen İlk Vaka

Zafer Habip, Tansu Dünder, Abdurrahman Okutan, Mahmut Tayyar Kalcioğlu

EP-077

Nükleaz Enziminin *{Pseudomonas aeruginosa}* Pao1 Biyofilmini Degradasyonu

Zeynep Erdem Aynur, Gamze Başbülbül, Bülent Bozdoğan

EP-078

Kan Dolaşımı Enfeksiyonlarında Etken Ve Direnç Profilinin Konvansiyonel Yöntemler Ve Multiplex Rt-Pcr Yöntemi İle Karşılaştırılması

Derya Çakır Erdoğan, Serpil Semiha Çuğlan, **Gülşah Ece Özmerdiven**, Faruk Çelik, Arzu İrvem

EP-079

Klinik Örneklerden İzole Edilen *S. aureus* İzolatlarının Beş Yıllık Antibiyotik Direnç Profili

Özlem Kirişçi, **Abdullah Havan**

EP-080

Yaygın İlaça Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Seftazidim/Avibaktam, Seftolozan/Tazobaktam Ve Meropenem/Vaborbaktam Duyarlılığının Araştırılması

Özlem Aydemir, **Belgin Eda Misi**, Mehmet Köroğlu

EP-081

Meropenem Dirençli *Pseudomonas aeruginosa* Üreyen Klinik Örneklerde Seftazidim-Avibactam Duyarlılığının Retrospektif Olarak Araştırılması

Delal Polat Demir, Gülsüm Cengiz Erişen, Selahattin Atmaca, Nida Özcan

EP-082

Üçüncü Basamak Bir Hastanenin Yoğun Bakım Ünitelerinde Takip Edilen Hastalardaki Vankomisine Dirençli Enterokok (Vre) Kolonizasyonunun Araştırılması

Elif Nur Dalkıran Ekşi, **Emel Çalışkan**, Nevin İnce, Emel Akbaş, İdris Şahin, Selma İnce

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-083

Eklem Sıvısı Örneklerinde Üreyen Mikroorganizmaların Antibiyotik Duyarlılıkları Ve Klinik Tanıya Göre Dağılımı: 4 Yıllık Veri

Kübra Evren, Ali Teoman Evren, Nurhadiye Kuru

EP-084

Kistik Fibrozisli Hastaların Solunum Örneklerinden İzole Edilen Patojenlerin Ve Antibiyotik Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Fusun Kırca, **Esra Sert**, Fatma Şahin, Merve Gürler, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

EP-085

Yoğun Bakım Ünitesinde Yatan Hastalara Ait Çeşitli Örneklerden İzole Edilen Karbapenem Dirençli {*Klebsiella pneumoniae*} ve {*Pseudomonas aeruginosa*} Suşlarının Seftazidim Avibaktam Ve Kolistin Direnç Profillerinin Değerlendirilmesi

Fatma Çankaya, Yaren Şekercioğlu, Özlem Koca, Hatice Nevgün Özen, Yeşim Çekin

EP-086

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında İn Vitro Seftazidim/ Avibaktam Ve Sefiderekol Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Hafize Oruç, Selin Aras, Reyhan Yiş, Orçun Zorbozan, Betil Özhak, Görkem Yaman, Mustafa Berktaş

EP-087

Çoklu İlaç Dirençli Gram Negatif Bakterilerin Seftazidim-Avibaktam Direnç Oranı

Hülya Parimli, Sevinç Yenice Aktaş

EP-088

İdrar Kültürlerinde Üreyen Mikroorganizmaların Dağılımı ve Direnç Profillerinin Tmc Kısıtlı Bildirim Gruplarına Göre Değerlendirilmesi: 3 Yıllık Çalışma

Abdurrahman Atak, İlkay Bahçeci

EP-089

Geriatrik Yoğun Bakım Hastalarında Mikrobiyolojik Kültür ve Antimikrobiyal Duyarlılık Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Mehmet Başoğlu, Elif Başak Karagöz, Ayşenur Baltacıoğlu, İlkay Bahçeci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-090

İdrar Kültürlerinden İzole Edilen Bakterilerin Antimikrobiyal Duyarlılık İncelemesi: 2 Yıllık Tek Merkezli Retrospektif Çalışma

Dilhan Çaloğlu Sarıkaya, İsmail Davarcı, Hüseyin Güdücüoğlu

EP-091

Karbapenem Dirençli *{Klebsiella pneumoniae}* İzolatlarında Meropenem-Vaborbaktam Duyarlılığının Ve Karbapenem Direnç Genlerinin Varlığının Araştırılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Kübra Hacıeminoğlu Ülker, Ángela Fonte Ortiz, Mateo Martínez Sanjurjo, Asuman Birinci

EP-092

Impact Of The Covid-19 Pandemic On Antimicrobial Resistance İn Neonatal Sepsis

Leyla Hashimova, Nergiz Imamova, İnji Shikhaliyeva, Adil Allahverdiyev

EP-093

Kan Kültürlerinden İzole Edilen Gram Negatif Bakterilerde Karbapenem Direnci ve Çeşitli Antibiyotiklere Direnç

Mehbube Seferova, Yaver Hacısoy, Ramin Bayramlı

EP-094

Çocuklarda Gastroenterite Neden Olan *Salmonella* Enfeksiyonu ve Antibiyotik Direnç Profili

Mehbube Seferova, Ramin Bayramlı, Yaver Hacısoy

EP-095

Yoğun Bakım Hastalarından İzole Edilen *{Escherichia coli}*, *{Klebsiella pneumoniae}* ve *{Pseudomonas aeruginosa}* İzolatlarında Seftazidim-Avibaktam Duyarlılığının Araştırılması

Merve Köle, Taner Tarladaçalır

EP-096

Solunum Yolu Örneklerinden İzole Edilen Mikroorganizmalar ve Antimikrobiyal Duyarlılık Durumlarının Değerlendirilmesi

Merve Öztürk Beşbaş, Kenan Beşbaş, Abdurrahman Atak, Ayşenur Baltacıoğlu, İlkey Bahçeci

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-097

Bir niversite Hastanesinde Klinik rneklerden İzole Edilen {*Providencia*} Trlerinin Antibiyotik Direnç Profili

Burcu Yağcı, Selin Uğraklı, Merve Kızılkaya, **Metin Doğan**

EP-098

Bronkoalveoler Lavaj rneklerinden Elde Edilen {*Acinetobacter*} Trlerinin Antibiyotik Duyarlılıkları
Merve Kızılkaya, Selin Uğraklı, Burcu Yağcı, **Metin Doğan**

EP-099

Bir niversite Hastanesinde, *Klebsiella pneumoniae* Dışı Karbapenem Dirençli Klebsiella Trlerinde, Dirence Neden Olan Karbapenemaz Tiplerinin Araştırılması

Murat Telli, Ayşe Çoban Acar

EP-100

Klebsiella pneumoniae'da Yıllara Gre Karbapenemaz Pozitiflięi: Pandemi Direnç zerindeki Etkisi
Nazlı Ataç, Cansel Vatansever, Fatihan Pınarlık, Lal Sude Gcer, nder Ergnl, Fsun Can

EP-101

riner Sistem Enfeksiyon Etkeni {*E. coli*} Suşlarında Fosfomisin Direnç Genleri, Ctx-M, Shv Ve Tem Genlerinin Araştırılması

İpek Omay Beşer, **Nural Cevahir**

EP-102

Yoęun Bakım nitelerinde Yatan Hastalardan Toplanan Klinik İzolatların Antibiyotik Dirençlerinin Disk Difzyon Ve Quicolor Besiyerinde Karşılaştırılması

Nurullah Çiftçi, Hanife Ardahanlı, Nima Hassan Waberi

EP-103

Covid-19 Pandemisi ncesi Ve Dneminde Kan Kltrnden İzole Edilen Gram Negatif Bakterilerin Tr Daęılımı Ve Antibiyotik Direnç Profilleri

Pınar Etiz, Yağmur Ekenoęlu Merdan, Pervin Avcı

EP-104

Enhancing The Antibacterial Activity Of Hybrid Silver Nanoparticles Against Escape Pathogens

Ruveyda Benk, Orhan Burak Ekşi, Pınar Saęiroęlu, Mustafa Altay Atalay, mer Aydın

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-105

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Seftazidim/ Avibaktam Ve Aztreonam/ Avibaktam Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Selin Aras, Hafize Oruç, Reyhan Yiş, Orçun Zorbozan, Betil Özhak, Grkem Yaman, Mustafa Berktaş

EP-106

Kan Kltrlerinde İzole Edilen {*Enterococcus faecalis*} Ve {*Enterococcus faecium*} Antimikrobiyal Direnç Oranları

Şeymanur nl Emir, **Selin Uğraklı**, Metin Doğan

EP-107

Kolistin Ve Seftazidim-Avibaktam İn Vitro Etkinliğinin Araştırılmasında İki Farklı Yntemin Karşılaştırılması

Smeyye zel, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

EP-108

Yara Yeri rneklerinden İzole Edilen {*Acinetobacter*} spp. ve {*Pseudomonas*} spp. Suşlarının Antibiyotik Direnç Oranlarının Değerlendirilmesi - Hseyin Demir, Banu Hmeyra Keskin, Emel Çalıřkan, İdris Şahin,

Şermin Baykoca

EP-109

Hızlı Karbapenemaz Varlığını Saptayan Bir 'Lateral Flow Assay' Test Kiti Performansının Değerlendirilmesi
Eyyşan zgr Yarkıcı, **Şeyda Şılan Okalın**, zgen Alpay zbek

EP-110

Salmonella spp Suşlarında İn Vitro Antibiyotik Duyarlılığının Ve Genişlemiş Spektrumlu Beta Laktamaz Varlığının Araştırılması

same nl, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

EP-111

Early Diagnostic Of Antimicrobial Resistance Bacteria With Surface-Enhanced Raman Spectroscopy And Machine Learning

Zakarya Al-Shaebi, Munevver Akdeniz, Pınar Sağıroğlu, Mustafa Altay Atalay, mer Aydın

EP-112

Çeşitli Klinik rneklerden İzole Edilen Çoklu İlaç Dirençli *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* İzolatlarında Seftazidim-Avibaktam Duyarlılık Oranları

Nuri Kiraz, Berna Erdal, Hlyay Duran, **Zlal Zeynep Utkulu**, Yavuz Uyar

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-113

Tekirdağ İlinde İki Farklı Hastanede Yatan Hastalardan İzole Edilen *Stenotrophomonas maltophilia* İzolatlarının Antibiyotik Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi: İki Yıllık Çalışma

Fadime Yılmaz Ycel, Nuri Kiraz, Hlya Duran, Berna Erdal, **Zlal Zeynep Utkulu**, Yavuz Uyar

EP-114

Klinik rneklerden İzole Edilen {*Clavispora lusitaniae*} İzolatlarının Klinik nemi Ve Antifungal Duyarlılıkları

Cem Artan, mr Mustafa Parkan, **Aynur Trkan**, Ayşe Nedret Koç

EP-115

Kandidemilerde Kan Kltrnden Hızlı Tanı Ve Duyarlılık Testi Yntemlerinin Karşılaştırılması

Damla Kkl, Deniz Turan, Sebahat Aksaray

EP-116

Gaziantep niversitesi Mikoloji Laboratuvarına Gnderilen Çeşitli rneklerden İzole Edilen *Candida* Şuşlarının Değerlendirilmesi

Glsm Kaya zen, Hilal Smeyra Karalar, Hamide Dilara Tter, Esra Kırkgz Karabulut, Ayşe Byktaş Manay, Yasemin Zer, **Deniz Gazel**

EP-117

Klinik rneklerden İzole Edilen {*Candida auris*} Şuşlarının Klinik nemi Ve Antifungal Duyarlılıkları

Ayşe Nedret Koç, **Ebru Başılan Sakallı**, Gamze Kalın nvar

EP-118

Pediyatrik Yaş Grubunda Solunum Yolu rneklerinden İzole Edilen *Aspergillus* Trlerinin Ve Serum Galaktomannan Seviyelerinin Retrospektif Değerlendirilmesi

Asuman Birinci, **Elif Ateş**

EP-119

Bir Yıllık Sreçte Onkoloji Hastanesinde Klinik rneklerden İzole Edilen *Candida* Trlerinin Epidemiyolojisi

Esra Tavukcu, İpek Mumcuoğlu, Serap Szk Yıldız, Tuba Dal

EP-120

Aids Hastasında Kriptokok Menenjit Olgusu

Glsm Cengiz Erişen, Nezahat Akpolat, Delal Polat Demir

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-121

Candida auris İzolatlarının Klinik Dağılımı Ve Antifungal Duyarlılıkları

Özlem Aydemir, **Hale Koç**, Tayfur Demiray, Şeyma Arabacıgil Hıdır, Mehmet Köroğlu

EP-122

Kandidemi Olgularının Epidemiyoloji Özellikleri Ve {*Candida*} Türlerinin Dağılımı: Altı Yıllık Laboratuvar Verisi

Aziz Ahmad Hamidi, **Hanife Aydın Yazıcılar**, Rahime İspir, Ercan Yenilmez

EP-123

Yumuşak Doku Örneklerinde Üreyen Küf Mantarlarının Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

İrem Nur Şahin, Muhammed Alper Özarslan, Gamze Şanlıdağ İşbilen, Melike Yaşar Duman, Ayda Acar, Anıl Murat Öztürk, Meltem Işıkgöz Taşbakan, Banu Yaman, Süleyha Hilmioğlu Polat, Dilek Yeşim Metin

EP-124

Risk Faktörü Olmayan Toplum Kaynaklı Sağ Kalp Endokarditi Olgusunda Tanımlanan *Candida auris* Enfeksiyonu **İrem Simge Sezer**, Pınar Şamlıoğlu, Nilüfer Saygılı, Sabri Atalay

EP-125

İstanbul Göztepe Süleyman Yalçın Şehir Hastanesi'nde 2017-2023 Yılları Arasında Gönderilen Tüm Örneklerden İzole Edilen *Candida* Türlerinin Dağılımı Ve Antibiyotik Duyarlılık Profillerinin Belirlenmesi
Zafer Habip, **M. Esra Koçoğlu**, Tuncer Özekinci, Deniz Turan

EP-126

Olgu Sunumu, Fusaryoz

Asuman Birinci, **Sedanur Okumuş**, Emine Hafize Erdeniz

EP-127

Klinik Örneklerden İzole Edilen {*Fusarium*} Suşlarının Tanımlanması, Klinik Önemi Ve Antifungal Duyarlılıklarının Belirlenmesi

Cem Artan, **Sıtkı Özgür Altop**, Ayşe Nedret Koç

EP-128

Solunum Yolu Örneklerinde Moleküler Testler İle Tespit Edilen Virüsler Ve Grup A Streptokokların Epidemiyolojik Analizi

Fulya Bayındır Bilman, Gülfem Terek Ece, Nisel Yılmaz

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-129

Solunum Yolu Enfeksiyonu Etkenlerinin Dağılımı: Tek Merkezli  Yıllık Multipleks PCR Sonularının Değerlendirilmesi

Hatice Kbra zhan, Serpil Genç, zlem Genç, Aynur Glcan, Duygu Perin Renders

EP-130

Bir niversite Hastanesine Solunum Yolu Enfeksiyonu Şikayetleriyle Bařvuran Hastalarda Respiratuvar Sinsityal Virs Sıklığı

Hilal Sena iftci, Hma amdere, Burak Ezer, **Mehmet zdemir**

EP-131

Nazofaringeal Srnt rneklerinde Mevsimsel Coronavirs, Parainfluenzae Virs, Respiratuvar Sinsityal Virs Ve İnfluenza A/B Virslerinin Saptanmasında İki Ticari Sendromik Solunum Paneli Testinin Karşılaştırılması

Selda Doğan, Salim Yakut, Smeyye zel, Fadile Yıldız Zeyrek

EP-132

Hepatit C Virs Epidemiyolojisi Genotip Dağılımı Ve Hcv/Hıv Koenfeksiyonunun Arařtırılması

Fatih Mehmet Akıllı

EP-133

Bir niversite Hastanesine Bařvuran Hastalarda Hepatit A Seropozitifliğinin Değerlendirilmesi
Mustafa Behet, Hakan Burak elik, Fatma Avcıoğlu, Elif Soysal, **Aya isem Harre**, Yusuf Afřar, Muhammet Gzel Kurtoğlu

EP-134

Bolu İlinde Hepatit C Virsnn Genotip Dağılımı

Mustafa Behet, **Aya isem Harre**, Fatma Avcıoğlu, Hakan Burak elik, Elif Soysal, Yusuf Afřar, Muhammet Gzel Kurtoğlu

EP-135

nc Basamak Bir Hastaneye Bařvuran Hastalarda Hıv Pozitifliğinin Retrospektif İncelenmesi
Sibel Gmř, **Musa z**, Hale Bozkurt obanoğlu, Elin Kal akmaklıoğulları

EP-136

Yksek Riskli Human Papilloma Virus Genotiplerinin Saptanmasında Diard-HPV RT-PCR Kiti İle Qiascreen HPV PCR Kitinin Karşılaştırılması

Bengl Durmaz, Hande Toptan, Mehmet Kroğlu, Rıza Durmaz, lker hacı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-137

Cytomegalovirus DNA Kantitasyonunda Diard-CMV RT-PCR Kiti İle Artus CMV PCR Kitinin Karşılaştırılması
Bengl Durmaz, Rıza Durmaz, Tuba Dal, Hande Toptan, Mehmet KroĖlu

EP-138

Pediyatrik Ve Erişkin Poplasyonda Rsv: Klinik Ve Risk Faktrlerinin DeĖerlendirilmesi
Berfu Tufan, zgr Appak, Ayça Arzu Sayiner

EP-139

Servikal rneklerde HPV Tanısında İki Farklı HPV DNA Tanı Ve Genotipleme Testinin Karşılaştırılması
Aysel Karataş, Glten Aydın Tutak, **ÇiĖdem Arabacı**

EP-140

Trkiye'deki HPV Genotiplerinin DaĖılımı

Caner Yryen, Yeşim Tuyji Tok, Serra Kavukçu Kuş, Dalal Sheikhah, Hajar Nasir Tukur, İsmet Atilla Kayaş,
Shokhsanam Erkinova, Rabia Can, **Glden Çelik**

EP-141

Jinekoloji Hastalarında HPV DNA Sonuçları İle Serum Hpv Antikor Dzeylerinin Karşılaştırılması **Glsm Ekim**, Kenan DeĖerli, Sinem Akçalı, Aslı Gker, Seda Mavili

EP-142

Kadınlarda Human Papillomavirs Genotiplerinin Prevelansı Ve Yaşlara Gre DaĖılımı; Sakarya
Hatice Erdal, Hande Toptan, zlem Aydemir, Mehmet KroĖlu

EP-143

Servikal rneklerde İnsan Papillomavirs (HPV) Sıklığı Ve Genotip DaĖılımı: 18 Aylık DeĖerlendirme
Lale Kazımova, Ramin Bayramlı, Yaver Hacısoy, Muslim Hanelibeyli

Ep-144

Pediyatrik Yaş Grubu Gastroenteritlerinde Rotavirus Ve Adenovirusun Retrospektif İncelenmesi
zlem Erkoç, Kutay Demirel, Ali Fazıl Anıl, TuĖba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

EP-145

Cytomegalovirus (CMV) Enfeksiyonu Tanısı İçin Gnderilen ELISA Ve Real Time PCR Sonuçlarının DeĖerlendirilmesi

Selahattin nl, Melahat Grbz, Cengiz Demir, Yeliz Çetinkol

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-146

Dışkı rneklerinde Gastroenterit Yapan Virslerin Saptanması İin İki Ticari Molekler Testin Karşılaştırmalı Analizi

Seyda Vural, Ayşe Noyan Satır, Candan iek

EP-147

Google Trends’deki Arama Hacimleri İle İnfluenza Vakaları Arasındaki İlişkinin İncelenmesi

Pınar Zehra Davarcı, İsmail Davarcı, Gamze Demiray, Galip Ekuklu

EP-148

Multisistem Enflamatuvar Sendromu (Mis-C) Ve Covid-19’da Farklı Hmoral İmmn Yanıt Reglasyonu

Abdurrahman Şimşek, Muhammed Ali Kızmaz, Tuğe Bozkurt, Ali Eren Işkın, Eren aan, Ferah Budak

EP-149

İzmir Şehir Hastanesi Laboratuvarında HBsAg Ve Anti- HCV Pozitif Hastalarda Antinkleer Antikorların Değerlendirilmesi

Ayşe Arslan, Selin Gamze Kılı Sinci, Glfem Ece

EP-150

Dfs70: Var Mısın Yok Musun? Seni Nasıl Bulabiliriz?

Rukiye Berkem, **Bşra Kılıalp**, Merve zkan Ahmetoėlu

EP-151

Renal Transplant Alıcılarında Operasyon Sonrası Ana Pattern Deėişikliklerinin Araştırılması

Hatice Birgin, Mustafa Saėlam, Hamide Dilara Tter, **Deniz Gazel**

EP-152

Otomatize İmmnofloresan Analiz Sistemlerinde Cihaz Bakımının Performansa Etkisi

Mehmet Akif Durmuş

EP-153

İmmnomodlatr Molekllerinin Bruselloz Patogenezindeki Potansiyel Rollerini

Muhammed Ali Kızmaz, Abdurrahman Şimşek, Pınar Hız Ellergezen, Nesrin Demir, Eren aan, Emin Halis Akalın, Haluk Barbaros Oral, Ferah Budak

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-154

Tip 2 Otoimmün Hepatit Olgusu

Nadire Altınok Dabeşlim, Rukiye Berkem, Merve zkan Ahmetođlu

EP-155

ANA Subgrup alıřılan Hastalarda ANA IFA Sonularının Deđerlendirilmesi

Demet Gr Vural, **Safa Toy**, Yeliz Tanrıverdi aycı, Kemal Bilgin, Asuman Birinci

EP-156

İndirekt İmmn Floresan Antikor Testi İle Anti Nkleer Antikor Arařtırılan rneklerde İmmunoblot Ana Profil Test Sonularının Deđerlendirilmesi

Selin Aras, Hafize Oru, Reyhan Yiř, Orun Zorbozan, Betil zhak, Grkem Yaman, Mustafa Berktař

EP-157

Covid-19'da İmmn Sistem Hcrelerinden Kkenlenen Eksozomlar

Tuđe Bozkurt, Abdurrahman řimřek, Muhammed Ali Kızmaz, Eren ađan, Hlyla Kse, Ali Eren Iřkın, Salih Haldun Bal, Emin Halis Akalın, Ferah Budak

EP-158

Antinkleer Antikorların Tanısında Tarama ve Dođrulama Testlerinin Karřılařtırılması

Zeynep Nazlıkaya Erdem, Gke Sucuer Akarca, Talat Ecemiř

EP-159

Solunum Yolu Enfeksiyonlarının Tanısında Kullanılan Multipleks Pcr Tanı Testiyle Elde Edilen Verilerin Deđerlendirilmesi

Ayře Barıř, Nur Dilara İslamođlu, Glten Aydın Tutak, Fahrunnisa Abanoz, iđdem Arabacı, Elif Aktař Sepetci

EP-160

Ulusal Molekler Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarında MALDI-TOF Yntemi İle Tanımlanmıř Klinik Numunelerin Cins Ve Tr Dzeyinde Tanımlama Sonuları: Bir Yıllık Kesitsel Bir alıřma

Baki Can Metin, Sleyman Yalın

EP-161

Farklı Menenjit Paneli Test Sonularının Karřılařtırılması

Canberk ınar, Yeliz Tanrıverdi aycı, İlknur Bıyık, Asuman Birinci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-162

Onkoloji Hastanesinde Pnömoni Tanısında Sendromik Panel Fayda Sağlar Mı?

Ayşe Semra Güreser, Neşe İnan, Ayla Yenigün, Mert Emre Ölmez, **Özge Nur Arıcasoy**, Serap Süzük Yıldız, İpek Mumcuoğlu, Tuba Dal

EP-163

Interferon Gama Salınım Test İstemi Ve Endikasyonları

Aybüke Özer, Süreyya Gül Yurtsever, Tuba Müderris, Ayşegül Aksoy Gökmen, Yeşim Tok, Bilal Olcay Peker, Selçuk Kaya

EP-164

Tüberküloz Tanısında Auramine İle Ehrlich-Ziehl-Neelsen Boyama Yöntemlerinin, Löwenstein-Jensen İle Tk Slc Medium Kültür Yöntemlerinin Karşılaştırılması Ve Maldı-Tof Ms Performansının Değerlendirilmesi
Filiz Yarımçan, Zafer Habib, Meltem Ayaş, Neval Yurttutan Uyar

EP-165

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi'nde *Mycobacterium tuberculosis* Tanısı Ve İlaç Direnci Mutasyonlarının Tespitinde İki Ticari Kitin Değerlendirmesi

Tuğcan Başyiğit, Saliha Kazcı, Arzu Ertaş, Bedia Dinç

EP-166

{*Mycobacterium tuberculosis* Kompleks} Ve Rifampisin Direncinin Saptanmasında, Mikroskopi, Kültür Ve Genexpert Mtb/Rif Ultra Testinin Sonuçlarının Karşılaştırılması"

Zehra Bütün Yavuz, Süreyya Gül Yurtsever, Bilal Olcay Peker, Tuba Müderris, Ayşegül Aksoy Gökmen, Yeşim Tok, Selçuk Kaya

EP-167

Comparison Of The İntestinal Microbiota Of The Patients With Urticaria And Healthy Controls: The Role Of Blastocystis

Nurullah Ciftci, Salih Macin, Gülcan Saylam Kurtipek, Ugur Arslan

EP-168

Serbest Eczacıların Probiyotik Ürünler İle İlgili Farkındalıkları: Edirne İli Örneği

Özleyiş Mutluer, Gülcan Kuyucuklu, Fatma Kaynak Onurdağ

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



EP-169

Laboratuvarımıza Gnderilen Gaita rneklerinde {*Cryptosporidium*} Spp. Tespit Edilen Hastaların Retrospektif Deęerlendirilmesi

Filiz Demirel, Merve Grler, Bedia Din

EP-170

Kritik Hasta Takibinin Yapıldıęı Kliniklerde Verilen Kan Kltr Eęitimlerinin Kalite İndikatrlerine Etkisi

Mehmet Dal, İpek Mumcuoęlu, Esra Tavukcu, Serap Szk Yıldız, Tuba Dal

EP-171

Bolu İlinde Gastrointestinal Enfeksiyon Etkenlerinin Molekler Yntemlerle Arařtırılması

Fatma Avcioęlu, **Elif Soysal**, Mustafa Behet, Aya isem Harre, Hakan Burak elik, Yusuf Afřar, Muhammet Gzel Kurtoęlu

EP-172

Cinsel Yolla Bulařan Hastalıkların Tanısında Pcr Tabanlı Yntemlerin Deęerlendirilmesi: İki Farklı Pcr Kiti zerine Karřılařtırmalı Bir alıřma

zcan Sarbat, Mehmet Soylu, Candan iek

EP-173

Bruselloz Laboratuvar Tanısında Rose Bengal, Coombs Jel Ve Elisa Sonularının Deęerlendirilmesi; Ankara Bilkent řehir Hastanesi 5 Yıllık Verisi

mer Uslu, **řenol Kurřun**, Emrah Salman, Alparslan Toyran, Bedia Din

EP-174

Elektrokemilminesans İmmnoassay (ECLIA) Ve Kemilminesans İmmnoassay (CLIA) Yntemleri İle alıřılan Prokalsitonin Test Sonularının Karřılařtırılması

Yaren řekercioęlu, Fatma ankaya, Gl Aydın Tıęlı, Aylin Erman Daloęlu, Yeřim ekin, Hatice Nevgn zen

EP-175

Pozitif Sinyal Veren Kan Kltr řiřelerinde Eucast Doęrudan Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Ynteminin Deęerlendirilmesi

Yeliz Tanrıverdi aycı, Banu Sancak, Muhammet Samet Emre Dařtan, Asuman Birinci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EP-176

Rize Genelindeki İçme Ve Kullanma Sularından İzole Edilen Antibiyotik Dirençli *Klebsiella* Spp.
İzolatlarında Lizojenik Bakteriyofaj İzolasyonu

Şengül Alpay Karaoğlu, **Gülşen Uluçam Atay**, Arif Bozdeveci, Serdar Kuştul, Seçkin Karaoğlu, M. Halit Baykal, Mustafa Tepe

EP-177

Fekal Kalprotektin Düzeyi İle Gastrointestinal Sistem Enfeksiyonları Arasındaki İlişkinin Araştırılması **Ezgi Gözün Şaylan**, Okan Aydoğan, Arkut Berkin Yetim, Türkan Yiğitbaşı, Ayşegül Çopur Çiçek

EP-178

2019-2024 Yılları Arasında Ankara Bilkent Şehir Hastanesine Başvuran Hastaların Torch Enfeksiyonları Seroprevalansı Ve Demografik Özellikleri

Sümeyye İnayet Cebeci, **Fatma Şahin**, Şenol Kurşun, Alparslan Toyran, Bedia Dinç

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



E-POSTERLER

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-038

Kan Anaerob Kültürde {*Murdochella asaccharolytica*} Üremesi

Akın Göksu Oktayer¹, Gülşen Hazırolan¹

¹Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

Giriş ve Amaç: *Murdochella asaccharolytica* zorunlu anaerob, hareketsiz, gram pozitif koktur. İlk olarak 2010 yılında yara kültüründen izole edilmiştir. Sonrasında oldukça nadir olarak çeşitli klinik örneklerden saptanmıştır. Bu bildiride 76 yaşında kadın hastanın kan anaerob şişesinde *Murdochella asaccharolytica* üremesi tartışılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bilinen Kronik Miyelomonositik Lösemi zemininde Akut Miyeloid Lösemisi bulunan, opere malign tiroit kanseri, hipertansiyon, hipotiroidi ve insüline bağımlı olmayan Diyabetes Mellitusu mevcut olan hastanın trombosit transfüzyonu sırasında ateş, titreme şikayetleri olması üzerine acil servise yönlendirilmiştir. Hastanın ateşi 38.1°C, nabız 130 atım/dakika, oksijen satürasyonu 90, tansiyonu 169/95 mmHg olarak kaydedilmiştir. Laboratuvar tetkiklerinde; WBC 15,80x10³/µL (4.49-12,68), nötrofil sayısı 9,68x10³/µL (2,1-8,89), hemoglobini 8 g/dl (11,9-14,6), CRP 158 mg/L (0-5), prokalsitonin 1,37 ng/mL (0-0.1) olarak saptanmıştır. Hastadan idrar kültürü ve tek set kan kültürü alınmıştır. İdrar kültüründe 100.000 cfu/ml *Escherichia coli* üremiştir. Hastanın kan anaerob şişesi üçüncü günde sinyal vermiştir. Şişeden yapılan kan yayması sonucu gram pozitif kok görülmüştür (Şekil 1). Şişeden kanlı/EMB agar, çikolata agar ve Schaedler agara ekim yapılmıştır. Yirmi dört saat aerob inkübasyon, (%5 CO₂, 35±2°C) sonunda kanlı agarda üreyen bakteri MALDI-TOF MS (Bruker, Almanya) ile *Enterococcus faecium* (skor:2.1), 48 saat anaerob inkübasyon (GasPak, 35 ± 2°C) sonrasında katı besiyerinde üreyen bakteri MALDI-TOF MS ile *Murdochella asaccharolytica* (skor:2.4) olarak tanımlanmıştır (Şekil 2). *M. asaccharolytica* izolatının antibiyotik duyarlılık testi 2024 EUCAST önerileri doğrultusunda Fastidious Anaerobik Agarda çalışılmıştır. (Termo Scientific™). MİK tespiti için gradient test (Etest, bioMérieux) kullanılmıştır. Saptanan MİK değerleri penisilin için 0,016 mg/L, piperasilin-tazobaktam için 0,016 mg/L, meropenem için 0,016 mg/L, vankomisin için 0,125 mg/L, klindamisin için 0.032 mg/L ve metronidazol için 0,047 mg/L'dir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

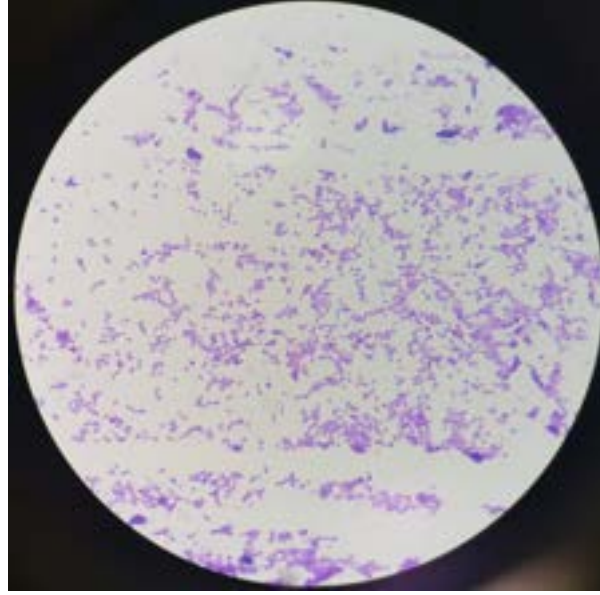
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1



Murdochiella asaccharolytica'nın Gram boyası ile mikroskop altındaki görüntüsü

Şekil 2



Murdochiella asaccharolytica'nın besiyerindeki görüntüsü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Klinik mikrobiyoloji laboratuvarlarında anaerob bakterilerin tanımlanmasında son dönemde kullanılan MALDI-TOF MS cihazları, anaerob bakterilerin hızlı ve doğru tanımlanmasına ve giderek genişletilen veri tabanı ile de çok sayıda anaerob bakteriyi cins ve tür düzeylerinde tanımlanmasına olanak sunmaktadır. Bu bildiride, kan anaerob kültürde *M. asaccharolytica* MALDI-TOF MS ile tanımlanabilmiştir. Ancak bu üreme klinik olarak anlamlı kabul edilmemiştir. İzolat test edilen antibiyotikler için düşük MİK değerine sahip olsa da, bu türe ait duyarlılık verileri oldukça kısıtlıdır. *Murdochiella*'nın bağırsak florasında özellikle distal kolonda bulunabilen bir bakteridir. Kan dahil, klinik örneklerden anaerob bakteri izole edildiğinde, bakterinin gerçek klinik önemi araştırılmalı ve normal flora kontaminasyonu ayırt edilmelidir. Bu vakada ülkemizde nadir görülen anaerob bakteri olan *M. asaccharolytica* kan kültüründe saptanmıştır. *M. asaccharolytica* karşı antibiyotik E-testlerinin minimum inhibitör konsantrasyonları gösterilmiştir.

Anahtar Kelimeler: Anaerob bakteri, Kan kültürü, Minimum inhibitör konsantrasyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 039

Kantitatif İdrar Kültürlerinde 1 ve 10 Mikrolitrelik Kalibre Özelerin Performanslarının Değerlendirilmesi

Ali Fazıl Anıl, Kutay Demirel, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

Balıkesir Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: KLİMUD rehberinde, non-invaziv üriner sistem kültürlerinin değerlendirilmesinde istisnai durumlar dışında $\geq 10^4$ CFU/ml üremelerde tür düzeyinde tanımlamayla ADT önerilirken, altındaki üremelerde temel tanımlama yapılması önerilmektedir. Ancak, inokülasyon için kalibre edilmiş pipetleyiciler ve inokülümü yaymak için yayıcılar kullanılmadığı sürece, koloni sayımlarının kesin olmadığı, yüz kata kadar sapmalar gösterebileceği bilinmektedir. Çalışmamızda, idrar kültürlerinde 1µL ve 10µL'lik kalibre edilmiş plastik öze kullanımının koloni sayısı ile ilişkisinin değerlendirilmesi amaçlanmaktadır.

Gereç ve Yöntem: *E.coli* ATCC25922, *P.aeruginosa* ATCC27853, *E.faecalis* ATCC29212 izolatlarının 0.5 McFarland'lık süspansiyonları hazırlandı. Sonrasında SF kullanılarak 1:100 oranında sulandırıldı, vorteksledi, 106CFU/ml'lik süspansiyonlar elde edildi. Bu işlem tekrarlandı ve 104CFU/ml'lik süspansiyonlar elde edildi. Bu süspansiyonlar, steril idrar kaplarına aktarıldıktan sonra, iki araştırmacı tarafından farklı yöntemler kullanılarak kanlı ve EMB agara kantitatif ekildi. 37°C'de, 18 saatlik inkübasyon sonrası, koloni sayımları kanlı agarlardaki üremeler göz önüne alınarak yapıldı ve iki araştırmacının sonuçlarının ortalama değerleri hesaplandı (Tablo 1). *E.coli* ATCC25922 izolatından yukarıda tarif edilen prosedürler tekrarlanarak 10⁴CFU/ml'lik süspansiyon elde edildi. Süspansiyon, rutin laboratuvarında çalışan beş personel tarafından farklı yöntemler kullanılarak, kanlı ve EMB agara kantitatif ekildi. Kaynak kısıtlılığı nedeniyle 45°'lik yöntemler personele uygulanmadı. 37°C'de, 18 saatlik inkübasyon sonrası, koloni sayımları kanlı agarlardaki üremeler göz önüne alınarak yapıldı, beş personelin ve iki araştırmacının sonuçlarının ortalama değerleri hesaplandı (Tablo 2). Veriler SPSS 22.0 (SPSS INC, Chicago, IL, USA) programına kaydedildi. Grupların normal dağılım gösterip göstermediği Kolmogorov Smirnov ve Shapiro Wilk testiyle incelendi. Gruplardan en az biri normal dağılıma uymadığı için üç ya da daha fazla grubun karşılaştırılmasında Kruskal-Wallis testi kullanıldı. 10µL'lik pipet ile diğer yöntemlerin korelasyonu Spearman korelasyon analiziyle yapıldı. p değerinin 0.05'in altında olduğu durumlar istatistiksel olarak anlamlı kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Araştırmacıların kantitatif ekim sonuçları Tablo 1'de özetlenmiş, gruplar arasında istatistiksel olarak anlamlı fark saptanmamıştır (p 0.655). 10µL'lik pipet ile diğer yöntemlerin uyum oranları Tablo 3'de gösterilmiştir. En yüksek uyum, 10µL'lik özenin idrara 90°'lik açıyla batırılıp çıkarıldığı yöntemle sağlanmıştır. *E.coli* ATCC25922 için araştırmacıların ve laboratuvar çalışanlarının kantitatif ekim sonuçları Tablo 2'de özetlenmiş, gruplar arasında istatistiksel olarak anlamlı fark saptanmamıştır (p 0.368). Aynı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



süspansiyonun kantitatif ekim sonuçlarının, kişilere ve yöntemlere göre oldukça değişken olduğu gözlenmiştir. Özellikle düşük koloni sayılarının değerlendirilmesinde, mikrobiyoloji uzmanlarının konsültan hekim rolleri ve laboratuvar-klinisyen işbirliği ile hasta bazlı yaklaşım oldukça önemlidir.

Tablo 1

10 ⁷ CFU/ml'lik süspansiyonlar	Kullanılan Yöntem						p
	45° 1 µl. İne	45° 10 µl. İne	90° 1 µl. İne	90° 10 µl. İne	1 µl. pipet	10 µl. pipet	
<i>Escherichia coli</i> ATCC 25922	7750 CFU/ml	3875 CFU/ml	5000 CFU/ml	10700 CFU/ml	10500 CFU/ml	8625 CFU/ml	0.005
<i>Pseudomonas aeruginosa</i> ATCC 27803	25000 CFU/ml	12500 CFU/ml	14250 CFU/ml	14875 CFU/ml	14750 CFU/ml	18250 CFU/ml	
<i>Enterococcus faecalis</i> ATCC 29212	12250 CFU/ml	20025 CFU/ml	17800 CFU/ml	20075 CFU/ml	21750 CFU/ml	17075 CFU/ml	

İki araştırmacının idrar kültürlerinde kantitatif ekim ile elde ettikleri koloni sayılarının ortalama değerleri

Tablo 2

10 ⁷ CFU/ml'lik süspansiyonlar	Kullanılan Yöntem				p
	90° 1 µl.	90° 10 µl.	1 ml. pipet	10 ml pipet	
Araştırmacıların ortalaması	7900 CFU/ml	10700 CFU/ml	10500 CFU/ml	8625 CFU/ml	0.368
Laboratuvar çalışanlarının ortalaması	14100 CFU/ml	17640 CFU/ml	21100 CFU/ml	14380 CFU/ml	

Beş personelin ve iki araştırmacının *Escherichia coli* ATCC 25922 izolatı için idrar kültürlerinde kantitatif ekim ile elde ettikleri koloni sayılarının ortalama değerleri

Tablo 3

Diğer Yöntemler	10 µl. pipet	
	Kko değeri	p değeri
45° 1 µl. İne	-0.095	0.939
45° 10 µl. İne	0.975	0.141
90° 1 µl. İne	0.722	0.456
90° 10 µl. İne	0.986	0.106
1 µl. pipet	0.916	0.263

10 µL'lik pipet ile diğer yöntemlerin korelasyon analizi

Anahtar Kelimeler: Kantitatif ekim, Kalibre öze

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-040

***Eikenella corrodens*: İnsan ısıırığı sonrası gelişen ve tenosinovit ile komplike olan yara yeri enfeksiyonu olgusu**

Mihriban Yücel¹, Ali Furkan Yahşi¹, Irmak Baran¹, Rukiye Berkem¹, Abdullah Anıl Sabaz², Bircan Bütün¹, Rabia Sümeyye Ay¹

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Ankara, Türkiye

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Ankara Sağlık Uygulama ve Araştırma Merkezi, Plastik ve Rekonstrüktif Cerrahi Kliniği, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Eikenella corrodens*, *Neisseria* ailesinin *Eikenella* cinsine ait bir bakteridir. HACEK grubu üyesidir. Fakültatif anaerobik, küçük, hareketsiz Gram pozitif basillerdir. Kanlı agarda aerobik koşullarda veya çikolata agarda %5 CO₂'li ortamda, 35-37 °C'de yavaş ürer. Koloni morfolojisi gri, şeffaf ve R koloni şeklindedir. Üst solunum yolu ve ağız florası üyesi olan *Eikenella corrodens*, fırsatçı enfeksiyonlara neden olabilmektedir. En çok baş-boyun enfeksiyonları olmak üzere perikardit, endokardit, perirenal abse, yara yeri enfeksiyonu gibi birçok duruma yol açabilmektedir. Olgumuzda insan ısıırığı sonrası gelişen *Eikenella corrodens* kaynaklı yara yeri enfeksiyonu olgusu tartışılacaktır.

Gereç ve Yöntem: Acil servise başvuran kadın hastanın ısırık bölgesinde mevcut olan akıntıdan aspirasyon şeklinde alınarak gönderilen örnek laboratuvarımıza ulaştıktan sonra örnek %5 koyun kanlı agar (KKA), EMB agar ve çikolata agara ekildi ve ardından Gram boyaması yapıldı. Gram boyamasında Gram negatif basiller görüldü. KKA ve EMB agarlar aerob ortamda, çikolata agar %5 CO₂'li ortamda toplamda 48 saat inkübe edildi. 48 saat sonunda gri, şeffaf şekilde çikolata agarda saptanan kolonilerin oksidaz testi pozitif olarak görüldü. Matriks Yardımlı Lazer Desorbsiyon İyonizasyonu-Uçuş Zamanlı Kütle Spektrofotometrisi (MALDI-TOF MS) ile tanımlandı ve CLSI M45 tablosu temel alınarak gradient difüzyon yöntemiyle antibiyogramı çalışıldı. Çalışma sonucu bulunan MİK değerleri: Penisilin 8 µg/ml, Levofloksasin: 0,38 µg/ml, Meropenem: 0.023 µg/ml şeklindedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Eikenella corrodens



Koloni morfolojisi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

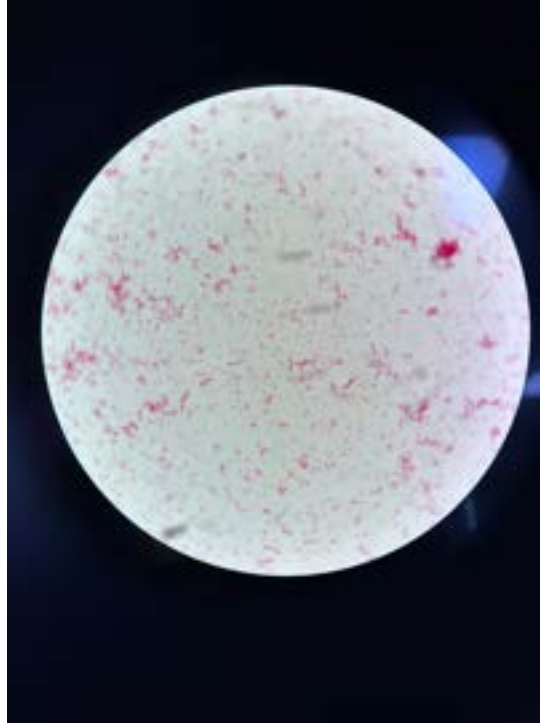
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Eikenella corrodens



Gram boyama

Bulgular ve Sonuç: Darp ve sol el 3. parmakta insan ısırığı sonrası acil servise başvuran hastaya tetanoz profilaksisi uygulanmış, pansuman sonrası amoksisilin/klavulanik asit reçetesiyle taburcu edilmiş. Hasta 15 gün sonra akıntısının devam etmesi üzerine plastik cerrahi polikliniğine başvurmuş, burada yapılan muayene sonucunda yara yerinde akıntı görülmüş. Nörolojik muayeneleri doğal, dolaşım normal izlenmiş. Ultrasonografide yara bölgesinde hematoma alanı izlenmiş, tendon kılıfı içerisinde bol miktarda hemorajik koleksiyon olduğu belirtilmiş. Yara aspirasyon kültürü alındıktan sonra kontrole gelmek üzere poliklinikten taburcu edilen hastanın 3 gün sonra yapılan kontrollerinde sıvı koleksiyonun boyutunun arttığı izlenmiş, fleksör tenosinovit ön tanısı ile hastanın opere edilmek üzere yatırılmasına karar verilmiş. Ateş ve sistemik bulgusu olmayan hastanın yara aspirasyon kültüründe *Eikenella corrodens* üremesi üzerine tedavisi ampicilin/sulbaktam olarak düzenlenmiş. Hastanın operasyon sonrası kontrollerinde akıntı görülmemiş, fizik tedavi sürecine başlanmıştır. Yara aspirasyonu ve doku kültürü gibi örneklerde zor üreyen fakültatif anaerob etkenlerin de saptanabileceğini düşünerek bu tip kültürlerde hasta hikayesi, klinisyen ön tanısı gibi bilgilerin ışığında örneğe yaklaşmak gerekir.

Anahtar Kelimeler: *Eikenella*, fakültatif anaerob, yara yeri enfeksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 041

Müzik Aletlerindeki Potansiyel Enfeksiyon Etkenleri ile Müzik Aleti Kullanıcılarının El Mikrobiyotaları Arasındaki İlişkinin Araştırılması

Okan Aydoğan¹, Volkan Gidiş², Ezgi Gözün Şaylan¹, Arkut Berkin Yetim¹, İbrahim Yıldıztepe¹, Ayşegül Çopur Çiçek¹

¹İstanbul Medipol Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

²İstanbul Medipol Üniversitesi Güzel Sanatlar, Tasarım ve Mimarlık Fakültesi, Müzik Bölümü, Türk Müziği Anasanat Dalı, İstanbul Türkiye

Giriş ve Amaç: El hijyeni, enfeksiyonların önlenmesi için çok önemli ve uygun maliyetli bir uygulama olsa da el hijyenine uyum küresel olarak çok düşük kalmaktadır. Sürekli kullanım sonucunda müzik aletlerinin el mikrobiyotası veya çevresel mikroorganizmalar tarafından kolonizasyonu, enstrümanların enfeksiyon odağı haline gelme potansiyeli nedeniyle hem kullanıcı hem de halk sağlığı açısından risk teşkil etmektedir. Çalışmamızda, İstanbul Medipol Üniversitesi Güzel Sanatlar, Tasarım ve Mimarlık Fakültesi Müzik Bölümü öğrencileri ve öğretim üyeleri tarafından kullanılan telli ve vurmali enstrümanlarda üreyen bakterilerin tespit edilmesi ve müzisyenlerin ellerinden alınan sürüntü örneklerinin değerlendirilerek el hijyeni konusunda farkındalık yaratılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bakteri üremesini belirlemek için 30 enstrüman yüzeylerinden ve 28 öğrenci ile 2 öğretim üyesinin ellerinden sürüntü örnekleri alındı. Örnekler enstrümanlarla eşleştirildi. Sürüntü örnekleri kültür için Brain Heart Infusion Agar (BHIA), Eosine-Methylene Blue (EMB) ve Mannitol Salt Agar (MSA) besiyerine ekildi. Örnekler 37°C'de 18-24 saat inkübasyona bırakıldı. Konvansiyonel yöntemlerle tanımlanamayan şüpheli koloniler MALDITOF-MS otomatize sistem yardımıyla tanımlandı.

Bulgular ve Sonuç: Katılımcıların (n = 30) yaş ortalaması 24,86 (19-56) olup, 20'si kadın (%66,6) ve 10'u (%34,4) erkekti. Çalışmaya dahil edilen katılımcıların yalnızca kendilerinin kullandıkları enstrümanlardan örnek alındı. Tüm el örneklerinde normal bakteriyel flora elemanlarından KNS'lerin ürediği saptandı. Enstrümanlardan alınan örneklerin ikisinde *Staphylococcus sciuri*, ikisinde *Bacillus cereus* MALDITOF ile tanımlandı. El örneklerinin ise dördünde *S. sciuri*, üç örnekte *Staphylococcus condimentii*, bir örnekte ise *Pseudomonas fulva* MALDITOF ile tanımlandı (Tablo 1). Katılımcıların %53,33'ünün el ya da enstrüman örneklerinde bakteri üremesi görülmedi. Ayrıca, *Staphylococcus aureus* ve *Escherichia coli* gibi patojenler tespit edilerek müzik aletlerinin enfeksiyonlar için rezervuar görevi görme potansiyeli belirlendi. Çalışmamız, mikrobiyal bulaşma risklerini azaltmak için el hijyeni ve enstrüman temizliğinin önemini ortaya koymaktadır. Müzik bölümü öğrencilerinin uygun hijyen uygulamaları konusunda eğitilmesi ve enstrümanlarının rutin dezenfeksiyon uygulamalarının sağlanması hem bireysel hem de halk sağlığını korumak için gerekli adımlar olduğunu düşünmekteyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Enstrüman ve el sürüntü örneklerindeki üreme sonuçları

#	Enstrüman	Enstrüman Sürüntü Örneği	El Sürüntü Örneği
1	Kanun	-	NBF
2	Bağlama	-	NBF
3	Ud	-	NBF
4	Ud	-	NBF
5	Ud	-	<i>Staphylococcus sciuri</i>
6	Gitar	-	NBF
7	Ud	-	NBF, <i>Escherichia coli</i>
8	Bağlama	-	NBF
9	Bağlama	-	NBF
10	Bağlama	<i>Staphylococcus sciuri</i>	NBF, <i>Staphylococcus sciuri</i>
11	Kanun	<i>Bacillus cereus</i>	NBF, Tanımlanamayan
12	Çello	-	NBF
13	Keman	-	NBF
14	Keman	<i>Staphylococcus sciuri</i>	NBF, <i>Staphylococcus condimentii</i>
15	Keman	-	NBF
16	Keman	Tanımlanamayan	NBF, <i>Staphylococcus condimentii</i>
17	Keman	<i>S. aureus</i>	NBF, <i>Staphylococcus sciuri</i>
18	Tambur	<i>S. aureus</i> , Tanımlanamayan	NBF, <i>Staphylococcus condimentii</i>
19	Darbuka	-	NBF
20	Def	-	NBF
21	Def	-	NBF
22	Tambur	-	NBF
23	Tambur	-	NBF

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



24	Piano	<i>S. aureus</i> , Tanımlanamayan	Tanımlanamayan
25	Keman	-	NBF
26	Tambur	-	NBF
27	Tambur	-	NBF
28	Tambur	-	NBF, <i>Pseudomonas fulva</i>
29	Bağlama	<i>S. aureus</i>	NBF, <i>Staphylococcus sciuri</i>
30	Bağlama	<i>Bacillus cereus</i>	NBF, Tanımlanamayan

Anahtar Kelimeler: El Hijyeni, Müzik Aletleri, *Staphylococcus sciuri*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 042

***Citrobacter* sp. Klinik İzolatlarında Karbapenem Direncine Neden Olan Mekanizmaların Araştırılması**

Ayşe Çoban Acar, Murat Telli

Aydın Adnan Menderes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Citrobacter* sp. Enterobacterales ailesi içindedir. Türleri içinde, hastane enfeksiyonlarıyla en sık *Citrobacter freundii*, *Citrobacter koseri* ve *Citrobacter braakii* ilişkilidir. Dünya Sağlık Örgütü'nün 2024 yılında yayınladığı güncellenmiş Bakteriyel Öncelikli Patojenler Listesinde, Gram-negatif bakteriyel patojenler kritik durumlarını korumaktadırlar. Bu enfeksiyonlar, yüksek antibiyotik direnç oranlarından kaynaklanan sınırlı tedavi seçenekleri nedeniyle küresel olarak ciddi tehdit oluşturmaktadır. Bu direncin araştırılması yeni antibiyotik üretimi ve tedavi yönetiminde önemlidir. Çalışmamızda, hastanemizde izole edilmiş karbapenem dirençli *Citrobacter* sp. suşlarında, dirence neden olan mekanizmaları belirlemek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Aydın Adnan Menderes Üniversitesi Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Bakteriyoloji Biriminde izole edilen 6 adet karbapenem dirençli *Citrobacter* sp. izolatu çalışmaya dahil edilmiştir. Suşların tanımlanmasında ve antibiyotik duyarlılıklarının belirlenmesinde, tam otomatize bakteri tanımlama ve antibiyotik duyarlılık sistem (BD Phoenix USA) kullanılmıştır. Duyarlılık sonuçları EUCAST kılavuzuna göre yorumlanmıştır. Karbapenem dirençli suşların MİK değerleri Gradient Test (Bioanalyse, Türkiye) ile belirlenmiştir. Direnç mekanizmalarının belirlenmesinde, Phoenix CPO test (BD USA), yatay akım immunokromatografik test kiti (The RESIST-5 O.K.N.V.I., CORIS BioConcept, Gembloux, Belgium) ve NDM, KPC, OXA-48, VIM, IMP karbapenemaz genlerinin spesifik primerleri kullanılarak Polimeraz Zincir Reaksiyon testi (PZR) kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: 2022-2023 yılları arasında klinik örneklerden izole edilmiş 73 *Citrobacter* sp. izolatından karbapenem dirençli olan 6 tanesi (%8.3) çalışmaya dahil edilmiştir. Suşların 5'i *Citrobacter freundii*, 1 suş *Citrobacter koseri* olarak tiplendirilmiştir. Suşların 5' inde (%83.3) sınıf B karbapenemaz enzimi üretimi bulunmuştur. Bunlardan 4' ü NDM direnç genine, 1 tanesi VIM (%16.6) direnç genine sahipti. Bir suşta ise (%16.6) sınıf A karbapenemaz enzim üretimi bulunmuş ve bu suş KPC direnç genine sahipti. Suşların %100'ü amoksisilin, amoksisilin klavulonat, ampicilin, sefiksime, sefotaksim, seftazidim, seftriakson, seftulozan tazobaktam, piperasilin tazobaktam, ertapenem, imipenem dirençli; %83.33'ü sefepim ve seftazidim avibaktam dirençli; %50'si gentamisin, tobramisine dirençli; %33.3'ü meropenem, amikasin, siprofloksasin, levofloksasin ve trimetoprim sulfometaksazol dirençli; %100'ü de fosfomisin ve kolistine duyarlı bulunmuştur. *Citrobacter* sp. içinde karbapenem direncinden en çok NDM direnç geni sorumlu bulunmuştur. Karbapenem direnci çeşitli Enterobacterales cinslerinde yayılmaktadır. Bu suşların belirlenmesi, direncin yayılımının takibi için önemlidir.

Suşların Minimal İnhibitör Konsantrasyon ve Gen Dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Suş no:	İdentifikasyon	Yıl	Örnek	İMP MİK	MRP MİK	KOLİSTİN MİK	CZA	Karbapenemaz Enzim Grubu	Karbapenemaz Direnç Geni
73	<i>Citrobacter freundii</i>	2022	balgam	>32	>32	0.5	R	SINIF B	VIM
88	<i>Citrobacter koseri</i>	2022	idrar	>32	2	0.5	S	SINIF A	KPC
100	<i>Citrobacter freundii</i>	2023	idrar	>32	8	2	R	SINIF B	NDM
103	<i>Citrobacter freundii</i>	2023	kan	>32	2	2	R	SINIF B	NDM
120	<i>Citrobacter freundii</i>	2023	kan	>32	8	0.25	R	SINIF B	NDM
132	<i>Citrobacter freundii</i>	2023	idrar	>32	1	0.5	R	SINIF B	NDM

İMP: İmipenem, MRP: Meropenem, MİK: Minimal İnhibitör Konsantrasyon, CZA: Seftazidim Avibaktam

Anahtar Kelimeler: *Citrobacter* sp, karbapenem direnci, direnç geni

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 043

Bir Şehir Hastanesinde Kulak Kültürü Örneklerinin Üç Yıllık Verilerinin İncelenmesi

Beyza Öncel, Ayşe Nur Ceylan

Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi

Giriş ve Amaç: Kulak enfeksiyonları sık görülmekte olup, bu enfeksiyonlardaki olası patojen mikroorganizmaların bilinmesi, uygun tedavinin belirlenmesinde önemli rol oynamaktadır. Bu amaçla, çalışmamızda üç yıllık süreçte laboratuvarımıza gönderilmiş olan kulak kültürü örnekleri incelenmiş, etken olabilecek mikroorganizmaların dağılımı ve en sık üreyen bakterilerin antibiyotik duyarlılık test sonuçları paylaşılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Eylül 2021- Eylül 2024 tarihleri arasında, Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen kulak kültürü örnekleri çalışmaya dahil edilmiştir. Bu örnekler %5 Koyun kanlı agar (BioCell) ve çikolatamsı agara (BioCell) ekilip, uygun koşullarda, uygun süre inkübe edilmiştir. Besiyerlerinde üreyen kolonilerin tanımlamaları, MALDI-TOF MS (Zybio, Çin) ile yapılmış olup, antibiyotik duyarlılık testi yapılması gerekli olan örnekler için Phoenix M50 (Bruker Daltonics) cihazı kullanılmıştır. Antibiyotik duyarlılık test sonuçları EUCAST kriterlerine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Üç yıllık süre içerisinde laboratuvarımıza gönderilmiş olan 429 kulak kültürü örneği incelenmiştir. Üreme olmayan, dış kulak yolu flora elemanları üreyen ve tekrar eden üremeleri olan hastalar çıkarıldığında, 186 hastada etken olabilecek mikroorganizma ürediği tespit edilmiştir. Üremeler incelendiğinde 45 örnekte *Staphylococcus aureus* (%24.2), 38 örnekte *Pseudomonas aeruginosa* (%20.4), 21 örnekte *Aspergillus* spp. (%11.3) olduğu saptanmıştır. Diğer mikroorganizmaların dağılımına Tablo 1'de yer verilmiştir. En sık izole edilen *S.aureus*'lar için metisilin direnci %22, siprofloksasin direnci % 33.3, gentamisin direnci %8.8, klindamisin direnci %6.6 olarak bulunmuştur. En sık izole edilen ikinci mikroorganizma olan *P. aeruginosa*'da ise siprofloksasin direnci %55, piperasilin-tazobaktam direnci %18.4, amikasin ve seftazidim direnci ise % 13 olarak bulunmuştur. Kulak enfeksiyonları, toplumda yaygın olarak görülmekte olup, bu enfeksiyonların tedavisinin doğru yönetimi için sık üreyen mikroorganizmaların ve bunlara karşı antibiyotik direnç durumlarının bilinmesi gerekmektedir. Bu durum, tedavi öncesi mikrobiyolojik örnek almanın, kültürde üreyen mikroorganizmaları tanımlama ve antibiyotik duyarlılık testlerini yapmanın gerekliliğini ve önemini vurgulamaktadır.

Tablo 1. Kulak kültürü örneklerinde üreyen, etken olabilecek mikroorganizmaların dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mikroorganizma	Sayı	%
<i>Staphylococcus aureus</i>	45	24.2
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	38	20.4
<i>Aspergillus</i> spp.	21	11.3
<i>Candida</i> spp.	14	7.5
<i>Proteus</i> spp.	12	6.4
<i>Klebsiella</i> spp.	10	5.3
<i>Streptococcus pyogenes</i>	7	3.7
<i>Serratia marcescens</i>	6	3.2
<i>Achromobacter xylosoxidans</i>	5	2.6
<i>Escherichia coli</i>	4	2.1
<i>Haemophilus influenzae</i>	3	1.6
<i>Enterobacter cloacae</i>	3	1.6
<i>Citrobacter</i> spp.	3	1.6
<i>Streptococcus pneumoniae</i>	3	1.6
<i>Tricella citidis</i>	3	1.6
<i>Shewanella</i> spp.	2	1.1
<i>Ralstonia pickettii</i>	2	1.1
<i>Providencia stuartii</i>	2	1.1
<i>Morganella morganii</i>	1	0.5
<i>Acinetobacter baumannii</i>	1	0.5
<i>Alcaligenes faecalis</i>	1	0.5
Toplam	186	100

Anahtar Kelimeler: kulak enfeksiyonu, antibiyotik direnci, *S.aureus*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 044

Beyin Omurilik Sıvısı Örneklerinden İzole Edilen Mikroorganizmalar ve Antibiyotik Duyarlılıkları: Beş Yıllık Çalışma

Ayşenur Baltacıoğlu, Mehmet Başoğlu, Elif Başak Karagöz, İlkay Bahçeci

Recep Tayyip Erdogan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Rize, Türkiye

Giriş ve Amaç: Akut bakteriyel menenjit; hızla gelişen baş ağrısı, ense sertliği, nörolojik bulgular, beyin omurilik sıvısında hücresel ve biyokimyasal değişiklikler ile karakterize ciddi bir klinik tablodur. Akut bakteriyel menenjit olgularının %80-85'ini *Streptococcus pneumoniae*, *Neisseria meningitidis* ve *Haemophilus influenza* oluşturmaktadır. Hastaların acil olarak değerlendirilmesi, erken tanı ve etkene göre tedavinin düzenlenmesi mortalite ve morbiditenin önlenmesi için çok önemlidir. Çalışmamız menenjit şüpheli hastaların beyin omurilik sıvısı (BOS) kültürlerinden izole edilen mikroorganizmaları ve antibiyotik direnç paternlerini belirleyerek literatüre katkı sağlamayı amaçlamaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda Kasım 2018-Kasım 2023 tarihleri arasında RTEÜ Tıp Fakültesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi'ne menenjit ön tanısı ile başvuran hastalara ait 869 BOS örneği retrospektif olarak değerlendirilmiş ve çalışmaya kültürde üreme saptanan 72 hasta dahil edilmiştir. Uygun şartlarda alınarak laboratuvara gönderilen BOS örnekleri koyun kanlı agar, çikolatamsı agar ve eozin metilen blue (EMB) agar plaklarına tek koloni ekim yöntemiyle ekildi ve plaklar 35-37 °C' de aerobik şartlarda 24-72 saat inkübe edildi. İnkübasyon sonunda üreme görülen plaklardaki koloniler otomatize sistem (VITEK 2 Compact-BioMerieux, France) kullanılarak tanımlandı ve güncel EUCAST (European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) önerileri doğrultusunda antibiyotik duyarlılık profilleri belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 72 BOS örneğinin 43'ü (59,8) kadın, 29'u (%40,2) erkek hastaya ait olup hastaların yaş ortalaması 62 (19-90 yaş) olarak bulundu. Üreme olan kültürlerin % 77,7'sinde Gram (+) pozitif bakteri, %18,0'inde Gram (-) negatif bakteri, % 4,1'inde maya üremesi saptandı. İzole edilen mikroorganizmalar arasında en sık Koagülaz Negatif Stafilokok (%52,78), *S.pneumonia* (%12,50), *A. baumannii* (%8,33) belirlendi (Tablo 1). Laboratuvarımıza gönderilen örneklerin klinik branşlara göre dağılımına bakıldığında en sık acil servis (%43,0) ve yoğun bakımlardan (%19,4) örnek gönderildiği görüldü. Koagülaz Negatif Stafilokok şuşlarının % 42'si metisilin dirençliydi. *Streptococcus pneumoniae* şuşlarında en yüksek direnç % 34 oranıyla penisiline karşı saptanırken vankomisin direnci saptanmadı. *Acinetobacter baumannii* şuşlarının % 100'ü karbapenemlere dirençli, kolistine duyarlıydı. Akut bakteriyel menenjitte erken tanı ve etkene göre tedavinin düzenlenmesi mortalite ve morbiditenin önlenmesi için çok önemlidir. Akut bakteriyel menenjit etkenleri yaşa, altta yatan nedenlere, coğrafi bölgelere göre değişiklik gösterdiğinden ampirik antibiyoterapi bu şartlar göz önüne alınarak başlanmalıdır. Ancak antibiyotik direnç artışı nedeniyle tedavi rejimi, antimikrobiyal duyarlılık testi sonuçlarına göre düzenlenmelidir.

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



BOS örneklerinin mikroorganizmalara ve kliniklere göre dağılımı

[illegible]

Anahtar Kelimeler: BOS, kültür, menenjit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 045

***Klebsiella* İzolatlarının Yıllara Göre Antimikrobiyal Dirençlerinin Değerlendirilmesi**

Sibel Gümüş, Başak Sandal, Bayhan Bektöre, Elçin Kal Çakmaklıoğulları

Alanya Alaaddin Keykubat Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Florada sınırlı sayıda bulunan *Klebsiella* türlerinin kolonizasyonunun hastanede uzun süre kalma, geçirilmiş operasyon öyküsü, damar içi-üriner kateter uygulaması ve gereksiz antibiyotik kullanımıyla ilişkili olduğu bilinmektedir. Bu bakterilerde dirençten sorumlu en önemli mekanizma genişlemiş spektrumlu beta-laktamaz (GSBL) yapımıdır. Son yıllarda hatalı antibiyotik kullanımları sonucu GSBL üreten bakterilerin oluşturduğu enfeksiyonlar artmış ve tedavide sıklıkla karbapenemler tercih edilmeye başlamıştır. Son yıllarda karbapenemlerin bilinçsiz ve aşırı kullanımı karbapenemlere direnç gelişiminde artışa sebep olmuştur. Central Asian and European Surveillance of Antimicrobial Resistance (CAESAR) çalışmasının 2020 raporuna göre Türkiye’de *Klebsiella pneumoniae* karbapenem direnci %39, Ulusal Sağlık Hizmeti ilişkili Enfeksiyonlar Sürveyans Ağı (USHİESA) 2022 Özet Raporuna göre %66,6 olarak bildirilmiştir. Çalışmamızda laboratuvarımıza gönderilen çeşitli klinik örneklerden izole edilen *Klebsiella* suşlarının antibiyotik dirençlerinin yıllara göre retrospektif olarak incelenmesi, bölgemizdeki antibiyotik direnç profilinin saptanması ve ampirik tedavi başlangıçlarında literatüre ışık tutulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Alanya Eğitim Araştırma Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarına Mart 2019-Ocak 2024 tarihleri arasında çeşitli kliniklerden gönderilen örneklerde üreyen ve etken olarak kabul edilen 840 *Klebsiella* suşu çalışmaya dahil edilmiş ve antibiyotiklere direnç oranları yıllara göre retrospektif olarak incelenmiştir. İzole edilen mikroorganizmaların tanımlanmaları ve antibiyotik duyarlılık testleri VITEK 2 ID-AST (bioMérieux, Fransa) otomatize sistemi ile yapılmış ve sonuçlar European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) kriterleri esas alınarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 840 *Klebsiella* suşunun 726’sı (%86,4) *Klebsiella pneumoniae*, 114’ü (%13,6) *Klebsiella oxytoca* olduğu saptanmıştır. İzolatlar sıklıkla idrar 502 (%59,8), solunum yolu (balgam, bronkoalveolar lavaj, endotrakeal aspirat) 143 (%17), kan 101 (%12), apse-yara 59 (%7), diğer (kulak, periton sıvısı, plevral sıvı, santral venöz kateter, BOS, kateter, asit mayi) 35 (%4,2) klinik örneklerden izole edilmiştir. İzole edilen *Klebsiella* suşlarının 560’ı (%66,7) yatan hasta (%41 yoğun bakım) 280’i poliklinik hastalarına (%33,3) aittir. Antibiyotik direnç oranları sırasıyla amikasin (%8,4) en düşük, imipenem (%19,3), meropenem (%25,4), gentamisin (%25,6), sefepim (%42,1), trimetoprim /sulfametoksazol (%44,7), siprofloksasin (%51,4), piperasilin/tazobaktam (%53,7), seftriakson (%56,2), seftazidim (%57) olarak tespit edilmiştir. Yıllara göre yapılan incelemede özellikle Covid-19 pandemisi döneminden sonra karbapenem direncindeki artış dikkat çekicidir (Tablo-1). Yanlış antibiyotik kullanım politikaları nedeniyle günümüzde toplum ve hastane kaynaklı bakterilerde antibiyotik direncindeki artış, tedavide önemli bir sorun oluşturmaktadır. Sonuç olarak tüm merkezler kendi direnç profillerini belirleyerek uygun antibiyotik kullanım politikalarını oluşturmalarıdır.

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 046

İki Kan Kültür Sisteminin Karşılaştırılması

Deniz Dereli, İlkur Kaleli

Pamukkale Üniversitesi Mikrobiyoloji Anabilimdalı

Giriş ve Amaç: Kan dolaşımı enfeksiyonu (KDE), kliniklerde en önemli mortalite ve morbidite sebebidir. KDE ile takip edilen hastalarda, doğru tanı ve tedavi hayati öneme sahiptir. Bu çalışmada, laboratuvarımıza farklı kliniklerden gönderilen kan kültürü örneklerinin iki farklı kan kültürü cihazıyla değerlendirilmesi ve etkinliğinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada Pamukkale Üniversitesi Sağlık Araştırma Uygulama Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na 08.07.2024 – 28.07.2024 tarihleri arasında gelen aerob ve anaerob kan kültürü örnekleri değerlendirildi. Bununla beraber tür ve cins adı tanımlı 8 farklı izolat deneysel olarak değerlendirildi. İzolatların 17'si (%56.7) dahiliye yoğun bakımdaki 15 hastadan (2 hastadan farklı zamanlarda 2 set değerlendirildi), 8'i (%26.7) anestezi yoğun bakımdaki 6 hastadan (2 hastadan farklı zamanlarda 2 set değerlendirildi), 5'i (%13.6) hematoloji yataklı servisteki 4 hastadan (1 hastadan farklı zamanlarda 2 set değerlendirildi) gönderildiği tespit edilmiştir. Hastalar yaş gruplarının 1'i 0-18 yaş, 12'si 19-65 yaş ve 17'si 65 yaş ve üzeri yaşta olduğu bulunmuştur. Örnekler BD BACTECTM FX ve AUTOBIO BC 60 cihazına yüklendi. Yüklenen kan kültürü örnekleri 5 gün inkübe edildi. Sinyal veren şişelerinden gram boyama yapıldı. Eş zamanlı olarak, örnekler %5'lik koyun kanlı agar'a ve Eosin Methylene Blue (EMB) agara ekildi. 37 C 'de 24-48 saat inkübe edildi. Üreyen bakteriler MALDI-TOF MS (MALDI Biotyper MB-HT-IVD Sirius, Bruker, Almanya) ile tanımlandı ve süreleri kaydedildi.

Bulgular ve Sonuç: Toplamda 30 set incelendi. Aynı anda iki cihaza yerleştirildi. Bu şişelerden 25'i üreme sinyali vermedi ve 'üreme olmadı' şeklinde raporlandı. 5 hasta örneğinde üreme sinyali alındı. Hastanemizin 1 yıllık kan kültürü üreme oranı 13.2 olarak bulunmuştur. 20 gün süreyle değerlendirilen 30 set kan kültüründe 5 üreme görülmesi hastane üreme oranlarıyla uyumludur. Kültürlerde üreyen mikroorganizmaların MALDI-TOF MS ile tanımlamasında tam bir uyum gözlemlendi. Bir hastada *E. fecalis*, bir hastada *C. albicans*, bir hastada *C. glabrata*, bir hastada da *E. coli* ve bir hastada da KNS saptandı (Tablo 1). Deneysel izolatlarda üreyen bakteriler ve iki farklı cihazda üreme süreleri de Tablo 2 de gösterilmiştir.

SONUÇ

İki farklı kan kültür cihazında hasta örneklerinden üreyen bakteriler aynı isimle tanımlanmıştır. Mikroorganizmaların üreme sürelerinde iki cihaz arasında fark bulunmamıştır ($p>0.05$). Aynı şekilde deneysel izolatların üreme sürelerinde istatistiksel olarak anlamlı fark bulunmamıştır ($p>0.05$). Bu konuda daha fazla örnek içeren çalışmalara ihtiyaç vardır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İki cihazda üreyen mikroorganizma ve üreme süreleri

	BD BACTEC™ FX	AUTOBIO BC 60	
<i>E. faecalis</i>	Azרח 14 saat	Azרח 24 saat	Azרחlık olduğu (3. GÜN)
<i>C. glabrata</i>	Azרח 16 saat Azרחlık 15 saat	Azרח 40 saat Azרחlık 40 saat	
<i>C. albicans</i>	Azרח 24 saat	Azרח 30 saat	
<i>E. coli</i>	Kanama içi azרח 14.5 saat	Kanama içi azרח 11 saat	Azרחlık olduğu (3. GÜN)
KNS	Azרחlık 10 saat	Azרחlık 10 saat	Azרחlık olduğu (3. GÜN)

Deneyisel izolatlarda BD BACTECTM FX ve AUTOBIO BC 60 cihazında üremelerin değerlendirilmesi

	BD BACTECTM FX	AUTOBIO BC 60
<i>C. perfringens</i>	Azרח 15 s Azרחlık 11 s	Azרח 14 s Azרחlık 11 s
<i>Enterococcus spp.</i>	Azרח 10 s Azרחlık 8 s	Azרח 9 s Azרחlık 10 s
<i>A. baumannii</i>	Azרח 9.5 s Azרחlık ÜREME OLMADI	Azרח Azרחlık ÜREME OLMADI
<i>S. aureus</i>	Azרח 11 s Azרחlık 10 s	Azרח 12 s Azרחlık 11 s
<i>E. coli</i>	Azרח 10 s Azרחlık 7 s	Azרח 8 s Azרחlık 8.5 s
<i>S. flexneri</i>	Azרח 11 s Azרחlık 10 s	Azרח 10 s Azרחlık 10.5
<i>S. faecitolicus</i>	Azרח 12 s Azרחlık 11 s	Azרח 13 s Azרחlık 13 s
<i>S. epidermidis</i>	Azרח 15 s Azרחlık 10 s	Azרח 15 s Azרחlık 15 s

Anahtar Kelimeler: Kan kültür, Süre, Bakteri tanımlama

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 047

Yanıklı Hastada Nadir Bir Patojen: *Achromobacter xylosoxidans*

Ebru Aykut Arca¹, Füsün Kırca¹, Nilay Çöplü¹, Bedia Dinç¹

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: *Achromobacter xylosoxidans* (*A. xylosoxidans*), önceleri *Alcaligenes xylosoxidans* olarak bilinmekle beraber 1998'den beri bu isimlendirme kullanılmaktadır. İnsanlarda klinik örneklerden nadiren izole edilen gram negatif, aerob, oksidaz ve katalaz pozitif, nonfermentatif, tek polar flagellası ile hareketli bir basildir. Özellikle immün sistemi baskılanmış hastalarda yüksek mortalite ile seyreden, fırsatçı nozokomiyal enfeksiyonlara neden olmaktadır. *A. xylosoxidans*, sıklıkla çoklu ilaç direnci gösteren bir fenotipe sahiptir. Bu çalışmada Ankara Bilkent Şehir Hastanesi çocuk yanık yoğun bakım servisinde takip edilen bir hastada doku, yara, kan ve derin trakeal aspirat kültürlerinde izole edilen *A. xylosoxidans* sunulmuştur. Bu hasta gruplarında *A. xylosoxidans*'ın enfeksiyon etkeni olarak akılda tutulması gerektiği ve tedavideki zorluklara dikkat çekilmek istenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Vücudunun %80'inden fazlasında sıcak sıvı yanığı gelişen 4 yaşında çocuk hasta, dış merkezden acil servise başvurmıştır. Hasta entübe edilerek çocuk yanık yoğun bakım bölümüne yatırılmıştır. Hastadan alınan kan örnekleri Bact/AlertR3D (BioMerieux, Durham, NC, ABD) kan kültür sistemine yüklendi. Pozitif sinyal veren örneklerden %5 koyun kanlı agara ekim yapıldı. Doku, yara ve derin trakeal aspirat örnekleri de kanlı agar ve Mc Conkey agara ekilerek WASPLab (COPAN WASP S.R.L. Brescia, Italy) cihazında inkube edildi. Kanlı agarda hemoliz yapmayan, düzgün, parlak ve belirgin kenarlı koloniler, Mc Conkey agarda ise küçük soluk renkli koloniler görüldü. Bu kolonilerden yapılan Gram boyama (Previcolor Gram V2, BioMerieux, Fransa) sonrası, Gram negatif basiller VITEK MS (BioMerieux, Manchester UK) ile tanımlandı. Antibiyotik duyarlılık testi VITEK 2 Compact (BioMerieux, Durham, NC, ABD) ile EUCAST 2024 rehberine göre yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: Hastanın doku ve yara kültürleri, kan ve derin trakeal aspirat kültürlerinden *A. xylosoxidans* izole edilmiştir. Yapılan antibiyotik duyarlılık testlerinde trimetoprim sülfametaksazol (≥ 320 µg/ml), piperasilin tazobaktam (16 µg/ml) ve meropenem (≥ 16 µg/ml) direnç tespit edildi. Bu olguda olduğu gibi vücudun büyük bölümünü kapsayan yanıklar, cilt bariyerinin olmaması sebebiyle hızlı, ilerleyici ve mortaliteyle sonuçlanan enfeksiyonlara neden olur. Bu hastada septik şok tablosuyla birlikte genel durum kötüye giderek hasta kaybedilmiştir. *A. xylosoxidans* enfeksiyonlarına yönelik kesin bir tedavi protokolü bulunmamaktadır. Tedavi antibiyotik duyarlılık testlerine ve hastanın kliniğine göre belirlenmektedir. *A. xylosoxidans*'ın sebep olduğu çeşitli enfeksiyonlarla ve özellikle çoklu ilaca dirençli suşların tedavisine ilgili daha fazla araştırmaya ihtiyaç vardır.

Anahtar Kelimeler: *Achromobacter xylosoxidans*, yanıklı hastalar, antibiyotik direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 048

***Pseudevernia furfuracea* (L.) Zopf Liken Türünün Wistar Albino Sıçan Modelinde *Helicobacter pylori* Eradikasyonuna Etkisi**

Elif Aydın¹, Birkan Açıkgöz², Meliha Koldemir Gündüz¹, Ayşe Koçak Sezgin¹, Güllü Kaymak¹, Sercan Şimşek³

¹Kütahya Sağlık Bilimleri Üniversitesi

²Marmara Üniversitesi

³Kütahya Evliya Çelebi Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Patoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Mide malignitelerinin %90'ı *Helicobacter pylori* (HP) enfeksiyonu ile ilişkilidir. Tedavi yetersizliği ve bakteriyel direnç arttığından alternatif tedavilere ihtiyaç duyulmaktadır. *Pseudevernia furfuracea* (L.) Zopf likeni mantarlar grubuna ait olup, geleneksel tıpta ağaç yosunu olarak bilinir. Günümüzde anti inflamatuvar, antimikrobiyal, antioksidan ve antikanser gibi özellikleri bildirilmiştir. Çalışmamızda *P.furfuracea* (L.) Zopf 'nın indometazinle indüklenen HP enfeksiyonunu tedavi etme kapasitesinin in vivo belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Her grupta 5'er Wistar Albino olmak üzere, sağlıklı kontrol, GÜ, GÜ+HP, GÜ+*P.furfuracea* (L.) Zopf (15 µg/mL), GÜ+HP +*P. furfuracea* (L.) Zopf (15 µg/mL) ve GÜ+HP+standart 3'lü ilaç grubuna ayrılmıştır. GÜ için sıçanlara beş gün gavaj yolu ile indometazin (5 mg/kg) uygulandıktan yirmi dört saat sonra, günde iki kez 1 mL 108-109HP süspansiyonu gavaj yolu ile 7 gün boyunca uygulanmıştır. 30 gün gavaj yolu ile yapılan tedavi sonrası sakrifiye edilen sıçanların mide dokuları alınarak uzunlamasına 4'e bölünmüştür. Örnekler, üreaz aktivitesi için hızlı üreaz agara (Helicheck® TİBO), bakteri sayımı için %7 at kanlı Columbia blood agara ekilmiştir. Ayrıca histopatolojik analizde HP varlığını saptamak için Giemsa, inflamasyon ve atrofi için ise hematoksilin-eozin boyama yapılmıştır. 0-3 arası skor puanlaması yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Sağlıklı kontrol grubunda %100 üreaz negatifliği, GÜ +HP+ tedavi olmayan grupta %100 üreaz pozitifliği ve 62 x106 kob/mL bakteri yoğunluğu tespit edilmiştir. GÜ+HP+*P. furfuracea* (L.) Zopf uygulandığı grupta %40 (n=2) orta derecede, %60 (n=3) az derecede üreaz pozitifliği, bakteri yoğunluğu ise 16 x106 kob/mL olarak tespit edilmiştir. GÜ+HP standart ilaçlar %20 (n=1) pozitiflik, %20 hafif derecede, %60 orta derecede üreaz pozitifliği ve 25 x106 kob/mL olarak tespit edilmiştir. Histopatolojik analizde bakteriyel kolonizasyon, GÜ+HP pozitif kontrol için 2, GÜ+HP ve *P.furfuracea* (L.) Zopf grubu için 0.4 ve GÜ+HP+standart ilaçlar için 0.4 skor puanı olarak tespit edilmiştir. İnflamasyon seviyeleri, tedavi gruplarında 0.8, pozitif gruplarda 1.4 skor vermiştir. Nötrofil aktivasyonu GÜ+HP pozitif kontrol grubu için 0.8, GÜ+*P.furfuracea* (L.)Zopf (15 µg) tedavi grubu için 0.4 ve diğer tedavi grupları için ise 0 olarak hesaplanmıştır.*P.furfuracea* (L.)Zopf tedavisinin, tedavi edilmeyen sıçanların veya standart üçlü tedavisiyle tedavi edilen sıçanların yükleriyle karşılaştırıldığında, bakteri yükünü önemli ölçüde azalttığı ve HP enfeksiyonuna karşı antimikrobiyal aktivitelerini tespit ettik. Sonuç olarak, *P.furfuracea* (L.) Zopf HP tedavisinde umut verici, etkili ve güvenli bir monoterapötik ajan olabileceğini düşündürmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Üreaz test sonucu



Sarı:Negatif (-) Mor: Pozitif (+)

Anahtar Kelimeler: *H. pylori*, *Pseudevernia furfuracea* (L.) Zopf, Deneysel *H. pylori* gastrit model

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 049

{*Streptococcus dysgalactiae* subsp. equisimilis}'e Bağlı Septik Artrit/Protez Enfeksiyonu Olgusu

Eda Acar¹, Emel Akbaş¹, Elif Nur Dalkıran Ekşi¹, Şükrü Öksüz¹, Dilek Akıncı²

¹Düzce Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Düzce, Türkiye

²Düzce Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Düzce, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Streptococcus dysgalactiae* subsp. equisimilis (SDSE), Streptococcaceae ailesinden grup C ve grup G streptokoklara ait Gram pozitif, kok ve beta-hemolitik bir bakteridir (1). SDSE, insan normal florasının bir parçasıdır ve farenks, cilt, gastrointestinal sistem, kadın genital sisteminde kolonize olur (2). İnsanlarda farenjit, epiglotit, sinüzit, deri ve yumuşak doku enfeksiyonları, artrit, osteomyelit, sinüzit, pnömoni, endokardit, menenjit, puerperal enfeksiyon, neonatal sepsis ve bakteriyemi gibi çok çeşitli hastalıklara neden olabilir (3–8). Bu vakada, sağ dizinde kızarıklık, şişlik ve ısı artışı yakınması olan ve diz eklem sıvısı örneğinde *Streptococcus dysgalactiae* subsp. equisimilis üreyen bir olgu sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Olgu Sunumu Diyabetes mellitus ve hipertansiyonu olan 68 yaşındaki erkek hasta sağ bacakta kızarıklık, ısı artışı ve ağrı şikayetiyle enfeksiyon hastalıkları polikliniğine başvurmuştur. Yaklaşık 8 ay önce sağ total diz protez ameliyatı öyküsü bulunan, diz eklemi hareketlerinin kısıtlı ve şiddetli ağrılı olduğu görülen hastanın laboratuvar tetkiklerinde WBC: 12,64x10³/mm³, CRP: 23,77 mg/dL, lenfosit: %8,8, nötrofil: %80,4 olarak saptanmıştır. Hastanın sinoviyal sıvı örneğinin incelemesinde WBC:113,9x10³/mm³ belirlenmiştir. Ampirik olarak meropenem ve teikoplanin başlanan hastanın sinoviyal sıvı örneği %5 KKA, EMB ve çikolatamsı agara ekilmiş olup ayrıca kan kültür besiyerine de ekilerek otomatize cihaza (BD Bactec, ABD) yüklenmiştir. İkinci günde kan kültür sisteminde pozitif sinyal veren şişelerden yapılan Gram boyamada, Gram pozitif zincirli koklar görülmüştür. Eş zamanlı %5 KKA ve çikolatamsı agarda aynı şekilde Gram pozitif beta hemolitik zincirli koklar üremiştir. Üreyen kolonilerin tanımlama ve antimikrobiyal duyarlılık testinde Vitek 2 (Biomerieux, Fransa) cihazı kullanılmıştır. Üreyen mikroorganizmalar *Streptococcus dysgalactiae* subsp. equisimilis olarak tanımlanmıştır. İzolat penisilin, moksifloksasin, linezolid, teikoplanin, vankomisin, kloramfenikol, rifampin, trimetoprim sulfametoksazol, teikoplanine duyarlı ve tetrasiklin, eritromisin ve klindamisine dirençli bulunmuştur. Duyarlılık sonuçlarına göre hastanın başlanmış antibiyoterapisine devam edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Lancefield grubu C veya G antijenine sahip bir β-hemolitik streptokok olan *Streptococcus dysgalactiae* subsp. equisimilis (SDSE), kemik ve eklemlere karşı bir tropizme sahip olduğu düşünülmektedir. SDSE'nin neden olduğu Osteoartiküler enfeksiyonların insidansı son on yıllarda önemli ölçüde artmıştır (9). SDSE'nin septik artrit/protez enfeksiyonunda önemli bir etken olarak görüldüğü akılda tutulmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Streptococcus dysgalactiae subsp. *equisimilis*'in %5 KKA besiyerindeki koloni görüntüsü



Anahtar Kelimeler: *Streptococcus dysgalactiae* subsp. *equisimilis*, septik artrit, protez enfeksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 050

Prevalence Of Catheter-Related Bloodstream Infections in A University Hospital İn Northern Cyprus: A Retrospective Study

Arnaud Pelama Pelama Tiogo¹, Samuel S. Suah², Hazal Cemre Yorulmaz³, Arcel Taguiadzeh¹, Melika Yavari¹, Kaya Süer⁴, Emrah Ruh²

¹Near East University, Faculty of Medicine

²Near East University, Faculty of Medicine, Department of Medical Microbiology and Clinical Microbiology

³Near East University Hospital

⁴Near East University, Faculty of Medicine, Department of Clinical Microbiology and Infectious Diseases

Introduction and purpose: This study aimed to determine the incidence of central venous catheter-related bloodstream infections (CRBSI) and identify specific pathogens in three intensive care units (ICUs) in a university hospital in Northern Cyprus during 2022-2023.

Materials and Methods: This study was a retrospective investigation. The data collection procedure involved the examination of medical records obtained through the electronic information system of the Near East University Hospital. The medical records included patient demographics, incidence density rates, microbial isolates, and resistance profiles within the ICUs.

Findings and Conclusion: A total of 48 cases were analyzed. The overall incidence density of CRBSIs was 17.0 per 1000 catheter days. General ICU exhibited the highest CRBSI incidence at 30.2 per 1000 catheter days, while the cardiovascular surgery ICU had the lowest CRBSI incidence at 0.0 per 1000 catheter days (Table 1). Of the 48 cases analyzed, a total of 49 bacterial isolates were identified, including a case with two different bacterial strains. The leading causative agent was *Klebsiella pneumoniae*, identified in 16 (32.7%) cases, followed by 10 (20.4%) *Staphylococcus epidermidis* isolates. All of the bacterial species isolated in the study are summarized in Table 2. In the study, 12 (24.5%) *Klebsiella pneumoniae*, three (6.1%) *Proteus mirabilis*, and one (2.0%) *Escherichia coli* isolate were positive for extended-spectrum beta-lactamase. Also, 10 (20.4%) *Staphylococcus epidermidis*, five (10.2%) *Staphylococcus haemolyticus*, and two (4.1%) *Staphylococcus hominis* isolates were resistant to methicillin. The study findings suggest that appropriate protective and preventive measures should continue to be implemented in hospital ICUs to ensure efficient CRBSI management.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Table 1. Catheter-related bloodstream infections at the Near East University Hospital, 2022-2023.

Category	General ICU	Coronary ICU	Cardiovascular Surgery ICU	2022-2023 Total Number
Number of CRBSI	35	13	0	48
Number of CVC Days	1159	1362	296	2737
Incidence/1000 CVC Days	30.2	9.5	0.0	17.0
Standardized infection ratio	7.0	2.6	0.0	9.6

CRBSI: Catheter-related bloodstream infections; CVC: Central venous catheter; ICU: Intensive care unit.

Table 2. Distribution of bacterial species isolated from catheter-related bloodstream infections at the Near East University Hospital, 2022-2023.

Bacterial species	Number of isolates (n)	Percentage (%)
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	16	32.7
<i>Proteus mirabilis</i>	4	8.2
<i>Acinetobacter baumannii</i>	2	4.1
<i>Enterobacter cloacae</i>	2	4.1
<i>Escherichia coli</i>	1	2.0
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	1	2.0
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	10	20.4
<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	7	14.3
<i>Staphylococcus aureus</i>	2	4.1
<i>Staphylococcus hominis</i>	2	4.1
<i>Enterococcus faecalis</i>	1	2.0
<i>Kocuria kristinae</i>	1	2.0

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Total	49	100.0

Keywords: Catheter-related bloodstream infections, central venous catheter, intensive care units

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 051

Nosocomial Infections in Patients with External Ventricular Shunt Following Meningioma Surgery

Fatih Mehmet Akılı, Mustafa Ulukanlıgil

Sincan Training and Research Hospital

Introduction and purpose: Central nervous system infections are known to be a potential complication in patients with traumatic brain injury, especially those with external ventricular drains. Especially *Acinetobacter baumannii* and *Klebsiella pneumoniae* have been identified as important pathogens of postoperative meningitis in relation to risk factors such as cerebrospinal fluid leakage and wound infection.

Materials and Methods: In this case report, we present a 76-year-old woman who developed nosocomial infection after meningioma resection surgery and subsequent external ventricular drain placement. The patient was admitted to the Neurosurgery Department of Sincan Training and Research Hospital with symptoms including nausea, dizziness and cerebral discomfort. She underwent resection for posterior fossa tumour, the pathology report was (grade-3)meningioma. During the follow-up in intensive care unit, the patient experienced loss of consciousness and respiratory distress after a ventricular drain was placed with reoperation. No white blood cell and bacteria were found in the cerebrospinal fluid analysis and the first CSF culture was reported as no growth. In the following period, the patient's respiratory failure and low oxygen saturation levels worsened. Deep tracheal aspirate culture grew *Escherichia coli* and treatment was revised to piperacillin-tazobactam. When Gram-negative coccobacilli were observed in the Gram-stained preparation. After the CSF sample was inoculated into a blood culture bottle and a signal was obtained after three hours. While there was no growth in 6 sets of blood culture (anaerobic culture was not performed), *Candida albicans* in urine culture. Using Biofire BCID-2(bioMérieux,France) sepsis panel, it was determined that the sample contained *A. Baumannii* (OXA-48) and *K. pneumoniae* (CTX-M,KPC). In line with these findings, intrathecal colistin was started and *A. baumannii* and *K. pneumoniae* growths were detected in the subsequent CSF culture. The typing and antibiograms of both isolates were performed using conventional disc diffusion and Vitek-2(bioMérieux,France). Colistin susceptibility of both multidrug resistant(MDR) isolates was determined as MIC:1mg/L by broth disc elution method.

Findings and Conclusion: Central nervous system infections, particularly those caused by *A. baumannii*, *K. pneumoniae* represent a significant concern in patients with traumatic brain injury or undergoing neurosurgical procedures, including the placement of external ventricular drains. These infections can result in serious complications and death if not promptly recognised and managed.

Keywords: Carbapenem-resistant *K. pneumoniae*, Carbapenem-resistant *A. baumannii*, Central Nervous System Infections

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 052

Kahramanmaraş Depremi Öncesi ve Deprem Sonrasında Adıyaman İlinde Tanımlanan Enfeksiyon Etkenleri ve Direnç Profilleri

Funda ŞAHİN¹, Gülnur TARHAN¹, Sadık AKGÜN¹, Tuncay ÇELİK¹

¹Adıyaman Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Afet yönetimi ve acil eylem planlarının oluşturulmasında değişen koşullara göre kapsamlı bir şekilde veri toplanması, analiz edilmesi ve raporlanması en önemli basamağı oluşturmaktadır. Deprem sonrasında salgın oluşturma potansiyelindeki enfeksiyon hastalıklarının bilinmesi deprem bölgesinde aktif olarak sağlık hizmeti sunan veya depremzedelerin tedavisinde ve bakımında görev alan sağlık çalışmalarının zaman kaybetmeksizin tedavi ve bakım protokollerinin uygulamasına olanak sağlamaktadır. Bu çalışma Kahramanmaraş merkezli deprem öncesi ve sonrası dönemlerinde mikrobiyoloji laboratuvarında çeşitli kliniklerden tanı amacıyla gönderilen; enfeksiyonla ilişkili hastalık oluşturan ve tanımlanan mikroorganizmaların ve enfeksiyon hastalıkları üzerine depremin olası etkilerinin tespit edilmesi amacı ile planlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda Kahramanmaraş depremi öncesinde ve sonrasındaki bir yıllık dönemlerde Adıyaman Eğitim ve Araştırma Hastanesi' nin farklı kliniklerinden Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen klinik materyallerden mikroskopi, kültür, seroloji ve moleküler yöntemler ile tanımlanan bakteriyel, viral, fungal ve paraziter etkenlerin karşılaştırmalı olarak retrospektif değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Mikrobiyoloji kültür laboratuvarında deprem öncesi dönemde gönderilen klinik materyallerin %15,45' inde üreme gözlemlenirken enterik bakteriler arasında en çok üreyen etkenler arasında *Escherichia coli* (%43,9), *Klebsiella* spp. (%11,75) ve Gram pozitif mikroorganizmalardan da *Staphylococcus* (%13,6) olmuştur. Gastroenterik viral etkenlerden 4475 hastada Hepatit A (Anti HAVIgG) pozitifliği ve 482 hastada Hepatit E (Anti HEVlgG) pozitifliği saptanmıştır. Dışkıda parazit incelenmesi için 3537 preparat incelenmiştir. Deprem sonrasında kültür laboratuvarında %14,3' unda üreme tespit edilirken; üreyen etkenler arasında en sık *E. coli* (%35,9), *Klebsiella* spp. (%13) üremiştir ve deprem öncesinden farklı olarak 128 hastada *Enterobacter* ve 13 hastada *Providencia* spp. üremiştir. Gram pozitif bakterilerden *Staphylococcus* (%16,5) üremiştir. Gastroenterik viral etkenlerden 3600 hastada Hepatit A ve 258 hastada Hepatit E pozitifliği saptanmıştır. Dışkıda parazit incelenmesi için 4776 preparat incelenmiştir. Deprem sonrasında salgın potansiyeli olabilecek etkenlerin PCR sonuçlarına göre; 45 hastada EPEC, 22 hastada EAEC, 17 hastada *Campylobacter*, 11 Norovirüs, EIEC ve STEC, 10 hastada Adenovirüs ve VTEC, 8 hastada Sapovirüs, 2 hastada *Giardia lamblia*, 1 hastada Astrovirüs ve *Salmonella* spp. etkenleri tespit edilmiştir. Çalışmamızda doğal afetler sonucu ortaya çıkabilecek potansiyel bulaşıcı hastalıklar; ishalli hastalıklar, hepatit ateşi, akut solunum yolu enfeksiyonu ve menenjit olarak belirlenmiştir. Özellikle deprem öncesi gastrointestinal enfeksiyonlar daha az sıklıkla rastlanırken, yaşam

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



ve çevre koşullarının kötüleşmesine bağlı olarak deprem sonrasında özellikle salgın potansiyeli olan etkenler tespit edilmiştir.

Tablo 1. Kültürde Üretilen Etkenlerin Kaynaklarına Göre Dağılımları

İncelenen örnek	Deprem öncesi		Deprem sonrası		Açıklamalar
	Etken	%	Etken	%	
İdrar (DÖ n: 4939)	<i>E. coli</i>	59,6	<i>E. coli</i>	55,11	Deprem sonrasında 4 kültürde <i>Salmonella spp.</i> , 1 örnekte <i>Serratia marcescens</i> ve <i>Shigella flexneri</i> üretilmiştir.
	<i>K. pneumoniae</i>	12,5	<i>K. pneumoniae</i>	11,14	
	<i>P. mirabilis</i>	4,9	<i>P. mirabilis</i>	6,1	
	<i>E. faecalis</i>	4,2	<i>P. aeruginosa</i>	3,4	
Kan (DÖ n: 1082)	<i>S. epidermidis</i>	25,5	<i>S. epidermidis</i>	29,1	Deprem öncesinden farklı olarak <i>S. heamolyticus'</i> un kültürde pozitifliği %4,2 oranında gerilemiştir.
	<i>S. heamolyticus</i>	9,9	<i>S. aureus</i>	15,9	
	<i>E. coli</i>	9,4	<i>S. hominis</i>	9,9	
	<i>S. aureus</i>	7,2	<i>E. coli</i>	8,8	
Yara (DÖ n: 685)	<i>E. coli</i>	24,8	<i>E. coli</i>	14,3	
	<i>S. aureus</i>	19,6	<i>S. aureus</i>	14,1	
	<i>P. aeruginosa</i>	8,2	<i>K. pneumoniae</i>	8,1	
	<i>K. pneumoniae</i>	7,4	<i>P. aeruginosa</i>	7,5	
Balgam (DÖ n: 644)	<i>A. baumannii/calcoaceticus</i>	34,6	<i>K. pneumoniae</i>	31,1	
	kompleksi		<i>A. baumannii/calcoaceticus</i>		
DS n: 386)					

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



	<i>P. aeruginosa</i>	24,5	<i>P. aeruginosa</i>	19,9	
	<i>E. coli</i>	11,6	<i>E. coli</i>	17,9	
		11,6		8	
	<i>K. pneumoniae</i>			37,5	
Boğaz sürüntüsü	<i>S. pyogenes (GAS)</i>	41,2	<i>K. pneumoniae</i>	37,5	
(DÖ n: 17)	<i>A. baumannii</i>	23,5	<i>S. aureus</i>	12,5	
DS n: 8)	<i>K. pneumoniae</i>	11,8	<i>S. pyogenes (GAS)</i>	12,5	
			<i>S. agalactiae</i>		
		Sayı		Sayı	
		<i>E. coli</i>			
Vajinal sürüntü*	<i>Candisa spp. albicans</i>	15	<i>K. pneumoniae</i>	7	
(DÖ n: 37)	<i>E. coli</i>	13	<i>S. agalactiae (Strep. grup B)</i>	3	Hakim kolonilerde değişiklik görülmüştür.
DS n: 13)	<i>K. pneumoniae</i>	4	<i>Candisa spp. albicans</i>	1	
Burun sürüntüsü*	<i>S. aureus</i>	7			
	MRSA	1	<i>S. aureus</i>	11	
	<i>K. pneumoniae</i>	2			
BOS*	<i>S. hominis</i>	2	<i>Candida spp.</i>	2	Kültür üremelerinde değişiklik gözlemlenmiştir. Deprem öncesinde üreyen mikroorganizmalar,
	<i>S. epidermidis</i>	2	<i>Streptococcus vestibularis</i>	1	
	<i>S. posteiuri</i>	1	<i>A. baumannii</i>	1	

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



S. pneumoniae

1

deprem sonrasında
üretilmemiştir.

DÖ: Depremden önce, DS: Depremden sonra *Klinik materyallerin sayısı verilmiştir.

Tablo 2. Deprem Sonrasında Gönderilen Gaita Örneklerinin Gastrointestinal Multipleks Sonuçları

Etken	Sayı
<i>EPEC</i>	45
<i>EAEC</i>	22
<i>VTEC</i>	21
<i>Campylobacter</i>	17
<i>EIEC</i>	11
<i>Shigella spp.</i>	11
<i>Norovirüs</i>	11
<i>Adenovirüs</i>	10
<i>Sapovirüs</i>	8
<i>Giardia lamblia</i>	2
<i>Astrovirüs</i>	1
<i>Salmonella spp.</i>	1

EIEC: Enteroinvaziv *E. coli*, VTEC: Vero- veya Shiga-toksin üreten *E. coli*, EAEC: Enteroagregatif *E. coli*,
EPEC: Enteropatojenik *E. coli*

Anahtar Kelimeler: Deprem, Salgın hastalıklar, Enfeksiyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 053

Ankara Bilkent Şehir Hastanesinde 2019-2024 yılları arasında izole edilen *Salmonella* spp. suşlarının retrospektif olarak değerlendirilmesi

Saliha Kazcı¹, Nilay Çöplü¹, Füsün Kırca¹, Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²SBÜ Ankara Bilkent Şehir SUAM, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: *Salmonella*, ishalleri hastalıkların dünyadaki dört temel nedeninden biridir. Gıda zincirini etkileyen bazı dirençli serotipler olması klinik önemini artırmaktadır. Bu durum ampirik tedavi seçiminde ve direnç gelişimiyle savaşta uygun politikalar üretebilmek amacıyla, kültür ve antibiyotik duyarlılık testi (ADT) sonuçlarının takip edilmesini gerekli kılmaktadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, hastanemiz bakteriyoloji laboratuvarında gaita, kan, idrar ve diğer vücut sıvıları gibi örneklerden, 2019-2024 yılları arasında izole edilen toplam 564 *Salmonella* suşu dahil edilmiştir. Tüm *Salmonella* suşları, VİTEK MS (BioMerieux, Fransa) cihazı kullanılarak tanımlanmış ve Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü'ne gönderilerek doğrulanmıştır. Antibiyotik duyarlılıkları disk difüzyon yöntemiyle EUCAST önerilerine göre çalışılmış ve değerlendirilmiştir. Birden fazla kez ve / veya birden fazla bölgede üremesi saptanan hastaların ilk üremeleri çalışmaya dahil edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan hastaların yaş ortalaması $30,6 \pm 27,6$ olup, %54,8'i (n=309) erkektir. Test edilen örneklerden %78,5'i (n=443) gaita, %13,5'i (n=76) kan ve %6,4'ü (n=36) idrar örneklerinden oluşmaktadır. Birden fazla vücut bölgesinde üremesi olan 18 hastada kan kültürü pozitifliğine ek olarak 10'unda gaita, dördünde idrar, ikisinde apse, birinde idrar ve eklem sıvısı, birinde perikard sıvısı kültüründe de üreme saptanmıştır. Ayrıca bir hastanın idrar ve gaita kültürlerinde, bir hastanın da idrar ve apse kültürlerinde *Salmonella* spp. üremesi olmuştur. Yıllar içinde vaka dağılımı Şekil 1'de gösterilmekte olup mevsimsel bir eğilim görülmemiştir. Siprofloksasin duyarlılığı %88,2, trimetoprim/sulfametoksazol (TMP-SMX) duyarlılığı %94,4, seftriakson duyarlılığı %88,4 iken ampisilin duyarlılığı %58,9 saptanmıştır (Tablo 1). Bu bulgulara bakılarak hem ampirik tedavide hem de ADT sonuçları çıktığında, mikroorganizma birden fazla antibiyotiğe duyarlı bulunsan bile TMP-SMX'in önemli bir seçenek olabileceği, ampisilinden ise kaçınılması gerektiği sonucuna varılmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



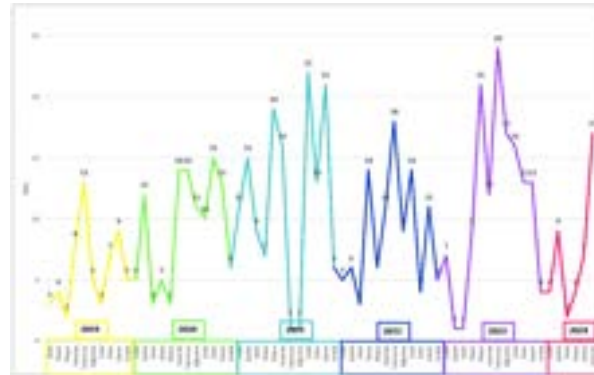
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Hastaların demografik verileri ve suşların duyarlılık profili

	n	%
Cinsiyet		
Erkek	309	54,8
Kadın	255	45,2
Yaş		
Ortalama $\pm$ SS	30,6 $\pm$ 27,6	
Medyan (Min. - Maks.)	19,1 (1 - 95)	
Test edilen örnek		
Gaita	443	78,5
Kan	76	13,5
İdrar	36	6,4
Ağuc	4	0,7
Eklemler sıvısı	2	0,4
Akciğer sıvısı	1	0,2
Plevra sıvısı	1	0,2
Periton sıvısı	1	0,2
Antibiyotik duyarlılık yüzdeleri		
Siprofloksasin (n=532)	469	88,2
Trimetoprim/sulfametoksazol (n=553)	522	94,4
Ampisilin (n=559)	329	58,9
Seftriakson (n=251)	222	88,4

Şekil 1. Vakaların yıllar içindeki dağılımı



Anahtar Kelimeler: *Salmonella* spp., antibiyotik duyarlılık.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 054

Genişlemiş Spektrumlu Beta-Laktamaz Pozitif Enterobacteriaceae Dışkı Kolonizasyonunun Belirlenmesinde Çift Disk Sinerji Testi ve Kromojenik Agar Besiyerinin Karşılaştırılması: Farklı Ticari Besiyeri Deneyimleri

Gizem Ekiz, Gülşen Hazırolan

Hacettepe Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Enterobacteriaceae üyelerinde Genişlemiş Spektrumlu Beta-Laktamaz (GSBL) üretimi, önemi artan bir antibiyotik direnci sorunudur. Bu direncin hızlı bir şekilde saptanması morbidite ve mortalite açısından önemlidir. Çalışmada; rektal sürüntü gibi zengin floralı bir klinik örnekte, Enterobacteriaceae üyelerinde GSBL varlığını saptamada, kromojenik agarın performansının referans yöntemlerden çift disk sinerji testi ile karşılaştırılması ve üç farklı ticari kromojenik agarın ayrı ayrı performansının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Aralık 2022- Haziran 2024 arasında Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi Genel Cerrahi Anabilim Dalı'nda hastalardan preoperatif alınan 150 rektal sürüntü örneği çalışmaya alınmıştır. Örnekler Stuart besiyerinde laboratuvara gönderilmiş, farklı ticari firmalara ait kromojenik besiyerlerine [42 örnek BD CHROMagar™ ESBL (Becton-Dickinson, Amerika), 60 örnek Condalab ESBL Chromogenic Agar (Condalab, İspanya) ve 48 örnek RTA Chromagar ESBL (RTA, Türkiye)] ekilerek 24 saat 37°C'de inkübe edilmiştir. Üretici önerileri doğrultusunda GSBL pozitif saptanan Gram-negatif bakteriler konvansiyonel yöntemler ve MALDI-TOF MS (Bruker, Almanya) ile tanımlanmıştır. Bu izolatlarda GSBL üretimi çift disk sinerji testi ile, EUCAST önerileri doğrultusunda, Mueller-Hinton (RTA Laboratuvarları, Türkiye) agarda, seftazidim, seftazidim/klavulanik asit, seftaksim, seftaksim/klavulanik asit ve sefepim, sefepim/klavulanik asit diskleri kullanılarak doğrulanmıştır. İnhibisyon çapları EUCAST standartlarına göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: BD CHROMagar™ ESBL agara ekilen 42 örneğin 27'sinde, Condalab ESBL Chromogenic Agara ekilen 60 örneğin 29'unda, RTA Chromagar ESBL agara ekilen 48 örneğin 23'ünde, GSBL pozitif olduğunu düşündürecek morfolojide en az bir koloni saptanmıştır. Elli iki örnekte *E.coli*, 13 örnekte *Klebsiella pneumoniae*, bir örnekte *Citrobacter freundii*, bir örnekte *Serratia marcescens* olmak üzere 67 örnekte bir tür; altı örnekte *E.coli* ve *K.pneumoniae*, iki örnekte *E.coli* ve *Enterobacter cloacae* complex, bir örnekte *E.coli* ve *Morganella morganii* olmak üzere dokuz örnekte iki tür; iki örnekte *E.coli*, *E.cloacae* complex ve *K.pneumoniae*, bir örnekte de *E.coli*, *K.pneumoniae*, *M.morganii* ve *Proteus mirabilis* olmak üzere ikiden fazla tür izole edilmiştir. Çift disk sinerji testi yöntemi ile ticari kromojenik agarlarda GSBL pozitif yorumlanacak koloni morfolojisine sahip 79 izolatin 58'inde GSBL varlığı saptanmıştır. Kromojenik besiyerleri sonuçları ve çift disk sinerji testi sonuçları Tablo 1 de verilmiştir. Rektal GSBL pozitif Enterobacteriaceae taşıyıcılığının saptanmasında hızlı ve pratik olması nedeni ile kromojenik besiyerleri

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



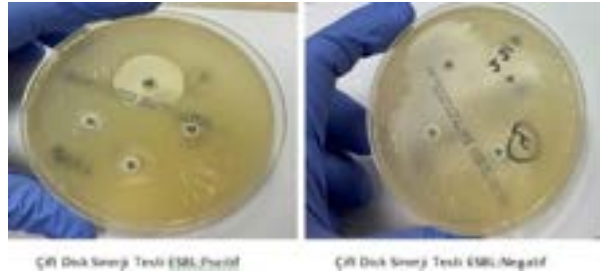
kullanılabilir ancak üretici firmalarda performans değişikliği gözlenebilmektedir. Kromojenik besiyerleri uygun morfolojideki isolatlar için ön bilgi verebilse de sonuçlar doğrulanmalıdır.

Kromojenik agar besiyerlerinde test edilen örneklerin görünüşleri.



Kromojenik agar besiyerlerinde test edilen örneklerin görünüşleri, Renklere ve şekillere göre farklı bakteri kolonilerinin ticari agarlarda görünüşleri.

Escherichia coli iki farklı izolat için çift disk sinerji testi pozitif ve negatif görünüşleri.



Escherichia coli pozitif ve negatif isolatları için çift disk sinerji testi. Mueller-Hinton (RTA Laboratuvarları, Türkiye) agarda, seftazidim, seftazidim/klavulonik asit, sefotaksim, sefotaksim/klavulonik asit diskleri merkezden merkeze 20 mm olacak şekilde yerleştirilmiştir. İnhibisyon çapları EUCAST standartlarına göre değerlendirilmiştir

Kromojenik agar yöntemi ile GSBL tespiti

Kromojenik Agar	Test edilen örnek (n)	GSBL Pozitif Koloni Morfolojisi (n)	Çift Disk Sinerji Testi Pozitif izolat (n)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



BD CHROMagar™ ESBL	42	27	22/27
Condalab ESBL ChromogenicAgar	60	29	16/29
RTA Chromagar ESBL	48	23	20/23

Kromojenik agar yöntemi ile ESBL tespitinde kullanılan farklı ticari markalara ait agarların performansları.

Anahtar Kelimeler: beta-laktamaz, kromojenik agar, çift disk sinerji testi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 055

Son Seçenek Antibiyotik Kolistin: Sıvı Mikrodilüsyon Plağında Kolistin Kalite Kontrol Sonuçlarında Varyasyon

Gülşen Hazirolan

Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Çok ilaca dirençli Gram-negatif bakteriler ile gelişen enfeksiyonlarının tedavisinde son seçenek tedavi alternatifi olarak kolistin (Polimiksin E) kullanılmaktadır. Rutin Mikrobiyoloji Laboratuvarları kolistin duyarlılığını sadece referans yöntem EUCAST önerilerine göre sıvı mikrodilüsyon yöntemi ile belirleyebilmektedir. Bu bildiride, üçüncü basamak bir üniversite hastanesinde, in vitro kolistin duyarlılığı belirlemede kullanılan ticari sıvı mikrodilüsyon test plağında doğru, tutarlı ve güvenilir sonuçlar elde edilmesinde yaşanabilecek zorluğun bildirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, Mart 2024-Temmuz 2024 tarihleri arasında hastanemizin Klinik Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gelen çeşitli klinik örneklerden izole edilen karbapenem dirençli 564 Gram-negatif basil [*K. pneumoniae* (n=486) ve *P. aeruginosa* (n=78)] dahil edilmiştir. Kolistin minimal inhibitör konsantrasyonu (MİK) değerleri ticari sıvı mikrodilüsyon paneli olan Sensititre™ (≤ 0.125 -128 mg/L) (Thermo Scientific) ile tespit edilmiş ve plaklarda eş zamanlı test edilen kalite kontrol izolatlarının (*E. coli* ATCC 25922 ve *E. coli* NCTC 13846) test sonuçları kaydedilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: EUCAST v14.0 2024 kolistin klinik sınır değerleri ve Sensititre plaklarında kalite kontrol izolatlarının ve klinik izolatların MİK dağılımları sırası ile Tablo1 ve Tablo 2'de verilmiştir. Kolistin direnci, *K. pneumoniae* ve *P. aeruginosa* izolatlarında sırası ile %37.5 ve %3.78 oranlarında saptanmıştır. Kalite kontrol izolatlarında, tüm MİK değerleri MİK aralığında saptanmıştır. *E. coli* ATCC 25922 ve *E. coli* NCTC 13846 ile elde edilen MİK değerleri sırası ile %89.3 ve %91.4 oranlarında hedef MİK değerine ulaşmıştır. *E. coli* ATCC 25922 ve *E. coli* NCTC 13846 sonuçlarında sırası ile %10.6 ve %8.5 sağa kayma (artmış MİK) saptanmıştır. Kolistin in vitro duyarlılığının belirlenmesinde sıvı mikrodilüsyon testi EUCAST tarafından önerilen tek yöntemdir. Bu amaçla rutin laboratuvarlarda kullanılan ticari sıvı mikrodilüsyon paneli olan Sensititre™ için bildirilen duyarlılık ve özgüllük oranları oldukça yüksektir. Kalite kontrol sonuçlarının tümü beklenen MİK aralığında olsa da, her iki kalite kontrol izolatında da sağa kayma (artmış MİK) tespit edilmiştir. Bu durum kolistin klinik sınır değerlerine yakın olan MİK değerlerinde duyarlılık kategorisinin duyarlıdan dirençliğe kaymasına neden olabilir. Rutin mikrobiyoloji laboratuvarlarında kolistin duyarlılık profili belirlenirken, test sınırlamalarının farkında olunmalı ve kalite kontrol sonuçları yakından takip edilmelidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EUCAST v14.0 2024 Kolistin Klinik Sınır Değerleri

	Kolistin MİK (mg/L)	
	S ≤	>
Enterobacterales	(2)	(2)
<i>Pseudomonas</i> spp.	(4)	(4)

Tablo 2: Sensititre plaklarında kalite kontrol izolatlarının ve klinik izolatların MİK dağılımları

Kolistin MİK (mg/L)						Kolistin MİK (mg/L)					
E. coli ATCC 25922						E. coli NCTC 13846					
0.25	0.5	1	2	4	8	0.25	0.5	1	2	4	8
0	84	10							0	86	8
K. pneumoniae (n=486)						P. aeruginosa (n=78)					
	54	168	82	69	113			56	10	9	3

Yeşil gölgeleme, kalite kontrol suşu için hedef MİK'i belirtir ve sarı gölgeleme, kabul edilen aralığı

Anahtar Kelimeler: Kolistin, sıvı mikrodilüsyon, kalite kontrol

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 056

İmmünsüprese Bir Hastada *Listeria monocytogenes*'e Bağlı Fatal Seyirli Sepsis ve Menenjit Olgusu

Habib Özbudak, Şeyma Kurul, Mustafa Deniz Özden, Bahar Akgün Karapınar, Betigül Öngen

İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Listeria monocytogenes* özellikle immünsüprese hastalar gibi predispozan faktörleri olan bireylerde hayatı tehdit eden infeksiyonlara yol açabilen Gram pozitif çomak morfolojisinde bir bakteridir. Bu çalışmada, sekiz yıl önce kronik lenfositik lösemi (KLL) tanısı almış ve son rituksimab dozunu hastaneye başvurusundan iki hafta önce alan bir hastada gelişen *L. monocytogenes*'e bağlı sepsis ve menenjit olgusu sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Altmış iki yaşında KLL tanılı ve bir ay önce otoimmün hemolitik anemi tanısı alan erkek hasta, iki gündür devam eden ateş ve baş ağrısının ardından bilinç bulanıklığı gelişmesi üzerine Acil Servise getirilmiştir. Genel durumu kötü olan hastada ense sertliği mevcut olup ve Kernig belirtisi pozitif saptanmıştır. Menenjit ön tanısıyla lomber ponksiyon yapılmış, beyin omurilik sıvısı (BOS) ve kan kültürleri gönderilmiştir. Kan değerleri; CRP:168 mg/dL, LDH:463 U/L, WBC:4.85 10⁸/μl, nötrofil:1.5 10³/μl, RBC:3.49 10⁶/μl, glukoz:236 mg/dL olarak saptanan hastaya meronem 2 gr IV tek doz uygulanmıştır. Laboratuvarımıza iki set (dört şişe) halinde gönderilen kan kültürleri Bactec-FX (Becton Dickinson-ABD) otomatize sistemi ile çalışılmış ve 18 saatlik inkübasyon sonrası bir şişeden pozitif sinyal alınması üzerine Gram preparasyon hazırlanıp %5 koyun kanlı agara ekim yapılmıştır. Mikroskopik incelemede Gram pozitif çomaklar görülmüş ve kliniğine bilgi verilmiştir. 18-24 saat inkübasyon sonrasında ekim yapılan besiyerinde beyaz-gri renkli, dar bir beta hemoliz zonu oluşturan mikroorganizma üremesi saptanmıştır. Koloniden yapılan Gram boyamada düzenli, sporsuz, küçük Gram pozitif çomaklar görülmüştür. Hastanın diğer üç kan kültürü beş günlük inkübasyon sonrası steril kalmıştır. BOS'tan hazırlanan Gram preparasyonda polimorf nüveli lökositler görülmüş, mikroorganizma görülmemiştir. BOS ekiminin yapıldığı koyun kanlı agar ve çikolatamsı agarda 18-24 saat inkübasyondan sonra Gram pozitif çomak üremesi saptanmıştır. Katalaz pozitif, oksidaz negatif olan kan ve BOS izolatlarının eskülin ve hippurat hidrolizi testleri pozitif bulunmuş, Vitek-2 sistemi (bioMérieux-Fransa) ve MALDI-TOF-MS (bioMérieux-Fransa) ile *L. monocytogenes* olarak tanımlanmıştır. Antibiyotik duyarlılık deneyleri EUCAST (Avrupa Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Komitesi) önerileri doğrultusunda disk difüzyon yöntemiyle yapılmış ve izolatlar ampicilin, meropenem ve trimetoprim-sulfametoksazole duyarlı bulunmuştur. Ancak hastanın farklı bir merkezin yoğun bakım ünitesine nakledildiği ve exitus olduğu öğrenilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: *L. monocytogenes*'in özellikle immünsüprese bireyler, yenidoğanlar, yaşlılar ve gebeler gibi riskli grupların kan ve BOS kültürlerindeki üremelerde etken olarak akla gelmesi ve kontaminant Gram pozitif çomak olarak değerlendirilmeden önce hızlıca tanımlanıp kliniğe bilgi verilmesi önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

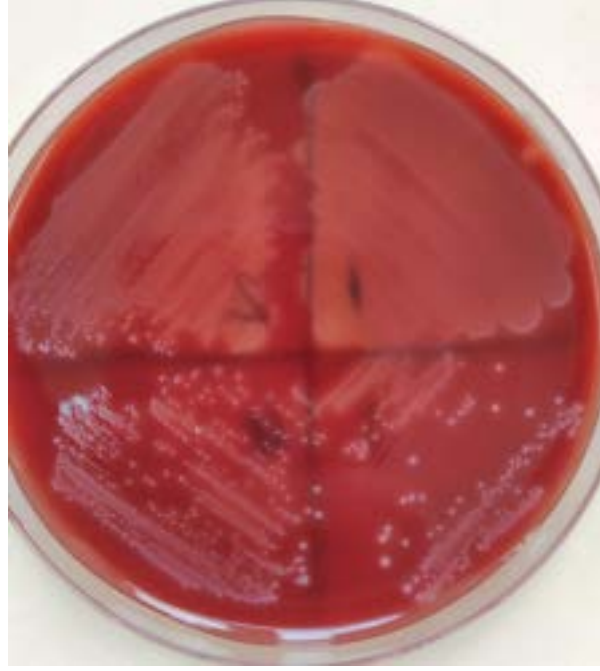
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Resim 1



%5 koyun kanlı agardaki *L. monocytogenes* kolonileri

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

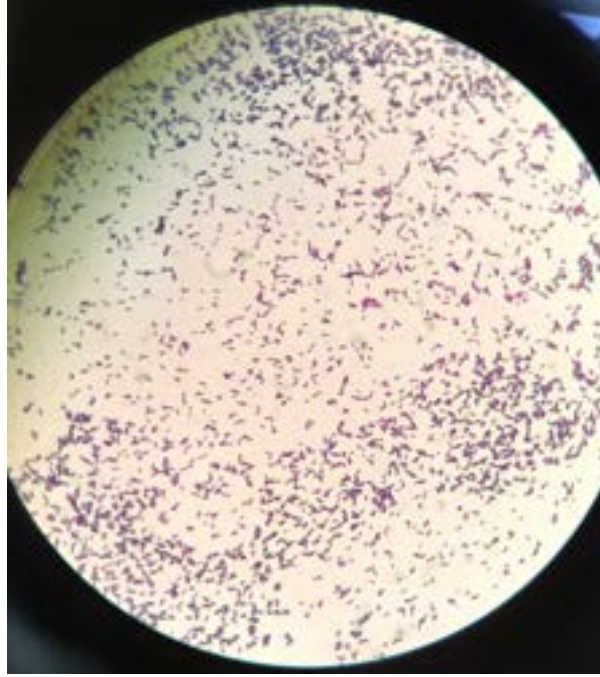
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Resim 2



L. monocytogenes kolonisinden yapılan Gram boyama

Anahtar Kelimeler: *Listeria monocytogenes*, rituksimab, sepsis ve menenjit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 057

Bir Üniversite Hastanesinde Saptanan Nadir Gram Negatif Fırsatçı Patojenler: E-test Yöntemiyle MİK Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Handenur Ulukan, Fethiye Şevik, Rufig Hasanlı, Sena Algın, Sidre Erganiş, Elif Ayça Şahin, Ayşe Kalkancı, Kayhan Çağlar

Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Fırsatçı enfeksiyona neden olabilen nadir saptanan non-fermenter gram negatif bakteriler, genellikle sınırlı vaka sayısı ve belirli ekolojik nişlerle ilişkilendirilen mikroorganizmalardır. Doğada ve hastane ortamlarında su, toz ve toprakta yaygın olarak bulunan bu patojenler hastanede su sistemlerini, solüsyonları kontamine edebilmekte, bu nedenle bağışıklık sistemi baskılanmış hastalarda ciddi enfeksiyonlara neden olabilmektedir. Bu bakterilerin antibiyotik duyarlılığı, enfeksiyonların tedavi edilebilirliğinde kritik bir rol oynar. Antibiyotiklerle etkili bir şekilde tedavi edilemeyen enfeksiyonlar, hastalar için ciddi komplikasyonlara ve yüksek mortalite riskine yol açabilir. Ayrıca, bu bakterilerin direnç mekanizmalarının ve duyarlılık profillerinin anlaşılması, yeni tedavi stratejilerinin geliştirilmesine olanak tanır. Bu çalışma, nadir görülen bakterilerin antibiyotik duyarlılığı hakkında mevcut literatürdeki sınırlı bilgilere katkıda bulunmayı ve bu organizmaların tedavi yönetimindeki zorluklar konusunda farkındalık yaratmayı hedeflemektedir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmaya, Gazi Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarında 2022-2024 yılları arasında saptanan ve arşivlenen 14 nadir görülen, fırsatçı, gram negatif non-fermenter bakteri dahil edilmiştir. Bu bakterilere karşı etkili olabileceği düşünülen çeşitli antibiyotiklerin (amikasin, levofloksasin, seftazidim, meropenem, imipenem, siprofloksasin) MİK (minimum inhibitör konsantrasyon) değerleri E test yöntemi kullanılarak değerlendirilmiştir. Sonuçlar, Klinik laboratuvar standartları enstitüsü (CLSI) rehberinde bulunan Non-Enterobacteriaceae MİK değerlerine göre yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen izolatlar, en çok aerobik kan kültürleri olmak üzere, kateter içi kan kültürleri, periton sıvısı, balgam, idrar, yara örnekleri ve endotrakeal aspirat (ETA) numunelerinden izole edilmiştir. Onkoloji, hematoloji ve yoğun bakım bölümlerinden gelen örnekler toplam örneklerin çoğunluğunu oluşturmaktadır. İzolatların çoğunluğu imipeneme ve levofloksasine duyarlı olarak değerlendirilirken, diğer antibiyotiklere karşı farklı duyarlılık paterni göstermişlerdir. Çalışmada değerlendirilen bakterilerin izole edildiği klinikler göz önüne alındığında, bağışıklık sistemi zayıflamış bireylerde fırsatçı enfeksiyonlara yol açma potansiyeline sahip oldukları, etkili olabileceği düşünülen antibiyotiklere karşı farklı direnç profilleri gösterdikleri belirlenmiştir. Literatürde de çeşitli vaka çalışmalarıyla gösterildiği üzere, yara yeri enfeksiyonları, kateter ilişkili kan ve üriner sistem enfeksiyonları, solunum yolu enfeksiyonları, endokardit ve menenjitte yol açabilen bu nadir bakterilerin e-test sonuçlarının, yeni yapılacak çalışmalara katkı sağlayacağı düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İzolatların geldiği servis ve numune türleri

İZOLAT	CİNSİYET	YAŞ	SERVİS	ÖRNEK CİNSİ
<i>Paenibacillus provencensis</i>	KADIN	72	ENFEKSİYON HASTALIKLARI	AEROB KAN
<i>Ochrobactrum anthropi</i>	KADIN	40	HEMATOLOJİ	AEROB KAN
<i>Alcaligenes faecalis</i>	ERKEK	58	ENFEKSİYON HASTALIKLARI	İDRAR
<i>Ralstonia insidiosa</i>	KADIN	73	DAHİLİYE YOĞUN BAKIM	AEROB KAN
<i>Oligella urethralis</i>	KADIN	86	GENEL CERRAHİ	YARA YERİ
<i>Pandoraea apista</i>	ERKEK	47	HEMATOLOJİ	BALGAM
<i>Cupriavidus pauculus</i>	KADIN	79	ANESTEZİ YOĞUN BAKIM	ENDOTRAKEAL ASPİRAT
<i>Roseomonas mucosa</i>	KADIN	59	ONKOLOJİ	PERİTON SIVISI
<i>Achromobacter xylosoxidans</i>	ERKEK	52	ONKOLOJİ	PERİTON SIVISI
<i>Ochrobactrum intermedium</i>	ERKEK	61	NEFROLOJİ	KATETER İÇİ KAN
<i>Ralstonia pickettii</i>	ERKEK	60	NÖROLOJİ	AEROB KAN
<i>Elizabethkingia anophelis</i>	ERKEK	59	ONKOLOJİ	BALGAM
<i>Delftia acidovorans</i>	KADIN	40	HEMATOLOJİ	AEROB KAN
<i>Myroides spp</i>	ERKEK	73	NEFROLOJİ	İDRAR

Bakterilere uygulanan E test sonucu elde edilen MİK değerleri (µg/mL)

İZOLATLAR	MEROPENEM	İMİPENEM	AMİKASİN	LEVOFLOKSASİN	SİPROFLOKSASİN	SEFTAZİDİM
	MİK(µg/mL) - Yorum*	MİK(µg/mL) - Yorum*	MİK(µg/mL) - Yorum*			MİK(µg/mL) - Yorum*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



								MİK(µg/mL)- Yorum*		MİK(µg/mL)- Yorum*		
<i>Paenibacillus provencensis</i>	3	S	<4	S	0,38	S	0,25	S	0,25	S	3	S
<i>Ochrobactrum anthropi</i>	3	S	<4	S	3	S	0,25	S	0,19	S	>32	R
<i>Alcaligenes faecalis</i>	0,19	S	<4	S	3	S	0,25	S	0,75	S	2	S
<i>Ralstonia insidiosa</i>	>8	I	6	I	>256	R	0,19	S	0,19	S	8	S
<i>Oligella urethralis</i>	<0,125	S	<4	S	1	S	>32	R	>32	R	0,38	S
<i>Pandoraea apista</i>	>8	R	4	S	12	S	1,5	S	3	I	>32	R
<i>Cupriavidus pauculus</i>	>8	R	<4	S	128	R	0,25	S	1	S	2	S
<i>Roseomonas mucosa</i>	>8	R	<4	S	1	S	0,125	S	1	S	>32	R
<i>Achromobacter xylosoxidans</i>	1	S	2	S	64	R	1,5	S	3	I	3	S
<i>Ochrobactrum intermedium</i>	>8	R	<4	S	3	S	0,19	S	0,19	S	>32	R
<i>Ralstonia pickettii</i>	>8	R	<4	S	32	I	0,50	S	0,25	S	>32	R
<i>Elizabethkingia anophelis</i>	>8	R	32	R	>256	R	0,50	S	>32	R	>32	R

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



<i>Delftia acidovorans</i>	0,25	S	<4	S	64	R	0,125	S	0,19	S	1,5	S
<i>Myroides spp</i>	>8	S	<4	S	>256	R	0,75	S	1	S	>32	R

*CLSI rehberinde bulunan Non-Enterobacteriaceae MİK değerlerine göre yorumlanmıştır. S: Duyarlı, R: Dirençli, I: Orta Duyarlı

Anahtar Kelimeler: E test, fırsatçı enfeksiyonlar, antibiyotik

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 058

İsparta İlinde Bir Üniversite Hastanesinde 3 Yıllık Bruselloz Seroprevelansı

Hayriye Nur Kılınc, Emel Sesli Çetin, Mümtaz Cem Şirin

Süleyman Demirel Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Bruselloz, insanlarda lokal lezyonlar veya sistemik klinik tablolarla seyreden zoonotik bulaşıcı hastalıklardan biridir. Dünyada yaygın olarak görülebilmekte; özellikle gelişmekte olan ülkelerde önemli morbiditeye neden olmaktadır. Dolayısıyla, klinik tanının laboratuvar bulgularıyla doğrulanması hastalığın önlenmesi, kontrolü ve tedavisi için önemlidir. Ülkemizde seropozitiflik oranının %5,4-12 arasında olduğu bildirilmektedir. Bu çalışmada son 3 yılda hastanemizdeki bruselloz seroprevalansı belirlenmiş, bruselloz ön tanısıyla laboratuvarımıza gönderilen klinik örnekler kültürde *Brucella* spp. izolasyonu açısından değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Ağustos 2021-Ağustos 2024 yılları arasında Süleyman Demirel Üniversitesi Araştırma ve Uygulama Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda Brucellacapt (Vircell, İspanya) testi ile çalışılan örnekler ve gönderilen tüm kültürler incelendi. Brucellacapt test sonucu 1/160 ve üzeri titre tespit edilen hastalar seropozitif olarak değerlendirilip bu hastalardan gönderilmiş olan klinik örnekler kültür sonucunda *Brucella* izolasyonu olup olmaması açısından geriye dönük olarak tarandı. Kan kültürü şişeleri otomatize hemokültür cihazında (Render BC128, Shandong, Çin) takip edildi. Kültür sonucu *Brucella* spp. tanısı koloni görünümü (en erken 48 saatte görünebilir olan kremi, parlak ve hemoliz yapmayan küçük koloniler), gram boyama (çok küçük (0.4×0.8µm), gram negatif kokobasiller) ve konvansiyonel yöntemlerle (katalaz, oksidaz, üreaz testleri pozitif) konuldu. Tür düzeyinde tanımlama laboratuvarımızda boyalara duyarlılık, antijenik tiplendirme gibi imkanlar bulunmadığı için yapılamadı.

Bulgular ve Sonuç: Üç yılda Brucellacapt çalışılan 10812 serum örneği arasında tekrarlayan sonuçlar çıkarıldığında 7714 hastaya ait örneğin %6,5'inde (499) 1/160 ve üzeri titre bulunmuştur. Titresi 1/160 ve üzeri olan örnekler pozitif olarak kabul edilmiştir. Pozitif olarak kabul edilen hastaların 2-85 yaş aralığında olduğu, yaş ortalamasının 45,6 olduğu ve %48,1'inin (240) kadın, %51,9'unun (259) erkek olduğu görülmüştür. Titresi 1/160 ve üzeri olan hastaların sadece 66'sından kültür için örnek gönderildiği ve bu örneklerin %80,3'ünün (53) kan, %9,1'inin (6) eklem sıvısı, %6,1'inin (4) abse, %3'ünün (2) BOS, %1,5'inin (1) doku kültürü olduğu görüldü. Kültürü yapılan bu örneklerin %45,5'inden (30) *Brucella* spp. izole edildi. *Brucella* spp. izole edilmiş olan örneklerin 24'ü kan, 5'i eklem sıvısı, 1'i abse örneği idi. Sonuç olarak, hastanemizde son 3 yılda bruselloz seroprevalansı %6,5 olarak saptanmıştır. Bu oran ülkemizden bildirilen oranlarla benzer olup, bruselloz tanısının hastanemizde ağırlıklı olarak klinik ve serolojik bulgulara dayandığı görülmektedir. Bununla birlikte, tanıda altın standart olan etkenin kültürde izole edilmesinin serolojik sonuçların değerlendirilmesine katkı sağlayacağı gibi, antibiyotik duyarlılık durumunun takibi açısından da gerekli olduğu unutulmamalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: Brucellacapt, Bruselloz, Kültür

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 059

Rektal Sürüntü Örneklerinde Vankomisin Dirençli Enterokokların Değerlendirilmesi

Elif Başak Karagöz, Ayşenur Baltacıoğlu, Mehmet Başoğlu, İlkay Bahçeci

Recep Tayyip Erdogan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Rize, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Enterococcus* cinsi bakteriler, çoğunlukla gastrointestinal sistemin normal üyeleri olup, fırsatçı patojenler olarak ciddi enfeksiyonlara neden olabilirler. *Enterococcus faecalis* ve *Enterococcus faecium* türleri, özellikle hastane ortamlarında antibiyotiklere direnç geliştirme eğilimindedir. Vankomisin dirençli enterokoklar (VRE), sağlık hizmetlerinde önemli bir tehdit oluşturmaktadır. Bu çalışmanın amacı, 2021-2023 yılları arasında hastanemizde rektal sürüntü örneklerinden izole edilen VRE pozitif vakaların yıllara göre dağılımını, tür bazındaki değişimlerini ve yoğun bakım (YB) ile servislerdeki yaygınlıklarını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: 2021-2023 yılları arasında rektal sürüntü örneklerinden izole edilen Vancomycin Dirençli *Enterococcus* (VRE) pozitif vakalar retrospektif olarak incelenmiştir. Vakaların yoğun bakım (YB) ve servis kaynaklı olup olmadığı, yıllara göre dağılımı ve VRE türleri analiz edilmiştir. VRE tespiti konvansiyonel yöntemler ve otomatize sistemle (VITEK 2 Compact-BioMerieux, France) yapılmıştır. Antimikrobiyal duyarlılık testleri EUCAST standartlarına göre yapılmış,

Bulgular ve Sonuç: Bu çalışma ile, 2021-2023 yılları arasında REAH Klinik Mikrobiyoloji laboratuvarında tespit edilen VRE) pozitif vakaların retrospektif analizini yapmıştır. 2021'de 17, 2022'de 37 ve 2023'te 41 vaka tespit edilmiştir. VRE vakalarının büyük çoğunluğu (%92.6) yoğun bakım kaynaklıdır. 2021 yılında tüm vakalar YB'den, 2022'de %86.4, 2023'te ise %95.1 YB'den izole edilmiştir. Tespit edilen VRE izolatlarının çoğunluğu *Enterococcus faecium* olup, sadece bir vaka *Enterococcus faecalis* olarak tanımlanmıştır. İlk iki yıl izolatların tamamı *Enterococcus faecium* olup, 2023'te bir vakada *Enterococcus faecalis* saptanmıştır. Antibiyotik direnç testlerinde, ampisilin, siprofloksasin ve teikoplanin dirençli izolatlar yaygınken, linezolid ve tigesikline duyarlılık yıllara göre değişiklik göstermiştir. İstatistiksel analizde Kikare testi yapılmış ve yoğun bakım ile servis kaynaklı vakalar arasında yıllara göre istatistiksel olarak anlamlı bir fark olmadığı sonucuna varılmıştır. VRE'nin hastane enfeksiyonlarında özellikle yoğun bakımda ciddi bir sorun olduğunu ortaya koymaktadır. Hastanemizde VRE vakalarının büyük çoğunluğu YB kaynaklı olup, *Enterococcus faecium* baskın türdür. Bulgular, YB ünitelerinde enfeksiyon kontrol önlemlerinin daha yoğun uygulanması gerektiğini göstermektedir.

Anahtar Kelimeler: Antibiyotik duyarlılığı, yoğun bakım, VRE

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 060

Akut Farenjit Öntanılı Çocuklarda Hızlı Antijen Saptama Testinin Değerlendirilmesi

Berrak Çakmakçı, İsmail Davarcı, Mehmet Solak, Hüseyin Güdücüoğlu

Trakya Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: *Streptococcus pyogenes* (Grup A streptokok) çocuklarda boğaz enfeksiyonlarının (farenjit) yaygın bir nedenidir. Streptokoksik ve non-streptokoksik farenjitlerin ayırımında laboratuvar testleri kritik bir rol oynamaktadır. Grup A Streptokok (GAS) tespitinde hem kültür hem de hızlı antijen saptama testleri (HAT) kullanılmaktadır. Ancak, boğaz sürüntüsünden alınan örneğin rutin kültürü, sonuçların elde edilmesi açısından zaman alıcı olmaktadır (24-48 saat). Bununla birlikte HAT doğrudan boğazdan alınan örnekte uygulandığı için daha hızlı sonuç vermektedir. Bu çalışmada, farenjit ön tanılı pediatrik hastalarda HAT yönteminin etkinliğinin altın standart kabul edilen kültür testleriyle karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 02.01.2024 – 01.05.2024 tarihleri arasında Pediatri servislerinde takip edilen 0-18 yaş grubu hastalardan 2 farklı eküvyon çubuğu ile sürüntü örnekleri alınmış ve Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiştir. Kültür için gönderilen boğaz sürüntü örnekleri kanlı agar ekilmiştir. İlk ekim alanına basitrasin diski yerleştirilmiştir. En erken 24-48 saat sonra değerlendirilen petri örneklerinde beta hemoliz yapan kolonilerden Gram boyama yapılmıştır. Gram-pozitif ve PYR pozitif olan koloniler streptekt kiti (PROLEX Streptococcal grouping latex kit) ile tanımlanmış ve grup tayini yapılmıştır. Diğer eküvyon çubuğu ile HAT (TS RAPID Strep A Antigen Test Kit) yapılmış ve 10 dakika içinde sonuçlar yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 40 hasta dahil edilmiştir. Bu hastaların 12'sinin boğaz sürüntü örneğinden hem kültür ile hem de HAT ile GAS tespit edilmiştir. Diğer hastaların hiçbirinde ne kültür ile ne de HAT ile GAS tespit edilmemiştir. HAT'ın, kültür ile karşılaştırıldığında duyarlılığı ve özgüllüğü %100 olarak belirlenmiştir. Hızlı antijen tespit testlerinin altın standart kabul edilen kültür yöntemlerine iyi bir alternatif olabileceği düşünülmüştür.

Anahtar Kelimeler: Hızlı antijen testi, Akut farenjit, Grup A Streptokok

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 061

Nükleik Asit Ekstraksiyon Yöntemlerinin Grup B Streptokok PCR Analizindeki Etkinliğinin Karşılaştırılması

Leyla Sirekbasan¹, Ayşe İstanbullu Tosun¹, Gülseren Polat², Ayşegül Çopur Çiçek¹, Rümeysa Gökçe³

¹İstanbul Medipol Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul

²İstanbul Medipol Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Kadın Hastalıkları ve Doğum Anabilim Dalı, İstanbul

³Bioeksan AR GE Teknolojileri, İstanbul

Giriş ve Amaç: Grup B streptokok (GBS) infeksiyonları, hamile kadınlar ve yenidoğanlar için ciddi sağlık riskleri taşıyabilir. GBS tespiti için nükleik asit ekstraksiyon yöntemleri kullanılarak PCR (polimeraz zincir reaksiyonu) analizleri gerçekleştirilebilir. Bu çalışmada, vajinal sürüntü örneklerinden GBS tespiti için kullanılan iki farklı nükleik asit ekstraksiyon yöntemi olan doğrudan vNAT (nükleik asit ekstraksiyon tampon çözeltisi) ve vNAT tamponu kullanılarak elde edilen çözeltinin Zybio EXM3000 Nükleik Asit İzolasyon Sistemi (robotik ekstraksiyon sistemi) ile ekstrakte edilmesi arasındaki performans farklarını karşılaştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Ocak-Haziran 2024 tarihleri arasında Medipol Mega Hastanesi Kadın Doğum Polikliniği'ne gelen hastalardan alınan toplam 564 vajinal sürüntü örneği analiz edildi. Her iki ekstraksiyon yöntemiyle elde edilen örnekler, Bio-Speedy® GBS PCR kiti kullanılarak test edildi. Elde edilen veriler Microsoft Excel ve SPSS 20.0 (IBM Corp. Armonk, NY: USA) programları kullanılarak analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: Doğrudan vNAT yöntemi ile 564 örneğin 52 (%9.22)'sinde Cq (ters çevrilmiş eşik döngü değeri) elde edilirken, ortalama Cq değeri $18,82 \pm 4,01$ olarak ölçüldü. vNAT+Zybio yöntemi ile ise aynı örneklerin 65 (%11.52)'inde Cq değeri elde edildi ve ortalama Cq değeri $18,74 \pm 4,27$ olarak belirlendi. Bu veriler, vNAT+Zybio yönteminin daha fazla örnekte pozitif sonuç sağladığını, ancak ortalama Cq değerlerinin iki yöntem arasında benzer olduğunu göstermektedir. Yani, vNAT+Zybio yöntemi daha yüksek bir pozitif tespit oranı sunarken, Cq değerleri açısından iki yöntem arasında önemli bir fark bulunmamaktadır. Bu bulgular, vNAT+Zybio yönteminin GBS tespiti açısından daha yüksek bir pozitif saptama oranı sunduğunu ve dolayısıyla daha etkili bir seçenek olabileceğini ortaya koymaktadır. Gelecek çalışmalarda, bu yöntemlerin klinik etkilerinin ve performanslarının daha kapsamlı bir şekilde değerlendirilmesi önerilmektedir.

Anahtar Kelimeler: Grup B streptokok, nükleik asit ekstraksiyonu, PCR analizi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 062

Anaerop Bakteri Şüpheli Klinik Örneklerden Konvansiyonel Yöntemlerle Seviye 1 Laboratuvarı Düzeyinde Tanımlanan Anaerop Bakterilerin Kliniğe Sunulmasının Önemi

Mehmet Akif Alkan, Selahattin Atmaca, Erdal Özbek, Nida Özcan, Hakan Temiz

Dicle Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Anaerop bakterilerin izolasyon ve identifikasyonunda kullanılan yeni teknolojik gelişmeler bu bakterilere ilgiyi artırsa da ülkemizde hala tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarlarında bu bakteri grubu yeterli ilgiyi görmemektedir. Laboratuvara getirdiği fazla iş yükü, konu ile ilgili ara eleman eksikliği ve klinik yaklaşımda etiyolojisinde anaerop bakteri düşünülen enfeksiyonlarda ampirik tedavi yaklaşımı bu ilgisizliğin sebepleri arasında sayılabilir. Anaerop bakterilerin identifikasyonunda matriks yardımcı laser desorbsiyon/iyonizasyon kütle spektrometresi (MALDI-TOF/MS) yönteminin son yıllarda rutin laboratuvarlarda kullanıma girmesiyle birlikte anaerop bakterilerin tanımlanması kolaylaşmış ve sistemin kullanıldığı yerlerde standardizasyona katkı sağlamıştır. Bu çalışmada CLSI 'in 2014 te yayımlanan M56-A dökümanına göre seviye 1 laboratuvarı düzeyinde klinik örneklerden tanımlanan anaerop bakterilerin kliniğe sunulmasının önemini tartışmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde 2022 - 2024 Yılları arasında değişik kliniklerden gönderilen anaerop bakteri şüpheli örneklerden konvansiyonel yöntemlerle seviye 1 laboratuvarı düzeyinde anaerop bakteriler tanımlandı. Kültür sonucu gönderilen kliniklerden sonuçlarımızın tedaviye katkıları geri bildirimler olarak alınarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada tüm abse numunelerinin toplam sayısı, cinsiyete göre dağılımı ve sadece anaerop bakteri üreyen örnek sayıları tablo 1'de, izole edilen anaerop bakterilerin klinik dağılımı tablo 2'de, ön tanı ve morfolojik olarak tanımlanan anaerop bakterilerin dağılımı ise tablo 3'te verilmiştir.

TABLO 1

	KADIN	ERKEK	TOPLAM
ANAEROP BAKTERİ ÜREYEN, AEROP BAKTERİ ÜREMEYEN NUMUNE SAYISI	38	33	71
TÜM ABSE NUMUNELERİNİN SAYISI	614	547	1161

Çalışmada tüm abse numunelerinin toplam sayısı, cinsiyete göre dağılımı ve sadece anaerop bakteri üreyen örnek sayıları.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



TABLO 2

KLINİKLER	Gram + kok	Gram + basıl	Gram - kokobasil	Gram - basıl	Peptostreptokok
K.B.S POL./KLİNİK	28	4	3	8	2
GENEL CERRAHI POL./YB./KLİNİK	8	6	-	5	1
ACIL SERVİS POL./YB.	4	1	1	-	-
ÇOCUK ENFEKSİYON POL.	1	1	-	-	-
ENDOKRİNOLOJİ KLİNİĞİ YB.	1	-	-	-	-
GÖĞÜS CERRAHI KLİNİK/POL.	3	-	-	1	-
BEYİN CERRAHI KLİNİK	1	-	-	1	-
KARDİYOLOJİ YB.	1	-	-	-	-
GASTROENTEROLOJİ KLİNİK/POL.	2	-	-	-	-
GÖĞÜS TBC KLİNİK	1	-	-	-	-
ONKOLOJİ POL.	-	-	-	1	-
ANESTEZİ VE REANİMASYON YB.	3	1	-	-	-
DERMATOLOJİ KLİNİK	-	-	-	-	1
ORGAN NAKİL KLİNİK	-	-	-	1	-
ÇOCUK CERRAHI KLİNİK	-	-	-	1	-
KADIN DOĞUM POL.	1	-	-	-	-
ÜROLOJİ KLİNİK	-	-	-	1	-

İzole edilen anaerop bakterilerin klinik dağılımı

TABLO 3

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tanı	Hasta sayısı	Gram + kok	Gram + basıl	Gram - kokobasil	Gram - basıl	Peptostreptokok
Beyinde abses	20	18	3	2	7	1
Midede abses	6	4	3	-	1	-
Peritoni/ sülmanöbular absesde abses	6	4	-	2	-	1
Dondede abses	1	1	-	-	-	-
Orbitale abses	1	1	-	-	-	-
Yumuşak doku bozukluğu	7	6	1	-	2	-
Servikal abses	1	-	1	-	-	-
Amigiyen	1	1	-	-	-	-
Yara yeri enfeksiyonu	2	1	-	-	2	-
Karaciğer kisti/abses	3	2	-	-	1	-
Peritoneller abses	2	2	1	-	-	-
Batın içinde abses	1	-	-	-	1	-
Kolon malign neoplazi	1	-	1	-	-	-
Bartholin kisti	1	1	-	-	-	-
Periapiküler abses	1	1	-	-	1	-
Anal fissür/abses	2	2	1	-	-	-
Pankreas enfeksiyonu	1	1	-	-	-	-
Prostat kist	2	1	1	-	-	1
Renal abses	1	-	-	-	1	-
Septik artir	1	1	-	-	-	-
Dental abses	2	1	1	-	-	-
Akciğer kist/istatik	1	1	-	-	-	-
Dişabetik ayak	3	3	-	-	-	-
Kolon polipoid	1	-	-	-	1	-
Akut sinüzit	1	1	-	-	-	-
Buited peritigast	1	-	-	-	-	1
Parafarengeal kist	1	1	-	-	1	-

Ön tanı ve morfolojik olarak tanımlanan anaerob bakterilerin dağılımı

Anahtar Kelimeler: anaerob bakteri kültürü, seviye 1 laboratuvar, sonuçların klinik önemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 063

Pasteurella multocida'nın Etken Olduğu Sellülit Olgusu

Mehmet Atça, İlknur Kaleli

Pamukkale Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: *Pasteurella multocida*; hareketsiz, spor oluşturmeyen, oksidaz, katalaz, indol-pozitif ve üreaz- negatif fakültatif anaerob gram-negatif bir kokobasildir. Karbondioksitli ortamda 24 saatlik inkübasyon sonrası hemoliz oluşturmeyen, mukoid veya mukoid olmayan gri koloniler oluşturur. *Pasteurella multocida*, selülit, sepsis, menenjit gibi klinik tablolara yol açabilir. Bu olgu sunumunda, *Pasteurella multocida*'nın etken olduğu selülit incelenmektedir.

Gereç ve Yöntem: 56 yaşında erkek hasta sol bacağındaki ağrı, kızarıklık, ayağında şişlik ve üstüne basamama yakınmaları ile acil servise başvurmuştur. Hastanın anemnezinde, 11 gün önce ev kedisini (aşılı) tarafından tırmalanma/ısırilma hikayesi var, olaydan 2 gün sonra gittiği dış merkezde tetanoz ve kuduz aşısı yapılmış. Özgeçmişinde, Pemfigus vulgaris ve kronik obstruktif akciğer hastalığı tanısı olan hastanın fizik muayenesinde, sol alt ekstremitede ödem, eritem ve ısı artışı vardı. Acil servise başvurduğunda TA: 112 / 76 mmHg, Nabız: 114 /dk, Ateş: 37,2 °C idi. Laboratuvar tetkiklerinde; WBC 25.93 K/UL, nötrofil sayısı 23.02 K/uL, nötrofil oranı % 88.8, eritrosit sedimentasyon hızı 52 mm/saat ve CRP değeri 90.78 mg/Lt olarak saptandı. Hastadan kan kültürü ve sürüntü yoluyla yara kültürü alındı. Üreme sinyali sonrası kan kültüründen yapılan Gram boyamada gram negatif kokobasiller görüldü. Kan kültüründen; koyun kanlı agar, EMB agar ve çikolata agara subkültürler yapılarak 18-24 saat 37°C'de inkübe edildi. İnkübasyon sonrasında kanlı besiyerinde ve çikolata agarda üreme saptanırken, EMB agarda üreme saptanmadı. Kanlı agardaki gri renkte hemolizsiz kolonilerin; katalaz, oksidaz ve indol testleri pozitif saptanırken, metil red ve üreaz testleri negatif olarak tespit edildi. Bakteri tanımlaması MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics) otomatize sistemi kullanılarak yapıldı (identifikasyon skoru:2.25). Antibiyogram, EUCAST'a göre disk difüzyon yöntemi kullanılarak yapıldı.

Koyun Kanlı Agar ve Çikolata Agardaki *Pasteurella multocida* görüntüleri

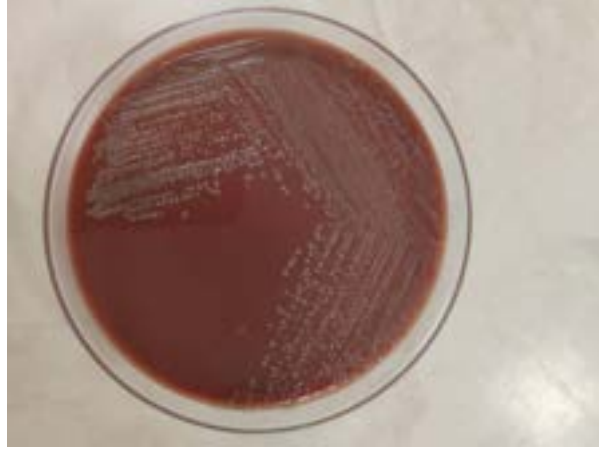
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

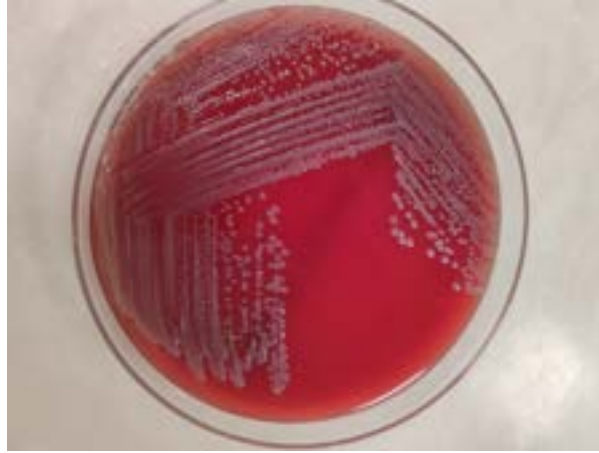
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Koyun Kanlı Agar ve Çikolata Agardaki *Pasteurella multocida* görüntüleri



Bulgular ve Sonuç: Etken *Pasteurella multocida* olarak tanımlandı. Antibiyotik duyarlılık testi sonucunda; penisilin, siprofloksasin, levofloksasin, ampisilin, amoksisilin-klavulanik asit, sefotaksim, tetrasiklin ve trimetoprim/sulfametoksazol duyarlı olarak saptandı. Hastaneye yatışının ilk gününde ampirik olarak ampisilin-sulbaktam başlanan hastanın tedavisi, yatışının beşinci gününde piperasilin- tazobaktam değiştirilmiştir. Hasta yatışının onuncu gününde, oral amoksisilin- klavulanat (2x1 1000mg) verilerek taburcu edilmiştir. *Pasteurella multocida*'nın en sık neden olduğu enfeksiyonlar selülit, subkutan apse gibi yumuşak doku enfeksiyonlarıdır. Enfeksiyonlar genellikle kedi ve köpek gibi evcil hayvanların ısırmasını takiben, etkenin perkütan yol ile cilt ve cilt altı dokuya yerleşimiyle meydana gelmektedir.

Anahtar Kelimeler: selülit, *Pasteurella multocida*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 064

Bir Üniversite Hastanesine Başvuran Erişkinlerde Tetanoz IgG Düzeylerinin Araştırılması

Burak Ezer¹, Hilal Sena Çiftci¹, Tunahan Uygun², Mehmet Özdemir¹

¹Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD.

²Hatay İl Sağlık Müdürlüğü, Halk Sağlığı

Giriş ve Amaç: Tetanoz, anaerobik bir basilin ürettiği ekzotoksinlerin neden olduğu, mortalitesi yüksek, genellikle kas-iskelet sistemini tutan akut bir hastalıktır. Tetanoz bildirimi zorunlu bir hastalık olup, görülme sıklığının dünya genelinde yüz binde 18 olduğu tahmin edilmektedir. Tetanoza bağlı mortalite oranları dünya genelinde %30-50 arasında değişmektedir. Bu çalışmanın amacı, hastanemizde çeşitli poliklinik ve servislere başvuran 18 yaş üstü hastaların tetanoz immünoglobülin G (IgG) düzeylerinin kantitatif olarak araştırılması, tespit edilen antikor titrelerinin yaş ve cinsiyetle ilişkisinin incelenmesidir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 01.01.2022-06.08.2024 tarihleri arasında hastanemizde çeşitli poliklinik ve servislere başvuran 227'si 40 yaş ve altı, 181'i 40 yaş üstü olmak üzere 408 yetişkin hastanın serumu dahil edildi. Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarımıza ulaşan hasta serumlarında Tetanus VIRCLIA® IgG ELISA kiti (Peramedikal, Türkiye) kullanılarak, VIRCLIA® ELISA cihazı (Peramedikal, Türkiye) aracılığıyla kantitatif olarak tetanoz IgG antikor düzeyleri tespit edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda 25 yetişkinde (%6,1) <0.1 IU/ml düzeyinde korumasız tetanoz antikoru, 383 yetişkinde (%93,9) ise ≥0.1 IU/ml seviyesinde koruyucu tetanoz antikoru tespit edildi. Erkeklerde saptanan tetanoz antikor medyan değeri 1,12 IU/ml, kadınlarda ise 0,99 IU/ml olarak saptanmasına rağmen cinsiyetler arası istatistiksel fark saptanmadı (p>0,05). 40 yaş üstü yetişkinlerdeki tetanoz antikor düşüklüğü 40 yaş altına göre istatistiksel olarak anlamlı saptandı (p<0,001). Yaş ile tetanoz antikorları arasında kuvvetli negatif korelasyon saptandı (r=-0,334; p<0,001). Birinci basamak sağlık hizmetlerindeki aşılama hizmetlerinin tetanoz enfeksiyonu açısından önemi topluma anlatılmalı, antikor titresi düşük olan kişilere hatırlatma dozu uygulanmalıdır.

Anahtar Kelimeler: Tetanoz, IgG, Antikor

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 065

Çeşitli Bitki Ekstrelerinin *Staphylococcus aureus*'a Karşı İn Vitro Etkinlikleri: Atopik Dermatite Karşı Yeni Bir Yaklaşım İçin Ön Çalışma

Meltem Ayaş¹, Murat Türkoğlu², Hakan Sevinç², Özgür Kurt³

¹Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi, Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu, Tıbbi Laboratuvar Teknikleri Programı, İstanbul.

²Biota Laboratuvarları, Sancaktepe, İstanbul

³Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul.

Giriş ve Amaç: Atopik dermatit (AD), çoğunlukla çocukluk çağına başlayan, kronik, tekrarlayan kaşıntılı ataklarla giden yaygın enflamatuvar bir deri hastalığıdır. Ortalama her 6-7 çocuktan birinde görülebilen AD, genetik ve çevresel etmenlerin eşliğinde deri bütünlüğünde bozulma, bağışık yanıt düzensizliği sonrası gelişen enflamatuvar yanıt nedeniyle *Staphylococcus aureus* gibi bakterilerin kolonizasyonunu artırır. Sağlıklı bireylerde deride %15-20 düzeylerinde saptanan *S. aureus* kolonizasyonunun AD'li bireylerde %90'lara çıktığı bilinmektedir. Bu nedenle, kolonizasyonun azaltılması için topikal antibiyotik kullanımı yaygındır, ancak yaygın antibiyotik direnci nedeniyle yeni ilaçlara gereksinim vardır. Bu çalışmada, iki aşamalı bir çalışmanın ilk aşaması olarak, ülkemizde yaygın bulunan çeşitli bitki ekstrelerinin *S. aureus*'a karşı in vitro etkinlikleri araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada çeşitli bitki ekstrelerinin (biberiye yağı, biberiye ekstresi, kekik yağı, kekik ekstresi, lavanta yağı, çam ağacı yağı, kusti hindi ekstresi, adaçayı ekstresi, nane yağı ve benzil alkol) ATCC 43300 *Staphylococcus aureus* bakterisi üzerine etkinliği MİK (Minimum inhibitör konsantrasyon) ve MBK (Minimum bakterisidal konsantrasyon) yöntemleri ile araştırılmıştır. MİK çalışmasında; etkinliği araştırılan bitki ekstresinin seri dilüsyonları, 1/2 - 1/64 arasında olacak şekilde Mueller-Hinton sıvı besiyerinde 96 kuyucuklu steril mikroyuvarlarda hazırlanmıştır. Her bir maddenin seri dilüsyonlarının yer aldığı kuyucuklara, 0,5 McFarland düzeyinde hazırlanmış *S.aureus* süspansiyonunun 1/100 sulandırılmış konsantrasyonundan eklenmiştir. Üreme kontrol kuyucuğuna yalnızca bakteri ve besiyeri eklenirken, sterilite kontrol kuyucuğuna yalnızca besiyeri eklenmiştir. MBK deneylerinde ise; MİK çalışması sonucu üremenin olmadığı kuyucuklardan 100µl alınarak %5 koyun kanlı agar besiyerlerine ekim yapılmıştır. Böylelikle etkinliği araştırılan maddenin bakterinin %99'unu öldürebildiği konsantrasyonun saptanması hedeflenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Elde edilen bulgular Tablo 1 ve Tablo 2' de gösterilmiştir. Yapılan bu ön çalışmada, biberiye yağı ve adaçayının *S.aureus* üremesini inhibe ettiği konsantrasyonlar olsa dahi, bu ekstrelerin bakterisidal etki göstermedikleri saptanmıştır. Öte yandan, biberiye ekstresi, kekik yağı, benzil alkol ve nane yağının *S.aureus* bakterisi üzerine tam bakterisidal etki gösterdiği belirlenmiştir. Kekik ekstresi, lavanta yağı, çay ağacı yağı ve kusti hindi ekstresinin ise yüksek konsantrasyonlarda uygulandığında

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



S. aureus bakterisi üzerine bakterisidal etki gösterdiği saptanmıştır. Elde edilen bulgulara göre planlanacak ikinci çalışmada, bu etkinin moleküler düzeyde araştırılıp karşılaştırılması hedeflenmektedir.

Tablo 1. Anti-bakteriyel etkinliği araştırılan maddelerin sıvı mikrodilüsyon plağı değerlendirme sonuçları

Madde Konsantrasyon	1/2	1/4	1/8	1/16	1/32	1/64	Üreme Kontrol	Sterilite Kontrol
Biberiye yağı	-	-	+	+	+	+	+	-
Biberiye ekstraktı	-	-	-	-	-	-	+	-
Kekik yağı	-	-	-	-	-	-	+	-
Kekik ekstraktı	-	-	-	-	-	-	+	-
Lavanta yağı	-	-	-	-	-	-	+	-
Çay ağacı yağı	-	-	-	+	+	+	+	-
Kevdi hindi ekstraktı	-	+	+	+	+	+	+	-
Adapayı ekstraktı	-	-	-	-	+	+	+	-
Bendil alkali	-	-	-	-	-	-	+	-
Nane yağı	-	-	-	-	-	-	+	-

+: bakteri üremesi var; -: bakteri üremesi yok

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. Test edilen ekstrelerin farklı MİK konsantrasyonlarındaki MBK değerleri.

Madde/Konsantrasyon	1/2	1/4	1/8	1/16	1/32	1/64
Biberiye yağı	45*	70*	-	-	-	-
Biberiye ekstraktı	0*	0*	0*	0*	0*	0*
Kekik yağı	0*	0*	0*	0*	0*	0*
Kekik ekstraktı	0*	0*	0*	0*	100 *	150 *
Lavanta yağı	0*	0*	0*	15*	30*	60*
Çay ağacı yağı	0*	0*	60*	-	-	-
Kusti Hindî ekstraktı	0*	-	-	-	-	-
Adaçayı ekstraktı	20*	200*	500*	1000000*	-	-
Benzil alkol	0*	0*	0*	0*	0*	0*
Nane yağı	0*	0*	0*	0*	0*	0*

*: Koyun kanlı agarla üreyen koloni sayısı, < bo konsantrasyonlardaki kayıucuklardan koloni ekimi yapılmamıştır.

Anahtar Kelimeler: Anti-bakteriyel etkinliği araştırılan maddelerin sıvı mikrodilüsyon plağı değerlendirme sonuçları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 066

Onkolojik Hastalarda Vankomisin Dirençli Enterokokların Kolonizasyon Ve Enfeksiyon Değerlendirilmesi: Tarama Kültürlerine Devam Etmeli miyiz?

Mert Emre Ölmez¹, İpek Mumcuoğlu¹, Mikail Bülbül¹, Duygu Mert², Gülşen İskender², Semra Tunçbilek²,
Mustafa Ertek², Tuba Dal¹

¹Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, Ankara

²Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve
Klinik Mikrobiyoloji, Ankara

Giriş ve Amaç: Vankomisine dirençli enterokoklar (VRE), sağlık bakımıyla ilişkili enfeksiyon etkeni olarak izlenmektedir. Riskli ünitelerde yapılan kolonizasyon taramalarının ve izolasyon uygulamalarının, VRE oranlarını azaltmada etkili olduğunu bildiren yayınların yanı sıra, gerekliliğinin tartışıldığı yayınlar da bulunmaktadır. Bu çalışmada hastanemizde, riskli ünitelerde yatan onkolojik hastalarda VRE kolonizasyon ve enfeksiyonları incelenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 01.01.2022-31.12.2023 tarihleri arasında, kanser tedavisi almakta olan ve Tıbbi Onkoloji, Yoğun Bakım, Hematoloji ve Kemik iliği Transplantasyon servislerinde takip edilen hastalar dahil edilmiştir. Dışkıda VRE kolonizasyonu belirlenmesi için, ilk yatışta ve 15 günde bir gönderilen rektal sürüntü örnekleri Enterococcosel agara (bioMerieux/France) ekilmiştir. Tarama kültüründe üretilen izolatların tür düzeyinde tanımlaması (VITEK, bioMerieux/France) ile yapılmış ve vankomisin ve teikoplanin dirençleri disk difüzyon yöntemi ile doğrulanmıştır. Klinik örneklerden elde edilen izolatların tanımlama ve duyarlılık testleri (VITEK, bioMerieux/France) ile yapılmıştır. Hastalara ait epidemiyolojik veriler, hastane otomasyon sisteminden elde edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma süresince ilgili kliniklerden gönderilen 1265 erişkin hastaya ait 3116 rektal sürüntü örneği incelenmiş ve yatış kültürü negatif olan 277 hasta (%21,9) VRE taşıyıcısı haline gelmiştir. Giriş kültürü pozitif bulunan 63 hasta ise çalışma dışı bırakılmıştır. Klinik örneklerden izole edilen 145 VRE izolatının 43'ü etken olarak kabul edilmiş, diğerleri giriş sırasında pozitif olduğu, enfeksiyon kriterine uymadığı için çalışma dışı bırakılmıştır. Hastaların kolonizasyon ve enfeksiyon verileri Tablo 1'de verilmiştir. Enfeksiyon etkeni olarak kabul edilen izolatların dağılımı Tablo 2'de verilmiştir. Hastanemizde VRE kolonizasyon/ enfeksiyon oranları kliniğe göre %7.5 ile %53.3 arasında değişmektedir. Hastaların immünsüpresif olması, uzun yatış süreleri, geniş spektrumlu antibiyotik kullanılması gibi nedenler kolonizasyon ve enfeksiyon oranlarını artırmaktadır. VRE kolonizasyonu olan hastalarda bu bakteri ile enfeksiyon gelişmesi önemli bir mortalite sebebidir. Bu nedenle özellikle kanser hastalarında VRE kolonizasyon takibi ve hastaların izolasyonu mortalitenin düşürülmesi açısından önemlidir.

Tablo 1. Servislere göre 2022-2023 yıllarına ait VRE tarama kültürü sonuçlarının dağılımı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Servis	Taranan hasta sayısı	Taranan örnek sayısı	Kolonizasyon sayısı (Kişi sayısı/örnek sayısı)	Toplam enfeksiyon sayısı	Kolonize ve enfekte olan kişi sayısı n (%)	Geliş+ kolonizasyon+ yetersiz koloni
Anestezi Yoğun Bakım	454	984	84 /251	42	14 (16,6)	28
Cerrahi Yoğun Bakım	234	378	28/100	16	5 (17,9)	11
Dahiliye YBÜ	318	682	53/141	13	4 (7,5)	9
Tıbbi Onkoloji	19	82	5/16	30	0	30
Hematoloji	39	108	14/86	30	8 (53,3)	22
KİT	201	882	53/204	14	12 (22,6)	2
Diğer	246	554	36/40	30	0	30
TOPLAM	1265	3116	237/798	145	43 (18,1)	102

Sarı veriler çıkarılarak toplam verildi. Bu hastalar incelediğimiz kliniklerin dışında kalan kliniklerden gönderilmiş

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 2. Enfeksiyon etkeni olarak izole edilen VRE suşlarının 2022-2023 yıllarına ait dağılımı

Servis	Kan	İdrar	Doku	Apse	Toplam VRE pozitif
Anestezi Yoęun Bakım	10	2	-	2	14
Cerrahi Yoęun Bakım	4	-	1	-	5
Dahiliye YB	4	-	-	-	4
Tıbbi Onkoloji	-	-	-	-	-
Hematoloji	6	2	-	-	8
KİT	10	2	-	-	12
TOPLAM	12	18	2	6	43

NOT1. : 142 hasta birden fazla nitede yatmıř, alıřmaya sadece ilk pozitif bulunduęu nite kaydedildi.

Not 2. 613 kiři (1656 rnek) VRE remedi. Geliř sırasında alınan kltrlerde reyen VRE'ler ve EKK tarafından enfeksiyon kriterlerine uymadıęı ngrlen kltrler alıřma dıřı bırakılmıřtır (yetersiz koloni olan idrarlar, enf bulgusu olmayan solinum rnekleri vb).

Anahtar Kelimeler: Vankomisin rezistan enterokok, vankomisin, teikoplanin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 067

Dışkı Örneklerinde {Enteropatojenik *E.coli*} Ve {Enteroagregatif *E.coli*} Sıklığının Gastrointestinal Multipleks Panel Kullanılarak Araştırılması ve Bu Türlerin Klinik Bulgularla İlişkisinin Değerlendirilmesi

Merve Gürler, Ömer Uslu, Filiz Demirel, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: {*Escherichia coli*} {(*E.coli*)}, insan bağırsağında fakültatif flora elemanı olarak bulunmakla beraber bazı türleri ile insanlarda hastalığa neden olabilmektedir. Bu çalışmada dışkı örneklerinde, multipleks gerçek-zamanlı PCR (RT-PCR) paneli kullanılarak incelenen dışkı örneklerinde patojen {*E.coli*} türlerinden {Enteropatojenik *E.coli*} (EPEC) ve {Enteroagregatif *E.coli*} (EAEC) tespit edilme sıklığının belirlenmesi ve bu türlerin gastrointestinal sistem şikayetleriyle ilişkisinin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Parazitoloji Laboratuvarı'na Ocak 2024-Temmuz 2024 tarihleri arasında gönderilen ve Bio-Speedy® Gastroenterit RT-qPCR MX-24T Paneli (Bioeksan, Türkiye) kullanılarak multipleks RT-PCR testi çalışılan dışkı örnekleri EPEC ve EAEC pozitifliği bakımından retrospektif olarak incelenmiştir. EPEC ve EAEC pozitifliği tespit edilen hastalarda PCR pozitifliğinin klinik bulgularla ilişkisi hastane otomasyon sisteminden alınan veriler ve anamnez bilgileri doğrultusunda değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Multipleks gastrointestinal panel çalışılan toplam 1360 hastanın %8'inde (n=109) EAEC, %16'sında (n=217) EPEC tespit edilmiştir. Bu hastalara ait demografik ve klinik bilgiler Şekil-1'de verilmiştir. EAEC pozitifliği saptanan hastaların %45'i, EPEC pozitifliği saptanan hastaların %34'ü beş yaş altında olup EAEC ve EPEC pozitifliği en fazla ishal şikayeti ile birlikte bulunmuştur. Gastrointestinal enfeksiyonların etiyolojik tanısında moleküler-temelli sendromik testler hızlı/kolay uygulanabilmeleri, fazla sayıda etkeni aynı anda tespit edebilmeleri gibi avantajlarına rağmen yüksek maliyetleri nedeniyle kullanımı sınırlıdır. Multipleks PCR temelli moleküler testlerde dışkı örneklerinde inaktif/rezidü DNA varlığı, kolonizasyon/koenfeksiyon gibi nedenlere bağlı olarak klinik ile uyumlu olmayan pozitiflikler saptanabilmektedir. Bu çalışmada laboratuvarımızda dışkı örneklerinde rutin mikrobiyolojik tanıda araştırılmayan patojen *E.coli* türlerinden EAEC/EPEC'in multipleks RT-PCR ile yüksek oranda pozitif saptandığı ve bu pozitifliğin gastrointestinal sistem şikayetleri ile büyük oranda uyumlu olduğu belirlenmiştir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Şekil-1. Hastalara ait demografik ve klinik bilgiler

		EAEC (+) N	EPEC (+) N
Cinsiyet	Kadın	49	99
	Erkek	60	118
Yaş aralığı, yıl	0-5	49	73
	6-16	43	95
	17-78	17	49
	Genel çocuk	31	56
Poliklinik/Klinik	Çocuk gastroenteroloji	20	56
	Çocuk acil	16	24
	Çocuk enfeksiyon	14	13
	Çocuk hematoloji	8	12
	Çocuk yoğun bakım	4	7
	Çocuk beyin cerrahisi	1	0
	Çocuk nefroloji	1	0
	Enfeksiyon hastahkleri	7	20
	Gastroenteroloji	3	12
	İç hastahkleri kliniği	3	11
	Yenidoğan acil	1	4
	Anezi ve Reanimasyon	0	1
	Ortopedi	0	1
	Genel muayene	18	39
	İshal	43	86
İstem endikasyonları	İshal+Kusma	12	14
	İshal+Ateş	6	13
	Ateş	3	12
	Karın ağrısı	3	21
	Karın gata	9	13
	Yakınmuktaki ishal	8	3
	Kusma	2	11
	Titiz	1	1
	Gastada kırt görme	0	3
	Siyah renkli gata	2	1

Anahtar Kelimeler: Enteropatojenik *E.coli*, Enteroaggregatif *E.coli*, Gastroenterit panel

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-068

Multipleks Polimeraz Zincir Reaksiyonu (M-PZR) Yöntemi İle Akut Gastroenterit Etkenlerinin Belirlenmesi Ve Hastaların Demografik Özelliklerin Araştırılması

Miraç Derya Güdükboy¹, Can Berk Kurt¹, Tuğçe Şimşek Bozok², Taylan Bozok¹, Seda Tezcan Ülger¹, Gönül Aslan¹

¹Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Mersin Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları Ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Gastroenteritler, dünyada tüm yaş gruplarında önemli morbidite ve mortalite nedenidir. Bu çalışmada hastanemize akut gastroenterit ön tanısıyla gelen hastaların dışkı örneklerinde etkenlerin tanımlanması, yaş gruplarına göre dağılımı ve klinik karar sürecine etkisi olan faktörlerin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmaya 29.03.2023-29.08.2024 tarihleri arasında akut gastroenterit ön tanısı ile Mersin Üniversitesi hastanesi laboratuvarımıza gönderilen 312 dışkı örneği dahil edildi. Örnekler rutin bakteriyolojik kültür (Kanlı agar, SS agar ve EMB agar), *Entamoeba histolytica* ve *Giardia lamblia* açısından immunokromotografik testler ve moleküler yöntemler ile analiz yapıldı. Moleküler analiz için Bosphore Gastroenteritis v4 Panel kiti (Anatolia Geneworks, Türkiye) ile 24 etken Real-Time PCR cihazında çalışıldı. Hasta bilgilerine bilgi işlem sisteminden ulaşıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmadaki 312 hastanın kültürlerinde üreme saptanmadı. 2 hastada *E. histolytica* ve 183 hastada en az bir etken moleküler yöntem ile pozitif saptandı. 2023 yılında 66 (%69,5), 2024 yılında 117 (%53,9) pozitif hasta tespit edildi. 2023 yılında 2024 yılına göre pozitiflik oranının anlamlı ölçüde daha yüksek olduğu analiz edildi. ($p=0,010$), Vakaların %69'unu erişkin, 23%'ünü 1-17 yaş arası pediatrik, %8'ini infant hastalar oluşturdu. Hastaların %53,5'i erkek; %46,5'i kadındı. Vakaların %45'i yaz aylarında görüldü. Erişkin ve pediatrik gruplarda en çok saptanan etkenler sırasıyla *Campylobacter*, EPEC ve EAEC oldu (Tablo 1). Infant grupta %28,6 ile Adenovirüs ve *C. difficile*, pediatrik grupta %11 ile EAEC ve *C. difficile*, erişkin grupta %21,2 ile *Campylobacter* spp. ve EPEC birlikteliği gözlemlendi. Infantlardaki Adenovirüs ve *Cyclospora* pozitiflik oranının diğer gruplara göre anlamlı ölçüde yüksek olduğu görüldü. (Tablo 1). Yatarak tedavi alan hastaların ortalama yatış süreleri arasında istatistiksel olarak anlamlı bir fark bulunmadı (Tablo 2). Ayrıca infantların ortalama CRP değerinin, diğer gruplara göre anlamlı ölçüde düşük olduğu saptandı. Yatan hastalarda ayaktan takip edilen hastalara göre ortalama CRP değerleri üç grup için de istatistiksel olarak anlamlı ölçüde yüksek bulundu (Tablo 3). Yatarak tedavi alan erişkin hastalar ile ayaktan tedavi alan erişkin hastalar karşılaştırıldığında, ortalama WBC değerleri arasındaki fark istatistiksel olarak anlamlı bulunurken pediatrik grupta anlamlı bir fark bulunmadı. (Tablo 3). Infantlarda, adenovirüs pozitiflik oranları, diğer yaş gruplarına göre anlamlı derecede yüksek bulunmuştur. Bu yükseklik, infantların Adenovirüs gastroenteritine karşı savunmasız olduğunu göstermektedir. Ayaktan tedavi edilen hastalarda ortalama CRP düzeyinin, infantlarda anlamlı ölçüde düşük olduğu tespit edilmiştir. Bu durum, etken



pozitifliği saptanan infantlarda,CRP değerinin klinik karar sürecinde etkili bir parametre olabileceğini göstermektedir. Çalışmamızın bulguları,yaş gruplarına göre gastroenterit etkenlerinin ve inflamatuvar parametrelerin farklılık gösterebileceğini ve klinik yönetimde bu farklılıkların dikkate alınması gerektiğini ortaya koymaktadır.

Tablo 1. Gastroenterite sebep olan patojenlerin çeşitli yaş gruplarına göre dağılım yüzdesi

	İNFANT(0-12)		PEDIATRİK (1-17)		ERİŞKİN		P
	%	n	%	n	%	n	
<i>Campylobacter</i>	35,71	5	57,14	24	57,48	73	0.573
EAEC	35,71	5	38,10	16	24,41	31	0,192
<i>Clostridium difficile</i>	28,57	4	19,05	8	9,45	12	.057
EPEC	21,43	3	40,48	17	32,28	41	0.383
EIEC	14,29	2	9,52	4	3,15	4	0.092
ETEC	7,14	1	2,38	1	8,66	11	0,389
VTEC	14,29	2	9,52	4	9,45	12	0.844
STEC (STX1/STX2)	14,29	2	14,29	6	9,45	12	0,627
Adenovirüs	28,57	4	7,14	3	3,94	5	0.002
Astrovirüs	7,14	1	4,76	2	0,79	1	0,13
Norovirüs	14,29	2	4,76	2	9,45	12	>0.05
Rotavirüs	14,29	2	2,38	1	5,51	7	0.237
<i>Cryptosporidium</i>	7,14	1	2,38	1	2,36	3	0,574
<i>Cyclospora</i>	7,14	1	0,00	0	0,00	0	0,002
<i>Salmonella</i>	0,00	0	11,90	5	5,51	7	0.205
Sapovirüs	0,00	0	4,76	2	3,15	4	0,68
<i>E.coli</i> O157:H7	0,00	0	7,14	3	9,45	12	0.455
<i>Plesiomonas shigelloides</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Vibrio cholerae</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Vibrio parahaemolyticus</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Vibrio vulnificus</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Yersinia enterocolitica</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Entamoeba histolytica</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-
<i>Gardia lamblia</i>	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	-

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



EAEC:Enteroagregatif *E.coli*, EPEC:Enteropatojenik *E.coli*, EIEC:Enteroinvaziv *E.coli*, ETEC:Enterotoksijenik *E.coli*, VTEC: Verotoksinojenik *E.coli*, STEC:Shigatoksijenik *E.coli*

Tablo 2

	İNFANT			1-17 YAŞ ARASI PEDİATRİK HASTALAR			ERİŞKİN			
	Ort±SS	Medyan [Çeyreklik]	Min- Maks	Ort±SS	Medyan [Çeyreklik]	Min- Maks	Ort±SS	Medyan [Çeyreklik]	Min- Maks	p
Yatış	14,43±13,15	8 [4-29]	2-36	11,71±15,77	4 [2-15,5]	1-55	8,82±10,74	5,5 [3-10]	1-64	0,425
Crp	24,71±37,5	4 [0,45- 50,83]	0,3- 106,5	59,97±89,33	20,47 [2,35-89,3]	0,2- 420,8	70,41±90,79	25 [7,4- 111,6]	0,3- 468,1	0,017 1-3

Yatarak tedavi alan hastaların ortalama yatış süresi ve CRP değerlerinin istatistiksel olarak karşılaştırılması

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3

	Grup	AYAKTAN TEDAVİ ALAN			YATARAK TEDAVİ ALAN			
		Ort±SS	Medyan [Çeyreklik]	Min-Maks	Ort±SS	Medyan [Çeyreklik]	Min-Maks	p
Crp	1	1,33±1,56	0,65 [0,3-2,4]	0,3-4,3	44,75±42,38	34,15 [4-86,7]	0,4-106,5	0,022
	2	24,14±36,31	5,6 [0,6-35,95]	0,2-126,5	106,99±115,05	66,57 [22,45-173]	1,1-420,8	0,001
	3	28,54±46,09	10,48 [4-31,22]	0,8-241,3	100,05±102,57	74 [16,58-161,5]	0,3-468,1	<0,001
	p	0,004			0,342			
		1-3						
Wbc	1	11,02±7,65	9,1 [5,85-15,04]	4,43-25,71	11,78±4,4	9,07 [7,86-16,73]	7,65-17,36	0,534
	2	9,99±3,4	9,68 [7,79-12,32]	2,63-16,07	8,96±5,59	6,75 [4,99-14,14]	1,69-19,66	0,201
	3	8,4±3,25	7,86 [5,97-9,89]	3,02-17,81	10,6±5,56	8,91 [7,22-12,62]	2,08-27,82	0,043
	p	0,094			0,158			

Yatarak tedavi alan ve ayakta tedavi alan hastaların ortalama CRP ve WBC değerlerinin istatistiksel olarak karşılaştırılması

Anahtar Kelimeler: Gastroenterit, Multipleks PCR, CRP

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 069

Sepsis Tanısında Pozitif Kan Kltrnden Polimeraz Zincir Reaksiyon Test Panelinin Performansı

Nisel Yılmaz¹, Glfem Terek Ece¹, Yeşer Karaca Derici¹, Selin Gamze Kılıç Sinci¹, Fulya Bayındır¹, Sebahat Taş¹, Gizem Akbaş¹, Tuba Karataş¹

¹İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir

Giriş ve Amaç: Sepsis, vcudun enfeksiyonlara karşı geliştirdiđi aşırı sistemik inflamasyon yanıtıdır. Erken tanı ve tedavi sepsisin yönetiminde kritik öneme sahiptir. Geleneksel tanı yöntemleri, özellikle kan kltrleri, sepsis tanısında standart bir yaklaşım sunarken, sonuçların alınması genellikle uzun zaman alabilir. Bu nedenle, sepsis yönetiminde hızlı tanı testlerinin kullanımı artmaktadır. Pozitif kan kltrlerinden çeşitli bakterileri, mantarları ve antimikrobiyal direnç genlerini tanımlayan sistemler son yıllarda kullanılmaya başlanmıştır. Bu çalışmada pozitif kan kltrlerinden direkt yapılan polimeraz zincir reaksiyon (PZR) testinin performansını deđerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu amaçla 100 pozitif kan kltr konvansiyonel yöntemlerin yanında multipleks RT-qPCR (Bio-Speedy® Sepsis qPCR MX-30T Panel) yöntemiyle çalışılmıştır. Kan kltrleri tanımlamasında MALDİ-TOF MS (MALDİ Biotyper Microflex, Bruker Daltonics, Almanya) ile antibiyotik duyarlılık testlerinde (ADT) disk difüzyon ve otomatize antibiyotik duyarlılık sistemi BD Phoenix 100 (Becton Dickinson, ABD) kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: PZR ile kltr testlerinin uyum oranları; monomikrobiyal remelerde, Gram pozitif bakterilerde %76.7 (33/43), Gram negatif bakterilerde %73.5 (25/34), mayalarda %100 (11/11) iken polimikrobiyal remelerde %58.3 (7/12) olmak zere toplam %76 (76/100) bulunmuştur. PZR sepsis panelinde uyumsuz sonuçlar; ek patojenler tespit etmesine (n: 6), trlerin yanlış tanımlanmasına (n: 8), paneldeki patojenleri tespit edememesine (n: 3) veya panelde olmadığı için patojenleri tespit edememesine (n: 7) bađlı olduđu grlmştr. İzolatların 37'sinde PZR ile direnç geni saptanmıştır. Bunlardan metisilin direnci saptanan bir, karbapenem direnci saptanan iki izolat dışında sonuçlar fenotipik yöntemler ile yapılan ADT sonuçlarıyla uyumlu bulunmuştur. Sepsis tanısında hızlı identifikasyon ve direnç genlerin saptanması hayat kurtarıcıdır. Çalışmamızda kullanılan PZR sepsis panelinin özellikle kandidemi olan hastalarda ve direnç genlerinin saptanmasında performansının iyi olduđu grlmştr.

Anahtar Kelimeler: Sepsis, hızlı tanı, multipleks PZR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 070

Türkiye'de Nadir Görülen Bir *Salmonella* Serotipi Olan *Salmonella* Muenster'in Etken Olduğu Bir Gastroenterit Olgusu

Sertaç Küçükaya¹, Bahar Akgün Karapınar¹, Belkıs Levent², Betigül Öngen¹

¹İstanbul Üniversitesi İstanbul Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul.

²Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Dairesi Başkanlığı, Ankara.

Giriş ve Amaç: *Salmonella*, gastroenteritin en yaygın bakteriyel nedenlerinden biridir ve serotipleri ülkelere ve bölgelere göre değişkenlik gösterir. Ülkemizde *Salmonella* Enteritidis en sık bildirilen serovardır. Ana hatlarıyla tifo ve tifo dışı olmak üzere serotiplere bağlı olarak değişebilen çeşitli klinik tablolarla seyredabilen salmonellozda serotiplendirme hem klinik hem de epidemiyolojik açıdan önemlidir. Bu olgu, seyahat ve göç gibi nedenler göz önünde bulundurularak ülkemizde nadir görülen *Salmonella* serotiplerinin de etken olabileceğini vurgulamak amacıyla sunulmuştur.

Gereç ve Yöntem: Yirmi altı yaşında Somali asıllı kadın hasta, kusma, ishal ve karın krampları şikayetleriyle İç Hastalıkları Acil Servisine başvurmuştur. Anamnezinde, şikayetlerinin başlamasından bir gün önce Somali'den geldiği ve Somali'den ayrılmadan önce tavuk eti tükettiği öğrenilmiştir. Kültür için gaita örneği alınarak Hektoen enterik agar, MacConkey agar, %5 koyun kanlı agar, Butzler agar ve Selenit-F buyyon besiyerlerine ekilmiş ve 35-37°C'de aerobik, 42°C'de mikroaerofilik koşullarda inkübe edilmiştir. Hastanın dışkısu sulu olup mikroskopik incelemede polimorf nüveli lökosit görülmemiştir. Bir gece inkübasyon sonrasında aerop kültürlerden izole edilen suş; üreaz, lizin deaminaz ve PYR negatif; H₂S ve lizin dekarboksilaz pozitif bulunmuş ve ayrıca Vitek-2 sistemi (bioMérieux-Fransa) ile *Salmonella* spp. olarak tanımlanmıştır. Polivalan ve monovalan antiserumlar kullanılarak 3,10,15,34:eh:1,5 antijen formülüne sahip olduğu belirlenen suş, *Salmonella enteritidis* subsp. *enteritidis* serovar Muenster olarak serotiplendirilmiştir. Antibiyotik duyarlılık deneyi EUCAST (Avrupa Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Komitesi) önerileri doğrultusunda disk difüzyon yöntemiyle yapılmış ve izolat ampicilin, trimetoprim-sulfametoksazol ve siprofloksasine duyarlı bulunmuştur. Hastanın tedavisinde antibiyotik kullanılmadan tam iyileşme sağlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Rutin mikrobiyoloji laboratuvarı koşullarında tüm *Salmonella* serumlarının bulundurulması ve nadir izole edilen serotiplerin tam tanımlamasının yapılması beklenmez; suş serotiplendirme yapılan bir merkeze gönderilerek serotip tayini yapılabilir. Ancak rutin laboratuvarlarda ülkemizde en sık izole edilen serogrupları kapsayan polivalan serumlar kullanılabilir. Bu bağlamda, sık saptanan serogrupları da kapsayan ve genellikle A, B, D, E, L gruplarını içeren polivalan serumla (OMA) çalışıldığında E grubunda yer alan *S.* Muenster'in de bu polivalan serumla aglütinasyon vereceği ve monovalan serumlar kullanıldığında grup tayini yapılabileceği unutulmamalıdır. Türkiye'de 1982 yılında *S.* Muenster'in etken olduğu bir gıda zehirlenmesi bildirilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dünya genelindeki *S.* Muenster bildirimlerinin genellikle Orta Doğu'daki vakalarla sınırlı kaldığı görülmektedir. Bu durumda, özellikle göç alan ülkelerde, *Salmonella*'nın nadir serotiplerinin de gözlemlenebileceği akılda tutulmalıdır.

Anahtar Kelimeler: *Salmonella* Muenster, Gastroenterit, *Salmonella* serovar

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 071

Tüberküloz Kültüründe Farlı Dekontaminasyon Kitleri ve Besiyerlerinin Etkinliğinin Değerlendirilmesi

Yunus Emre Alpdoğan¹, Soner Yıldız¹, Ömer Faruk Duran², İlkay Bahçeci¹

¹Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi

²Ağrı Patnos Devlet Hastanesi

Giriş ve Amaç: Tüberküloz tanısında altın standart yöntem kültürdür ve bu işlem, numunenin dekontaminasyon ve konsantrasyon aşamalarını gerektirir. Geleneksel olarak, dekontaminasyon en sık Kubica (NALC-NaOH) yöntemiyle gerçekleştirilir ve ardından Löwenstein Jensen (LJ) besiyerine ekim yapılır. Son yıllarda, santrifüj gerektirmeyen emici boncuklar temelli Decosorb® (Diagnostis) kiti ve Kubica yöntemindeki pH ayarlama sorununu azaltan Mycocent® (Diagnostis) kiti gibi alternatifler geliştirilmiştir. Ayrıca, mikobakteriyel üremenin daha erken gözlenebilmesi için çoklu renk ayraçlarına sahip seçici besiyerleri olan TB SLC® (Diagnostis) ve Diagno LJ Fast® (Diagnostis) gibi yeni besiyerleri de kullanılmaktadır. Bu çalışmanın amacı, geleneksel yöntemlere kıyasla yeni geliştirilen bu besiyerleri ve kitlerin performansını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışma, 19 Ocak 2023 ile 19 Mayıs 2023 tarihleri arasında Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi Rutin Mikrobiyoloji Laboratuvarında gerçekleştirilmiştir. Çalışmaya 61 klinik numune dahil edilmiş ve her numune Kubica metodu ile dekontamine edilerek LJ besiyerine ekilmiştir. Ek olarak, numuneler ayrı ayrı Decosorb® ve Mycocent® kitleri ile üretici talimatlarına uygun şekilde dekontamine edilerek, TB SLC® ve Diagno LJ Fast® besiyerlerine ekilmiştir. Besiyerleri, günlük olarak izlenmiş ve meydana gelen renk değişiklikleri kaydedilmiştir. TB SLC® ve Diagno LJ Fast® besiyerlerinde yeşil renk kontaminasyon, sarı renk ise mikobakteri üremesi olarak değerlendirilmiştir. Üreme tespit edilen örneklerde, aside dirençli boyama yöntemi ile yayma hazırlanmış ve mikroskopik inceleme ile doğrulama yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İşleme alınan 61 numunenin 8' inde LJ besiyerinde üreme saptanmıştır. Üreme tespit edilen numunelerin tamamı TB SLC® ve Diagno LJ Fast® besiyerlerinde de pozitif olarak gözlenmiştir. Kubica yöntemiyle dekontamine edilen örneklerden birinde kontaminasyon gözlenirken, Decosorb® ve Mycocent® kitleriyle dekontamine edilen örneklerde ikişer adet kontaminasyon tespit edilmiştir. Bulgular Tablo 1' de gösterilmiştir. Yaptığımız çalışma sonucunda, yeni geliştirilen Decosorb® ve Mycocent® dekontaminasyon kitlerinin, etkinlik açısından Kubica yöntemiyle benzer performans sergilediği gözlemlenmiştir. Özellikle Decosorb® kiti, örnek işleme süresini yarıya indirmesi ve santrifüj gerektirmemesi nedeniyle, kısıtlı imkânlarla sahip bölgelerde tüberküloz kültürü yapılmasına olanak sağlaması açısından dikkate değer bulunmuştur. TB SLC® ve Diagno LJ Fast® besiyerleri, performans açısından LJ besiyeri ile benzer sonuçlar gösterirken, ortalama mikobakteri üreme süresi açısından daha uzun süreler kaydedilmiştir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Bununla birlikte, bu besiyerlerinin oklu renk ayraları sayesinde kontaminasyon ve remenin ıplak gzle kolayca deęerlendirilebilmesi de ne ıkan zellikler arasında yer almıřtır.

Tablo 1

n=61	Kubica	Decosorb®	Mycocent®
Besiyeri	LJ	TB SLC® Diagno LJ Fast®	TB SLC® Diagno LJ Fast®
Mikobakteri remesi	8	8	8
Ortalama reme gn	18,25	21	21,5
Kontaminasyon sayısı	1(%1,63)	2(%3,27)	2(%3,27)

Yeni nesil dekontaminasyon kitleri ve besiyerlerinin klasik yntem ile karřılařtırılması

Anahtar Kelimeler: Mikobakteri, Tberkloz, Dekontaminasyon

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 072

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'ndeki *Clostridium difficile* Toksin Pozitifliği ve Etki Eden Faktörler

Şermin Baykoca, Emel Akbaş, Hüseyin Demir, Elif Nur Dalkıran Ekşi, Şükrü Öksüz

Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Clostridium difficile*, sporlu, gram pozitif ve anaerobik bir bakteri olup, özellikle antibiyotik kullanımının bağırsak mikrobiyotasını bozduğu durumlarda psödomembranöz kolit, toksik megakolon, intestinal perforasyon ve diareye yol açabilmektedir. Bakterinin virülansı sahip olduğu toksinlerden kaynaklanmaktadır. Bu çalışmada, laboratuvarımıza çeşitli kliniklerden gönderilen gaita örneklerinde *C. difficile* toksin varlığının araştırılması ve etki eden faktörlerin değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ağustos 2022-Ağustos 2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza yoğun bakım üniteleri (YBÜ), dahili poliklinik ve servisler ile cerrahi poliklinik ve servislerden gönderilen gaita örnekleri *C. difficile* toksin varlığı açısından retrospektif olarak incelendi. *Clostridium difficile* toksin varlığını belirlemek amacıyla immunokromatografik yöntem olan AllTest *Clostridium difficile* toxin A+B combo rapid test casette (MedNet GmbH, Almanya) kullanıldı. Verilerin istatistiksel analizinde IBM SPSS 23 paket programı kullanıldı. Kategorik değişkenlerin değerlendirilmesinde Ki-kare testi, gruplar arasındaki yaş ortalamalarının karşılaştırılmasında Mann-Whitney-U Testi kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 1009 hastaya ait gaita örneği dahil edilmiştir. Hastaların 533'ü (%52,8) kadın, 476'sı (%47,2) erkek olup yaş ortalamaları $51,68 \pm 20,15$ (0-104) idi. Örneklerin 671'i (%66,5) dahili poliklinikler, 226'sı (%22,4) dahili servisler, 85'i (%8,4) yoğun bakım üniteleri, 7'si (%0,7) cerrahi poliklinikler, 20'si (%2) ise cerrahi servislerden gönderilmiştir. Toplam 1009 adet gaita örneğinin 97'sinde (%9,6) *C. difficile* toksin A ya da toksin B'den en az biri pozitif, 26'sında (%2,5) toksin A ve B birlikte pozitif, 23'ünde (%2,2) sadece toksin A pozitif, 48'inde (%4,7) ise sadece toksin B pozitif bulunmuştur. Pozitiflik saptanan hastalardaki ulaşılabilen antibiyotik kullanım öyküsü incelendiğinde, en fazla kullanılan antibiyotik grubunun beta-laktam/beta-laktamaz inhibitörü kombinasyonu olduğu (n=14), daha sonra ise sırasıyla teikoplanin (n=7), makrolidler (n=6), kinolonlar (n=5), meropenem (n=5), kolistin (n=4), flukonazol (n=3), tigesiklin (n=3), fosfomisin-nitrofurantoin (n=1), sefepim (n=1) olarak belirlenmiştir. Yaş ortalaması, cinsiyet ve klinik bölüm ile toksin pozitifliğinin ilişkisi Tablo 1'de gösterilmiştir. *Clostridium difficile* toksin pozitifliğini öngörmeye yaş ortalaması, cinsiyet ve klinik bölümün belirleyici olmadığı görülmüştür. Pozitiflik saptanan hastalarda en çok kullanılan antibiyotik grubu beta-laktam/beta-laktamaz inhibitörü kombinasyonu olarak belirlendiğinden başta bu grup olmak üzere tedavilerinde antibiyotik kullanılan hastalarda klinik şüphe durumunda toksin pozitif *C. difficile*'nin belirlenmesi önem arz etmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Yaş ortalaması, cinsiyet ve klinik bölüm ile toksin pozitifliğinin ilişkisi

Özellik		Pozitif		Negatif		p değeri
		Medyan (min.-max.)		Medyan(min.-max.)		
Yaş Ortalaması		56,00 (1-94)		51,00 (0-104)		0,253
		n	%	n	%	
Cinsiyet	Kadın	53	9,9	480	90,1	0,706
	Erkek	44	9,2	432	90,8	
Klinik Bölüm	Dahili Poliklinikler	55	8,2	616	91,8	0,140
	Dahili Servisler	31	13,7	195	86,3	
	Cerrahi Poliklinikler	1	14,3	6	85,7	
	Cerrahi Servisler	1	5,0	19	95,0	
	Yoğun Bakım Ünitesi	9	10,6	78	89,4	
Toplam		97	100	912	100	

Anahtar Kelimeler: {*Clostridium difficile*}, toksin, gaita

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 073

Disseminated Gonococcal Infection In A Patient Receiving Eculizumab Treatment

Şeyma Kurul¹, Bahar Akgün Karapınar¹, Kıvanç Koruk², Sevgi Beşışık², Betigül Öngen¹

¹Istanbul Faculty of Medicine, Department of Microbiology, Istanbul University, Istanbul, Turkey

²Istanbul Faculty of Medicine, Department of Internal Medicine, Division of Hematology, Istanbul University, Istanbul, Turkey

Introduction and purpose: *Neisseria gonorrhoeae*, an encapsulated bacterium causing genital infections and transmitted sexually, can pose risks for individuals with terminal complement deficiencies. We present a case of disseminated gonococcal infection in a woman treated with eculizumab, an anti-C5 monoclonal antibody.

Materials and Methods: A 27-year-old woman with nausea, vomiting, arthralgia, malaise, and a deteriorated condition presented to the emergency department. Her medical history included paroxysmal nocturnal hemoglobinuria treated with eculizumab for 5 years, as well as unprotected sexual activity and genital condyloma. The physical examination was unremarkable except for pyrexia. To evaluate for febrile neutropenia, blood and urine cultures were collected, along with a full blood count and inflammation biomarkers. The results were as follows: white blood cells: $1 \times 10^3/\mu\text{l}$, neutrophils: $0.52 \times 10^3/\mu\text{l}$, C-reactive protein: 25.73 mg/L. The urine culture showed no significant bacterial growth. Two sets (four bottles) of blood cultures were incubated in the Bactec FX system (Becton Dickinson, USA). After 24 hours, Gram-negative diplococci with adjacent flattened sides, exhibiting a characteristic arrangement, were detected in both aerobic bottles (Fig. 1). The organisms grew as small, convex, transparent, non-hemolytic colonies on 5% sheep blood agar (Fig. 2A) and as grayish-white, mucoid colonies on chocolate agar (Fig. 2B), where they tested positive for oxidase and catalase. The passage on the selective medium (modified Thayer-Martin agar) revealed distinct pinkish-brown colonies. The bacteria were identified as *Neisseria gonorrhoeae* using conventional methods, the Vitek-2 Compact system (bioMérieux, France), and MALDI-TOF MS (bioMérieux, France). The remaining two blood cultures were reported as sterile. Antibiotic susceptibility testing was performed and interpreted according to Clinical and Laboratory Standards Institute criteria. Disk diffusion testing showed intermediate susceptibility to tetracycline, resistance to ciprofloxacin, and susceptibility to ceftriaxone. The minimal inhibitory concentration of penicillin, determined by the gradient test, was 0.38 mg/L. Following treatment with intravenous ceftriaxone and oral doxycycline, the patient's condition improved, and follow-up blood cultures were negative.



Figure 1

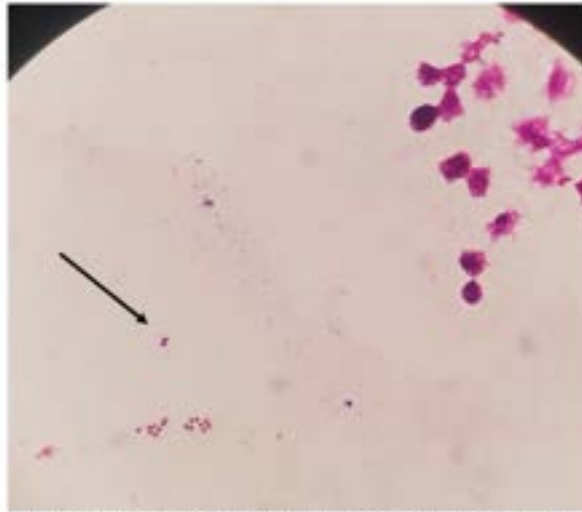


Figure 1. Gram negative diplococci on Gram stain of blood culture

Gram negative diplococci on Gram stain of blood culture

Figure 2



Figure 2. *Neisseria gonorrhoeae* colonies on blood agar (A) and chocolate agar (B) after 48 hours of incubation in a CO₂ incubator.

Neisseria gonorrhoeae colonies on blood agar (A) and chocolate agar (B) after 48 hours of incubation in a CO₂ incubator.

Findings and Conclusion: Although rare, invasive *N. gonorrhoeae* infection, which can harbor life-threatening complications, should be considered, particularly in patients on complement inhibitors like eculizumab.

Keywords: Eculizumab, Disseminated Gonococcal Infection, *Neisseria gonorrhoeae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 074

Pozitif Kan Kültürlerinden Gram Boyama ile Koagülaz Negatif Stafilokokların Hızlı Tanımlanması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı¹, Sümeyye Özkaya¹, Banu Sancak², Kemal Bilgin¹, Demet Gür Vural¹, Asuman Birinci¹

¹Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun, Türkiye

²Hacettepe Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: Koagülaz-negatif stafilokoklar (KNS) kan kültürlerinden izole edilen en yaygın kontaminant mikroorganizmalardan biridir. *Staphylococcus aureus* ise yüksek mortalite ve morbidite ile ilişkili olduğundan hızlıca saptanıp tedaviye başlanmalıdır. Gram boyamada kümeler halinde gram pozitif kokların görülmesi, stafilokok türlerini düşündürür, ancak *S. aureus* 'un koagülaz negatif stafilokoklardan ayırt edilmesi genellikle organizma katı besiyerinde üredikten sonra yapılabilir. Bu durum virülans farklılıkları ve KNS'lerin kontaminant olarak izole edilmesinin sıklığı göz önüne alındığında önemlidir. Çalışmamızın amacı; Gram boyamanın morfolojik özelliklerinin *S. aureus* veya KNS'nin tanımlama süresini kısaltarak klinisyeni doğru tedaviye yönlendirmeye yardımcı olmaktır.

Gereç ve Yöntem: Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gelen kan kültürlerinden pozitif sinyal veren 85 örnek incelendi. Rutin kan kültürü şişeleri BD BACTECTM FX (Becton Dickinson, ABD) sisteminde inkübe edildi. Pozitif olarak sinyal veren şişeler çıkarıldı ve standart yöntemler kullanılarak Gram boyası yapıldı. Çalışmamıza, Gram boyasında *Staphylococcus* spp.'ye benzeyen Gram pozitif koklar dahil edildi. Ayrıca bu izolatların tanımlanması MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics, Bremen, Almanya) otomatize sistemi ile yapıldı. Gram boyamalı kan kültürü yaymalarında "dört yapraklı yonca (FLC)" görüntüsünün varlığı KNS'lerin tanımlanmasında kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 85 izolatın 71'inde Gram boyalı mikroskopik incelemesinde FLC yapısı görülürken 14'ünde FLC yapısı görülemedi. FLC yapısı görülen 71 izolatın kültür sonuçlarına göre 69'unun KNS, 1'inin *S. aureus*, 1'inin KNS+*S. aureus* olduğu belirlenmiştir. FLC yapısı görülmeyen 14 suşun kültür sonuçlarına göre ise 4'ünün *S. aureus*, 10'unun KNS olduğu saptanmıştır. Kan kültürü yaymalarında FLC yapısı içeren ve içermeyen mikroskop görüntüleri Şekil 1 ve Şekil 2'de gösterilmiştir. Kültür referans yöntem olarak ele alındığında FLC yapısı ile KNS tanımlama yönteminin duyarlılık, özgüllük, pozitif prediktif değer ve negatif prediktif değer sonuçları sırasıyla; %87,3, %80, %98,57, %28,57 olarak belirlenmiştir. KNS'ler uzun süredir kommensal ve kontaminant bakteriler olarak değerlendirilmelerine karşın, son yıllarda yapılan çalışmalar bazı KNS türlerinin enterotoksin üretebildiğini, ayrıca insanlarda patojenik etkilerinin olduğunu göstermiştir. Bu Gram boyama tabanlı yaklaşım, uygun maliyetli ve zaman açısından etkili bir yöntem olarak görünmektedir, izolat sayısının daha artırılarak çalışılmasının yararlı olacağı düşünülmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

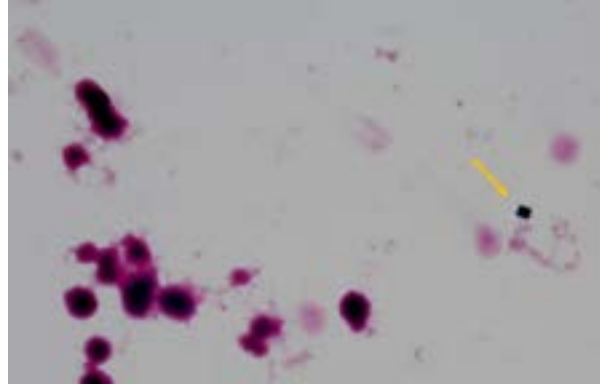
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

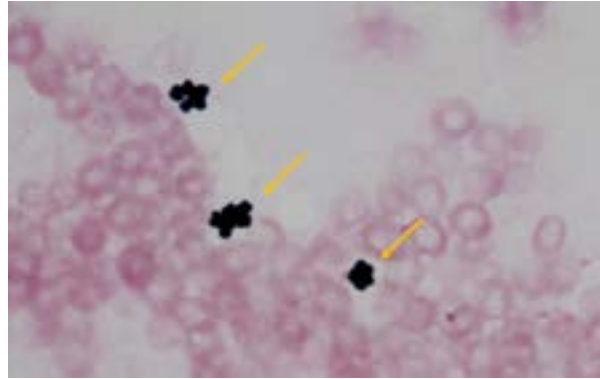
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1: FLC yapısı içeren mikroskop görüntüsü



Şekil 2: FLC yapısı içermeyen mikroskop görüntüsü



Anahtar Kelimeler: FLC, Koagülaz Negatif Stafilokok, *Staphylococcus aureus*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 075

Klinik Örneklerden Soyutlanan *Enterococcus* spp. Kökenlerine Karşı Antibiyotik ve Antiseptik Kombinasyonlarının Araştırılması

Nuray Filiz², Yener Özel¹, Gülhan Vardar Ünlü¹

¹Balıkesir Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Balıkesir

²Balıkesir Üniversitesi Sağlık Bilimleri Enstitüsü Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Balıkesir

Giriş ve Amaç: Günümüzün önemli sorunlardan biri antimikrobiyal dirençtir ve Dünya Sağlık Örgütü'nün "yüksek öncelikli" olarak adlandırdığı patojenlerden biri enterokoklardır. Antibiyotik direncine alternatif yaklaşımlardan biri kombinasyon stratejileridir. Klinik örneklerden enterokok kökenleri oldukça fazla soyutlanmakta olup, başarısız dental endodontik tedaviler sonucunda gelişen sekonder apikal periodontitiste ise en çok *Enterococcus faecalis* öne çıkmaktadır. Bu çalışma ile *Enterococcus* kökenlerinde antibiyotiklerden ampicilin (AMP), linezolid (LZD), tigesiklin (TGC), vankomisin (VA) ile antiseptiklerden borik asit (BA), etilendiamintetraasetik asit (EDTA), klorheksidin (CHX), sitrik asidin (CA) antibakteriyel etkinliği ve antibiyotik-antiseptik kombinasyonlarının incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, 46 adet yara ve 4 adet rektal sürüntü örneğinden soyutlanmış, 30 *Enterococcus faecalis* ve 20 *Enterococcus faecium* olmak üzere toplamda 50 enterokok kökeni kullanılmıştır. Çalışma boyunca kontrol kökeni olarak *E. faecalis* ATCC 29212 ve *E. faecium* ATCC 6057 kullanılmıştır. Antibiyotik ve antiseptiklerin minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değerleri European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing kriterlerine göre sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle, kombinasyon testleri ise dama tahtası yöntemiyle belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: *E. faecalis* kökenlerinin MİK değerleri; ampicilin için 0.5-320 µg/mL aralığında olup % 3'ü dirençli, % 97'si duyarlı, linezolid için 1-4 µg/mL aralığında olup tümü, tigesiklin için 0.03-0.12 µg/mL aralığında olup tümü ve vankomisin için 0.5-4 µg/mL aralığında olup tümü duyarlı tespit edilmiştir. *E. faecium* kökenlerinin MİK değerleri; ampicilin için 2-1280 µg/mL aralığında olup, % 80'i dirençli, % 20'si duyarlı, linezolid için 0.25-4 µg/mL aralığında olup tümü, tigesiklin için 0.03-0.12 µg/mL aralığında olup tümü duyarlı, vankomisin için 0.5-640 µg/mL aralığında olup % 30'u dirençli, % 70'i duyarlı, olarak tespit edilmiştir. Antiseptiklerin *E. faecalis* kökenlerinde MİK değerleri; BA için 250- 10000 µg/mL, EDTA için 195.31-781.25 µg/mL, CHX için 1.95-31.25 µg/mL, CA için 250- 4000 µg/mL, *E. faecium* kökenlerinde MİK değerleri ise BA için 1250-10000 µg/mL, EDTA için 195.31-781.25 µg/mL, CHX için 1.95-15.62 µg/mL, CA için 500-4000 µg/mL aralığında tespit edilmiştir. Kombinasyon analizlerinde, vankomisin ile sinerjik etkileşim en fazla *E. faecalis* kökenlerinde CHX, *E. faecium* kökenlerinde ise EDTA ile tespit edilirken, ampicilin ile sinerjik etkileşim en fazla her iki kökende BA ile tespit edilmiştir. Çalışılan kombinasyonların hiçbirinde antagonizma görülmemiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Dirençli enterokokların cilt lezyonları tedavisinde ve dental açıdan kanal içi kullanımda antibiyotikler ile antiseptiklerin kombinasyonu kullanılabilir.

Anahtar Kelimeler: *Enterococcus* spp., Antiseptik, Dama tahtası

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 076

***Trueperella bernardiae* Cerrahi Alan Enfeksiyonu: Türkiye’den Bildirilen İlk Vaka**

Zafer Habip¹, Tansu DüNDAR², Abdurrahman Okutan³, Mahmut Tayyar Kalcıoğlu³

¹İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²İstanbul Göztepe Süleyman Yalçın Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

³İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi Kulak Burun Boğaz Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Trueperella bernardiae*, cilt ve üst solunum yolu mikrobiyotasında bulunan Gram pozitif fakültatif anaerobik difteroid bir basildir. Bakterinin özellikle immünsüpresif hastalarda, cerrahi alan enfeksiyonu, bakteriyemi gibi çeşitli enfeksiyonlara neden olabileceğini gösteren bildiriler bulunmaktadır. Bu raporda, uzun süreli uyuşturucu kullanım hikayesi ve kronik süpüratif otitis media tanısı olan bir hastada, kolesteatoma yönelik ameliyat sonrasında, cerrahi alan enfeksiyonu etkeni olarak saptanan bir *Trueperella bernardiae* olgusu sunmaktayız.

Gereç ve Yöntem: Beş ay önce sol dış kulak yolu akıntısı şikayetleri başlayan ve kullandığı antibiyotiklere rağmen akıntısı azalmayarak, işitme kaybı, çınlama, baş ağrısı şikayetleri de eklenen 24 yaşındaki erkek hasta, Kulak Burun Boğaz polikliniğine başvurmuştur. Hasta, 6 yaşında otitis media enfeksiyonuna bağlı sol kulağa ventilasyon tüpü takıldığını ve 6 yaşından beri oral ve topikal antibiyotikler ile gerileyen, aralıklı dış kulak yolu akıntıları olduğunu ifade etmiştir. Radyolojik görüntülemelerde, dış kulak yolunu, mastoid kemiği ve petröz apeks kısmını dolduran kolesteatom ile uyumlu görünüm izlenen hasta, radikal mastoidektomi+sol petrozektomi ameliyatına alınmıştır. Ameliyat sonrası kulaktan kan gelme şikayeti olan hastaya eksploratif timpanotomi yapılmış ve Seftriakson ve Klaritromisin antibiyoterapisi başlanmıştır. Ameliyat sonrasındaki 2. haftada hasta, postaurikuler insizyon bölgesinde ödem, hiperemi, akıntı ve şişlik şikayeti ile polikliniğe başvurmuş ve ameliyat bölgesinden yara sürüntü kültürü alınmıştır (Resim 1-2). Polimikrobiyal anaerobik enfeksiyon düşünülmesi nedeniyle Mikrobiyoloji laboratuvarı tarafından aspirat kültürü önerilmiş ve 4 gün sonra yara yerinden alınan aspirat numunesinden aerob ve anaerob kültür yapılmıştır. %5 Koyun Kanlı Agar ve Çikolatamsı Agar besiyerlerinde üreyen koloniler MALDI-TOF MS (Vitek MS, BioMerieux, Fransa) ile tanımlanmış, antibiyotiklerin MİK (minimum inhibitör konsantrasyon) değerleri, gradient test yöntemi ile belirlenmiştir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Resim-1: İnsizyon bölgesinde oluřan abse



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Resim-2: Besiyerinde üreyen *Trueperella bernardiae* kolonileri



Bulgular ve Sonuç: Yara kültüründe, Gram boyama incelemesinde bol lökosit, Gram(+) basil, Gram(-) basil ve Gram(+) kok görülmüştür ve *Trueperella bernardiae* üremesi saptanmıştır. Belirlenen MİK değerleri Tablo-1’de gösterilmiştir. Aspirat kültüründe, anaerobik inkübasyon ile *Trueperella bernardiae*’nin yanı sıra *Staphylococcus epidermidis*, *Fingoldia magna* ve *Prevotella buccalis* üremesi saptanmıştır. Kültür sonrası hastaya Vankomisin ve Piperasilin-Tazobaktam tedavisi başlanmış, hastada Vankomisine bağlı Red Man Sendromu görülmesi üzerine Vankomisin, Linezolid ile değiştirilmiştir. Bir haftalık tedavi sonunda hastanın şikayetleri gerilemiş ve hasta taburcu edilmiştir. Bu vaka bildiğimiz kadarıyla, Türkiye’den bildirilen ilk *Trueperella bernardiae* olgusudur. Olgumuz, *Trueperella bernardiae*’nin, immünsüpresif hastalarda ve İV ilaç bağımlılarında, anaerobik bakterilerle birlikte polimikrobiyal cerrahi alan enfeksiyonlarına neden olabileceğini vurgulamaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Gradient test ile belirlenen MİK değerleri

Antibiyotik	MİK değeri
İmipenem	0,01 µg/ml
Vankomisin	0,125 µg/ml
Linezolid	0,38 µg/ml

Trueperella bernardiae için bazı antibiyotiklere ait belirlenen MİK değerleri

Anahtar Kelimeler: *Trueperella bernardiae*, Otitis media, Cerrahi alan enfeksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 077

Nükleaz enziminin *Pseudomonas aeruginosa* PAO1 biyofilmini degradasyonu

Zeynep Erdem Aynur, Gamze Başbülbül, Bülent Bozdoğan

Aydın Adnan Menderes Üniversitesi Rekombinant DNA ve Rekombinant Protein Merkezi Aydın/Türkiye

Giriş ve Amaç: Nükleazlar, polimerize nükleik asitleri daha küçük parçalara veya monomerlere ayıran enzimlerdir. Bu enzimler, hücre bölünmesi için gerekli nükleotidlerin elde edilmesi, DNA onarımı ve rekombinasyonu, apoptoz sırasında DNA'nın parçalanması, enfeksiyon ajanı olma veya enfeksiyona karşı savunma ve enfektif bakterilerin biyofilm katmanlarının parçalanması gibi birçok biyolojik aktivitede önemlidir. Bu çalışmamızda rekombinant olarak üretilen nükleaz enziminin PAO1 izolatının oluşturduğu biyofilm tabakasına etkisi araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: *Streptococcus pyogenes*'ADUYE1 izolatında bulunan streptodornaz-3 için uygun primerler dizayn edilmiş, PCR işleminin ardından klonlama işlemi yapılmıştır. Konfirme edilen örneklerden total protein ekstraktı hazırlanmış ve immobilize metal affinite kromatografi yöntemi kullanılarak purifiye edilmiştir. Purifiye edilen proteinler SDS-Page görüntüleme yöntemiyle doğrulanmıştır. Saf olarak elde edilen nükleazın *Pseudomonas aeruginosa* PAO1 izolatında ki anti- biyofilm etkisi, kristal viyole yöntemiyle değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Klonlamanın ardından doğrulama amacıyla sekans analizi yapılan rekombinant nükleaz ile spd3 geni ile 5 amino asitlik fark bulunduğu için rekombinant üretimi gerçekleştirdiğimiz enzim SpdAZ olarak adlandırılmıştır. Rekombinant SpdAZ'ın PAO1 izolatındaki mature biyofilm üzerinde ki azaltma etkisi, 74,28% olurken, biyofilm önleyici etkisi 82,62% olarak bulunmuştur. Bu çalışmada, *S. pyogenes* ADUYE1 izolatından klonlanan ve rekombinant olarak üretilen SpdAZ enziminin, *Pseudomonas aeruginosa* PAO1 izolatının biyofilm oluşumunu önemli ölçüde azalttığı ve önlediği gösterilmiştir. Elde edilen veriler, nükleazın, güçlü bir antibiyofilm ajanı olarak kullanılma potansiyeline sahip olduğunu ortaya koymaktadır.

GenBank SU067763.1. erişim numaralı spd3 proteini ile GenBank WVD56278.1 erişim numaralı spdAz proteininin amino asit dizilerinin karşılaştırılması.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



```
Spd3      MSKSNRRPTWQGLVVILAILTTFTTSTVTAARKIRNFPD
SpdAZ      *****DH*****

Spd3      [REDACTED]
SpdAZ      [REDACTED]

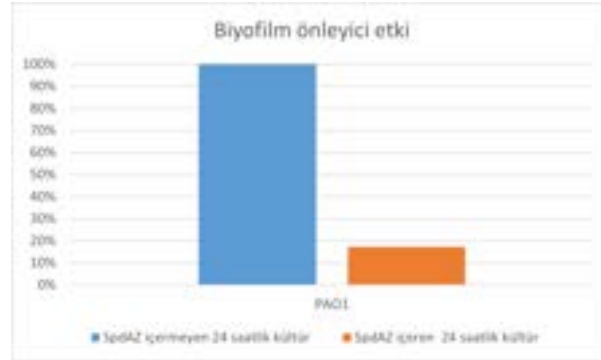
Spd3      [REDACTED]
SpdAZ      [REDACTED]

Spd3      TPVYHKNELVPRQVVLQYVGIDENGDLQIKLGSEKESVDNFGVTSVTLDNVSPLAELDY
SpdAZ      *****

Spd3      QTGMMLDSTQNEEIVI
SpdAZ      *****TKK*****
```

Birinci sırada SU067763 kodlu spd3 proteini ikinci sırada.kodlu WVD56278.1 SpdAZ proteinine ait amino asit sekansı yer almaktadır. Figürde kırmızı ile belirtilen amino asitler farklı olan amino asitleri göstermekteyken, sarı ile işaretli olan kısım proteinin aktif bölgesini göstermektedir.

Rekombinant SpdAZ'ın *Pseudomonas aeruginosa* PAO1 izolatındaki biyofilm önleyici etkisi



Bu çalışmada, bakteri ile son konsantrasyonu 1 µg/ml olacak şekilde ayarlanan rSpdAZ' dan aynı hacimde alınarak birlikte 24 saat boyunca inkübasyona bırakılmıştır. rSpdAZ yokluğunda ve varlığında oluşan biyofilm sırasıyla mavi ve turuncu renkli sütunlarda gösterilmektedir. rSpdAZ'ın 82,62% oranında biyofilm oluşumunu engellediği saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Rekombinant SpdAZ'ın, *Pseudomonas aeruginosa* PAO1 izolatının oluşturduğu olgun biyofilm tabakası üzerine etkisi



Pseudomonas aeruginosa PAO1 izolatının 24 saat biyofilm oluşturması sağlanmıştır. Süre sonunda bakteri kültürünün üzerine son konsantrasyonu 1 µg/ml olacak şekilde ayarlanan rSpdAZ'dan bakteri kültürü ile aynı hacimde (100µl) ilave edilmiş ve 24 saat boyunca inkübasyona bırakılmıştır. rSpdAZ yokluğunda ve varlığında oluşan biyofilm sırasıyla mavi ve turuncu renkli sütunlarda gösterilmektedir. rSpdAZ, olgun biyofilm tabakasına 74,2% oranında etki etmiştir.

Anahtar Kelimeler: antibiyofilm, RekombinantSpdAZ, {*Pseudomonas aeruginosa*} PAO1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 078

Kan Dolaşımı Enfeksiyonlarında Etken ve Direnç Profiline Konvansiyonel Yöntemler ve Multiplex RT-PCR Yöntemi ile Karşılaştırılması

Derya Çakır Erdoğan¹, Serpil Semiha Çuğlan¹, Gülşah Ece Özmerdiven¹, Faruk Çelik², Arzu İrvem¹

¹Kanuni Sultan Süleyman Eğitim Ve Araştırma Hastanesi

²Bioeksan ArGe teknolojileri araştırma birimi

Giriş ve Amaç: Sepsis ön tanısı olan hastalarda etkeni erken saptayabilmek ve etkene yönelik tedaviye erken başlayabilmek için pozitif sinyal veren kan kültür şişesinden Multiplex Real Time PCR yöntemi ile etkeni ve direnç gen profilini belirlemek ve konvansiyonel yöntemler ile kıyaslaması yapılarak erken mikrobiyolojik tanı sürecine olan katkı sağlanması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışma, Mart 2024-Haziran 2024 tarihleri arasında prospektif olarak gerçekleştirilmiştir. Sepsis ön tanısı ile 100 hasta çalışmaya dahil edilmiştir. Hastalardan en az iki set kan kültürü aseptik şartlarda alınmıştır. Kan kültürü şişeleri BACT/ALERT 3D (bioMérieux, Fransa) cihazına yüklenmiştir. Kan kültürü şişeleri pozitif üreme sinyali verdikten sonra hem Primer Probe Reaktifleri (Bioeksan, Türkiye) ile multipleks Rt-PCR yöntemi kullanılarak hem de konvansiyonel kültür yöntemleri ile çalışılmıştır. Besiyerinde üreyen mikroorganizmaların tanımlanması için MALDI-TOF MS (bioMérieux,Fransa) ,antibiyotik duyarlılık testleri, VITEK 2 Compact (bioMérieux,Fransa) otomatize sistemiyle, EUCAST 2024'e göre yorumlanmıştır. Antibiyotik duyarlılık testlerinde Gram negatif bakterilerde karbapenem, stafilokoklarda sefoksitin, enterokoklarda vankomisin direnci araştırılmıştır.Rt-PCR ile VIM,NDM,KPC,OXA 48,MecA/C ,Van A,B,C direnç genleri çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Kan kültüründen izole edilen 100 etkenin 90'ı Rt-PCR ile saptandı. Saptanamayan 10 etkenin ikisi, PCR primer dizaynı olmasına rağmen *E.coli* , sekizi PCR primer dizaynı bulunmayan (4 *C.auris*, 1 *B.cepacia*, 1 *S. paucimobilis*, 1 *E.gallinarium*, 1 *R. pickettii*) mikroorganizmalardı. PCR ile pozitif saptanan 90 örneğin 68'i kültür ile üretilen mikroorganizma ile aynıydı. PCR ile saptanan 14 örnekte ikili izolat tespit edildi (6 örnekte olası kontaminant *Staphylococcus* spp.,4 örnekte enterokok, 4 örnekte ise *Candida* türleri). Kültür sonucu ikili mikroorganizma üreyen 8 örneğin, PCR da beşinde aynı ikili mikroorganizma saptanırken, üçünde tek mikroorganizma saptandı. PCR da saptanamayan mikroorganizmalar *E.fecalis*, *C.tropicalis* ve primer dizaynı olmayan *C.auris*'ti. Kültürde üreyen üç *E.fecalis* örneğini; RT-PCR çalışmasında ikisine *Staphylococcus* spp, birine *S.aureus* olarak isimlendirmiştir. Kültürde 7 metisilin dirençli, 8 metisilin duyarlı *S.aureus* raporlanmışken, PCR da 9 *S.aureus* için mecA/C geni pozitif saptanmıştır. Kültürde üreyen 23 Gram negatif bakteri karbapenemlere dirençli bulunmuştur, bu örneklerin 14'ünde PCR ile VIM,NDM,KPC veya OXA 48 pozitif tespit edilmiştir. On üç *E.faecium* üreyen kan kültürü örneğinin 9'u vankomisin dirençli raporlanmış, hepsinde PCR çalışması ile vanA pozitif bulunmuştur.Kan dolaşım yolu enfeksiyonu olan hastalarda,multipleks PCR yönteminin etkenin ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



antibiyotik direnç gen profilinin erken saptanması açısından etkin olduğu,PCR ile saptanamayan etkenler için yeni primer dizaynları geliştirilmesi gerektiği düşünülmüştür.

Çalışılan yöntemlerle tespit edilen etkenlerin ve direnç profilinin dağılımı

ETKEN	Kültür (n)	RT PCR (n)	Antibiyogram (n)	Direnç geni PCR(n)
<i>Staphylococcus spp.</i>	1	8	-	MecA (8)
<i>S.aureus</i>	15	15	FOX (R:7, S:8)	Mec A (9)
<i>E. faecium</i>	13	16	VA (R:9, S:4)	Van A (12)
<i>E.faecalis</i>	6	7	VA (S:7)	VanA(1)MecA(3)
<i>E.gallinarium</i>	1	0		
<i>K. pneumoniae</i>	15	15	KPN(R:10, S:5)	OXA-48 (5),NDM (2),KPC(5)
<i>K.oxytoca</i>	1	1	KPN (S:1)	-
<i>E.coli</i>	11	9	KPN (R:0)	NDM(1), OXA 48(1) VIM (1)
<i>A.baumannii</i>	9	9	KPN (R:9)	VIM (1), KPC(1)
<i>P.aeruginosa</i>	4	4	KPN (R:3)	NDM(1), VIM(1)
<i>S.maltophilia</i>	2	2		
<i>C. albicans</i>	4	8		
<i>C. glabrata</i>	3	3		
<i>C. parapsilosis</i>	8	9		
<i>C.tropicalis</i>	3	2		
<i>C. krusei</i>	1	1		
<i>C.auris</i>	6	0		
<i>B.cepacia</i>	1	0		
<i>R. pickettii</i>	1	0		

FOX:Sefoksitin,VA:Vankomisin,KPN:Karbapenemler

Anahtar Kelimeler: Sepsis, PCR, Kültür

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 079

Klinik Örneklerden İzole Edilen *S. aureus* İzolatlarının Beş Yıllık Antibiyotik Direnç Profili

Özlem Kirişçi, Abdullah Havan

Kahramanmaraş Sütçü İmam Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada çeşitli klinik örneklerden izole edilen *S. aureus* izolatlarının antibiyotik direnç profilinin 5 yıllık retrospektif olarak incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Kahramanmaraş Sütçü İmam Üniversitesi Araştırma ve Uygulama Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na Ocak 2019 - Aralık 2023 tarihleri arasında gönderilen örneklerin antibiyotik direnç profili retrospektif olarak incelenmiştir. Her hastadan tekrarlayan üremelerden ilk izolat çalışmaya alınmıştır. Örneklerin kültürü için %5 koyun kanlı agar, çikolata agar ve Eosin Metilen Blue (EMB) agar (BD, ABD) kullanılmıştır. İzolatların identifikasyonu ve antibiyotik duyarlılık testleri BD PHOENIX M50 (BD, ABD) otomatize cihazıyla EUCAST kriterlerine göre yapılmıştır. Kalite kontrol olarak, *S. aureus* ATCC-25923 suşu kullanılmıştır. Elde edilen veriler yüzde (%) ve sayı (n) olarak sunulmuştur.

Bulgular ve Sonuç: 1653 *S. aureus* izolatı tanımlanmıştır. İzolatların; %32'si yoğun bakım, %30.6'sı servis, %37.4'ü poliklinik hastalarına ait kültürlerden izole edilmiştir. İzolatlar, en sık sırasıyla yara (%41.4), solunum yolu (%23.1) ve kan (%16.5) örneklerinden izole edilmiştir (Tablo 1). Beş yılda izole edilen toplam 1653 *S. aureus*'un %44.8'i metisiline dirençli *S. aureus* (MRSA) olarak tanımlanmıştır. Metisilinde direncin yıllar içinde giderek arttığı gözlenmiştir (Grafik 1). *S. aureus* izolatlarında vankomisin, teikoplanin, linezolid ve daptomisin direncine rastlanmazken izolatların hiçbirinde vankomisin ve teikoplanin için MİK 1 µg/ml ve üzeri değer saptanmamıştır. Fusidik asitin duyarlılığı beş yılda (%90.9) oldukça yüksek bulunmuştur. Trimetoprim-sulfametoksazolde görülen düşük direnç (%3.7) sebebiyle bu ilacın komplike olmayan enfeksiyonların ampirik tedavisinde alternatif olabileceği düşünülmüştür. Klindamisinde gözlenen yüksek direnç oranının (%28,3), özellikle deri ve yumuşak doku enfeksiyonlarında monoterapide sık kullanılmasından kaynaklandığını düşünmekteyiz. Gentamisin direncinde son iki yılda (2022-2023) görülen azalmada (sırasıyla %3.9 - 0.8), bu antibiyotikğin monoterapide kullanılmamasından, klinik spektrumunun dar olmasından, deri ve yumuşak doku enfeksiyonlarında tercih edilmemesinden kaynaklandığı söylenebilir. Eritromisinde görülen yüksek direnç (%29.4) oranı, ciddi *S. aureus* enfeksiyonlarında kullanımını sınırlamaktadır. Güçlü gram pozitif etkinliğe sahip olmasından dolayı kinolon grubu antibiyotikler, sıklıkla duyarlı bulunmuştur. Tetrasiklin ve rifampin direnç oranlarındaysa inişli çıkışlı oranlar tespit edilmiştir (Grafik 2). Çalışmamızın en büyük kısıtlılıklarından biri metisilin direncini otomatize sistemle belirlememizdir. İzolatlardaki metisilin direncinde beş yıl içinde ülkemiz ortalamasının üstünde artış göstermiş, bu durumu metisilin direncinin BD PHOENIX M50 (BD, ABD) cihazıyla belirlenmesine bağlamaktayız. Dolayısıyla, uygun antibiyotikğin kullanımı açısından direnç profillerinin düzenli aralıklarla izlenmesi, sürveyans verileri dikkate alınarak antibiyotiklere direnç oranının artmasının önlenmesi önem taşımaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

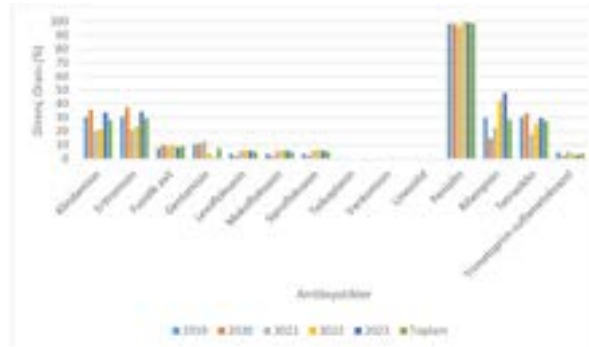
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik 1: *S. aureus*'un metisilin direncinin yıllar içindeki değişimi [%].



Grafik 2: *S. aureus* izolatlarının beş yıllık antibiyotik direnç profili [%].



Tablo 1. *S. aureus* izolatlarının örneklere ve yıllara göre dağılımı [n].

Örnek	2019	2020	2021	2022	2023	Toplam
Yara	182	146	154	128	134	744
Trakeal Aspirat / Balgam / BAL	78	48	64	65	105	360
Kan	46	58	49	56	63	272
İdrar	25	13	15	26	16	95
Diğer	33	21	32	60	36	182
Toplam	364	286	314	335	354	1653

Anahtar Kelimeler: *S. aureus*, antibiyotik direnci, süveyans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 080

**Yaygın ilaca dirençli *Klebsiella pneumoniae* izolatlarında Seftazidim/Avibaktam,
Seftolozan/Tazobaktam ve Meropenem/Vaborbaktam duyarlılığının araştırılması**

Özlem Aydemir, Belgin Eda Misi, Mehmet Köroğlu

Sakarya Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Sakarya

Giriş ve Amaç: Yaygın ilaca dirençli (YİD) *Klebsiella pneumoniae*'nin neden olduğu enfeksiyonlar son yıllarda büyük bir sorun haline gelmekte ve kritik hastalarda yüksek morbidite ve mortaliteye neden olmaktadır. Bu durum, yeni ilaçlar geliştirme ihtiyacını ortaya çıkarmaktadır. Son yıllarda bu ihtiyaca cevap vermek üzere birkaç yeni antibiyotik onay alıp kullanıma girmiştir. Bu çalışmada, Seftazidim/Avibaktam (CZA), Seftalozan/Tazobaktam (C/T) ve Meropenem/Vaborbaktam'ın (MVB) *Klebsiella pneumoniae* izolatlarında duyarlılık oranlarının incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza 12.08.2023-12.08.2024 tarihleri arasında hastanemizin yoğun bakım ünitelerinden ve yataklı servislerinden gönderilen örneklerden izole edilen *Klebsiella pneumoniae* suşları (n=168) ve bunların antimikrobiyal duyarlılık test sonuçları geriye dönük olarak hastane otomasyon sisteminden tarandı. Aynı hastanın aynı numunesinden tekrarlayan suşların sadece bir tanesi çalışmaya dahil edildi. Suşların tür düzeyindeki tanımlaması için VITEK MS (BioMérieux, Marcy-l'Étoile, Fransa) cihazı kullanıldı. Suşların antimikrobiyal duyarlılık testleri VITEK 2® (BioMérieux, Fransa) otomatik sistemi ile yapıldı. Antimikrobiyal duyarlılık testlerinin sonuçları güncel EUCAST (v 14.0) kılavuzuna göre yorumlandı. Suşların tümü yaygın ilaca dirençli idi. Üç veya daha fazla farklı grup antimikrobiyal ajana dirençli olan suşlar yaygın ilaca dirençli olarak kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamıza dahil edilen suşların 126'sı (%75) yoğun bakım hastalarının klinik örneklerinden, 42'si yataklı servisteki hastaların klinik örneklerinden izole edildi. Suşların 51'i (%30.35) kan, 40'ı (%23.8) trakeal aspirat, 32'si (%19.04) idrar, 21'i (%12.5) diğer örnek, 13'ü (%7.73) balgam, 7'si (%4.16) aspirasyon sıvısı, 2'si (%1.19) kateter, biri bronkoalveolar lavaj sıvısı (BAL) ve biri periton sıvısı kültüründen izole edildi (Tablo). 168 suşun 71'i (%42.26) Seftazidim/Avibaktam'a dirençli saptanırken 97'si (%57.73) duyarlı saptandı. En yüksek direnç oranı; balgam örneklerinde üreyen suşlarda (%61.53) saptandı (Tablo). Suşların 86'sında (%51.19) Meropenem/Vaborbaktam direnci saptandı. En yüksek direnç oranı; balgam örneklerinde üreyen suşlarda (%76.92) saptandı. Suşların 165'inde (%98.21) Seftolozan/Tazobaktam direnci saptandı. Trakeal aspirat örneklerinden üreyen 2 suşta (%5) ve kan kültüründe üreyen 1 suşta (%1.96) Seftolozan/Tazobaktam duyarlı saptandı. Yaygın ilaca direnç paterni gösteren suşların Seftolozan/Tazobaktam'a da dirençli olduğu saptanmıştır. Merkezimizde karşılaştığımız yüksek direnç oranları, ümit vadeden kombinasyonlar olarak piyasaya sürülen yeni antibiyotiklerin dirençli Enterobacterales enfeksiyonlarının tedavisinde daha dikkatli olmamız gerektiğini göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo

Numune	n	Seftazidim/Avibaktam		Ceftolozane/Tazobactam		Meropenem/Vaborbactam	
		S n (%)	R n (%)	S n (%)	R n (%)	S n (%)	R n (%)
Kan	51	26 (50.98)	25 (49.01)	1 (1.96)	50 (98.03)	19 (37.25)	32 (62.75)
Trakeal aspirat	40	28 (70)	12 (30)	2 (5)	38 (95)	28 (70)	12 (30)
İdrar	32	22 (68.75)	10 (31.25)	0 (0)	32 (100)	18 (56.25)	14 (43.75)
Diğer	21	10 (47.61)	11 (52.38)	0 (0)	21 (100)	8 (38.09)	13 (61.91)
Balgam	13	5 (38.46)	8 (61.53)	0 (0)	13 (100)	3 (23.07)	10 (76.92)
Aspirasyon örneği	7	4 (57.14)	3 (42.85)	0 (0)	7 (100)	4 (57.14)	3 (42.85)
Kateter	2	1 (50)	1 (50)	0 (0)	2 (100)	1 (50)	1 (50)
Bronkoalveolar lavaj	1	0 (0)	1 (100)	0 (0)	1 (100)	0 (0)	1 (100)
Steril vücut sıvısı	1	1 (100)	0 (0)	0 (0)	1 (100)	1 (100)	0 (0)
Toplam	168	97 (57.73)	71 (42.26)	3 (1.78)	165 (98.21)	82 (48.80)	86 (51.20)

Anahtar Kelimeler: Antimikrobiyal duyarlılık, Klebsiella pneumoniae, Yaygın ilaca direnç.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 081

Meropenem Dirençli *Pseudomonas aeruginosa* Üreyen Klinik Örneklerde Seftazidim-avibactam Duyarlılığının Retrospektif Olarak Araştırılması

Delal Polat Demir, Gülsüm Cengiz Erişen, Selahattin Atmaca, Nida Özcan

Dicle Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli gram negatif basillerin neden olduğu enfeksiyonlar dünya genelinde giderek daha fazla rapor edilmektedir. Seftazidim-avibactam, meropenem dirençli *Pseudomonas aeruginosa* izolatlarına karşı iyi etkinlik gösteren son yıllarda kullanıma giren bir antibiyotik kombinasyonudur. Bu çalışmanın amacı, retrospektif olarak seftazidim-avibactamın meropenem dirençli *P. aeruginosa* klinik izolatlarına karşı duyarlılık oranını araştırmaktır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde 2022-2024 yılları arasında çeşitli hasta örneklerinde üreyen 130 meropenem dirençli *P. aeruginosa* sonuçları sistemden retrospektif olarak incelendi (tablo1)(tablo 2). Aynı hastaya ait tekrarlayan örnekler inceleme dışı bırakıldı. Örnekler BD Phoenix 100 M (Becton Dickinson, Sparks, MD, ABD) ile tanımlanmıştır. Meropenem duyarlılığı BD Phoenix otomatize sistem ile çalışılıp, cihazda minimum inhibitör konsantrasyon (MİK) değeri >8 mg/L üzerinde saptanan örnekler meropenem dirençli olarak kabul edilmiştir. Meropenem dirençli örnekler disk difüzyon yöntemi ile seftazidim-avibactam duyarlılığı çalışılmıştır. Meropenem dirençli *P. aeruginosa* izolatlar Mueller-Hinton agarda Mc Farland 0.5 olacak şekilde ekilip seftazidim-avibactam (10-4 µ) (Bioanalyse, Türkiye) diski konulmuştur. Normal atmosfer basıncında 36,5°C derecede etüvde bekletilip, 20 saat sonunda Avrupa Antimikrobiyal Duyarlılık Testleri Komitesi (EUCAST) kriterlerine göre değerlendirilmiştir. EUCAST kriterlerine göre zon çapı sınır değeri ≥ 17 mm olanlar duyarlı, < 17 mm olanlar dirençli, 16-17 mm arası alanlar teknik belirsizlik zonu olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: 130 meropenem dirençli *P. aeruginosa* örneklerinin 55'i (%42,3) seftazidim-avibactama karşı dirençli, 74'i (%56,9) seftazidim-avibactama karşı duyarlı 1 izolat (%0,7) ise seftazidim-avibactama karşı teknik belirsizlik ortaya çıkmıştır. Verilerimiz seftazidim-avibactamın karbapenem dirençli *P. aeruginosa* enfeksiyonlarının tedavisi için katkı sunabileceğini göstermektedir. Sınırlı tedavi seçeneği bulunan karbapenem dirençli *P. aeruginosa* için akılcı antibiyotik kullanımı önerilmektedir. Seftazidim-avibactam duyarlılığı rutin antimikrobiyal duyarlılık testleri ile takip edilmelidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



TABLO 1

Örnek türü	Örnek sayısı n (%)	CDA duyarlı n	CDA duyarlı n	CDA tekniği başarısız n
Endotrakeal aspirat	41 (80,3)	20	20	
Trakeal aspirat	11(91,6)	6	14	3
İdrar	10(81,6)	2	15	
Kan	17(81,3)	6	11	
Yara	10(80,7)	6	6	
Bilgi yok	3(6,3)	2	5	
Oral	4(9,3)	2	2	
Pnöme	3(6,3)	2	1	
Sifir	2(5,1)	-	2	
İntravasküler kateter	2(5,1)	-	1	
İnfüzyon	3(6,3)	2	-	
Kulak	3(6,3)	1	-	
TOPLAM	110(91,00)	56(42,3)	140(56,3)	1(0,1)

CDA: Seftazidim-avibaktam, n: sayı

Tablo 1: 2022-2024 yılları arası meropenem dirençli *P.aeruginosa* izolatlarının örnek türü dağılımı

TABLO 2

Örnekleme gelişimleri bölge	Örnek sayısı	CDA duyarlı örnek sayısı	CDA duyarlı örnek sayısı	CDA tekniği başarısızlık sayısı
Yoğun bakım	98(97,3)	38	64	3
Klinik	11(9,2)	17	9	
Poliklinik	8(54,5)	4	2	
TOPLAM: 110 (%100)				

CDA: Seftazidim-avibaktam

Tablo 2: 2022-2024 yılları arası meropenem dirençli *P.aeruginosa* izolatlarının yoğun bakım-klinik-poliklinik dağılımı

Anahtar Kelimeler: *Pseudomonas aeruginosa*, Meropenem, Seftazidim-avibaktam

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 082

Üçüncü Basamak Bir Hastanenin Yoğun Bakım Ünitelerinde Takip Edilen Hastalardaki Vankomisine Dirençli Enterokok (VRE) Kolonizasyonunun Araştırılması

Elif Nur Dalkıran Ekşi¹, Emel Çalışkan¹, Nevin İnce², Emel Akbaş¹, İdris Şahin¹, Selma İnce¹

¹Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Vankomisine dirençli Enterokok (VRE) kolonizasyonu; hastaların uzun süre hastanede takip edildiği, antibiyotik tedavisi ve invaziv işlemlerin daha sık uygulandığı yoğun bakım ünitelerinde daha sık görülmektedir. Çalışmamızda hastanemizin yoğun bakım ünitesinde yatan hastalardaki VRE kolonizasyonunun cinsiyet, yaş grubu, takip edilen yoğun bakım ünitesine göre değişiminin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi yoğun bakım ünitelerinde yatan hastalardan bir yıllık zaman diliminde (31 temmuz 2023 - 31 Temmuz 2024) gönderilen rektal sürüntü örnekleri dahil edildi. İlgili yoğun bakımda yatan her hastadan belirli aralıklarla steril eküvyon çubukları ile rektal sürüntü örnekleri alındı. Örnekler laboratuvarımızda VRE kromojenik ağara (Condalab, İspanya) ekilerek, etüvde 37°C'de 18-24 saat inkübe edildi. Üreyen suşların tür düzeyinde belirlenmesi ve antibiyotik duyarlılıklarının saptanması amacıyla Vitek 2 compact (bioMérieux, Fransa) otomatize sistemi kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Bulgular: Laboratuvarımıza çalışma zaman aralığında gönderilen 904 rektal sürüntü örneğinin 79'unda (%8,7) VRE üremesi tespit edilmiştir. 0-18 yaş aralığındaki hasta grubunda saptanan üremenin, 19-65 ve 65 yaş üstü hasta gruplarından anlamlı şekilde düşük olduğu bulunmuştur ($p<0,001$). Kadınlarda VRE pozitifliği %9,6, erkeklerde ise %8,0 oranında saptanmış olup istatistiksel olarak fark saptanmamıştır ($p=0,408$). Hastaların bulundukları kliniklere göre yapılan değerlendirmede ise yenidoğan yoğun bakım ünitesindeki hastalardaki VRE pozitifliğinin (%0,7), dahili yoğun bakım ünitesi (%13,5) ve cerrahi yoğun bakım ünitesinden (%11,3) anlamlı şekilde düşük olduğu bulunmuştur ($p<0,001$) (Tablo 1). Sonuç: Çalışmamızda yenidoğan yoğun bakımdaki hastalardan gönderilen rektal sürüntü örneklerindeki VRE üremesinin diğer yoğun bakımlardan (dahili yoğun bakım ünitesi ve cerrahi yoğun bakım ünitesi); 0-18 yaş aralığındaki hasta grubunda saptanan üremenin, 19-65 ve 65 yaş üstü hasta gruplarından düşük olarak bulunması, ileri yaşlardaki hastalarda eşlik eden kronik hastalık varlığı, antibiyotik ve ilaç kullanımının uzun süredir kullanılabiliyor olmasından kaynaklanabileceği düşünülmüştür. Saptadığımız VRE oranları, hastanelerde dirençli bakteri salgınlarını önlemede tarama çalışmalarının önemini göstermektedir.

Anahtar Kelimeler: Rektal sürüntü örnekleri, *Enterococcus* spp., vankomisin direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 083

Eklem Sıvısı Örneklerinde Üreyen Mikroorganizmaların Antibiyotik Duyarlılıkları ve Klinik Tanıya Göre Dağılımı: 4 Yıllık Veri

Kübra Evren¹, Ali Teoman Evren², Nurhadiye Kuru¹

¹Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi, Ortopedi ve Travmatoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Enfeksiyöz artritlerin tanısında kültürde mikroorganizma izolasyonu tedaviye yön veren en önemli laboratuvar bulgularındandır. İzole edilen mikroorganizmaların dağılımını bilmek tedavide doğru ampirik yaklaşım için olanak sağlar. Bu çalışmada, eklem sıvı kültürlerinde üremesi gözlenen mikroorganizmaların dağılımları, antibiyotik duyarlılıklarının belirlenmesi ve klinik tanıya göre eklem sıvı istemlerinin dağılımları incelenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza, 1 Eylül 2020 – 31 Ağustos 2024 tarihleri arasında, Başakşehir Çam ve Sakura Şehir Hastanesi'ne başvuran hastalardan gönderilmiş olan 912 eklem sıvısı örneği dahil edilmiştir. Uygun besiyerlerine ekilip, inkübasyonu tamamlanan örneklerde üreyen mikroorganizmalar, MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics) ve Xybio EXS2600 (Zybio) ile tanımlanmış, antibiyotik duyarlılık testi Phoenix M50 (Bruker Daltonics) cihazı ile çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya, 490 (%53,7)'ı erkek olmak üzere toplam 912 hastaya ait örnek dahil edildi; yaş aralığı 0-90 idi. Üremesi olan 121 (%13,26) hastadan toplam 131 mikroorganizma izole edildi. Üreme olan hastaların 17 (%14)'sinde eklem protezi öyküsü mevcutken, 65 (%53,7) hastada doğal eklem tutulumu vardı. En sık izole edilen mikroorganizma *Staphylococcus aureus* olup metisilin direnci %28 olarak saptandı. KNS izolatları arasında metisilin direnci %37,5 olarak saptandı. Gram negatif mikroorganizmalar arasında karbapenem direnci beş bakteride saptandı [*Enterobacter cloacae* (n:1), *Klebsiella pneumoniae* (n:2) ve *Pseudomonas aeruginosa* (n:2)]. Dokuz hastada birden fazla bakteri üremesi vardı, bu hastalardan birinde yara enfeksiyonu, üç hastada periprostetik enfeksiyon, dört hastada doğal eklem tutulumu vardı ve bir hasta ise kontaminasyondur. Üreyen mikroorganizmaların ve hastaların klinik bilgilerinin dağılımı sırasıyla tablo 1 ve tablo 2'de verilmiştir. Hasta medikal kayıtları incelendiğinde 121 hastadan 30'unda eklem sıvı kültürü istemi yapılmasına rağmen aslında gönderilen numunenin doku/abse örneği olduğu tespit edildi. Eklem aralığı enfeksiyonları, uzun süreli tedavi gerektirmesi ve kişinin günlük yaşamını olumsuz etkilemesi nedeniyle önemlidir. Bu bağlamda, yerel sürveyans sistemi aracılığıyla bakterilerin izolasyon sıklığının ve antibiyotik direnç durumlarının izlenmesi, tedavide uygun ajan seçimini kolaylaştıracaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**



**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1: Eklem sıvısı örneklerinde üreyen mikroorganizmalar

Eklem sıvısı örneklerinde üreyen mikroorganizmalar	n (%)
Gram Pozitif Bakteriler	92 (70,23)
Staphylococcus spp.	66 (50,38)
Staphylococcus aureus	57 (43,51)
Staphylococcus argenteus	1 (0,76)
Koagülaz negatif stafilokoklar	8 (6,13)
Staphylococcus epidermidis	4
Staphylococcus lugdunensis	1
Staphylococcus capitis	1
Staphylococcus capri	1
Staphylococcus haemolyticus	1
Streptococcus spp.	19 (14,5)
Streptococcus dysgalactiae	7
Streptococcus pyogenes (Group A)	6
Streptococcus agalactiae	5
Streptococcus pneumoniae	1
Enterococcus spp. (E. faecalis, E. faecium)	2 (1,52)
Diğer gram pozitifler	5 (3,82)
Bacillus spp.	2
Corynebacterium striatum	1
Microbacterium luteus	1
Rothia mucilaginosa	1
Gram Negatif Bakteriler	37 (28,24)
Enterobacteriales	25 (19,1)
Klebsiella pneumoniae	6
Enterobacter cloacae	5
Escherichia coli	4
Salmonella spp.	3
Serratia marcescens	3
Proteus spp. (P. vulgaris, P. mirabilis)	3
Morganella morganii	1
Non-fermenter gram negatif bakteriler	11 (8,3)
Pseudomonas aeruginosa	4
Acinetobacter xylosoxidans	4
Acinetobacter baumannii	1
Acinetobacter johnsonii	1
Stenotrophomonas maltophilia	1
Diğer gram negatif bakteriler	1 (0,76)
Neisseria meningitidis	1
Mantarlar	2 (1,52)
Aspergillus fumigatus/oryzae	1
Candida krusei	1

Tablo 2: Üremesi olan hastaların klinik ön taniya göre dağılımı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Klinik n tanı	n (%)
Septik artrit	65 (53,7)
Periprostetik enfeksiyon	17 (13)
Abse enfeksiyonu	12 (9,9)
Yara yeri enfeksiyonu	9 (7,4)
Bursit	6 (5)
Reaktif artrit	5 (4,1)
Osteomyelit	3 (2,5)
Kontaminasyon	4 (3,3)

Anahtar Kelimeler: Septik artrit, Eklem sıvısı rnekleri, Staphylococcus aureus

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 084

Kistik Fibrozisli Hastaların Solunum Örneklerinden İzole Edilen Patojenlerin ve Antibiyotik Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Fusun Kırca, Esra Sert, Fatma Şahin, Merve Gürler, Nilay Çöplü, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Kistik fibrozisli (KF) hastalarda kronik enfeksiyona bağlı akciğer hasarı, morbidite ve mortalitenin ana belirleyicisidir. Bu nedenle enfeksiyon, enflamasyon ve takip eden akciğer hasarının etkisini azaltmak için enfeksiyonun tedavisi büyük önem taşımaktadır. Bu çalışmada, hastanemizde takip edilen KF tanılı hastaların solunum yolu örneklerinden izole edilen etkenler ve antibiyotik duyarlılıklarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi'ne 1 Ocak 2022 – 4 Ağustos 2024 tarihleri arasında başvuran KF hastalarının solunum yolu örneklerinden yapılan kültür ve antibiyogram sonuçları hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak incelenmiştir. Mikrobiyoloji Laboratuvarında değerlendirmeye alınan izolatlar için tanımlama işlemi VITEK-MS (Biomeriux, Fransa) cihazı ile, antibiyotik duyarlılık testleri VITEK-2 (Biomeriux, Fransa) cihazı ile, seftazidim-avibaktam duyarlılığı Kirby-Bauer disk difüzyon yöntemi ile ve kolistin duyarlılığı sıvı mikrodilüsyon yöntemi kullanılarak, EUCAST standartlarına göre yapılmıştır. Çalışmaya 108 KF hastasından alınan toplam 454 solunum yolu örneğinde üreyen 565 patojen dahil edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Hastaların cinsiyet dağılımı eşit ve yaş aralığı erkeklerde 0-26 (median 8), kadınlarda 0-21 (median 6) tespit edilmiştir. En sık izole edilen bakteriler sırasıyla *{S.aureus}* (%46), *{P.aeruginosa}* (%18), *{H.influenza}* (%18), *{K.pneumoniae}* (%5) olmuştur. İzole edilen etken dağılımı Şekil.1'de verilmiştir. Genel olarak tüm yaş gruplarında *{S.aureus}* en fazla oranda izole edilmiştir, ancak 19-26 yaş grubunda *{S.aureus}* ve *{P.aeruginosa}* eşit oranda bulunmuştur. En sık tespit edilen ilk üç etkenin yaş gruplarına göre dağılımı Şekil 2'de verilmiştir. Örneklerin %77'sinde (454/349) tek patojen saptanırken, ko-enfeksiyon oranı %23 (454/105) bulunmuştur. Ko-enfeksiyonlar içinde en fazla tespit edilen patojen birlikteliğinin *{S.aureus}+{H.influenza}* (%10) ve *{S.aureus}+{P.aeruginosa}* (%5) olduğu görülmüştür. *{S.aureus}* izolatlarının hepsinin vankomisin ve teikoplanine duyarlı olduğu tespit edilmiş ve diğer antibiyotiklere direnç oranları, sefoksitin %32, benzilpenisilin %92, eritromisin %33, klindamisin %30, tetrasiklin %20, levofloksasin %2, trimetoprim/sulfametoksazol %1, tigesiklin %0.3, linezolid %0.3 bulunmuştur. *{P.aeruginosa}* izolatlarında ise sefepim %48, aztreonam %41, piperasilin/tazobaktam %40, seftazidim %38, imipenem %29, amikasin %26, siprofloksasin %24, meropenem %18, tobramisin %18, kolistin %10, seftazidim-avibaktam %7 oranında antibiyotiklere direnç tespit edilmiştir. KF hastalarında kolonize olan patojenlerin düzenli takibi ve uygun antibiyotik ile tedavi protokolleri, yaşam kalitelerini iyileştirmekte, aynı zamanda mortaliteyi de azaltmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 085

Yoğun Bakım Ünitesinde Yatan Hastalara Ait Çeşitli Örneklerden İzole Edilen Karbapenem Dirençli {*Klebsiella pneumoniae*} ve {*Pseudomonas aeruginosa*} Suşlarının Seftazidim Avibaktam ve Kolistin Direnç Profillerinin Değerlendirilmesi

Fatma Çankaya, Yaren Şekercioğlu, Özlem Koca¹ Hatice Nevgün Özen, Yeşim Çekin

Antalya Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli Gram negatif mikroorganizmaların görülme sıklığı özellikle yoğun bakım ünitesinde (YBÜ) yatan hastalarda giderek artmaktadır. Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* (CRKP) ve karbapenem dirençli *Pseudomonas aeruginosa* (CRPA) suşları da hastane kaynaklı ciddi enfeksiyonlara neden olmakta ve YBÜ’lerde morbidite, mortalite ve maliyet artışlarına neden olmaktadır. Seftazidim avibaktam (caz-avi) ve kolistin bu suşlarla olan enfeksiyonların tedavi seçenekleri arasında yer almaktadır. Kolistin, ciddi toksik yan etkileri olmasına rağmen karbapenem dirençli Gram negatif mikroorganizmalara karşı daha yüksek duyarlılığa sahip olduğu için tercih edilmektedir. Yoğun bakım ünitelerinde geniş spektrumlu antimikrobiyallerin yaygın olarak kullanılması direnç oranlarında artışa neden olmaktadır. Bu çalışma hastanemiz YBÜ’lerde yatan hastaların çeşitli klinik örneklerinden izole edilen CRKP ve CRPA suşlarının neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde kullanılan kolistinin ve ülkemizde yeni ruhsat almış olan caz-avi’nin duyarlılık oranlarını saptamayı amaçlamaktadır.

Gereç ve Yöntem: Mayıs 2023 ve Ağustos 2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza gönderilen çeşitli klinik örneklerden izole edilen CRKP ve CRPA suşları retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Örneklerin kültür ve antibiyogram sonuçları hastanemiz laboratuvar bilgi sistemi (LIS) üzerinden alınmıştır. Bakteri tanımlamalarında konvansiyonel yöntemler ve matrix-assisted laser desorption-ionization time-of-flight mass spectrometry (MALDI-TOF MS) (Biomerieux, France) kullanılmıştır. Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* ve CRPA suşlarının kolistin MİK değerlerini saptamada sıvı mikrodilüsyon yöntemi (Sensititre™ FRCOL-Thermo Scientific™, ABD), diğer antibiyotik duyarlılıkları için VITEK 2 (Biomerieux, France) tam otomatize sistemleri ve caz-avi duyarlılığı için Kirby–Bauer disk difüzyon yöntemi (OXOID™-Thermo Scientific™, ABD) kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Hastanemizin YBÜ’den çeşitli klinik örneklerden izole edilen %54.0 (119) CRKP ve %46.0 (101) CRPA suşunun kolistin ve caz-avi duyarlılık test sonuçları analiz edilmiştir. Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* suşlarının caz-avi ve kolistin duyarlılıkları sırasıyla %37.0 (44) ve %42.0 (50) olarak saptanmıştır. Karbapenem dirençli *Pseudomonas aeruginosa* suşlarının caz-avi ve kolistin duyarlılıkları sırasıyla %80.2 (81) ve %96.0 (97) olarak saptanmıştır (Tablo-1 ve Tablo-2). Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* ve CRPA suşlarında kolistin ve caz-avi’nin her ikisine de dirençli suşların oranı sırasıyla %25 ve %1.4 olarak saptanmıştır (Tablo-3). Hastanelerde özellikle YBÜ’lerde giderek artan oranda saptanan karbapenem dirençli suşların tedavisinde kullanılan antibiyotiklerin bölgesel takibi direnç yayılımının daha iyi anlaşılmasına olanak sağlayacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

Tablo 1: CRKP ve CRPA izolasyonlarında örnek dağılımı ve caz-evi duyarlılığı

ÖRNEK	CRKP n (119)		CRPA n (101)	
	DUYARLI n (%)	DİRENÇLİ n (%)	DUYARLI n (%)	DİRENÇLİ n (%)
Balgam/SAL	26 (%21.6)	47 (%64.4)	52 (%87.3)	9 (%12.7)
İdrar	10 (%47.6)	11 (%52.4)	7 (%63.6)	4 (%36.4)
Öküz/Ağzı/Yara	2 (%25.0)	6 (%75.0)	6 (%85.7)	1 (%14.3)
Kan	6 (%35.3)	11 (%64.7)	6 (%50.0)	6 (%50.0)
Toplam	44 (%37.0)	75 (%63.0)	81 (%80.2)	20 (%19.8)

Tablo 2

Tablo 2: CRKP ve CRPA izolasyonlarında örnek dağılımı ve kolistin duyarlılığı

ÖRNEK	CRKP n (119)		CRPA n (101)	
	DUYARLI n (%)	DİRENÇLİ n (%)	DUYARLI n (%)	DİRENÇLİ n (%)
Balgam/SAL	28 (%23.5)	45 (%61.6)	68 (%95.8)	3 (%4.2)
İdrar	12 (%57.1)	9 (%42.9)	33 (%90.9)	3 (%9.1)
Öküz/Ağzı/Yara	3 (%37.5)	5 (%62.5)	2 (%100.0)	0 (%0.0)
Kan	7 (%42.2)	33 (%57.8)	12 (%100.0)	0 (%0.0)
Toplam	50 (%42.0)	69 (%58.0)	97 (%96.0)	4 (%4.0)

Tablo 3

Tablo 3: CRKP ve CRPA izolasyonlarında caz-evi ve kolistin direnç oranları

		CRKP		CRPA		Toplam
		Caz-evi direnç n (%)		Caz-evi direnç n (%)		
		Dirençli	Duyarlı	Dirençli	Duyarlı	
Kolistin Direnç n (%)	Dirençli	55 (%45.0)	14 (%16.4)	3 (%1.4)	3 (%0.5)	73 (%63.2)
	Duyarlı	20 (%16.8)	30 (%33.6)	37 (%77.7)	80 (%79.4)	147 (%66.8)
	Toplam	75 (%61.8)	44 (%33.2)	40 (%39.1)	83 (%80.9)	123 (%60.0)

Anahtar Kelimeler: seftazidim avibaktam, kolistin, antibiyotik duyarlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 086

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında İn Vitro Seftazidim/ Avibaktam ve Sefiderokol Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Hafize Oruç, Selin Aras, Reyhan Yiş, Orçun Zorbozan, Betil Özhak, Görkem Yaman, Mustafa Berktaş

Bakırçay Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

Giriş ve Amaç: “Multidrug resistant” (MDR) mikroorganizmaların tüm dünyada hızla yayılıyor olması küresel bir halk sağlığı sorunudur. Mücadele için bilinen veya mevcut direnç mekanizmalarından etkilenmeyen yeni yapısal antibiyotik sınıflarına acil ihtiyaç duyulmaktadır. Sefiderokol aerobik gram negatif bakterilere karşı etkili bir siderofor sefalosporin olup, Ekim 2019’da idrar yolu enfeksiyonlarının tedavisinde ve Eylül 2020’de hastane kökenli bakteriyel pnömoni ve ventilatör ilişkili bakteriyel pnömoni tedavisinde kullanılmak üzere Amerika Birleşik Devletleri Gıda ve İlaç İdaresi (FDA) onayı almıştır. Sefiderokolün sınıf A, B, C ve D olmak üzere dört Ambler sınıfında hem serin hem de metallo- β -laktamazlar tarafından hidrolize karşı dirençli olduğu, aynı zamanda effluks pompası aracılı direnç ve porin mutasyonları üzerinde sınırlı etkili olduğu gösterilmiştir. Çalışmamızda kan örneklerinden izole edilmiş olan MDR *K. pneumoniae* izolatlarının CAZ-AVİ ve Sefiderokol duyarlılık oranlarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ağustos 2023- Ağustos 2024 tarihleri arasında Bakırçay Üniversitesi Çiğli EAH Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiş olan kan kültürlerinden izole edilen toplam 75 MDR *K. pneumoniae* kan izolatu çalışmaya dahil edilmiştir. İzolatlar -40 oC’de saklanmış, sonrasında eş zamanlı canlandırılarak, CAZ-AVİ ve sefiderokol disk difüzyon testi EUCAST kriterlerine göre çalışılmış, zon çapı sınır değerleri “ ≥ 23 mm duyarlı , < 23 mm dirençli olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların CAZ-AVİ ve sefiderokol antibiyotik duyarlılıklarına göre dağılımı Tablo1’de yer almaktadır. Çalışmaya alınan MDR 75 izolattın 63 tanesi (%84) yoğun bakımdan izole edilmiştir. İzolatların 27 (%36)’si CAZ-AVİ duyarlı, 48 (%64)’i dirençli iken; sefiderokol dirençli izolat saptanmamıştır. CAZ-AVİ dirençli 48 izolattın tamamı sefiderokole duyarlı olarak bulunmuştur. Saptadığımız yüksek CAZ-AVİ direnç oranları hastanemizde MBL oranlarının yüksek olduğunu düşündürmektedir. Karbapenemaz tiplerinin belirlenmesi, MDR *K. pneumoniae* enfeksiyonlarında tedaviyi yönlendirmesi açısından çok önemlidir. Çalışmamızda karbapeneme dirençli, hatta CAZ-AVİ dirençli izolatlarda Sefiderokol’e dirençli izolat saptanmamıştır. Sefiderokolün bu koşullarda oldukça iyi bir tedavi seçeneği olabileceği açıktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo1: İzolatların CAZ-AVİ ve FDC antibiyotik duyarlılıklarına göre (%) dağılımı

DİRENÇ	CAZ-AVİ (%)	FDC (%)
S	27 (36)	75 (100)
R	48 (64)	0 (0)
TOPLAM (%)	75 (100)	

*S: Duyarlı, R: Dirençli, CAZ-AVİ: Seftazidim-Avibaktam, FDC: Sefiderokol

Anahtar Kelimeler: Karbapenemaz, Klebsiella pneumoniae, sefiderokol

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 087

Çoklu İlaç Dirençli Gram Negatif Bakterilerin Seftazidim-Avibaktam Direnç Oranı

Hülya Parimli, Sevinç Yenice Aktaş

Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Gram negatif bakterilerde gelişen antibiyotik direnci nedeniyle tedavi seçenekleri giderek azalmaktadır. Dirençli izolatlar karşı seftazidim-avibaktam (CAZ-AVI), üçüncü kuşak sefalosporin olan seftazidim ile β -laktam olmayan β -laktamaz inhibitörü avibaktamın intravenöz olarak uygulanan yeni bir kombinasyondur. Fakat, CAZ-AVI'ye karşı direnç görülen vaka sayılarında artış rapor edilmektedir. Bu çalışmada amacımız, yoğun bakım ünitesinden gönderilmiş hasta örneklerinden izole ettiğimiz çoklu ilaç dirençli (MDR) gram negatif bakterilerde CAZ-AVI direnç oranına bakmaktır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza; Çanakkale Onsekiz Mart Üniversitesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na Ocak 2024-Temmuz 2024 tarihleri arasında tüm yoğun bakım ünitesindeki hastalardan gönderilmiş idrar, kan, solunum yolu ve intraabdominal örneklerinden izole edilip, Vitek2 (Biomérieux, Fransa) otomatize sistemi ile MDR olarak saptanan toplam 102 Enterobacterales ve Pseudomonas aeruginosa izolatı dahil edildi. Bunların 68'i Enterobacterales (*Klebsiella pneumoniae*, *Enterobacter* spp., *E. coli*) ailesinden iken, 34'ü *Pseudomonas aeruginosa* idi. MDR olduğu saptanan izolatlar için disk difüzyon yöntemiyle CAZ-AVI (10-4 µl) (Bioanalyse, Türkiye) duyarlılık çalışılıp EUCAST v14.0 göre değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: İzole edilen MDR gram negatif bakterilerin çoğunluğunun %40,1 (41) ile solunum yolu örneklerinden izole edildiği tablo 1'de gösterildi. Çalışmaya alınan izolatların türlere göre dağılımı tablo 2'de verildi. İzolatları %66,7 (68) Enterobacterales ailesi üyesi, %33,3 (34) *P. aeruginosa* oluşturdu. En sık gözlenen MDR tür ise %58,8 (60) ile *K. pneumoniae* oldu. Hastanemizde görülen toplam seftazidim-avibaktam direnç oranı %54 (55) olarak bulunup *P. aeruginosa* 'nın %59 ile diğer gram-negatif patojenlere göre daha yüksek dirence sahip olduğu gösterildi.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. Çalışmaya alınan izolatların izole edildiği örneklerin dağılımı

Örnek türü	Sayı(n)	Yüzde (%)
İdrar	28	27,5
İntraabdominal	5	4,9
Solunum yolu	41	40,1
Kan	28	27,5
Toplam	102	100

Tablo 2. Çalışmaya alınan MDR gram negatif bakterilerin türlere göre dağılımı

	Sayı(n)	Yüzde(%)	CAZ-AVI duyarlı(n)	CAZ-AVI duyarlı(%)	CAZ-AVI dirençli(n)	CAZ-AVI dirençli(%)
Enterobacterales	68	66,7				
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	60	58,8	29	48	31	52
<i>Enterobacter spp.</i>	1	1	1	100	0	0
<i>Escherichia coli</i>	7	6,9	3	43	4	57
<i>P. aeruginosa</i>	34	33,3	14	41	20	59
Toplam	102	100	47	46	55	54

Anahtar Kelimeler: Seftazidim-avibaktam, Direnç, Yoğun bakım ünitesi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 088

İdrar Kültürlerinde Üreyen Mikroorganizmaların Dağılımı ve Direnç Profillerinin TMC Kısıtlı Bildirim Gruplarına Göre Değerlendirilmesi: 3 Yıllık Çalışma

Abdurrahman Atak, İlkay Bahçeci

Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: İdrar yolu enfeksiyonu (İYE) ciddi ve yaygın bir sağlık sorunudur. Artan antimikrobiyal direnç nedeniyle yerel direnç profillerinin izlenmesi önemlidir. Bu çalışma, üç yıl boyunca hastanemizde idrar kültürlerinde üreyen mikroorganizmaların dağılımını ve direnç profillerini incelemeyi ayrıca bu profillerin zaman içindeki değişimini analiz etmeyi amaçlamıştır.

Gereç ve Yöntem: Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi'nde Eylül 2020-Eylül 2023 arasındaki idrar kültürleri retrospektif olarak incelendi. Mikroorganizma tanımlaması ve antimikrobiyal duyarlılık testleri standart ve otomatize yöntemlerle yapıldı. Sonuçlar EUCAST ve CLSI kılavuzlarına göre yorumlandı ve Türk Mikrobiyoloji Cemiyeti (TMC) ADTS Kısıtlı Bildirim 2022 gruplarına göre sınıflandırıldı. İstatistiksel analizler için Pearson Ki-kare testi ve Cramer's V etki büyüklüğü hesaplaması kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: 22912 hasta örneğinden 6441'inde (%28,1) anlamlı üreme saptandı. En sık izole edilen mikroorganizmalar: *Escherichia coli* (%34,5), *Candida* spp. (%22,8), *Enterococcus* spp. (%11,1), *Klebsiella* spp. (%10,6) ve *Streptococcus* spp. (%5,2) idi. TMC kısıtlı bildirim gruplarına göre duyarlılık analizi: Grup-A %89,74, Grup-C %5,5, Grup-B %4,24 ve Diğer %0,52 olarak belirlendi. Grup-A antibiyotiklere duyarlılık oranları yıllara göre 1. yıl %90,7, 2. yıl %89,55 ve 3. yıl %89,02 olarak saptandı. Ki-kare testi sonuçları, yıllar ve TMC kısıtlı bildirim grupları arasında istatistiksel olarak anlamlı bir ilişki olduğunu gösterdi ($\chi^2 = 35,15$; $p < 0.001$). Ancak Cramer's V etki büyüklüğü (0,062) bu ilişkinin zayıf olduğunu ortaya koydu. Çalışmamız hastanemizde idrar kültürlerinde en sık izole edilen etkenin *E. coli* olduğunu göstermiştir. Bu bulgu dünya genelindeki epidemiyolojik verilerle uyumludur ve İYE etiyolojisinde *E. coli*'nin dominant rolünü teyit etmektedir. İzolatların çoğunun Grup-A antibiyotiklere duyarlı olması (%89,74) ilk basamak antibiyotiklerin hala etkili olabileceğini göstermektedir. Grup-A antibiyotiklere duyarlılık oranlarında yıllar içinde gözlemlenen küçük değişimler (%90,7'den %89,02'ye) istatistiksel olarak anlamlı bulunmamıştır ($\chi^2 = 2,36$; $p = 0.31$). Bu sonuçlar en duyarlı izolatları temsil eden A grubundaki mikroorganizmaların oranının genel olarak stabil kaldığını göstermektedir. Bununla birlikte antimikrobiyal direnç dinamik bir süreç olduğundan direnç paternlerinin sürekli izlenmesi önemini korumaktadır. İzolatların %9,74'ünün B veya C grubu antibiyotiklere ihtiyaç duyması direnç gelişiminin önemli bir göstergesidir. Bu durum bireysel tedavi planlamasının önemini vurgulamaktadır. Bu çalışma hastanemizde İYE etkenlerinin dağılımını ve direnç profillerini ortaya koymuştur. TMC kısıtlı bildirim gruplarının kullanımı direnç profillerinin sistematik izlenmesine olanak sağlamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu verilerin antimikrobiyal yönetim programlarının geliştirilmesinde ve güncel tedavi kılavuzlarının oluşturulmasında değerli olduğunu düşünüyoruz.

Anahtar Kelimeler: idrar kültürü, antibiyotik direnci, TMC kısıtlı bildirim

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 089

Geriatrik Yoğun Bakım Hastalarında Mikrobiyolojik Kültür ve Antimikrobiyal Duyarlılık Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Mehmet Başoğlu, Elif Başak Karagöz, Ayşenur Baltacıoğlu, İlkay Bahçeci

Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Rize

Giriş ve Amaç: İleri yaşa bağlı fizyolojik değişiklikler ve eşlik eden kronik hastalıklar, yaşlı bireylerde enfeksiyonların sık görülmesine ve klinik bulguların atipik olmasına neden olmaktadır. Bu durum, yaşlı hastalarda tanıda gecikmelere ve kötü prognoza yol açabilmektedir. Bunun sonucu olarak, geriatrik hastalarda hastanede yatış süreleri uzamakta, mortalite oranları ve tedavi maliyetleri artmaktadır. Bu çalışmada, 65 yaş ve üzeri yoğun bakım hastalarından 3 yıllık dönemde alınan klinik örneklerde izole edilen mikroorganizmalar ve antimikrobiyal duyarlılık sonuçları retrospektif olarak değerlendirilmiş; bu bulguların, uygun antibiyotik tedavisinin daha erken başlatılmasına katkıda bulunabileceği ve böylece hastanede yatış süresinin, mortalite oranlarının ve tedavi maliyetlerinin azaltılmasına yönelik önemli veriler sağlayabileceği düşünülmektedir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, Ocak 2021 – Ocak 2024 tarihleri arasında Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi'nin yoğun bakım servislerinden Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen kültür örnekleri incelenmiştir. Üreme saptanan kültürlerde mikroorganizmaların tanımlaması ve antimikrobiyal duyarlılık testleri, manuel konvansiyonel yöntemler ve VITEK 2 Compact (Biomerieux, Fransa) otomatize sistemi kullanılarak gerçekleştirilmiştir. İzole edilen mikroorganizmaların antimikrobiyal duyarlılık sonuçları, ilgili dönemdeki EUCAST (European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) ve CLSI (Clinical and Laboratory Standards Institute) kriterlerine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma kapsamında 1817 hasta numunesi incelenmiş olup, bu hastaların 941 (%51,79)'i erkekti. Yaş ortalaması $78,14 \pm 8,07$ olarak tespit edildi. Laboratuvara en sık gönderilen numune türü trakeal aspirat iken, bunu idrar, kan ve kateter numuneleri takip etti (Tablo 1). İncelenen örneklerden en sık izole edilen mikroorganizma *Acinetobacter baumannii* olurken, diğer yaygın etkenler *Escherichia coli*, *Staphylococcus aureus*, *Pseudomonas aeruginosa* ve *Klebsiella pneumoniae* olarak saptandı (Tablo 2). Sık izole edilen Gram negatif mikroorganizmaların antimikrobiyal duyarlılıkları Tablo 3' te gösterildi. Yoğun bakım ünitelerinde en sık görülen enfeksiyonlardan olan ventilatör ilişkili pnömoni, üriner sistem enfeksiyonları, bakteriyemi ve kateter enfeksiyonları, çalışmamızda da benzer şekilde tespit edilmiştir. İzole edilen etkenlerin antimikrobiyal direnç profillerinin belirlenmesinin yoğun bakım ünitelerinde enfeksiyon kontrolü ve tedavi stratejilerinin daha etkin hale getirilmesine katkı sağlayabileceği düşünülmüştür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



İncelenen örnek türlerinin dağılımı

TABLO 1. İncelenen örnek türlerinin dağılımı

Örnek Türü	Sayı	%
Trekeal Aspirat Kültürü	746	41,06
İdrar Kültürü	400	22,00
Kan Kültürü	286	15,74
Katater Kültürü	243	13,37
Yara Sürüntüsü	47	2,59
Balgam Kültürü	47	2,59
Doku Kültürü	16	0,88
Safra Kültürü	7	0,39
Abse Kültürü	7	0,39
Lavaj Kültürü	6	0,33
Parasentez Kültürü	4	0,22
Plevral Sıvı Kültürü	2	0,11
Bos Kültürü	2	0,11
Püvy Kültürü	2	0,11
Assit Kültürü	2	0,11
Genel Toplam	1817	100,00

İzole edilen mikroorganizmaların frekans dağılımı

TABLO 2. İzole edilen mikroorganizmaların frekans dağılımı

Mikroorganizma	Sayı (n)	%
<i>Acinetobacter baumannii</i>	483	26,58
<i>Escherichia coli</i>	189	10,40
<i>Staphylococcus aureus</i>	169	9,30
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	152	8,37
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	143	7,87
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	133	7,32
<i>Enterococcus faecium</i>	127	6,99
<i>Klebsiella spp</i>	78	4,29
<i>Enterococcus faecalis</i>	67	3,69
<i>Pseudomonas spp.</i>	43	2,37
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	36	1,98

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



<i>Burkholderia cepacia</i>	23	1,27
<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	23	1,27
<i>Enterobacter cloacae</i>	22	1,21
<i>Serratia marcescens</i>	21	1,16
<i>Enterobacter</i> spp.	21	1,16
<i>Proteus</i> spp.	19	1,05
<i>Enterococcus</i> spp.	17	0,94
<i>Proteus mirabilis</i>	16	0,88
<i>Klebsiella oxytoca</i>	12	0,66
<i>Staphylococcus hominis</i>	11	0,61
<i>Enterobacter aerogenes</i>	11	0,61
<i>Proteus vulgaris</i>	1	0,06
Toplam	1817	100,00

Gram negatif mikroorganizmaların antimikrobiyal direnç oranları

TABLO 3: Gram negatif mikroorganizmaların antimikrobiyal direnç oranları

Organizma	Antibiyotikler {(R/n)(%)}												
	AMP	PIP	TZP	AMC	CXM	CAZ	FEP	ATM	IPM	MEM	GN	AK	CIP
<i>Enterobacter</i>	-	-	482/483	-	-	272/272	-	-	480/483	482/483	213/273	454/483	483/483
			(%99,7)			(%100)			(%99,3)	(%99,7)	(%78)	(%94)	(%100)
<i>Escherichia coli</i>	130/189	113/173	41/189	73/185	78/179	68/189	64/189	57/179	1/189	2/189	36/189	2/189	86/189
	(%68,7)	(%65,3)	(%21,6)	(%39,4)	(%43,5)	(%35,9)	(%33,8)	(%31,8)	(%0,5)	(%1,0)	(%19,0)	(%1)	(%45,5)
<i>Pseudomonas</i>	-	65/73	93/106	-	-	78/101	12/22	-	11/23	9/43	-	2/36	11/25
		(%89)	(%87,7)			(%77,2)	(%54,5)		(%47,8)	(%20,9)		(%5,5)	(%44)
<i>Acinetobacter</i>	101/102	103/107	83/143	27/60	69/93	84/143	82/143	11/36	24/128	51/143	25/116	37/143	80/143
	(%99,0)	(%96,2)	(%58)	(%45)	(%74,1)	(%58,7)	(%57,3)	(%30,5)	(%18,7)	(%35,6)	(%21,5)	(%25,8)	(%55,9)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



R/n: Dirençli izolat sayısı/Toplam izolat sayısı, **%:** Dirençli izolat yüzdesi, **AMP:** Ampisilin, **PIP:** Piperasilin, **TZP:** Piperasilin/Tazobaktam, **AMC:** Amoksisilin/Klavulanik Asit, **CXM:** Sefuroksim, **CAZ:** Seftazidim, **FEP:** Sefepim, **ATM:** Aztreonam, **IPM:** İmipenem, **MEM:** Meropenem, **GN:** Gentamisin, **AK:** Amikasin, **CIP:** Siprofloksasin, **SXT:** Trimetoprim/Sülfametoksazol

-: İlgili dönem EUCAST kriterlerine göre MİK (Minimum inhibitör konsantrasyon) değerleri mevcut olmadığı için antimikrobiyal değerlendirme yapılamamıştır.

Anahtar Kelimeler: Geriatri, Yoğun Bakım, Antimikrobiyal Duyarlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 090

İdrar Kültürlerinden İzole Edilen Bakterilerin Antimikrobiyal Duyarlılık İncelemesi: 2 Yıllık Tek Merkezli Retrospektif Çalışma

Dilhan Çaloğlu Sarıkaya, İsmail Davarcı, Hüseyin Güdücüoğlu

Trakya Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: İdrar yolu enfeksiyonları toplumda ve hastanede sık karşılaşılan enfeksiyonlardan biridir. Kadınların yaklaşık %60'ının hayatlarında en az bir kez idrar yolu enfeksiyonu geçirdiği ve bunların %30-40'ının tekrarlayan enfeksiyonlarla karşılaştığı bildirilmiştir. Tanısında kültür altın standart olmakla birlikte hastalar ampirik olarak tedavi edilir. Ampirik tedaviye yanıt vermeyen komplike vakalarda tedavinin sürdürülmesinde antibiyogram verilerinden yararlanılır. Bununla birlikte antimikrobiyal direnç giderek artan bir halk sağlığı sorunu olarak karşımıza çıkmaktadır. Antimikrobiyal ilaçlara direncin hızlı ve doğru tespit edilmesi, optimal tedavi yaklaşımlarının bu veriler ışığında belirlenmesi antimikrobiyal direncinin önlenmesinde önemli basamaklardan birini oluşturur. Bu çalışmada hastanemizde iki yıllık süre içerisinde idrar kültürlerinde üreyen patojen mikroorganizmalar ve bu mikroorganizmaların antimikrobiyal duyarlılık profillerinin belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Trakya Üniversitesi Hastanesi'ndeki hastalardan 2022 Haziran -2024 Haziran tarihleri arasında alınan ve laboratuvarımıza gönderilen idrar örneklerinde üreyen patojen mikroorganizmalar ve bu mikroorganizmaların antimikrobiyal duyarlılığı retrospektif olarak incelenmiştir. İdrar örnekleri koyun kanlı ve eozin metilen blue agara ekilmiştir. 24 saat 36°C derecede inkübe edildikten sonra üremeler değerlendirilmiştir. Anlamli olan üremelerde mikroorganizmaların tanımlanması ve antibiyotik duyarlılıkları tam otomatik VITEK®2 (Biomerieux Inc.) cihazı ile yapılmıştır. Antibiyogram sonuçları EUCAST 2024 klinik sınır değerler tablosundaki değerlere göre duyarlı, artmış dozda duyarlı ve dirençli olarak belirlenmiştir. Tekrarlayan numuneler çalışmadan çıkarılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma süresince hastanemizdeki çeşitli bölümlerden toplam 22.213 idrar örneği laboratuvarımıza gönderilmiştir. Anlamli olan 4.067 üreme değerlendirmeye alınmıştır. Gram negatif ve Gram pozitif bakteriler için antimikrobiyal direnç tabloları Tablo 1 ve Tablo 2'de gösterilmiştir. Tüm patojen bakteriler arasında en sık üreyen türler sırasıyla *E. coli* (%54,1), *Klebsiella* spp. (%19,7), *Enterococcus* spp. (%12,6) ve *Pseudomonas* spp. (%7,8)'dir. Enterokok üremesi olan 524 örneğin %58,7'si *E. faecalis*, %39,6'sı ise *E. faecium* olarak tespit edilmiştir. *E.coli* için A grubu raporlanması gereken antibiyotikler olan ampicilin, gentamisin, nitrofurantoin, trimetoprim-sulfametoksazol'e direnç oranları sırasıyla %68,4, %14,5, %2,8, %43,1 olarak bulundu. En duyarlı antibiyotik grubu karbapenemler olarak belirlenmiştir. Gram pozitif bakterilerde glikopeptid grubu antibiyotik dirençleri diğer antibiyotiklere göre daha düşük bulunmuştur. 525 enterokok suşunun %4 (n=21)'ünde vankomisin direnci tespit edildi. *E.faecium*'da vankomisin direnci %7,8 iken *E.faecalis*'te %0,6 olarak belirlenmiştir. Sonuç olarak Antimikrobiyal direnç profillerinin izlenmesinin hastane enfeksiyon kontrol önlemlerine yön verdiği ve

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-091

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Meropenem-Vaborbaktam Duyarlılığının ve Karbapenem Direnç Genlerinin Varlığının Araştırılması

Yeliz Tanrıverdi Çaycı¹, Kübra Hacıeminoğlu Ülker¹, Ángela Fonte Ortiz², Mateo Martínez Sanjurjo³, Asuman Birinci¹

¹Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun, Türkiye

²La Laguna Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Santa Cruz de Tenerife, İspanya

³Madrid Özerk Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Madrid, İspanya

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* izolatlarının global bir halk sağlığı sorunu olması, bu dirençli izolatlar karşı etkili yeni bileşiklere ihtiyaç duyulmasına sebep olmuştur. Beta-laktamaz enzimlerinin aracılık ettiği dirence karşı pek çok beta-laktam-beta-laktamaz inhibitörü kombinasyonu oluşturulmuştur. Meropenem-vaborbaktam, özellikle serin karbapenemazlara karşı aktivite gösteren beta-laktamaz inhibitörü vaborbaktamın meropenem ile kombinasyonu olan bir antimikrobiyaldir. Bu çalışmada karbapenem dirençli *K. pneumoniae* izolatlarında meropenem-vaborbaktam duyarlılıklarının belirlenmesi ve karbapenem direnç genleri OXA-48, KPC, NDM, VIM ve IMP varlığının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza rutin inceleme için gönderilen çeşitli örneklerden izole edilen, tanımlaması ve antimikrobiyal duyarlılığı otomatize sistemler ile belirlenmiş karbapenem dirençli *K. pneumoniae* izolatlarından 44 izolat çalışmaya dahil edilmiştir. Bu izolatların meropenem duyarlılığı disk difüzyon yöntemi ile tekrar edilmiş, meropenem-vaborbaktam duyarlılığı da yine disk difüzyon yöntemi ile belirlenmiş ve sonuçlar EUCAST sınır değerlerine göre yorumlanmıştır. Ayrıca karbapenem dirençli bu izolatlarda multipleks polimeraz zincir reaksiyonu (PCR) ile karbapenem direnç genleri OXA-48, KPC, NDM, VIM ve IMP varlığı araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen *Klebsiella pneumoniae* izolatlarının disk difüzyon yöntemi ile meropenem dirençli olduğu tekrar belirlenmiştir. Disk difüzyon sonuçlarına göre meropenem-vaborbaktam duyarlılıkları incelendiğinde; izolatların %81,8'inin dirençli ve %4,5'inin duyarlı olduğu belirlenirken, izolatların %13,7'sinin EUCAST sınır değerlerine göre 'Teknik Belirsizlik Alanı' kısmında yer alan sınır değerlerinde olduğu tespit edilmiştir. PCR sonuçlarına göre ise; izolatların %65,9'unda OXA-48 geni varlığı saptanırken, izolatların hiçbirinde diğer karbapenem direnç genleri saptanamamıştır. Serin karbapenemazlara özellikle KPC üreten bakterilere karşı etkili bir beta-laktamaz inhibitörü olan vaborbaktamın, KPC enzimlerinin yanı sıra diğer Ambler sınıfı A ve C enzimlere de güçlü inhibisyon sağladığı, ancak OXA-48 veya metallo-beta laktamazlara karşı aktiviteye sahip olmadığı bilinmektedir. Ülkemizde karbapenem dirençli Enterobacterales izolatlarının büyük çoğunluğu OXA-48 üreten izolatlardır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bizim çalışmamızda da karbapenem dirençli *K. pneumoniae* izolatlarının %65,9'unun OXA-48 geni yönünden pozitif olması, meropenem-vaborbaktam direnç oranlarının yüksek olmasını açıklar niteliktedir.

Anahtar Kelimeler: Karbapenem, Meropenem-vaborbaktam, *Klebsiella pneumoniae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 092

Impact Of The COVID-19 Pandemic On Antimicrobial Resistance İn Neonatal Sepsis

Leyla Hashimova, Nergiz Imamova, Inji Shikhaliyeva, Adil Allahverdiyev

V.Y. Akhundov Scientific Research Medical Preventive Institute

Introduction and purpose: Sepsis is the main cause of morbidity and mortality among newborns. Currently, blood cultures still remain the gold standard for the identification of microorganisms, despite the development of new methods for diagnosis. Unfortunately, there is insufficient information on the impact of the COVID-19 pandemic on the microbial profile and antimicrobial resistance (AMR) in neonatal sepsis. In the study, bacterial pathogens isolated from blood cultures of newborns in the pre-pandemic and pandemic period and changes in their antimicrobial susceptibility were investigated.

Materials and Methods: 126 newborn blood culture samples were used, obtained during 2016-2020 (pre-pandemic period) and 419 during 2020-2023 (pandemic period). Hemocultures were incubated for 5 days in the Bact/ALERT 3D device. The identification of the isolated microorganisms and their sensitivity to antibiotics was analyzed by VITEK-2 Compact device.

Findings and Conclusion: A positive signal was detected in 77 of the pre-pandemic blood cultures and 100 of the pandemic samples. In the pre-pandemic period incidence rates for methicillin-resistant GPB *Staphylococcus epidermidis* was 29.8% and for GNB *Klebsiella pneumoniae* was 10.38%, in the pandemic period these rates were 11.8% and 41.5%, respectively. However, it was revealed that carbapenem resistance in *Klebsiella pneumoniae* strains isolated during the pre-pandemic period was 12.5%, and 81.5% in samples isolated during the pandemic period. The results revealed changes in the microbial profile of neonatal sepsis cases observed after COVID-19. Especially, a significant increase was observed in resistant *Klebsiella pneumoniae* strains. The incidence of non-fermentative bacteria has increased almost 4-fold during the pandemic compared to the pre-pandemic period. The 8-fold increase in resistant *Klebsiella pneumoniae* strains shows the importance of appropriate antibiotic use in future pandemics and the necessity of new strategies in this direction. Considering the fact that the study is single-centered and the limited number of samples used, a larger number of samples from different profile centers can provide a broad and exhaustive perspective for future researches.

Percentage of microorganisms isolated from neonatal sepsis in pre-pandemic and pandemic periods.

	Pre-pandemic period n (%)	Pandemic period n (%)
Gram positive		

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Coagulase- positive staphylococcus		
<i>Staphylococcus aureus</i>	5 (6.49)	4 (3.96)
Coagulase-negative staphylococcus		
<i>S.epidermidis</i>	30 (38.96)	18 (17.82)
Other coagulase- negative staphylococcus	13 (16.88)	7 (6.93)
<i>Streptococcus spp</i>	6 (7.79)	1 (0.99)
<i>Listeria spp.</i>	1 (1.29)	0
Gram negative		
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	8 (10.38)	42 (41.58)
<i>Acinetobacter baumannii</i>	4 (5.19)	2 (1.98)
<i>E.coli</i>	3 (3.89)	0
<i>Enterobacter spp</i>	2 (2.59)	5 (4.95)
Nonfermentative	5 (6.49)	19 (18.81)
Candida		
<i>Candida spp.</i>	0	3 (2.97)
Total	77	101

Keywords: COVID-19, antimicrobial resistance, neonatal sepsis

“This work was supported by the Azerbaijan Science Foundation -Grant N AEF-GAT-7-2023-2(44)-10/06/3-M-06”

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 093

Kan Kültürlerinden İzole Edilen Gram Negatif Bakterilerde Karbapenem Direnci ve Çeşitli Antibiyotiklere Direnç

Mehbube Seferova¹, Yaver Hacısoy², Ramin Bayramli²

¹Sumgayit şehir Çocuk hastanesi

²Azerbaycan Tıp Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji anabilim dalı

Giriş ve Amaç: Karbapenem dirençli bakteriler, özellikle Enterobacterales, *Pseudomonas* spp. ve *Acinetobacter* spp. dünyada önemli bir halk sağlığı sorunu haline gelmiştir. Bu bakterilerin antibiyotiklere artan direnç durumu ile birlikte tedavi seçenekleri daha da sınırlı hale gelmiştir. Çalışmamızda hastanemizin Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen kan kültürlerinde izole edilmiş Gram negatiflerde karbapenem dirençli izolatların tespit edilmesi ve izolatların antimikrobiyal duyarlılıklarının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Sumgayit şehir Çocuk Hastanesi'nin Mikrobiyoloji Laboratuvarına son bir yılda (01.06.2023-30.06.2024) gönderilen 1088 kan kültür örneği, BD BACTEC FX40 cihazı ile çalışılmıştır. Pozitif kan kültür örneklerinden 84 Gram negatif bakteri izole edilerek retrospektif olarak incelenmiştir. Kan kültürlerinde üreyen mikroorganizmaların tanımlanmasında klasik yöntemler ve otomatik sistem (BD Phoenix M50) kullanılmıştır. Tiplendirme sonrasında mikroorganizmaların antibiyotik duyarlılık testleri, BD Phoenix M50 sistemi ve Kirby-Bauer disk difüzyon yöntemi ile yapılmış ve European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) önerilerine göre yorumlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Araştırma grubuna 84 Gram negatif bakteri izolatu dahil edilmiştir. Gram negatif bakteriyemilerde saptanan etkenler sıklık sırasına göre; %66,7 (N=56) *Klebsiella* spp., %15,5 (N=13) *Acinetobacter* spp., %8,3 (N=7) *E. coli*, %5,9 (N=5) *Pseudomonas* spp., %2,4 (N=2) *Enterobacter* spp., %1,2 (N=1) *Serratia marcescens* olarak bulunmuştur. Tanımlanmış *Klebsiella* spp.'nin %55,4'ü karbapenemlere dirençli, %44,6'sı karbapenemlere duyarlı; *Acinetobacter* spp.'nin %38,5'i karbapenemlere dirençli, %61,5'i karbapenemlere duyarlı; *E. coli*'nin %14,3'ü karbapenemlere dirençli, %85,7'si karbapenemlere duyarlı; *Pseudomonas* spp.'nin %40'ı karbapenemlere dirençli, %60'ı karbapenemlere duyarlı; *Enterobacter* spp. ve *Serratia marcescens* ise %100 karbapenemlere duyarlı olarak belirlenmiştir. Gram negatif bakterilerin çeşitli antibiyotiklere direnç durumu Tablo 1'de bildirilmiştir. Sonuç: Araştırmamızda karbapeneme dirençli en sık rastladığımız Gram negatif bakteri *Klebsiella* spp. olmuştur. Çalışmaya dahil edilen, ister karbapeneme dirençli isterse duyarlı olan Gram negatif bakterilerin diğer çeşitli antibiyotiklerle dirençlilik surveyansı izlenmiştir. Antibiyotiklere direncin hastanelerde aktif surveyansla takibinin uygun tedavi seçiminde yararlı düşünülmüştür.



Tablo 1: Kan kültürlerinden izole edilen Gram negatif bakterilerde karbapeneme dirençli ve duyarlı izolatların çeşitli antibiyotiklere direnç dağılımı.

	<i>Klebsiella</i> spp. N=56		<i>E.coli</i> N=7		<i>Acinetobacter</i> spp. N=13		<i>Pseudomonas</i> spp. N=5	
ATB	CR N=31 n=55,4%	CS N=25 n=44,6%	CR N=1 n=14,3%	CS N=6 n=85,7%	CR N=5 n=38,5%	CS N=8 n=61,5%	CR N=2 n=40%	CS N=3 N=60%
AMC	31(100)	21(84)	1(100)	1(16,7)	-	-	-	-
CRO	31(100)	14(56)	1(100)	1(16,7)	-	-	-	-
CPF	20(64,5)	8(32)	1(100)	2(33,3)	3(60,0)	0	2(100)	0
LVX	20(64,5)	9(36)	1(100)	1(16,7)	2(40)	0	2(100)	0
SXT	22(71)	17(68)	1(100)	3(50)	2(40,0)	1(12,5)	-	-
AMK	31(100)	5(20)	1(100)	1(16,7)	4(80,0)	0	2(100)	0
CN	31(100)	17(68)	1(100)	1(16,7)	4(80,0)	0	-	-
TOB	-	-	-	-	-	-	1(50)	0

CR:carbapenemresistance; CS:carbapenemsusceptible; ATB:antibiotic; AMK:amikacin; AMC:amoxicillin-Clavulanic Acid; CRO:ceftriaxone; CPF:ciprofloxacin; CN:gentamycin; LVX:levofloxacin; SXT:trimethoprim-sulfamethoxazole; TOB:tobramycin. Not:*E.coli*, *Pseudomonas* spp. ve *Acinetobacter* spp. izolat sayısının <20 olması nedeniyle çalışmada verinin güvenilirliği azdır.

Anahtar Kelimeler: Antibiyotik direnci; Gram negatif bakteriler; kan kültürü.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 094

Çocuklarda Gastroenterite Neden Olan *Salmonella* Enfeksiyonu ve Antibiyotik Direnç Profili

Mehbube Seferova¹, Ramin Bayramlı², Yaver Hacısoy²

¹Sumgayit şehir Çocuk hastanesi

²Azerbaycan Tıp Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji anabilim dalı

Giriş ve Amaç: Akut gastroenteritler tüm dünyada beş yaş altı ölümlerin ikinci en sık nedenidir. Dünya Sağlık Örgütü'ne (WHO) göre, dünya çapında her yıl 1,7 milyardan fazla insan ishal hastalığından muzdariptir. Gelişmekte olan ülkelerde, bakteriyel akut gastroenterit etkenleri çocuklarda önemli bir morbidite ve mortalite nedenidir. Enfeksiyon kaynağına gelince, vakaların üçte birinde gıda söz konusudur. Salmonellozis, en yaygın gıda kaynaklı enfeksiyonlardan biridir. Diğer Gram negatif türlerinde olduğu gibi, *Salmonella* izolatlarının antibiyotik direnç oranlarında da artışa dikkat çekilmektedir. Çalışmada hastanemizde dışkı örneklerinden soyutlanan *Salmonella* izolatlarının çeşitli antibiyotiklere direnç durumunun belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, Ağustos 2022 ve Ağustos 2024 tarihleri arasında Sumgayit şehir Çocuk Hastanesinin Enfeksiyon Hastalıklar birimine ateş ve/veya akut gastroenterit kliniği ile başvuran ve dışkı kültüründe *Salmonella* üremesi olan 18 yaş altı çocuk hastalar dâhil edilmiştir. Hastaların sosyodemografik, klinik özellikleri, antibiyotik direnç profili kaydedilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya ortanca yaşı 40 ay (3-192 ay) olan 14 (%51,9) erkek, 13 (%48,1) kız (E/K: 1,07) olan toplam 27 hasta dâhil edilmiştir. *Salmonella* izolatlarının 5 (%18,5)'i bir yaş altında, 14 (%51,9)'ü beş yaş altında, 8 (%29,6)'i beş yaş üstünde izole edilmiştir. *Salmonella* kültür üremeleri en sık yaz (n=15, %55,6) ve ilkbahar (n=6, %22,2) mevsimlerinde olmak üzere kış (n=4, %14,8) ve sonbahar (n=2, %7,4) aylarında da saptanmıştır. *Salmonella* üremeleri en sık Temmuz (%25,9) ve Ağustos (%22,2) aylarında saptanmıştır. İzole edilen *Salmonella* türlerinde siprofloksasin direnci %33,3, ampisilin direnci %26, trimetoprim-sulfametaksazol direnci %3,7 olarak saptanmıştır. Sonuç: Son 2 yıllık dönem göz önüne alındığında, *Salmonella* enfeksiyonu sıklığı en yüksek yaz aylarında saptanmıştır. Akut gastroenterit ile başvuran çocuk hastalarda özellikle kanlı-mukuslu ishal var ise *Salmonella* enfeksiyonları akla gelmelidir. *Salmonella* enfeksiyonlarının tedavisinde önerilen birinci basamak ilaçlar olan kinolonlara ve diğer antibiyotiklere karşı direnç oranları bölgemizde düşük olarak bulunmuştur. Buna uygun olarak kısıtlı antibiyogram bildirimi yapılarak dirençli suşların ortaya çıkmasının önüne geçilebilir.

Anahtar Kelimeler: antibiyotik, direnç, *Salmonella*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 095

Yoğun Bakım Hastalarından İzole Edilen *Escherichia coli*, *Klebsiella pneumoniae* Ve *Pseudomonas aeruginosa* İzolatlarında Seftazidim-Avibaktam Duyarlılığının Araştırılması

Merve Köle, Taner Tarladaçalışır

Edirne Sultan 1.Murat Devlet Hastanesi

Giriş ve Amaç: Yoğun bakım hastalarında gram negatif bakterilerin neden olduğu enfeksiyonlar önemli mortalite ve morbidite nedenlerindendir. Enfeksiyon etkenlerinin başında *E. coli*, *Klebsiella* ve *Pseudomonas* türleri gelmektedir. Bu enfeksiyonların tedavisinde kullanılan antimikrobiyallere (beta-laktam/beta-laktamaz inhibitörleri, sefalosporinler, karbapenemler, florokinolonlar, aminoglikozidler, polimiksinler) direnç gelişmesi bu enfeksiyonların tedavisini zorlaştırmakta ve bu durum önemli bir endişe kaynağı haline gelmektedir. Yeni bir beta-laktam/ beta-laktamaz inhibitörü olan seftazidim-avibaktam (CZA) çoklu ilaç dirençli gram negatif bakterilere karşı etkili bir antibiyotiktir. Bu çalışmanın amacı CZA'nın yoğun bakım hastalarından izole edilen *E. coli*, *Klebsiella pneumoniae* ve *P. aeruginosa* izolatlarına karşı in-vitro aktivitesini değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Ocak 2023 ve Aralık 2023 tarihleri arasında Edirne Sultan 1. Murat Devlet Hastanesi Mikrobiyoloji laboratuvarına dahili ve cerrahi yoğun bakım servislerinden gönderilen kültür örneklerinde anlamlı üreme olarak değerlendirilen gram negatif bakterilerden Vitek 2 Compact otomatize sistemi (BioMérieux, Fransa) ile *E. coli*, *K. pneumoniae* ve *P. aeruginosa* olarak tespit edilen 235 izolat dahil edilmiştir. İzolatların antimikrobiyal aktiviteleri "European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST)" kriterlerine göre değerlendirilmiştir. Duyarlı, standart doz (S) ve duyarlı, yüksek doz(I) bulunan sonuçlar tablo 2'de duyarlı olarak verilmiştir. CZA aktivitesi disk difüzyon testi ile (10-4 µg disk) çalışılmıştır. *E. coli* ve *K. pneumoniae* için 13 mm'nin altında ve *P. aeruginosa* için 17 mm'nin altında olarak ölçülen zon çapları dirençli olarak kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 235 gram negatif bakteri izolatının %31'i (n=73) kan örneklerinden, %33,2'si (n=78) solunum yolu örneklerinden ve %35,8'i (n= 84) idrar örneklerinden üremiştir. İzolatların %31,9'u (n=75) *E. coli*, %40,9'u (n=96) *K. pneumoniae*, %27,2'si (n=64) *P. aeruginosa* idi. *E. coli*, *K. pneumoniae* izolatları en sık idrar örneklerinden izole edilirken *P. aeruginosa* izolatları en sık solunum yolu örneklerinden izole edilmiştir (Tablo 1). *E. coli*, *K. pneumoniae* ve *P. aeruginosa* türlerinin seftazidim-avibaktama duyarlılıkları sırasıyla %88, %64,5 ve %96,8 olarak bulunmuştur. Yoğun bakım hastalarında sıklıkla kullanılan karbapenemlerden olan meropenem duyarlılığı ise *E. coli*, *K. pneumoniae* ve *P. aeruginosa* izolatlarında sırasıyla %75, %44, %92 olarak bulunmuştur (Tablo 2). Ampirik tedavi protokolünün sıklıkla uygulandığı yoğun bakımlarda *Pseudomonas* suşlarının neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde seftazidim-avibaktamın umut verici olabileceğini düşündürmektedir. Bununla birlikte *E. coli* ve *K. pneumoniae* türlerinde karbapenem dirençli suşlarda CZA tedavide önemli bir alternatif olarak karşımıza çıkmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1 Yoğun bakım hastalarından izole edilen gram negatif bakterilerin üretildikleri örneklerin dağılımı

	<i>Escherichia coli</i>	<i>Klebsiella pneumoniae</i>	<i>Pseudomonas aeruginosa</i>
Kan örnekleri	22	20	14
Solunum yolu örnekleri	13	41	29
İdrar yolu örnekleri	40	35	21

Tablo 2 Yoğun bakım ünitesi hastalarından izole edilen gram negatif bakterilerin 2003 yılı duyarlılıkları (%S)

organi zma	top lam izol at say ısı	Amp isilin	amok sisilin - klavu lonik asit	sefe pim	sefta zidim	sefta zidim - aviba ktam	seftri akso n	sefur oksi m	siprofl oksasi n	ertap enem	genta misin	imip ene m	mero pene m	piper asilin- tazob akta m	trimeto prim- sulfame toksazol	ami kasi n
<i>E. coli</i>	75	7	58	65	54	88	55	48	64	80	75	83	75	50	57	86
<i>K. pneu moniae</i>	96		37	27	24	65	28	24	34	38	50	40	44	30	40	53
<i>P. aurogi nosa</i>	64			89	84	97			89			88	92	88		98

S ve I bulunan sonuçlar duyarlı olarak kabul edilmiştir

Anahtar Kelimeler: seftazidim-avibaktam, antibiyotik direnci, gram negatif

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 096

Solunum Yolu Örneklerinden İzole Edilen Mikroorganizmalar ve Antimikrobiyal Duyarlılık Durumlarının Değerlendirilmesi

Merve Öztürk Beşbaş¹, Kenan Beşbaş², Abdurrahman Atak¹, Ayşenur Baltacıoğlu¹, İlkap Bahçeci¹

¹Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Rize

²Recep Tayyip Erdoğan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Rize

Giriş ve Amaç: Solunum yolu enfeksiyonları, tüm dünyada enfeksiyon hastalıklarına bağlı mortalite ve morbiditenin en önemli nedenidir. Bu çalışmamızda, Rize Eğitim ve Araştırma Hastanesi Klinik Mikrobiyoloji laboratuvarına çeşitli kliniklerden gelen alt solunum yolu örneklerinden izole edilen *Acinetobacter* spp., *Pseudomonas* spp., *Stenotrophomonas maltophilia*, *Klebsiella* spp. ve *Enterobacter* spp. bakterilerindeki antibiyotik duyarlılıklarını belirledik. Böylelikle ampirik tedavilere destek olmayı ve antimikrobiyal direnç profillerinin değerlendirilmesini amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Rize Eğitim ve Araştırma Hastanesi Klinik Mikrobiyoloji laboratuvarına Aralık 2020 ve Aralık 2023 tarihleri arasında çeşitli kliniklerden gönderilen alt solunum yolu örnekleri retrospektif olarak incelendi. Bakteri identifikasyonunda konvansiyonel yöntemler ve VITEK® 2 Compact otomatize sistemi(BioMérieux, Fransa) kullanıldı. Bakterilerin antimikrobiyal duyarlılık sonuçları EUCAST(The European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing) ve CLSI(Clinical & Laboratory Standards Institute) önerileri doğrultusunda belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamıza 1268'i trakeal aspirat, 373'ü balgam, 94'ü lavaj olmak üzere toplamda 1735 adet alt solunum yolu örneği dahil edildi. Örneklerin gönderildiği klinikler, yoğun bakım üniteleri ve diğer klinikler şeklinde sınıflandırıldı. *Pseudomonas* spp. dışındaki diğer dört etkenin yoğun bakım ünitelerinde daha fazla izole edildiği görüldü. *Acinetobacter* spp., 651(%37,5) örnekle en sık saptanan etken olup bunu sırasıyla; *Pseudomonas* spp. 567 (%32,6), *Klebsiella* spp. 251(%14,4), *Stenotrophomonas maltophilia* 148(%8,5) ve *Enterobacter* spp. 118(%6,8) takip etti. Cinsiyet dağılımına bakıldığında beş etkenin tümünde erkeklerin kadınlara göre daha baskın olduğu görüldü(Tablo 1). Etkenlerin tümü için antibiyotik duyarlılık oranları ve yüzdeleri ayrı ayrı hesaplandı. Bunun için klinik kullanımı sık olan; piperasilin/tazobaktam, seftazidim, sefepim, amikasin, imipenem, meropenem, tigesiklin, minosiklin, trimetoprim/sülfametoksazol, kolistin ve levofloksasin antibiyotikleri seçildi(Tablo 2). Antimikrobiyal direnç profillerinin bilinmesi; uygun antibiyotik kullanımına, artan direnç oranlarının önüne geçilebilmesine ve mortalite oranlarının düşmesine katkı sağlayacaktır.

13-17 Kasım 2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

XLI TÜRK MİKROBİYOLOJİ KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: Alt solunum yolu enfeksiyonları, anamnez öyküleri, gender dağılımı, klinikler, cinsiyetlere göre sayıları ve yüzdeleri(%) dağılımları

ETKENLER	NUMUNE TÜRÜ			KLİNİK		CİNSİYET		TOPLAM
	BALGAM	TA	LAJARI	YBİ	DEĞER	KADIN	ERKEK	
<i>A. baumannii</i> spp.	n:97 % 18,9	n:332 % 61,5	n:22 % 3,4	n:519 % 79,3	n:140 % 21,7	n:240 % 40	n:399 % 60	n:639 % 27,52
<i>Pseudomonas</i> spp.	n:190 % 31,2	n:341 % 60,1	n:16 % 0,4	n:275 % 40,3	n:292 % 42,3	n:117 % 19,1	n:350 % 51,7	n:567 % 20,68
<i>Klebsiella</i> spp.	n:40 % 18,3	n:391 % 70,9	n:13 % 2,2	n:385 % 71,7	n:66 % 10,1	n:111 % 17,1	n:188 % 28,9	n:279 % 14,47
<i>S. multophila</i>	n:17 % 22,3	n:111 % 71	n:20 % 11,3	n:34 % 62,8	n:33 % 57,2	n:16 % 27,8	n:32 % 62,2	n:149 % 8,53
<i>Enterobacter</i> spp.	n:23 % 19,5	n:92 % 76	n:3 % 2,3	n:86 % 72,9	n:32 % 27,1	n:36 % 25,4	n:46 % 34,6	n:118 % 6,9
TOPLAM	n:373 % 11,5	n:1248 % 73,1	n:54 % 5,4	n:1149 % 66,2	n:596 % 33,8	n:447 % 37,3	n:1008 % 42,7	n:1735 % 100

TA; Trakeal Aspirat, YBİ; Yoğun Bakım Ünitesi, *S. multophila*; *Stenotrophomonas maltophilia*

Tablo 2: İzole edilen solunum yolu patojenlerinin antibiyotik duyarlılık oranları ve yüzdeleri

ETKENLER	ANTİBİYOTİKLER (S/N) (%)										
	TZF	CAZ	FFP	AK	DSP	MEM	TGC	MIN	SXT	CO	LEV
<i>Klebsiella</i> spp.	127/240 (%53,3)	129/240 (%53,8)	137/240 (%57,1)	109/240 (%45,4)	109/240 (%45,4)	142/240 (%59,2)	—	—	142/240 (%59,2)	80/90 (%88,9)	77/141 (%54,6)
<i>Enterobacter</i> spp.	72/110 (%65,5)	47/110 (%42,7)	76/110 (%69,1)	104/110 (%94,5)	105/110 (%95,5)	112/110 (%101,8)	—	—	104/110 (%94,5)	10/10 (%100)	76/97 (%78,4)
<i>Pseudomonas</i> spp.	1/100 (%1,0)	21/100 (%21,0)	0/76 (%0,0)	11/110 (%10,0)	11/100 (%11,0)	176/110 (%160,0)	—	—	—	11/170 (%6,5)	10/141 (%7,1)
<i>Acinetobacter</i> spp.	27/140 (%19,3)	21/140 (%15,0)	—	19/140 (%13,6)	41/140 (%29,3)	144/140 (%102,9)	112/140 (%80,0)	—	112/140 (%80,0)	40/114 (%35,1)	10/100 (%10,0)
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	—	—	—	—	—	—	30/37 (%81,1)	118/140 (%84,3)	140/117 (%120,5)	—	—

S/N; Deparlı izole sayısı/Toplam izole sayısı, %; Deparlı izole yüzdesi.

TZF; Piperazilam Tazobaktam, CAZ; Seftrazolan, FFP; Fosfoglis, AK; Amikasin, DSP; Sisipresin, MEM; Moxisipresin.

TGC; Tigesiklin, MIN; Minosiklin, SXT; Trimetoprim Sülfametoksazol, CO; Kolistin, LEV; Levofloksason

Anahtar Kelimeler: Alt solunum yolu etkenleri, alt solunum yolu örnekleri, antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 097

Bir Üniversite Hastanesinde Klinik Örneklerden İzole Edilen *Providencia* Türlerinin Antibiyotik Direnç Profili

Burcu Yağcı, Selin Uğraklı, Merve Kızılkaya, Metin Doğan

Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Providencia* spp., Enterobacterales familyasındaki Gram-negatif basillerdir. *Providencia* türleri arasında özellikle *P.stuartii* ve *P.rettgeri*, hastanede yatan hastalarda enfeksiyonların yaygın nedenleridir ve solunum, santral sinir sistemi, üriner sistem, yara yeri ve kan dolaşımı gibi çeşitli enfeksiyonlara neden olabilir . Bu çalışmada , antimikrobiyal ajanların klinik seçimi için bir referans sağlaması amacıyla hastanemizdeki *Providencia* spp. izolatlarının antibiyotik direnç durumlarının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada 01.01.2022 ve 31.06.2024 tarihleri arasında Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi çeşitli kliniklerden mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen örneklerden izole edilen *Providencia* spp. türlerine dair veriler hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak değerlendirildi. Konvansiyonel kültür çalışmalarını takiben kültürde üreyen bakteriler MALDI-TOF MS (bioMérieux, Fransa) ile tür düzeyinde tanımlandı. İzolatların antibiyotik duyarlılıkları otomatize sistem BD Phoenix (Becton-Dickinson, ABD) ile ve kolistin duyarlılığı mikrodilüsyon yöntemiyle çalışıldı. Minimal İnhibitör Konsantrasyon (MIK) değerleri "European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing" (EUCAST)'e göre duyarlı (S) ve dirençli (R) olarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya yaşları 0 ila 93 arasında değişen 484 hastanın çeşitli klinik örneklerinden izole edilen 202 *Providencia* spp. örneği dahil edilmiştir. Hastaların 7 tanesi (%1.4) 0-17 yaş aralığında olup, 477 (%98.5) tanesi erişkin yaşta hastalardı. Hastaların 441'i (%91.1) yoğun bakım ünitelerinde , 43'ü (%8.8) çeşitli klinik servislerde yatmaktaydı. İzole edilen türlerin 448 tanesini (%92.5) *P. stuartii* , 22 tanesini (%4.5) *P. rettgeri* , 13 tanesini (%2.6) *P. rustigianni*, ve 1 tanesini (%0.2) *P. alcalifaciens* oluşturmaktaydı. İzole edilen bakterilerin 16 farklı antibiyotiğe karşı duyarlılıkları değerlendirilmiş, tüm direnç oranları Tablo:1' de verilmiştir. En düşük direnç oranı %67.7 ile meropenem karşı bulunmuştur. Meropenemi %85.5 direnç oranıyla amikasin ve %89.2 ile ertapenem izlemektedir. *Providencia* türleri genellikle ampisilin, amoksisilin, ve birinci kuşak sefalosporinlerin yanı sıra diğer birçok Gram-negatif bakterinin aksine kolistin ve tigesiklin gibi antibiyotiklere karşı doğal direnç göstermektedir. Son yıllarda özellikle *P. stuartii* suşlarında karbapenemaz üreten karbapenem dirençli izolatlar da yaygın hale gelmiştir. Özellikle yoğun bakım ünitelerinde gelişen *Providencia* enfeksiyonlarının çoklu ilaç direncine sahip olması nedeniyle hastaların morbiditesi ve mortalitesi üzerinde önemli etkisi vardır. *Providencia* türlerinin yayılmasını önlemede sıkı enfeksiyon kontrol uygulamaları ve direnç gelişiminin önlenmesinde uygun antibiyotik seçimi önem taşımaktadır. Bu bağlamda her merkezin kendi epidemiyolojik verilerini düzenli olarak belirlemesi gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Providencia türlerinin antibiyotik direnç oranları

	F. cefazolin(44)	F. cefixim(22)	F. piv. Rustigiani(13)	F. piv. Alcalifaciens(1)	Toplam
Amikasin	4/4(9.1%)	3/4(13.6%)	3/4(23.1%)	1/1(100%)	6/16(37.5%)
Amoksisilin/Klavulanat	4/4(9.1%)	22/22(100%)	13/13(100%)	1/1(100%)	40/40(100%)
Amikasin/Clavulanat	4/4(9.1%)	22/22(100%)	13/13(100%)	1/1(100%)	40/40(100%)
Sefotaksim/Tazobaktam	42/3(94.8%)	22/22(100%)	13/13(100%)	1/1(100%)	40/40(100%)
Siprofloksasin	4/2(50.0%)	11/19(57.9%)	11/19(57.9%)	1/1(100%)	67/107(62.6%)
Kolistin	4/4(9.1%)	22/22(100%)	13/13(100%)	1/1(100%)	40/40(100%)
St. Tazobaktam	47/2(94.7%)	18/18(100%)	20/20(100%)	1/1(100%)	63/63(100%)
Ceftazidim	4/4(9.1%)	13/13(100%)	12/12(100%)	1/1(100%)	61/61(100%)
Imipenem	4/2(50.0%)	18/18(100%)	11/19(57.9%)	1/1(100%)	40/60(66.7%)
Levofloksasin	4/2(50.0%)	18/18(100%)	11/19(57.9%)	1/1(100%)	40/60(66.7%)
Meropenem	30/1(96.8%)	11/11(100%)	8/8(100%)	1/1(100%)	50/50(100%)
Piperasidin/Tazobaktam	4/2(50.0%)	13/13(100%)	18/18(100%)	1/1(100%)	40/60(66.7%)
Sulfagim	4/4(9.1%)	11/19(57.9%)	18/18(100%)	1/1(100%)	47/60(78.3%)
Sulfamidon	4/4(9.1%)	18/18(100%)	11/19(57.9%)	1/1(100%)	47/60(78.3%)
Sulfonamid	4/4(9.1%)	18/18(100%)	11/19(57.9%)	1/1(100%)	47/60(78.3%)
Trimetoprim/ Sulfametoksazol	4/2(50.0%)	11/19(57.9%)	12/12(100%)	1/1(100%)	40/60(66.7%)

Anahtar Kelimeler: *Providencia*, antibiyotik direnci, epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 098

Bronkoalveoler lavaj örneklerinden elde edilen *Acinetobacter* türlerinin antibiyotik duyarlılıkları

Merve Kızılkaya, Selin Uğraklı, Burcu Yağcı, Metin Doğan

Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Acinetobacter* türleri, özellikle *Acinetobacter baumannii*; ventilatörle ilişkili pnömoni (VIP), bakteriyemi, menenjit, üriner sistem, gastrointestinal sistem ve yara enfeksiyonları gibi hayatı tehdit edebilen nozokomiyal enfeksiyonlara neden olur. Ayrıca *Acinetobacter* spp. Çoklu ilaç Direnci (ÇİD) göstermesi açısından klinik olarak önemli bir patojendir. Bu çalışmanın amacı hastanemiz servis ve polikliniklerine başvuran hastaların bronkoalveoler lavaj (BAL) kültürlerinde üreyen *Acinetobacter* türlerinin antibiyotik duyarlılık profillerini incelemektir.

Gereç ve Yöntem: Necmettin Erbakan Üniversitesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına 01.01.2019 – 30.08.2024 tarihleri arasında gelen 1592 adet BAL örneğinin sonuçları hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak tarandı. Çalışmaya kültür örneklerinde *Acinetobacter* spp. tespit edilen hastalar dahil edildi. Hastaların BAL kültür örnekleri konvansiyonel yöntemler ve MALDI-TOF MS (bioMérieux, Fransa) ile tanımlanmış ve BD Phoenix otomatize sistemi (Becton-Dickinson, ABD) ile antibiyotik duyarlılık profilleri belirlenmiştir. Kolistin mikrodilüsyon yöntemi ile çalışılmıştır. Tüm antibiyotikler EUCAST önerilerine göre değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızdaki 1592 örnekten 864'ü (%54,27) *A. baumannii*, 655'i (%41,14) *A. baumannii/calco.* kompleks, 68'i (%4,27) *Acinetobacter* spp., 5'i (%0,31) *A. lwoffii/heamolyticus* olarak tanımlanmıştır. Örneklerin 1557'si (%97,8) yoğun bakım ünitesi, 26'sı (%1,63) servis, 9'u (%0,57) poliklinik hastalarından elde edilmiştir. Hastaların 1018'i (%63,94) erkek, 574'ü (%36,06) kadındır. Duyarlılık profilleri belirlenen 8 antibiyotik en duyarlıdan en dirençliye doğru kolistin (%96,23), trimetoprim-sülfametoksazol (%30,15), gentamisin (%7,85), amikasin (%4,96), meropenem (%2,39), imipenem (%1,51), siprofloksasin (%1,82) ve levofloksasin (%1,88) olarak saptanmıştır. *Acinetobacter* suşları, özellikle yoğun bakım hastalarında enfeksiyonlara neden olmaktadır. Çoklu antibiyotik direncine sahip kökenlerin hastane ortamında yayılımının önlenmesi için in-vitro duyarlılık profillerinin sürekli takip edilerek antibiyotiklerin uygunsuz kullanımının önlenmesi ve etkin tedavi protokollerinin belirlenmesi etkili bir enfeksiyon kontrolü sağlayabilir. Elde ettiğimiz verilere göre hastanemizde *Acinetobacter* türlerine bağlı VIP'lerin tedavisinde ampirik tedavide tercih edilmesi en uygun antibiyotik kolistin olarak görülmektedir. Trimetoprim-sülfametoksazol da antibiyotik duyarlılık profillerine göre tercih edilebilir. Diğer antibiyotiklerin duyarlılıkları düşük görülmektedir. Elde ettiğimiz bu verilerin klinisyene ampirik tedavide yol gösterici olacağı düşünülmektedir.

Anahtar Kelimeler: *Acinetobacter*, antibiyotik direnci, bronkoalveoler lavaj

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 099

Bir Üniversite Hastanesinde, *Klebsiella pneumoniae* dışı Karbapenem Dirençli *Klebsiella* Türlerinde, Dirence Neden olan Karbapenemaz Tiplerinin Araştırılması

Murat Telli, Ayşe Çoban Acar

Aydın Adnan Menderes Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Antimikrobiyal direnç günümüzün en önemli sağlık problemlerinden birisidir. Dünya sağlık örgütünün “Öncelikli Bakteriyel Patojenler Listesi 2024” de karbapenemlere dirençli Enterobacterales’ ler kritik grupta yer almaktadır. Enterobacterales’ ler içinde karbapenemlere direnç, çoğunlukla *Klebsiella pneumoniae*’ de görülmektedir. Ancak direnç diğer türlere gen transferi ile hızla yayılmaktadır. Bu nedenle, çalışmamızda, hastanemizde izole edilmiş, *K. pneumoniae* dışı *Klebsiella* türlerinde (KPKD), karbapenemlere direnç varlığını ve dirence neden olan karbapenemaz enzim tiplerini araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza, 2015-2023 yılları arasında, Tıbbi Mikrobiyoloji, Bakteriyoloji Laboratuvarında izole edilmiş, karbapenem dirençli KPKD’ lar dahil edilmiştir. Suşların tanımlanması ve antibiyotik duyarlılık testleri, tam otomatize sistemle (Phoenix, BD, USA) yapılmıştır. Suşların tür doğrulaması yarı otomatik API 20E kiti (Biomerieux, France) ve geleneksel biyokimyasal testler ile yapılmıştır. Antibiyotik duyarlılık sonuçları, EUCAST kılavuzuna göre yorumlanmıştır. İmipenem, meropenem MİK değerleri, Gradient strip test (Liofilchem, Italy) ile, kolistin MİK değeri mikrodilüsyon testi (Liofilchem, Italy) ile belirlenmiştir. Dirence neden olan enzim varlığı, Phoenix CPO panel (BD,USA), yatay akım immunokromotografik test (YAİT) kiti (The RESIST-5 O.K.N.V.I., CORIS, Belgium) ve karbapenemaz enzim genleri NDM-1, KPC, OXA-48, VIM, IMP, polimeraz zincir reaksiyon testi (PZR) ile araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, toplam 10 tane karbapenem dirençli KPKD suşu bulunmuştur. Suşların, 4 tanesi *Klebsiella oxytoca*, 3’ er tane *Klebsiella aerogenes* ve *Klebsiella ozanae* olarak tanımlanmıştır. Suşların 5’ i (%50) kan, 4’ ü (%40) idrar, 1 tanesi periton maiden izole edilmiştir. Suşların tamamı, ampisilin, ampisilin/sulbaktam, sefepim, sefiksim, sefotaksim, seftazolan/tazobaktam, piperasilin/tazobaktam, ertapenem ve imipeneme dirençli bulunmuştur. Amikasin, kolistin, siprofloksasin, gentamisin, tobramisin, meropenem, seftazidim/avibaktam ve trimetoprim/sulfametoksazol direnci sırasıyla; %20, %20, %50, %50, % 60, %70, %70, %70 olarak bulunmuştur. Phoenix CPO testi ile 3 (%30) suş D grubu, 2 suş (%20) A grubu, 1 (%10) suş B grubu karbapenemaz enzimi, 4 (%40) suşta enzim grubu belirlenememiştir. YAİT ile PZR testleri uyumlu çıkmıştır. Enzim ve genler şöyledir; 3 (%30) suş NDM+OXA-48, 2 (%20) suş VIM+OXA-48, 2 (%20) suş KPC, 1 suşta sadece NDM, 1 suşta sadece VIM pozitifliği bulunmuştur. 1 suşta da ise testlerin hiçbirisi pozitif vermemiştir. Sonuçlar; karbapenem direnci en çok *K. oxytoca* türünde bulunmuştur. Antibiyotiklere direnç, kolistin ve amikasinde en düşük bulunmuştur .Dirençli suşlarda en sık, NDM ve OXA-48 enzim birlikteliği bulunmuştur.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: *Klebsiella* spp, Karbapenem direnci, Karbapenemazlar

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 100

***Klebsiella pneumoniae*'da Yıllara Göre Karbapenemaz Pozitifliği: Pandemi Direnç Üzerindeki Etkisi**

Nazlı Ata¹, Cansel Vatansever¹, Fatihan Pınarlık¹, Lal Sude Gücer¹, Önder Ergönül¹, Füsün Can¹

¹Koç Üniversitesi-İş Bankası Enfeksiyon Hastalıkları Araştırma Merkezi (KUISCID)

²Koç Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD

Giriş ve Amaç: Orta Asya ve Doğu Avrupa Antimikrobiyal Direnç Sürveyans Ağı (CAESAR) 2015-2020 verileri değerlendirildiğinde ülkemizde karbapeneme direnç oranı %30'dan %70'e kadar artmış, çok ilaca direnç ise %20'den %40'a kadar yükselmiştir. Artmaya devam eden direnç oranları, antibiyotik tedavilerinin başarı oranını düşürmekte ve ileriye dönük ciddi bir tehdit oluşturmaktadır. Bu çalışmada hedeflenen, karbapenem direnç mekanizmasında rol oynayan karbapenemaz genleri pozitiflik oranının son 10 yıldaki dağılımını incelemek olmuş ve farklı merkezlerden alınan örnekler çalışmaya dahil edilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya farklı merkezlerden 2015-2019 yılları arasında 356 ve 2020-2024 yılları arasında 407 karbapenem dirençli *Klebsiella pneumoniae* suşu dahil edilmiş ve bu örneklerin karbapenemaz türleri (OXA, KPC ve NDM) PZR yöntemi ile saptanmıştır. Zamana bağlı karbapenemaz pozitiflik oranları incelenmiş ve antibiyotik kullanımı, yaş gibi etkenlerle ilişkisi araştırılmıştır. Karbapenemaz dağılımındaki değişim bölgelere göre de değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: 2015-2019 yılları arasında yaş aralığı 41-79 olan toplam 356 hastadan (148 kadın, 208 erkek) izole edilen *K.pneumoniae*'larda OXA pozitifliği %60.39, KPC pozitifliği %1.97 ve NDM pozitifliği %20.51 olarak bulunmuştur. Hem OXA hem NDM pozitiflik oranı %13.76 iken KPC-NDM pozitifliği %0.28 olarak saptanmıştır. 2020-2024 yılları arasında ise yaş aralığı 52-83 olan toplam 407 hastadan (143 kadın, 264 erkek) izole edilen *K.pneumoniae*'larda OXA pozitifliği %66.34, KPC pozitifliği %8.35 ve NDM pozitifliği %27.03 olarak bulunmuştur. Hem OXA hem NDM pozitiflik oranı %15.72 iken KPC-NDM pozitifliği saptanmamıştır. Pandemi sonrası *K.pneumoniae* karbapenemaz pozitifliği özellikle KPC ve NDM türünde artış göstermekte ve özellikle büyük şehirlerde yüksek direnç saptanmaktadır. Pandemi sırasında antibiyotik kullanımının artması, sağlık turizmi ve göçlerin direnci olumsuz yönde etkilediği düşünülmekle beraber enfeksiyon kontrolünün önemi bir kere daha açıkça ortaya çıkmaktadır.

Anahtar Kelimeler: Antibiyotik direnci, Karbapenemaz, Pandemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 101

Üriner Sistem Enfeksiyon Etkeni *{E. coli}* Suşlarında Fosfomisin Direnç Genleri, CTX-M, SHV Ve TEM Genlerinin Araştırılması

İpek Omay Beşer¹, Nural Cevahir²

¹T.C. Sağlık Bakanlığı Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Ankara

²Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Ankara

Giriş ve Amaç: Fosfomisin, peptidoglikan sentezinin ilk basamağını geri dönüşümsüz olarak inhibe eden fosfoenolpiruvat analogu olan geniş spektrumlu bir antibiyotiktir. Fosfomisin direnci, fosfomisine geçirgenliğin azalması, antibiyotiğin hedef bölgesi olan MurA'daki modifikasyonlar ve enzimatik inaktivasyon gibi çeşitli mekanizmalarla gerçekleşmektedir. Bu çalışmada, idrar örneklerinden izole edilen fosfomisin dirençli *{E. coli}* izolatlarında fosfomisin direnç genlerinin araştırılması amaçlanmıştır. Fosfomisin direnç genlerinin, özellikle *{fosA3}*'ün *{blaCTX-M, blaTEM}* ve *{blaSHV}* gibi genişlemiş spektrumlu Beta-laktamaz (GSBL) genleriyle aynı plazmid üzerinde taşınıp yayılması nedeniyle, fosfomisin dirençli *{E. coli}* izolatlarında aynı zamanda beta-laktamaz gen varlığı da araştırılmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Haziran 2022- Şubat 2023 yılları arasında Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Merkez Bakteriyoloji Laboratuvarı'na kültür için gönderilmiş idrar örneklerinden izole edilen agar dilüsyon yöntemi ile fosfomisine dirençli bulunan 72 *{E. coli}* izolatı dahil edilmiştir. İzolatların antibiyotiklere duyarlılıkları ve GSBL pozitifliği otomatize sistem kullanılarak belirlenmiştir. Fosfomisine dirençli bulunan izolatlarda polimeraz zincir reaksiyonu (PZR) yöntemiyle fosfomisin direnç genleri *{(fosA3, fosA, fosC2, fosX, fosB)}* ve *{blaCTX-M, blaTEM, blaSHV}* olmak üzere üç beta-laktamaz geni araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Fosfomisin dirençli *{E. coli}* izolatlarının %48.6 (35/72)'sı GSBL pozitif olarak bulundu. Fosfomisin dirençli *{E. coli}* izolatlarının (n=72), %40,2 (29/72) 'sında *{blaCTX-M}*, %91,6 (66/72)'sında *{blaTEM}* ve %20,8 (15/72)'inde *{blaSHV}* geni saptandı. Yirmi sekiz izolatta *{blaCTX-M}* ve *{blaTEM}*, on üç izolatta *{blaTEM}* ve *{blaSHV}*, dört izolatta *{blaCTX-M}* ve *{blaSHV}* genleri beraber bulunurken, üç örnekte ise her üç gen beraber saptandı. Fosfomisin dirençli *{E. coli}* izolatının 3 (%4,2)'ünde *{fosA3}* geni saptanmış olup *{fosA, fosC2, fosX, fosB}* geni saptanmamıştır. *{fosA3}* geni saptanan üç izolatın ikisinde hem *{blaCTX-M}* hem de *{blaTEM}* genleri saptanırken diğer izolatta sadece *{blaTEM}* geni bulundu. Üç örnekte de *{blaSHV}* geni bulunamadı. Sonuç olarak; GSBL pozitif üropatojenik *{E.coli}* gibi çoklu ilaca dirençli enfeksiyonların tedavisinde fosfomisinin alternatif ilaç olarak kullanımı önerilmektedir. GSBL üreten *{E. coli}* suşlarında fosfomisin duyarlılığının belirlenmesi tedavinin yönlendirilmesinde ve direncin takibinde önemli olacaktır. Ülkemizdeki baskın fosfomisin direnç profillerinin belirlenmesi için daha fazla çalışmaya ihtiyaç vardır.

Anahtar Kelimeler: fosfomisin direnci, *{fosA}*, *{fosA3}*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 102

Yoğun Bakım Ünitelerinde Yatan Hastalardan Toplanan Klinik İzolatların Antibiyotik Dirençlerinin Disk Difüzyon ve Quicolor Besiyerinde Karşılaştırılması

Nurullah Çiftçi, Hanife Ardahanlı, Nima Hassan Waberi

Kafkas Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Kars

Giriş ve Amaç: Antimikrobiyal direnç; yoğun bakım ünitelerinde yatan hastalarda mortalite oranında, kalış süresinde ve dolayısıyla sağlık bakım maliyetlerinde önemli ölçüde artışa sebep olan küresel bir sağlık sorunu haline gelmiştir. Buna karşın hastalardan elde edilen izolatların antibiyotik duyarlılık profillerinin erken tespiti ve uygun tedavinin hemen başlanması, tedavi başarısının artırılması açısından kritik öneme sahiptir. Bu çalışmada, Mikrobiyoloji Laboratuvarımıza Yoğun Bakım Ünitelerinde(YBÜ) yatan hastalardan gelen örneklerden elde edilen 102 adet klinik izolatın Kirby Bauer disk difüzyon yöntemi ile belirlenen antibiyotik duyarlılık profillerinin Quicolor besiyeri ile karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemiz Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na YBÜ'den gönderilen örneklerde üreyen 13 *Escherichia coli* ve *Klebsiella pneumoniae*, 16 Metisilin-Dirençli *Staphylococcus aureus* (MRSA) ve 9 Metisilin-duyarlı *S. aureus* (MSSA), 47 *Acinetobacter baumannii* ve 4 *Pseudomonas aeruginosa* suşları çalışmaya dahil edildi. Antimikrobiyal direnç Kirby Bauer disk difüzyon yöntemi ve Quicolor besiyeri gibi hızlı antibiyotik duyarlılık testi ile zaman ve zon çapları açısından karşılaştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: *Acinetobacter baumannii* suşları incelendiğinde elde edilen tüm sonuçların disk difüzyon yöntemi ile aynı olduğu ancak *P. aeruginosa* suşlarının Amikasin'e karşı direncinde bir suшта çok büyük hata (ÇBH) tespit edildi. *Acinetobacter* ve *Pseudomonas* suşlarına karşı zon çapları en erken 6. saatte değerlendirilmiştir. Stafilokok suşları incelendiğinde bir MRSA suşunda klindamisine karşı disk difüzyon yöntemine kıyasla ÇBH (%4) tespit edilmiştir. Stafilokok suşlarının 17'sinde 4. saatte zonlar okunabilmiştir. Ancak, eritromisine karşı stafilokok suşlarının birinde BH (%4), birinde de ÇBH (%4), siprofloksasine karşı 2 suшта BH (%8), gentamisine karşı bir suшта BH (%4) raporlanmıştır. 6. saat yapılan zon ölçümlerinde bu suşların tamamında disk difüzyon yöntemi ile %100 uyum tespit edilmiştir. Bu nedenle çalışmada daha doğru sonuçlar elde edebilmek için Stafilokok zon çaplarının 6. saatte değerlendirilmesini önermekteyiz. İncelenen toplam 26 Enterobacteriaceae suşunda hem disk difüzyon, hem de Quicolor besiyerinde %100 uyum saptanmıştır. Enterobacteriaceae suşların antibiyotik duyarlılıkları 6. saatte değerlendirilebilmiştir. Ancak, yaptığımız çalışmada 6. saatteki ESBL değerlendirmesinde 5 suшта ÇBH (%19.2) tespit edilmiştir. 9. saatte yapılan değerlendirmede disk difüzyon yöntemi ile %100 uyumlu bir şekilde değerlendirilmiştir. Çalışmamızda, hızlı antibiyotik duyarlılık test sonuçlarının özellikle yoğun bakımda yatan hastalarda antimikrobiyal direncin erken tespiti için tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarlarında kullanılabileceğini göstermiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sonuçlarının değerlendirilmesinde optimum süre olarak 6 saat olarak belirlenmiştir. *P. aeruginosa*'da az sayıda suştan elde edilen veriler daha çok örnekle çalışılarak desteklenmelidir.

Anahtar Kelimeler: Kromojenik Agar, Disk Difüzyon, Antimikrobiyal direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 103

COVID-19 Pandemisi Öncesi ve Döneminde Kan Kültüründen İzole Edilen Gram Negatif Bakterilerin Tür Dağılımı ve Antibiyotik Direnç Profilleri

Pınar Etiz¹, Yağmur Ekenoğlu Merdan², Pervin Avcı²

¹Çukurova Üniversitesi Abdi Sütcü Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu, Adana, Türkiye

²Biruni Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

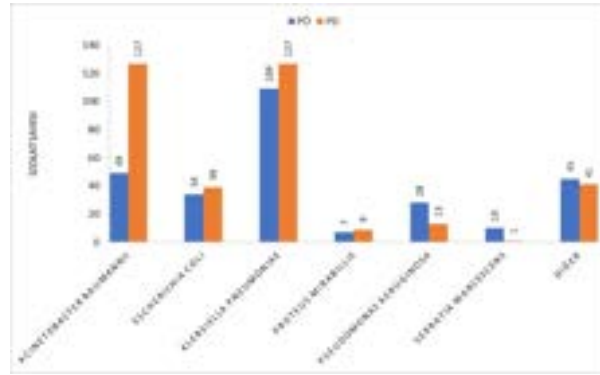
Giriş ve Amaç: Mortalite ve morbiditenin en önemli sebeplerinden biri olan kan dolaşım enfeksiyonları etkenlerinde görülen antimikrobiyal direnç, sağkalımı etkileyen önemli bir sorundur. Koronavirüs hastalığı-2019 (COVID-19) pandemisinin antimikrobiyal direnç üzerindeki etkisi ise halen tartışılmaya devam etmektedir. Çalışmamızda COVID-19 pandemi sürecinin etkisi ile kan kültüründe üreyen Gram negatif bakterilerin dağılımı ve antimikrobiyal direnç paternlerinde meydana gelen değişimlerin belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: COVID-19 pandemisi öncesindeki iki yıllık dönem (Mart 2018-Şubat 2020) ve pandeminin başlangıcından itibaren geçen iki yıllık dönemi (Mart 2020-Şubat 2022) kapsayan tarihler arasındaki dört yıllık veriler retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Laboratuvarımıza gönderilen kan kültürü şişeleri BACT/ALERT 3D (bioMérieux, Fransa) otomasyon sistemi ile takip edilmiştir. Etkenlerin tür düzeyinde identifikasyonu ve antimikrobiyal duyarlılıklarının tespiti "European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing" (EUCAST) kriterlerine göre VITEK® 2 compact (bioMérieux Clinical Diagnostics, France) otomatize sistem ile gerçekleştirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda Mart 2018 ve Şubat 2022 tarihleri arasında laboratuvarımızda toplam 1668 kan kültürü örneğinde üreme olmuştur. Üreme olan kültürlerin %38,3'ünde Gram negatif bakteri saptanmıştır. Gram negatif etkenlerin %44,1'i pandemi öncesi dönemde, %55,9'u pandemi döneminde izole edilmiştir. Çalışmaya dahil edilen hastaların yaş ortalaması pandemi öncesi dönemde 65,5±23, pandemi döneminde ise 71,3±17,3 olarak belirlenmiştir. İzolatların %91,9'u YBÜ'den gönderilen örneklerden elde edilmiştir. İzolatların pandemi öncesi ve pandemi döneminde tür dağılımları Şekil 1'de verilmiştir. En fazla izole edilen ilk dört izolat olan *Acinetobacter baumannii*, *Escherichia coli*, *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* için 18 farklı antibiyotiğin çalışıldığı geniş antibiyogram çalışmalarında direnç değişimleri tespit edilmiştir. İzole edilen Gram negatif bakterilerin dönemlere göre antibiyotik direnç oranları Tablo 1'de verilmiştir. En sık gözlenen dört bakteri türünde pandemi döneminde Amoksisilin/Klavulonik Asit, Ampisilin, Ampisilin-Sulbaktam, Seftriakson ve Sefuroksim direncinde azalma, Amikasin, Levofloksasin ve Sefepim direncinde (*Escherichia coli* hariç) artma görülmüştür. Hem pandemi öncesi dönemde hem de pandemi döneminde en sık izole edilen bakteri *Klebsiella pneumoniae* iken pandemi döneminde izolasyonu en fazla artan bakteri *Acinetobacter baumannii* olmuştur. *Acinetobacter baumannii* de görülen 2,6 katlık artışa pandemi döneminde geniş spektrumlu antibiyotik kullanımının artmasının neden olduğunu düşünülmüştür. *Acinetobacter baumannii* suşlarının pandemi döneminde,

pandemi öncesi döneme oranla amikasin, seftazidim, levofloksasin ve piperasilin/tazobaktam üzerinde yüksek oranda direnç geliştirdikleri gözlenmiştir ($p<0.001$). Tüm türlerde antibiyotik direnç profillerinde değişim olduğu, en belirgin değişimin ise *Escherichia coli*'deki genel antibiyotik direncindeki azalma olduğu görülmüştür.

Şekil 1. Pandemi öncesi ve pandemi döneminde kan kültürlerinde üreyen Gram negatif bakterilerin'in dağılımı



Tablo 1. Pandemi öncesi ve pandemi dönemi izole edilen Gram negatif bakterilerin antibiyotik direnç profilleri

	<i>Acinetobacter baumannii</i>		<i>Escherichia coli</i>		<i>Klebsiella pneumoniae</i>		<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	
	PÖ	PD	PÖ	PD	PÖ	PD	PÖ	PD
	N:49	N:127	N:34	N:39	N:109	N:127	N:28	N:13
Amikasin	%63,3	%90,6	%11,8	%0,0	%67,9	%81,9	%35,7	%46,2
Amoksisilin/ Klavulonik Asit	%87,8	%12,6	%85,3	%0,0	%91,7	%0,0	%82,1	%7,7
Ampisilin Sulbaktam	%2,0	%0,0	%41,2	%0,0	%11,9	%0,0	%14,3	%0,0
Ampisilin	%75,5	%0,0	%88,2	%64,1	%99,1	%67,7	%82,1	%0,0
Seftazidim	%24,5	%90,6	%70,6	%59,0	%94,5	%85,8	%46,4	%69,2
Seftriakson	%75,5	%0,0	%70,6	%2,6	%91,7	%58,3	%78,6	%0,0
Kolistin	%16,3	%3,1	%2,9	%0,0	%47,7	%52,8	%3,6	%23,1
Gentamisin	%93,9	%73,2	%41,2	%17,9	%76,1	%80,3	%46,4	%53,8
İmipenem	%98,0	%85,0	%14,7	%7,7	%59,6	%24,4	%53,6	%69,2
Levofloksasin	%57,1	%91,3	%47,1	%12,8	%17,4	%29,9	%17,9	%61,5
Meropenem	%95,9	%90,6	%23,5	%10,3	%73,4	%82,7	%60,7	%69,2
Netilmisin	%65,3	%74,8	%23,5	%10,3	%46,8	%29,1	%39,3	%84,6

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Piperasilin tazobaktam	%26,5	%92,1	%50,0	%15,4	%89,0	%86,6	%57,1	%69,2
Sefepim	%2,0	%3,1	%70,6	%51,3	%85,3	%90,6	%50,0	%61,5
Sefuroksim	%87,8	%10,2	%76,5	%61,5	%86,2	%60,6	%71,4	%7,7
Siprofloksasin	%98,0	%94,5	%76,5	%56,4	%90,8	%90,6	%50,0	%61,5
Tigesiklin	%26,5	%25,2	%11,8	%0,0	%67,0	%74,8	%85,7	%7,7
Trimetoprim- Sulfametoksazol	%95,9	%95,3	%38,2	%59,0	%81,7	%82,7	%17,9	%7,7

Anahtar Kelimeler: Antimikrobiyal direnç, COVID-19, Kan kültürü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 104

Enhancing the Antibacterial Activity of Hybrid Silver Nanoparticles Against ESKAPE Pathogens

Ruveyda Benk¹, Orhan Burak Ekşi², Pınar Sağıroğlu³, Mustafa Altay Atalay³, Ömer Aydın⁴

¹Biomedical Engineering, Erciyes University

²Nanotechnology Research and Application Center (ERNAM), Erciyes University

³Department of Medical Microbiology, Faculty of Medicine, Erciyes University

⁴Clinical Engineering Research and Implementation Center (ERKAM), Erciyes University

Introduction and purpose: Antimicrobial resistance (AMR) represents a significant threat to global public health and development. In 2019, it was estimated that bacterial AMR directly caused 1.27 million deaths worldwide. Turkey faces significant challenges regarding antibiotic resistance and consumption. Antibiotic resistance rates in Turkey are alarmingly high, with a notable presence of multidrug-resistant organisms such as *Escherichia coli*, *Klebsiella pneumoniae*, and *Staphylococcus aureus*. These pathogens exhibit high resistance to commonly used antibiotics, including beta-lactams, aminoglycosides, and fluoroquinolones. Efforts are being made to combat these issues, including the implementation of surveillance programs and adherence to international guidelines for antibiotic usage. The rapid development of nanotechnology in the past decades has provided new opportunities for antibacterial research. Quercetin is the most abundant plant flavanol from the flavonoid group that has anti-cancer and anti-inflammatory effects. Silver nanoparticles are the one of most common metallic nanoparticles that are used in nanotechnology.

Materials and Methods: In this study, nanoparticle was synthesized and characterization was done by checking their size, electrical charge. The antibacterial study of the hybrid coated quercetin-mediated silver nanoparticles, only silver nanoparticles were evaluated by disc diffusion method and microdilution method. All experiments were repeated 2 times. In disc diffusion method, all samples were checked alone in agar plate because, in earlier experiments we saw that their zones were so big. The fabricated AgNPs combined with quercetin have been seen an antibacterial effect against 2 ESCAPE pathogens and 4 strains. For now, meropenem-resistant *Klebsiella pneumonia*, Amikacin-resistant *Klebsiella pneumonia*, ciprofloxacin-resistant Enterococci and vancomycin-resistant Enterococci were used in experiments. In the future part, we will continue with 4 other ESCAPE pathogens in this month. Blood agar was used instead of Huntin Mueller because it was easier to see and photograph zones on blood agar.

Synthesis of Silver Nanoparticle

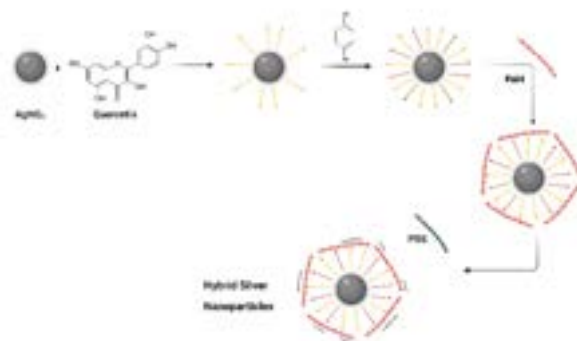
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



This figure illustrates that silver is reduced by quercetin and coated by PAH and PSS molecules.

Antibacterial Tests



This figure shows that two different methods have used to see the antibacterial effect of silver nanoparticles.

Findings and Conclusion: This nanoparticle size is around 100 nm and their electrical charge was -30 mV. They have a significant antibacterial effect on the ESCAPE pathogens with antibiotic resistance. The inhibition zone in disc diffusion experiments was bigger than 35 mm while silver nanoparticles showed a lower effect in microdilution experiments. In conclusion, antibiotic resistance is a global problem worldwide, and our nanoparticles can have a potential for treating these pathogens.

Disc Diffusion Test

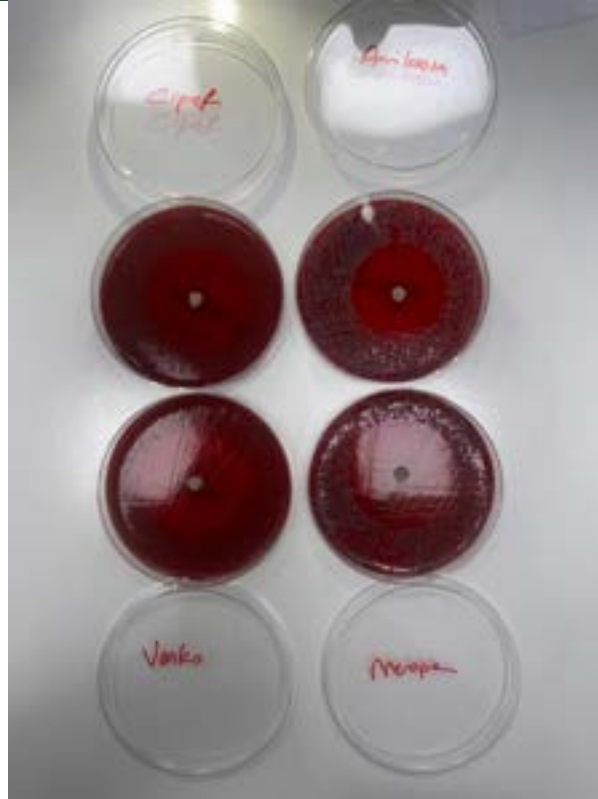
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



This figure shows effect of hybrid silver nanoparticles on antibiotic-resistant bacteria strains:
Meropenem resistant *K. pneumonia* Amikacin resistant *K. pneumonia* Ciprofloxacin resistant Enterococci
Vancomycin resistant Enterococci

Keywords: Antibiotic resistance, ESCAPE Pathogens, Silver nanoparticles

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 105

Karbapenem Dirençli *Klebsiella pneumoniae* İzolatlarında Seftazidim/ Avibaktam ve Aztreonam/ Avibaktam Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi

Selin Aras, Hafize Oruç, Reyhan Yiş, Orçun Zorbozan, Betil Özhak, Görkem Yaman, Mustafa Berktaş

Bakırçay Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

Giriş ve Amaç: Antibiyotik direnci, tüm dünyada her geçen gün artmaya devam eden büyük bir küresel tehdittir. “Multidrug resistant” (MDR) mikroorganizmaların daha sık izole edilmeye başlaması mortalite ve morbidite oranlarını da arttırmaktadır. GSBL tipi direnç, karbapenem kullanımını arttırarak bir anlamda karbapenem direncine evrilmiştir. Bu dirence karşı geliştirilmiş olan β laktam- β laktamaz-inhibitör kombinasyonlarının etki spektrumları oldukça değişkendir. Son yıllarda sık kullanım alanı bulmuş olan seftazidim-avibaktam (CAZ-AVİ)’in, MBL tipi karbapenemazlara karşı etkisiz olması önemli bir dezavantajdır. Aztreonam- avibaktam ise CAZ-AVİ etkisine benzer şekilde GSBL, KPC, AmpC, OXA-48 direnç genlerine karşı etkili olmasının yanında MBL tipi karbapenemazlara da etkili olması büyük avantaj sağlamaktadır. Çalışmamızda kan örneklerinden izole edilmiş olan MDR *K. pneumoniae* izolatlarının CAZ-AVİ ve AZA-AVİ duyarlılık oranlarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ağustos 2023- Ağustos 2024 tarihleri arasında Bakırçay Üniversitesi Çiğli EAH Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiş olan kan kültürlerinden izole edilen toplam 75 MDR *K. pneumoniae* kan izolatu çalışmaya dahil edilmiştir. İzolatlar toplanarak -40 °C’de saklanmış, sonrasında eş zamanlı canlandırılarak, CAZ-AVİ ve AZA-AVİ disk difüzyon testi EUCAST kriterlerine göre çalışılmış, sonuçlar değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan MDR 75 izolatın 63 tanesi (%84) yoğun bakımdan izole edilmiştir. İzolatların %36’sı CAZ-AVİ, %90,7’si AZA-AVİ duyarlı olarak saptanmıştır. Dört izolat AZA-AVİ için teknik belirsizlik alanında kalmıştır. CAZ-AVİ dirençli olan 48 izolatın 2’si (%4,1) AZA-AVİ dirençli bulunmuştur. Sadece 1 (%1,3) izolatta CAZ-AVİ duyarlı iken AZA-AVİ dirençli saptanmıştır. Hastanemizde saptanan yüksek CAZ-AVİ direnç oranları MBL oranlarının yüksek olma olasılığıyla açıklanabilir. Bu durumda AZA-AVİ iyi bir tedavi seçeneği olabilir. MDR *K. pneumoniae* enfeksiyonlarında tedavi seçenekleri değerlendirilirken karbapenemaz tipleri göz önünde bulundurulmalıdır. Bölgesel dağılımı farklılık gösteren bu enzim tiplerinin belirlenerek etkili antibiyotiğin başlanması bu enfeksiyonların tedavi edilebilme şansını arttıracaktır. İzolatların CAZ-AVİ ve AZA-AVİ antibiyotik duyarlılıklarına göre dağılımı Tablo1’de yer almaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1: İzolatların CAZ-AVİ ve AZA-AVİ antibiyotik duyarlılıklarına göre (%) dağılımı

DİRENÇ	CAZ-AVİ (%)	AZA-AVİ (%)
S	27 (36)	68 (90,7)
R	48 (64)	3 (4)
TBA	0 (0)	4 (5,3)
TOPLAM (%)	75 (100)	

*S: Duyarlı, R: Dirençli, TBA: Teknik belirsizlik alanı, CAZ-AVİ: Seftazidim-Avibaktam, AZA-AVİ: Aztreonam- Avibaktam

Anahtar Kelimeler: Aztreonam-avibaktam, Karbapenemaz, *K. pneumoniae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 106

Kan Kültürlerinde İzole Edilen *{Enterococcus faecalis}* ve *{Enterococcus faecium}* Antimikrobiyal Direnç Oranları

Şeymanur Ünlü Emir, Selin Uğraklı, Metin Doğan

Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Konya

Giriş ve Amaç: Enterokokların hem hastane hem toplum kökenli enfeksiyonlarda önemi giderek artmaktadır. Enterokok suşlarının yol açtığı enfeksiyonlarda etkenlerin izolasyonu doğru tanımlanması antibiyotik duyarlılık profillerinin belirlenmesi ve izlenmesi tedavi stratejilerinin belirlenmesine yardımcı olacaktır. Bu çalışmanın amacı, hastalarımızın kan kültürlerinde üreyen *Enterococcus faecalis* ve *Enterococcus faecium*'un antibiyotik direnç oranlarının araştırılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada, 1 Ağustos 2022-1 Ağustos 2024 tarihleri arasında üreyen *Enterococcus faecalis* ve *Enterococcus faecium*'un dağılımı ve antibiyotik direnç oranları retrospektif olarak incelenmiştir. Suşların identifikasyonu konvansiyonel yöntemleri takiben MALDI-TOF MS (bioMérieux, Fransa) ile tür düzeyinde tanımlandı. Antibiyotik duyarlılıkları BD Phoenix (Becton-Dickinson, ABD) otomatize sistemi kullanılarak yapılmıştır. Bakterilerin antimikrobiyal duyarlılık testleri, European Committee on Antimicrobial Susceptibility Testing (EUCAST) tavsiyelerine göre yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzole edilen 421 suşun; 228'i (%54,2) *E. faecium*, 193'ü (%45,8) *E. faecalis* olarak tanımlanmıştır. *E. faecalis*'in en fazla direnç gösterdiği antibiyotikler sırasıyla streptomisin (%62,2), gentamisin (%60,6); *E. faecium*'un en fazla direnç gösterdiği antibiyotikler sırasıyla ampicilin (%82,5), amoksisilin/klavulanik asit (%82), streptomisin (%75,9), gentamisin (%71,5) olarak tespit edilmiştir. *E. faecalis* izolatında linezolid direnci saptanmamış olup *E. faecium* için linezolidin en az direnç gelişen antibiyotik olduğu belirlenmiştir. Çalışmaya dahil edilen 228 *E. faecium* suşunun 144'ü (%63,2), 193 *E. faecalis* suşunun 145'i (%75,1) yoğun bakım ünitelerinden izole edilmiştir. Enterokoklara karşı gelişen antibiyotik direnç oranlarının artması tedavi seçeneklerini önemli ölçüde kısıtlamaktadır. Bu nedenle tedavide uygun antibiyotik kullanım kılavuzlarının oluşturulması, merkezlerin epidemiyolojik verilerini düzenli olarak tespiti ve buna göre tedavi protokolleri düzenlenmesi enterokok tedavisinin önümüzdeki yıllarda daha da komplike ve zor bir hale gelmesinin önlenmesinde faydalı olacaktır.

Anahtar Kelimeler: Antimikrobiyal direnç, *Enterococcus faecalis*, *Enterococcus faecium*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 107

Kolistin ve Seftazidim-Avibaktam İn Vitro Etkinliğinin Araştırılmasında İki Farklı Yöntemin Karşılaştırılması

Sümeyye Özel, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Şanlıurfa, Türkiye

Giriş ve Amaç: Antimikrobiyal direnç, insanlığın karşı karşıya olduğu en büyük 10 küresel halk sağlığı tehdidinden biridir. Gram negatif bakterilerin neden olduğu enfeksiyonlarda tedavi seçenekleri sınırlıdır ve polimiksinler ve seftazidim-avibaktam (CZA) gibi antimikrobiyal ilaçlar tedavinin son basamağıdır. Bu çalışmada *P.aureginosa* ve *K.pneumoniae* izolatlarında kolistin duyarlılığı için sıvı mikrodilüsyon yöntemi, CZA duyarlılığı için ise disk difüzyon testi (DDT) referans yöntem alınarak otomatize sistemin etkinliği amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 23.05.2024- 12.07.2024 tarihleri arasında mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen çeşitli klinik örneklerden, etken olarak izole edilen 33 *P. aureginosa* ve 88 *K. pneumoniae* olmak üzere toplam 121 suş dahil edildi. İzolatların tanımlanması MALDI-TOF-MS (bioMerieux, Fransa) ile yapıldı. Sıvı mikrodilüsyon (SMD) yönteminde kolistin (Sigma Aldrich, ABD) konsantrasyonu 0.25-128 µg/ml olacak şekilde ayarlandı. DDT için 10-4 mikrogram CZA diski ve Mueller Hinton agar (RTA, Türkiye) kullanıldı. 16-24 saat 35±1 C0 de inkübe edildikten sonra sonuçlar EUCAST v.14.0 standartlarına göre değerlendirildi. Aynı izolatlar Vitek 2 Compact otomatize sistemi AST-XN21 (bioMerieux, Fransa) duyarlılık kartıyla firma önerileri doğrultusunda çalışıldı. *E. coli* ATCC 25922 ve *P. aeruginosa* ATCC 27853 suşları kalite kontrol amacıyla kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda *K. pneumoniae* ve *P. aeruginosa* izolatlarının en fazla izole edildiği örnekler sırasıyla idrar ve derin trakeal aspirat örnekleri oldu (Tablo 1). *K. pneumoniae* izolatlarının sonuçları değerlendirildiğinde CZA duyarlılığı DDT ile %80.6, Vitek2 ile %73.8 olarak saptandı. CZA için otomatize sistemin kategorik uyumu (KU) %93.1, büyük hata oranı (BH) %6.8 olarak saptanırken, çok büyük hata (ÇBH) saptanmadı. Kolistin duyarlılığı SMD ile %64.7, Vitek2 ile %70.4 olarak saptandı. Kolistin için otomatize sistemin KU %84, BH oranı %4.5 ve ÇBH oranı %10.2 olarak saptandı (Tablo 2). *P. aeruginosa* izolatlarının sonuçları değerlendirildiğinde CZA duyarlılığı DDT ile %69.6, Vitek2 ile %63.6 olarak saptandı. CZA için otomatize sistemin KU: %81.8, BH oranı %6 ve ÇBH oranı %12.1 olarak bulundu. Kolistin duyarlılığı SMD ile %87.8, Vitek2 ile %90.9 olarak saptandı. Kolistin için otomatize sistemin KU: %78.7, BH oranı %9 ve ÇBH oranı %12.1 olarak bulundu (Tablo 2). Sonuç olarak otomatize sistemde hem CZA hem de kolistin için dirençli izolat sayısının daha az olduğu görülmüştür. Özellikle kolistin için referans yöntem olan SMD yönteminin kullanılması gerektiği görülmüştür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Suşların izole edildiği örnek tiplerinin dağılımı

	<i>K. pneumoniae</i> (n)	<i>P. aeruginosa</i> (n)
İdrar	30	6
Kan	22	2
Kateter	1	1
Balgam	8	4
Derin Trakeal Aspirat	15	13
Bronkoalveolar lavaj	2	1
Yara	8	3
Steril vücut sıvıları	1	2
Abse	1	-
Kulak	-	1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



K. pneumoniae ve *P. aeruginosa* izolatlarında CZA ve kolistin sonuçlarının iki farklı yöntemle elde edilen sonuçları

	<i>K. pneumoniae</i>	<i>P. aeruginosa</i>
DDT ile CZA duyarlılık oranı	%80.6	%69.6
Vitek2 ile CZA duyarlılık oranı	%73.8	%63.6
CZA için KU oranı	%93.1	%81.8
CZA için BH oranı	%6.8	%6
CZA için ÇBH oranı	-	%12.1
SMD ile kolistin duyarlılık oranı	%64.7	%87.8
Vitek2 ile kolistin duyarlılık oranı	%70.4	%90.9
Kolistin için KU oranı	%84	%78.7
Kolistin için BH oranı	%4.5	%9
Kolistin için ÇBH oranı	%10.2	%12.1

Anahtar Kelimeler: Seftazidim-avibaktam, Kolistin, Vitek 2

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 108

Yara Yeri Örneklerinden İzole Edilen *{Acinetobacter}* Spp. ve *{Pseudomonas}* Spp. Suşlarının Antibiyotik Direnç Oranlarının Değerlendirilmesi

Hüseyin Demir¹, Banu Hümeysra Keskin², Emel Çalışkan¹, İdris Şahin¹, Şermin Baykoca¹

¹Düzce Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Zonguldak Kadın Doğum ve Çocuk Hastalıkları Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Yara yeri enfeksiyonlarında çeşitli non fermenter bakteriler etken olarak karşımıza çıkabilmekte ve çeşitli direnç profilleri sergilemektedir. Bu çalışmada, yara yeri örneklerinden izole edilen *{Acinetobacter}* spp. ve *{Pseudomonas}* spp. suşlarının antibiyotik direnç oranlarının değerlendirilmesi, epidemiyolojik verilere katkı sağlanması ve ampirik tedavide yol gösterici olunması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ağustos 2020-Ağustos 2024 tarihleri arasında laboratuvarımıza çeşitli kliniklerden, steril Stuart taşıma besiyeri ile gönderilen yara yeri örneklerinin kalite değerlendirmesi Q skorlaması ile yapıldı. İzole edilen nonfermenter bakteri türleri retrospektif olarak incelendi. Bakteri tanımlaması konvansiyonel yöntemler, Phoenix (Becton Dickinson, ABD) veya Vitek 2 compact (bioMérieux, Fransa) otomatize sistemleri ile yapıldı. Antibiyotik duyarlılıkları Phoenix (Becton Dickinson, ABD) veya Vitek 2 compact (bioMérieux, Fransa) otomatize sistem ve/veya Kirby-Bauer disk difüzyon yöntemi kullanıldı. Çoklu ilaç direnci olan suşlarda kolistin duyarlılığı belirlendi. Bu amaçla sıvı mikrodilüsyon yöntemi kullanıldı. Seftazidim-avibaktam duyarlılığı yoğun bakım ünitelerinde tedavi gören hasta örneklerinden izole edilmiş, çoklu ilaç direnci olan *{Pseudomonas}* spp. suşlarında çalışıldı. Antibiyotik duyarlılıkları EUCAST kriterlerine göre belirlendi. *{Acinetobacter}* spp. suşlarının tigesiklin duyarlılığı ise Food and Drug Administration (FDA) önerisine göre değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Laboratuvarımıza çalışma zaman aralığında gönderilen 1112 yara yeri örneğinde anlamlı mikroorganizma üremesi tespit edilmiştir. Bunların 823'ünde (%74) bir etken izole edilmişken, 250'sinde (%22,5) iki, 37'sinde (%3,3) üç, birinde (%0,1) dört, birinde de (%0,1) 5 etken saptanmıştır. Üreme saptanan örneklerin 573'ü (%51,5) cerrahi kliniklerden, 439'u (%39,5) dahili kliniklerden, 100'ü (%9) yoğun bakım ünitelerinden gönderilmiş olup cerrahi kliniklerdeki üremenin diğer kliniklerden anlamlı şekilde yüksek olduğu bulunmuştur ($p<0,001$). İzole edilen bakterilerin 67'si *{Acinetobacter}* spp, 192'si *{Pseudomonas}* spp., altısı *{Stenotrophomonas maltophilia}*, ikisi *{Sphingomonas paucimobilis}* biri *{Roseomonas gilardii}*, biri *{Alcaligenes faecalis}* idi. *{Acinetobacter}* spp. ve *{Pseudomonas}* spp. suşlarının antibiyotik direnç oranları Tablo 1'de gösterilmiştir. Çalışmamızda cerrahi kliniklerdeki hastalardan gönderilen yara yeri örneklerindeki mikroorganizma üremesinin diğer kliniklerden daha fazla olduğu saptanmıştır. İmipenem, meropenem, levofloksasin, siprofloksasin, gentamisin ve amikasin antibiyotiklerine *{Acinetobacter}* spp. suşlarındaki direncin *{Pseudomonas}* spp. suşlarından anlamlı şekilde yüksek olduğu saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kolistin direncinin ise her iki bakteri türünde de oldukça düşük oranda olduğu belirlendiğinden, doz ayarlaması ve antibiyotik kombinasyonları yapılarak, kolistinin dirençli bakteri enfeksiyonlarında alternatif tedavi seçeneği olabileceği düşünülmüştür.

Tablo1. Bakteri türlerine göre antibiyotik direnç oranları

Antibiyotikler	Gram Negatif Bakteriler		Gram Pozitif Bakteriler		Toplam
	Oran (%)	Oran (%)	Oran (%)	Oran (%)	
Amikasin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Gentamisin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Tobramisin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Netilmisin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Sisomicin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Streptomisin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Kanamisin	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin B	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin A	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin C	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin D	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin E	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin F	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin G	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin H	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin I	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin J	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin K	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin L	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin M	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin N	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin O	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin P	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin Q	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin R	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin S	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin T	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin U	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin V	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin W	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin X	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin Y	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000
Amikasin + Polimiksin Z	100.000	100.000	100.000	100.000	100.000

Anahtar Kelimeler: Yara yeri örnekleri, Nonfermenter bakteriler, Antibiyotik direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 109

Hızlı Karbapenemaz Varlığını Saptayan Bir 'Lateral Flow Assay' Test Kiti Performansının Değerlendirilmesi

Eyşan Özgür Yarkıcı¹, Şeyda Şilan Okalin², Özgen Alpay Özbek¹

¹Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Dokuz Eylül Üniversitesi Bioİzmir Uygulama ve Araştırma Merkezi

Giriş ve Amaç: Bu çalışmanın amacı, Enterobacteriaceae üyesi bakterilerde karbapenemaz üretimini ve beş sık görülen karbapenemaz tipini (KPC, NDM, OXA-48, IMP, VIM) saptamaya yönelik “lateral flow assay” yöntemini kullanan Dynamiker Carbapenem Resistant Enterobacteriaceae (Dynamiker Biotechnology, Tianjin, Çin) testinin performansını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmada Kirby Bauer disk difüzyon yöntemi ile ertapenem, meropenem ve imipenem dirençli bulunan ve klasik PCR yöntemi ile karbapenemaz gen bölgeleri içerdikleri saptanan (7 OXA-48, 4 NDM, 7 NDM+OXA48, 6 KPC, 1 IMP, 1 VIM) 26 adet ve fenotipik olarak tüm antibiyotik gruplarına duyarlı bulunan 5 adet olmak üzere toplam 31 *Klebsiella pneumonia* izolatu kullanıldı. Taze kültür pasajından bir öze dolusu bakteri, içinde 300 µl ekstraksiyon “buffer”ı olan tüplere eklenip 1 dakika boyunca vortekslenildi. Ardından vortekslenen sıvıdan 200 µl kart testin kuyucuğuna eklendi. 15 dakika sonra gözle sonuçlar değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: OXA-48 içeren 7 izolatin hepsi kart testte de pozitif bulundu. NDM içerdiği bilinen 4 izolatin biri negatif, biri ise OXA-48 bandında yanlış pozitiflik oluşturdu. NDM ile OXA-48’i birlikte bulunduran 7 izolatta ise OXA-48 bandı tüm izolatlarda pozitif saptanırken, NDM bantlarında 2 izolatta zayıf pozitif, bir izolatta negatif sonuç elde edilmiştir. KPC içeren izolatların birinde bant gözlenmezken birinde KPC bandında zayıf pozitiflik diğerinde ise KPC bandında zayıf pozitiflikle beraber VIM bandında yanlış pozitiflik gözlemlendi. IMP ve VIM geni bulunduran izolatlar kart testte pozitif saptandı. Fenotipik olarak negatif olan izolatların hepsi kart testte de negatif bulundu. Çelişkili sonuçlar tekrar edilemedi. Çalışma bulgularına göre; testin duyarlılığı %88, özgüllüğü %83.3, pozitif öngörü değeri %95.6, negatif öngörü değeri %62.5, doğruluğu %87.1 olarak saptandı. Dynamiker Carbapenem Resistant Enterobacteriaceae test kiti ile OXA-48 içeren izolatların saptanması diğer karbapenem direnç gen bölgelerine göre daha başarılı bulunmuştur. NDM ve KPC içeren izolatlarda zayıf pozitiflik, yanlış negatiflik ve yanlış pozitiflik gibi sonuçlar görülmüştür. Test performansının daha iyi değerlendirilebilmesi için daha fazla sayıda izolatla yapılacak çalışmalara ihtiyaç vardır. Çelişkili sonuçlar için hem referans hem de kart testin tekrar edilmesi, uyumsuz sonucun devam ettiği durumlarda hedef genlerin dizi analizi yöntemi ile değerlendirilmesi önerilebilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Testlerin görsel değerlendirilmesi



Anahtar Kelimeler: Enterobacteriaceae, Hızlı karbapenemaz tespiti, Lateral flow assay

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 110

Salmonella Spp Suşlarında İn Vitro Antibiyotik Duyarlılığının ve Genişlemiş Spektrumlu Beta Laktamaz Varlığının Araştırılması

Üsâme Ünlü, Salim Yakut, Fadile Yıldız Zeyrek

Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Şanlıurfa, Türkiye

Giriş ve Amaç: Salmonella spp. gastroenterit, bakteriyemi, menenjit gibi çeşitli enfeksiyonlara neden olan etkenlerden biridir. Son zamanlarda, kinolon grubu ve üçüncü kuşak sefalosporinlere direnç de dahil olmak üzere, çoklu ilaca dirençli Salmonella türlerinin ortaya çıkışı, dünya çapında ciddi halk sağlığı sorunlarına yol açmıştır. Genişlemiş spektrumlu beta laktamaz (GSBL) salgılanması *Salmonella* spp suşlarında nadiren gözlenir. Bu çalışmada Salmonella spp. suşlarının antibiyotik direnci ve GSBL varlığının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ağustos 2021-Haziran 2024 tarihleri arasında çeşitli klinik örneklerde etken olarak saptanan 52 *Salmonella* spp., izolatu dahil edilmiştir. İzolatların tanımlanması Matriks assisted lazer desorption ionization time of flight massspectrometry [MALDI-TOF-MS (Biomerieux, Fransa)] ve VİTEK2 (Biomerieux, Fransa) ile yapılmıştır. Antibiyotik duyarlılık testi Muller Hinton Agarda disk difüzyon yöntemi (DDT) ile çalışılmıştır. Çalışmaya alınan 52 suş için ampisilin (AMP), amoksisilin klavulanik asit (AMC), seftazidim (CAZ), seftriakson (CRO), sefotaksim (CTX), cefoxitin(FOX), imipenem (IMP), meropenem (MEM), ertapenem (ETP), pefloksasin(PEF) ve trimetoprim-sülfametoksazol(SXT) antibiyotikleri çalışılmıştır. Florokinolon direncini saptamak için Pefloksasin 5 µg diski ile tarama testi yapılmıştır. GSBL saptanması çift disk sinerji yöntemi kullanıldı. Merkeze AMC diski yerleştirildi. Diğer diskler (CAZ, CRO, CTX) ile AMC diskinin arasında merkezden merkeze 30 mm olacak şekilde yerleştirildi. On altı-24 saat 35°C'de inkübasyondan sonra test edilen sefalosporinlerin etrafındaki inhibisyon zonunun AMC diskiye doğru genişlemesi veya arada bakterinin üremediği bir sinerji alanının bulunması GSBL varlığı olarak değerlendirildi. DDT sonuçları EUCAST v.14.0'a göre değerlendirilmiştir. Artmış dozda duyarlı olarak saptanan sonuçlar, duyarlı kategorisinde değerlendirilmiştir. Kalite kontrol amacıyla *E. coli* ATCC 25922 suşu kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İzolatların 47'si dışkı, 2'si kan, 2'si idrar ve biri beyin omurilik sıvısı kültürlerinden izole edildi. On bir izolatta siprofloksasin direnci (%21,1), üç izolatta amoksisilin-klavulanat direnci (%5,7), üç izolatta ampisilin direnci (%5,7), bir izolatta ise trimetoprim-sulfametoksazol direnci (%1,9) saptandı. Hiçbir izolatta üçüncü kuşak sefalosporin ve karbapenem direnci görülmedi. Hiçbir izolatımızda GSBL varlığı saptanmadı. Antibiyotik direnç oranları Tablo 1'de verilmiştir. Sonuç olarak antibiyotik direnci en önemli halk sağlığı sorunlarından biridir ve direncin önlenmesinde en kritik adımlardan biri uygun antibiyotik kullanım politikalarının uygulanmasıdır. Çalışmamızın sonuçlarına bakıldığında, Salmonella spp suşlarının neden olduğu enfeksiyonların tedavisinde birinci basamak ilaçlar olan Ampisilin, Amoksisilin-klavulanat ve Trimetoprim-sulfametoksazol kullanılabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Ancak florokinolon direncinin artışı endişe verici olup uygun antibiyotik kullanım politikalarının titizlikle uygulanması, antibiyotik direncinin kontrolünün sağlanmasına olanak sağlayacaktır.

Salmonella spp suşlarında antibiyotik direnç oranları

Kullanılan antibiyotikler	Direnç oranları (%)
Ampisilin	5,7
Amoksisilin klavulanik asit	5,7
Seftazidim	0
Seftriakson	0
Sefotaksim	0
Siprofloksasin	21,1
İmipenem	0
Meropenem	0
Ertapenem	0
Trimetoprim-sülfametoksazol	1,9

On bir izolatta siprofloksasin direnci (%21,1), üç izolatta amoksisilin-klavulanat direnci (%5,7), üç izolatta ampisilin direnci (%5,7), bir izolatta ise trimetoprim-sulfametoksazol direnci (%1,9) saptandı. Hiçbir izolatta üçüncü kuşak sefalosporin ve karbapenem direnci görülmedi. Hiçbir izolatımızda GSBL varlığı saptanmadı.

Anahtar Kelimeler: *Salmonella* spp., genişlemiş spektrumlu beta-laktamaz, Pefloksasin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 111

Early Diagnostic of Antimicrobial Resistance Bacteria with Surface-enhanced Raman Spectroscopy and Machine Learning

Zakarya Al-Shaebi¹, Munevver Akdeniz², Pınar Sağıroğlu³, Mustafa Altay Atalay³, Ömer Aydın⁴

¹Department of Biomedical Engineering, Erciyes University, Kayseri, 38039, Turkey

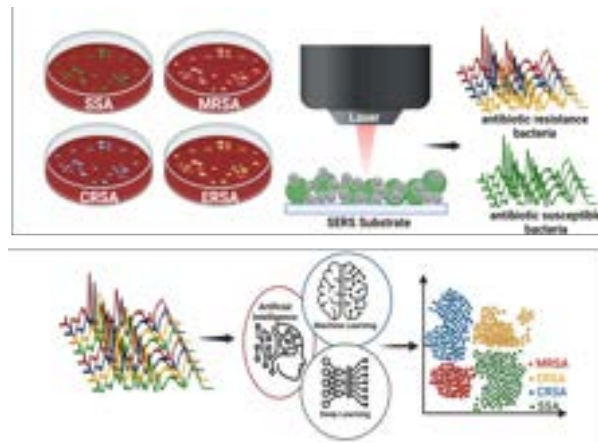
²NanoThera Lab, ERFARMA-Drug Application and Research Center, Erciyes University, Kayseri, 38280, Turkey

³Department of Medical Microbiology, Faculty of Medicine, Erciyes Üniversitesi, 38039, Kayseri, Turkey

⁴ERKAM-Clinical Engineering Research and Implementation Center, Erciyes University, Kayseri, 38030, Turkey

Introduction and purpose: Antimicrobial resistance (AMR) is a growing global health crisis, with *Staphylococcus aureus* (*S. aureus*) being a major contributor due to its ability to develop resistance to multiple antibiotics. Methicillin-resistant *S. aureus* (MRSA) and other resistant strains pose significant public health challenges, with projections suggesting AMR could cause up to 10 million deaths annually by 2050. Traditional detection methods, such as culturing and molecular techniques, often fall short in terms of speed and real-time application. Surface-enhanced Raman spectroscopy (SERS) offers a rapid and detailed alternative by utilizing silver nanoparticles to enhance Raman signals from bacterial samples. This study leverages SERS combined with machine learning to improve the classification of antibiotic-resistant *S. aureus* strains.

Table of Content



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Materials and Methods: We analyzed *S. aureus* strains with various antibiotic resistance profiles: methicillin-resistant (MRSA), erythromycin-resistant (ERSA), cefoxitin-resistant (CRSA), and antibiotic-sensitive (SSA). SERS spectra were collected using silver nanoparticles from five isolates of each strain (totaling 20 isolates). Spectra were processed and normalized before being classified using machine learning algorithms implemented in Google Colab, including k-nearest Neighbors (kNN), Random Forest (RF), Support Vector Machines (SVM), and others.

Findings and Conclusion: SERS spectra revealed distinct differences between antibiotic-resistant and susceptible *S. aureus* strains. Key spectral features associated with resistance mechanisms were identified. Machine learning algorithms, particularly Random Forest and k-Nearest Neighbors, demonstrated high classification accuracy, with kNN achieving 96.5% and RF 95.8%. These results highlight the effectiveness of combining SERS with machine learning to rapidly and accurately identify antibiotic resistance profiles. This approach offers a promising tool for improving clinical decision-making and combating the AMR crisis. Acknowledgment: This work has been supported by Erciyes University Scientific Research Projects Coordination Unit under grant number #FBAÜ-2023-12265.

Keywords: Antimicrobial Resistance, Surface-enhanced Raman spectroscopy, Machine Learning

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 112

Çeşitli Klinik Örneklerden İzole Edilen Çoklu İlaç Dirençli *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* İzolatlarında Seftazidim-Avibaktam Duyarlılık Oranları

Nuri Kiraz¹, Berna Erdal², Hülya Duran³, Zülal Zeynep Utkulu², Yavuz Uyar¹

¹İstanbul Üniversitesi- Cerrahpaşa, Cerrahpaşa Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul

²Tekirdağ Namık Kemal Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Tekirdağ

³Tekirdağ Dr. İsmail Fehmi Cumalıoğlu Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, Tekirdağ

Giriş ve Amaç: Çoklu ilaç dirençli(ÇİD) *Klebsiella pneumoniae* ve *Pseudomonas aeruginosa* izolatları hastane enfeksiyonlarına, özellikle de yoğun bakım ünitesi, neden olan önemli patojenlerdir. Bu bakterilerin etken olduğu enfeksiyonlar ciddi mortalite ve morbidite nedenidir. Patojenlerin ÇİD olması nedeniyle tedavi seçenekleri oldukça sınırlıdır. Günümüzde seftazidim-avibaktam (CZA) her iki patojene bağlı ÇİD enfeksiyonlarda tercih edilmektedir. Bu çalışmada çeşitli klinik örneklerden izole edilen ÇİD *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* izolatlarında CZA duyarlılık oranlarının incelenmesi, beraberinde *K.pneumoniae* suşlarının karbapenemaz tiplerinin araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Tekirdağ Namık Kemal Üniversitesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına 01.01.2023-31.12.2023 tarihleri arasında yatan hastalardan gönderilen çeşitli klinik örneklerden izole edilen ÇİD *K.pneumoniae* ve *P.aeruginosa* izolatları çalışmaya dahil edilmiştir. Çoğul ilaç direnci tedavide kullanılan ≥ 3 sınıf antibiyotiğe (karbapenemler de dahil) direnç olarak değerlendirilmiştir. Öncelikle izolatların otomatize sistem (BD Phoenix, Becton Dickinson, USA) ile rutin kültür-antibiyoqram testi çalışılmış, ÇİD saptandığında izolatların CZA duyarlılığı disk difüzyon yöntemi ile (Bioanalyse, Türkiye) test edilmiş ve sonuçlar EUCAST kriterlerine göre değerlendirilmiştir. Ayrıca ÇİD *K.pneumoniae* izolatlarında karbapenemaz tiplendirilmesi için KPC&MBL&OXA-48 disk kiti (LİOFİLCHEM, İtalya) kullanılmış, kitin önerisi doğrultusunda karbapenemaz tipi belirlenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 72 farklı hastaya ait izolatlar dahil edilmiş olup bunların 48'inde ÇİD *K.pneumoniae*, 24'ünde ÇİD *P.aeruginosa* izole edilmiştir. Bu çalışmaya dahil edilen izolatların klinik örneklerle göre dağılımı %33.3 endotrakeal aspirat, %29.2 kan, %27.8 idrar, %5.5 yara, %4.1 katater olarak bulunmuştur. 24 ÇİD *P.aeruginosa* izolatının 6'sı (%25) CZA duyarlı, 18'i (%75) dirençli olarak bulunmuştur. 48 ÇİD *K.pneumoniae* izolatının karbapenemaz tiplendirilmesinde 39'u (%81.3) OXA-48, 9'u (%18.7) MBL olarak belirlenmiştir. OXA-48 tipi olan 39 izolattan 27'si (%69.3) CZA duyarlı, 12'si (%30.7) ise dirençli olarak tespit edilmiştir. Seftazidim-avibaktam ÇİD bakteriler kaynaklı enfeksiyonların tedavisinde önemli bir antibiyotiktir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Çalışmamızda her ne kadar tüm isolatlar yerine sadece ÇİD isolatlar arasındaki duyarlılık oranları değerlendirilmiş olsa da ÇİD *P.aeruginosa* enfeksiyonu tedavisinde hastanemiz için tek başına çok yeterli bir ilaç olmadığı, mutlaka duyarlılık test sonucuna göre tedavi planlamasının yapılması gerektiğini düşünmekteyiz. ÇİD *K.pneumoniae*'da saptadığımız oranlar ise literatüre benzer şekildedir ve tedavi için CZA'nın uygun bir seçenek olduğu kanısındayız.

Anahtar Kelimeler: çoğul ilaç direnci, *Pseudomonas aeruginosa*, *Klebsiella pneumoniae*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 113

Tekirdağ İlinde İki Farklı Hastanede Yatan Hastalardan İzole Edilen *Stenotrophomonas maltophilia* İzolatlarının Antibiyotik Duyarlılıklarının Değerlendirilmesi: İki Yıllık Çalışma

Fadime Yılmaz Yücel¹, Nuri Kiraz², Hülya Duran¹, Berna Erdal³, Zühal Zeynep Utkulu³, Yavuz Uyar²

¹Tekirdağ Dr. İsmail Fehmi Cumalıoğlu Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Tekirdağ

²İstanbul Üniversitesi Cerrahpaşa-Cerrahpaşa Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı İstanbul

³Tekirdağ Namık Kemal Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı Tekirdağ

Giriş ve Amaç: *Stenotrophomonas maltophilia* hastanelerde, özellikle de yoğun bakım ünitelerinde, yatan hastalarda ciddi hastane enfeksiyonlarına neden olan fırsatçı bir patojendir. Karbapenemler de dahil birçok antibiyotiğe karşı intrinsek direnç göstermesinden dolayı *S.maltophilia*'nın tedavisi oldukça zordur. Bu çalışmada Tekirdağ ilinin iki farklı hastanesinden izole edilen *S.maltophilia* izolatlarının çeşitli antibiyotiklere duyarlılık oranlarını belirlemeyi ve iki hastane verisini karşılaştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Tekirdağ Namık Kemal Üniversite Hastanesi ve Tekirdağ Dr.İsmail Fehmi Cumalıoğlu (İFC) Şehir Hastanesi ilimizde üçüncü basamak sağlık hizmeti veren iki hastanedir. Çalışmamıza her iki hastanede 01.01.2022-31.12.2023 tarihleri arasında yatan hastalara ait çeşitli klinik örneklerden izole edilen ve enfeksiyon etkeni olarak klinisyen tarafından kabul edilen *S.maltophilia* izolatları dahil edilmiştir. İzolatlar otomatize sistem (BD Phoenix, Becton Dickinson, USA) (VİTEK 2 Comptact, Biomerux, Fransa) ile tanımlanmış, trimetoprim-sülfometaksazol (TMP-SXT) ve levofloksasin antibiyotik duyarlılıkları EUCAST önerileri doğrultusunda otomatize sistem ile çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Tekirdağ Dr. İFC Şehir Hastanesinde 2022 yılında 72, 2023 yılında 52 olmak üzere toplam 124; Tekirdağ NKÜ Hastanesi'nde 2022 yılında 32, 2023 yılında 36 olmak üzere toplam 68 *S.maltophilia* izole edilmiştir. İzolatların örneklerle göre dağılımı incelendiğinde şehir hastanesinde üreme saptanan numunelerin yaklaşık %80'i solunum örnekleri iken üniversite hastanesinde 2022'de en sık solunum ve kan, 2023'de idrar ve solunum örnekleri olarak tespit edilmiştir (Tablo 1). Antibiyotik duyarlılığında S ve I kategorisini birlikte değerlendirdiğimizde; şehir hastanesinde en duyarlı antibiyotik levofloksasin iken üniversite hastanesinde 2022'de TMP-SXT, 2023'de levofloksasin olduğu görülmüştür. İki antibiyotik için de duyarlılık oranlarının şehir hastanesinde üniversite hastanesine göre daha düşük olduğu, direncin yıllar içinde ise her iki hastanede de arttığı tespit edilmiştir (Tablo 2). Sonuç olarak, *S.maltophilia* ciddi enfeksiyonlara neden olabilen ve tedavi yanıtında zorluk yaşanabilen önemli bir patojendir. Çalışmamızda solunum, kan ve idrar gibi birçok örnekte önemli bir etken olduğu tespit edilmiş, tedavisinde ise her iki hastane için de TMP-SXT ve levofloksasinin uygun birer antibiyotik olduğu, fakat direnç oranlarının yıllar içinde artış gösterdiğinden mutlaka kültür-antibiyogram sonucuyla birlikte değerlendirilmesi gerektiği kanısına varılmıştır. Ayrıca TMP-SXT'e karşı saptadığımız beklenmeyen direncin aynı klona bağlı bir salgın kaynaklı olduğunu düşünmekteyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: *Stenotrophomonas maltophilia* izolatlarının örneklere göre dağılımı (%)

ÖRNEKLER	Tekirdağ Dr. İFC Şehir Hastanesi		Tekirdağ NKÜ Hastanesi	
	2022	2023	2022	2023
ETA	68.0	55.8	37.6	25.0
Balgam	12.5	13.4	18.7	8.4
Yara	2.8	5.8	0	13.8
Katater	4.2	9.6	0	5.5
Kan	6.9	5.8	31.3	19.4
İdrar	2.8	3.9	9.3	27.9
Apse	1.4	1.9	0	0
Periton	1.4	0	0	0
Biyopsi	0	3.8	0	0
Konjonktiva	0	0	3.1	0

Tablo 2: *Stenotrophomonas maltophilia* izolatlarının antibiyotik duyarlılık oranları (%)

Duyarlılık	Tekirdağ DR. İFC ŞEHİR HASTANESİ				Tekirdağ NKÜ Hastanesi			
	LEV		TMP_XT		LEV		TMP_XT	
	2022	2023	2022	2023	2022	2023	2022	2023
	n=72	n=52	n=72	n=52	n=32	n=34	n=32	n=36
S	47.2	73.0	0.0	0.0	93.7	94.0	0.0	0.0
I	43.0	15.4	83.4	83.0	3.2	3.0	100	94.0
R	9.8	11.6	16.6	17.0	3.1	3.0	0.0	6.0

Anahtar Kelimeler: antimikrobiyal direnç, *Stenotrophomonas maltophilia*, tedavi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 114

Klinik Örneklerden İzole Edilen *{Clavispora lusitaniae}* İzolatlarının Klinik Önemi ve Antifungal Duyarlılıkları

Cem Artan, Ömür Mustafa Parkan, Aynur Türkan, Ayşe Nedret Koç

Erciyes Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: *{Clavispora lusitaniae}* (eski adı: *{Candida lusitaniae}*), çoklu ilaç direnci olan ve hızla antifungal ilaç direnci kazanabilen, invazif enfeksiyonlara neden olan bir maya türüdür. *{C. lusitaniae}* özellikle altta yatan hastalığı olan immün sistemi baskılanmış hastalarda fırsatçı enfeksiyonlara, aynı zamanda hastane enfeksiyonlarına neden olabilir. Bu çalışmada çeşitli klinik örneklerden izole edilen *{C. lusitaniae}* izolatlarının klinik önemi ve antifungal duyarlılıkların belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi'nde ayaktan veya yatarak tedavi gören 16 hastadan alınan klinik örnekler (BAL (Bronkoalveolar lavaj), balgam, ETA (Endotrakeal aspirat), safra, kan) çalışmaya alındı. Klinik örnekten izole edilen izolatlar; fenotipik yöntemler (mikroskopik ve makroskopik morfolojisi, kromojenik besiyesindeki koloni rengi (Brilliance Candida agar (Oxoid, England), üreaz aktivitesi, ısı toleransı ve karbonhidrat asimilasyon testi (the API 20C AUX (bioMérieux, France) ve MALDI-TOF MS (Matriks Assisted Lazer Desorption Ionization Time of Flight Mass Spectrometry) Vitek MS Prime (bioMérieux, France) ile tanımlaması yapıldı. İzoların antifungal duyarlılıkları, amfoterisin B, flukonazol, vorikonazol ve kaspofungin için gradient Strip Test yöntemiyle (bioMérieux, France) değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Klinik örnekten izole edilen izolatlar fenotipik yöntemler ve MALDI-TOF MS ile *{C. lusitaniae}* olarak tanımlandı. *{C. lusitaniae}* izole edilen klinik örneklerin sıklıkla solunum yolu örnekleri (BAL, ETA ve balgam) ve idrar, daha az sıklıkta kan, safra örnekleri olduğu belirlendi. *{C. lusitaniae}* izole edilen klinik örnekler en sıklıkla Göğüs Hastalıkları Servis ve Yoğun Bakım, Dahiliye ve Pediatri Yoğun Bakım, Genel Cerrahi ve Nefroloji servislerinden ve daha az olarak da Enfeksiyon Hastalıkları, Pediatri ve Göğüs Cerrahi servisinden gelmekte idi. Hastaların yatış tarihleri ve servisleri hastane enfeksiyonları yönünden değerlendirildiğinde birbirleri ile ilişki belirlenemedi. *{C. lusitaniae}* izole edilen hastalar erişkinlerde 51- 82 yaş ve çocuklarda 3-10 yaşlarında ve K/E oranı eşit olduğu belirlendi. Hastaların hepsinde alt hastalık bulunmaktaydı, bunlar: böbrek yetmezliği, akciğer hastalığı, kalp hastalığı, organ tümörleri, kollajen doku hastalıkları olduğu belirlendi (Tablo 1.). İzolatların antifungal MİK50/MİK90 ve GO (geometrik ortalama) değerleri incelendiğinde; en yüksek MİK flukonazolde, en düşük MİK amfoterisin B de olduğu bulundu (Tablo 2.). Bu çalışmada, altta yatan hastalığı olan, immün sistemi baskılanmış hastalarda fırsatçı mantar enfeksiyonlarında *{Candida}* türlerinin yanında *{C. lusitaniae}*'nin etken olabileceği bulunmuştur. Ayrıca bu izolatın flukonazol direnci olabileceği düşünülerek, tedavide antifungal seçiminde göz önünde bulundurulmalıdır.

Örneklerin elde edildiği hastaların demografik özelliklerinin incelenmesi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sıra No	Yazı/Özet No	Gönderildiği Birim	Özdek Alın Tarihi	Klinik Özet	Alın Yatan Hastalar	Değerlendirme
1	10 Etilik	Profesör Adilhan Servisi	24.02.2017	Kan	İntrinsik prokoagulantiyon DVT, ABY	İşg
2	63 Kadın	Genel Cerrahi Servisi	23.09.2018	Saba	Karaciğer kanseri	İşg
3	79 Etilik	Göğüs Hastalıkları Servisi	26.05.2021	Bulgam	KOAH, KBY	İşg
4	79 Kadın	Göğüs Hastalıkları YBÜ	21.06.2022	BAL	HT, DM, Anam, KBY, KBY	İşg
5	64 Etilik	Göğüs Hastalıkları Cerrahisi	22.06.2021	BAL	Alveoler kanser	İşg
6	3 Kadın	Yenidoğan YBÜ	15.12.2021	İdrar	Metabolik bozukluklar	İşg
7	69 Kadın	Nefroloji Servisi	27.06.2022	BAL	KBY, HT, Hipertansiyon	İşg
8	39 Etilik	Dahiliye YBÜ	12.07.2023	ETK	HT, KBY, Sepsis	ETK
9	89 Kadın	Göğüs Hastalıkları Servisi	09.01.2023	İdrar	KOAH	İşg
10	47 Etilik	Dahiliye YBÜ	06.10.2021	ETK	Alveoler kanser, KBY, DM, HT	ETK
11	81 Etilik	Göğüs Hastalıkları Polikliniği	01.08.2022	İdrar	Wegener granülomatözü, nefritik	İşg
12	71 Kadın	Medikal Onkoloji Servisi	27.02.2020	İdrar	Meme kanseri	İşg
13	71 Etilik	Nefroloji Servisi	05.02.2024	Kan	Miyom kanseri, SVH	İşg
14	63 Kadın	Nefroloji Servisi	07.12.2023	BAL	KBY, HT, Kronik idiyomatik kulp hastalığı, DM	İşg
15	66 Kadın	Kardiyoloji YBÜ	26.11.2023	İdrar	ABY, SVH, Meme kanseri hastalıkları	ETK
16	83 Etilik	Göğüs Hastalıkları Servisi	03.11.2023	BAL	KDM, Akut gastrit, Pnömoni	İşg

* BAL: Bronşyal sekresiyeler lavajı, ETK: Endotrakeal aspirat, DVT: Derin ven trombozu, ABY: Akut idiyomatik nefritik, KOAH: Kronik obstrüktif akciğer hastalığı, KBY: Kronik böbrek yetmezliği, HT: Hipertansiyon, DM: Diabetes mellitus, KAH: Kronik kalp hastalığı, SVH: Serebral vasküler hastalık, YBÜ: Yenidoğan Ünitesi

Tablo 1. Öncüklerin elde edildiği hastaların demografik özelliklerinin incelenmesi

Clavispora lusitanae suşlarının antifungal Mik50/Mik90 ve GO değerleri

Tablo 2. *Clavispora lusitanae* suşlarının antifungal Mik₅₀/Mik₉₀ ve GO değerleri

Antifungal	MİK aralık	MİK ₅₀	MİK ₉₀	GO
Anidurisin B	0,002-0,25	0,05	0,125	0,004
Flukonazol	0,125-16	0,5	1	0,5
Vorikonazol	0,003-0,75	0,016	0,03	0,003
Kasofungin	0,016-0,25	0,125	0,25	0,196

MİK: Minimal İnhibitör Konsantrasyon, MİK₅₀ and MİK₉₀: Sırasıyla %50 ve %90'ın inhibisyonunu sağlayan MİK değerleri olarak kabul edilir. GO: Geometrik ortalaması

Anahtar Kelimeler: {*Clavispora lusitanae*}, antifungal duyarlılık, flukonazol direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 115

Kandidemilerde Kan Kültüründen Hızlı Tanı ve Duyarlılık Testi Yöntemlerinin Karşılaştırılması

Damla Köklü¹, Deniz Turan¹, Sebahat Aksaray²

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi İstanbul Haydarpaşa Numune Eğitim Ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Hamidiye Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Haydarpaşa Numune Eğitim Ve Araştırma Hastanesi SUAM

Giriş ve Amaç: Kandidemi olgularında erken tür tayini ve antifungal duyarlılığın hızlı saptanması, tedavinin doğru yönlendirilmesi açısından büyük öneme sahiptir. Bu çalışmada, kan kültüründen direkt tanımlama yöntemleri, antifungal duyarlılık açısından direkt ve konvansiyonel disk difüzyon yöntemleri ile VITEK-2 Compact System (BioMérieux,Fransa) sonuçlarının karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Yatan hastaların kan kültürlerinde BacT/ALERT (bioMérieux,Fransa) ile üreme sinyali saptandığında yapılan Gram boyama sonucu maya görülen şişeler kullanılmıştır. Maya üremiş kan kültüründen direkt germ tüp testi (GTT) uygulanmış; CHROMagar Candida ve Sabouraud Dextrose Agar (SDA) ekimleri yapılmıştır. Yirmi dört saat 35°C'de inkübasyon sonrası üreyen maya isolatlarının tanımlaması; CHROMagar'da renk değişikliği, SDA'dan yapılan GTT ve MALDI-TOF MS (BioMerieux, Fransa) ile belirlenmiştir. Kan kültürü sıvısından direkt olarak metilen mavili Mueller Hinton Agar'a ekilip flukonazol, vorikonazol, kaspofungin diskleri yerleştirilmiş; 35°C'de 24 saat inkübasyon sonunda zon çapları ölçülmüştür. Ayrıca SDA'da üreyen suşlara, CLSI M44 kurallarına göre konvansiyonel disk difüzyon yöntemi uygulanmış ve tüm duyarlılık kategorisi sonuçları CLSI M27M44S-ED3 rehberine göre değerlendirilmiştir. Antifungal duyarlılıklar eş zamanlı olarak VITEK-2'de AST YS06 kartıyla da çalışılıp, sonuçlar firmanın önerileri doğrultusunda yorumlanmıştır. Her üç yöntemle elde edilen sonuçlar kategorik uyum açısından karşılaştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: CHROMagar'da beş farklı renk ve morfolojide *Candida* türü gözlenmiştir. SDA'da üreyen 45 izolatin 21'i *C.albicans*, dokuzu *C.parapsilosis*, yedisi *C.glabrata*, beşi *C.tropicalis*, ikisi *C.kefyr*, biri *C.auris* olarak MALDI-TOF MS ile tanımlanmıştır. CHROMagar'da yapılan karşılaştırmada *C.parapsilosis* ve *C.auris* kolonilerinin benzer görüntü oluşturarak ayırt edilemediği saptanmıştır. Hızlı tanımlamada direkt GTT ile iki *C.albicans* izolatu negatif olarak saptanırken, bir *C. tropicalis* izolatu her iki yöntemle de yalancı pozitif bulunmuştur. *C.albicans* ve *C.tropicalis* isolatlarında, çalışılan her üç antifungal için yöntemler arasında %100 kategorik uyum bulunmuştur. *C. glabrata*'da ise klinik direnç sınır değeri (KDS) sadece flukonazol için tanımlanmış olup yöntemler arasında %100 kategorik uyum saptanmıştır. Dokuz *C.parapsilosis* izolatinin birinde kaspofungin için büyük hata ve birinde küçük hata saptanmıştır. Bunların dışında kalan *Candida* türlerinde KDS'ler tanımlanmadığı için karşılaştırma yapılamamıştır. Hızlı tanımda GTT'nin albicans dışı *Candida* türlerinde ayırım yapamaması ve CHROMagar'ın sınırlı sayıda *Candida* türünü tanımlayabilmesi, yöntemlerin dezavantajlarını oluşturmaktadır. Konvansiyonel disk difüzyon yönteminde

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



KDS belirtilmeyen *Candida* türlerinde duyarlılık sonucunun verilememesi, bu yöntemin uygulanmasını kısıtlamaktadır. Hızlı antifungal duyarlılık test yönteminin kandidalarda kullanılabilmesi için ek çalışmalara ihtiyaç vardır.

Anahtar Kelimeler: Direkt Antifungal duyarlılık, Hızlı tanı, Kandidemi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 116

Gaziantep Üniversitesi Mikoloji Laboratuvarına Gönderilen Çeşitli Örneklerden İzole Edilen *Candida* Şuşlarının Değerlendirilmesi

Gülsüm Kaya Özen, Hilal Sümeyra Karalar, Hamide Dilara Tüter, Esra Kırkgöz Karabulut, Ayşe Büyüktaş Manay, Yasemin Zer, Deniz Gazel

Gaziantep Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı, Gaziantep

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada çeşitli klinik örneklerden izole edilen *Candida* izolatlarının tür dağılımı ve antifungal duyarlılıklarının retrospektif olarak incelenmesi amaçlanmıştır

Gereç ve Yöntem: Gaziantep Üniversitesi Hastanesi Mikoloji Laboratuvarına Ocak 2024-Ağustos 2024 tarihleri arasında gönderilmiş klinik örnekler retrospektif olarak incelenmiştir. Örneklerin kültür işlemleri laboratuvarımızda Sabouraud dextrose agar besiyerine (25 ve 37 °C olmak üzere 2 farklı besiyerine) ekimi yapılmıştır. Plaklar günlük olarak kontrol edilmiştir. *Candida* üremesi düşünülen örneklerden Gram boyama yapılmıştır. Mikroskopide gram pozitif boyama özelliği gösteren mantar örnekleri için Bakteriyoloji Laboratuvarında BD (Becton Dickinson) Phonex m50 cihazı ile otomatize mantar tanımlanması yapılmıştır. Antifungal değerlendirmesi ise Bruker MICRONAUT-AM ile yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 508 mantar kültür örneği retrospektif olarak incelenmiştir. İncelenen örneklerin 197'si (%38,78) kadın 311'i erkektir (%61,22). İncelenen 508 örneğin 219'u BAL (%43,11);113'ü Plevra (%22,24);71'i Ameliyat materyali (%13,98);70'i Balgam (%13,78);14'ü Tırnak (%2,76);10'u Göz örnekleri (%1,97) ve 11'i diğer örneklerdir (% 2,17). Geldiği klinikler ise 437 örnek Göğüs Hastalıkları ve Göğüs Cerrahisi bölümlerinden (%86,02);15'i Dermatoloji Kliniğinden (%2,95); 13'ü Enfeksiyon Kliniğinden (%2,56);8'i Göz Hastalıkları Kliniğinden (%1,57);8'i Çocuk Kliniğinden (%1,57) ve 27'si diğer kliniklerden gelmiştir (%5,31). 508 örneğin 482'sinde üreme olmamıştır (%94,88); 3'ünde diğer mantar elemanları üremiştir (%0,59) ve 23'ünde *Candida* türleri üremiştir (%4,52). *Candida* türleri içerisinde 15'i *Candida albicans* (%65,22); 3'ü *Candida glabrata* (%13,04); 2'sinde *Candida tropicalis* (%8,70); 1'i *Candida auris* (%4,35); 1'i *Candida dubliniensis* (%4,35) ve 1'i *Candida krusei* (%4,35) üremiştir. Direnç durumları: Tüm *Candida albicans* Amfoterisin B; Anidulafungin; Caspofungin; Fluconozole; Flucytosine; Itraconozole; Posaconazole; Itraconozole ve Micafungin'e duyarlı olarak bulunmuştur. *Candida glabrata* örneklerinden biri Anidulafungin; Caspofungin; Micafungin ve Flucytosin'e dirençli Fluconozole, Itraconozole ve Voriconozolele duyarlı olarak bulunmuştur. *Candida tropicalis* ve *Candida auris*'e antifungal çalışılamamıştır. *Candida krusei* Amfoterisin B; Anidulafungin; Caspofungin ve Micafungine duyarlı iken Fluconozole, Itraconozole, Posaconazole ve Voriconozolele dirençli bulunmuştur. *Candida dubliniensis* de antifungallere duyarlı olarak bulunmuştur. 219 BAL örneğin 15'inde üreme olmuştur. Bunlardan 9'u *Candida albicans*; 3'ünde *Candida glabrata*; 2'sinde *Candida tropicalis* ve 1'inde *Candida dubliniensis* üremiştir. 113 Plevra örneğin 6'sında üreme olmuştur.5'i *Candida albicans*; 1'i *Candida krusei* üremiştir. 14 tırnak örneğin 1'inde *Candida auris* üremiştir. 71 ameliyat materyalin 1'inde *Candida albicans* üremiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sonuç: *Candida albicans* üretilen mantar izolatlarının önemli kısmını oluşturmaktadır. Bölgemizdeki *C. albicans* izolatları analiz edildiğinde henüz bu grup için antifungal direnç sorunu olmadığı söylenebilir.

Anahtar Kelimeler: Mantar, *Candida*, antifungal duyarlılık

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 117

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Candida auris* Suşlarının Klinik Önemi ve Antifungal Duyarlılıkları

Ayşe Nedret Koç, Ebru Başalan Sakallı, Gamze Kalın Ünüvar

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Candida auris* tanımlanmasından bu yana kısa bir süre içinde çeşitli ülkelerden rapor edilen, hastane salgınından sorumlu çoklu ilaca dirençli yeni bir *Candida* türüdür. Bu çalışmada, Erciyes Üniversitesi Hastanesinde klinik örneklerden izole edilen *Candida auris* suşlarının klinik önemini ve antifungal duyarlılıklarının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde son yedi ayda laboratuvarımıza gönderilen çeşitli klinik örnekler, kolonizasyon ve çevre kültürleri için örnekler çalışmaya alındı. İzole edilen mayalar fenotipik ve (Matriks Assisted Lazer Desorption Ionization Time of Flight Mass Spectrometry (MALDI-TOF MS- Vitek MS Prime (bioMérieux, France) tanımlanması yapıldı. Suşların antifungal duyarlılıkları gradient Strip Etest yöntemiyle (bioMérieux, France) belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 14 olgu ve 27 klinik örnekten izole edilen suşlar fenotipik yöntemler ve MALDI-TOF MS ile *Candida auris* olarak tanımlandı. *Candida auris* izole edilen örnekler en çok inguinal, kulak, axilla, daha az sıklıkta kan, meme altı, idrar, yara, intramusküler kateter ucu örnekleri olduğu belirlendi. *Candida auris* izole edilen kliniklerden alınan çevre kültürlerinde (60 çevre kültürü) üreme olmadı. Hastaların yaş ortalamaları 55,2'dir. Hastaların %100'de yoğun bakımlarda (YBÜ) yatışı olduğu belirlendi. Hastaların %100'ünde az bir alt hastalık ve santral venöz katater olduğu görüldü. Tüm hastalar *Candida auris* öncesi en az ikili antibakteriyel ilaç kullanmıştı (Tablo 1). Hastaları 5'i başlangıçta antifungal (4 kaspofungin veya 1 flukonazol) almaktaydı ve üreme rapor edildikten sonra kaspofungin ile devam edildi. Hastaların 5'i anti-fungal tedavi almadan hayatını kaybetti. Hastaların mortalitesi %42,8, 30 günlük mortalite ise % 50 idi. Hastaların ortalama yatış süresi 38,8 gündü. Suşların antifungal Minimum İnhibitör Konsantrasyon (MİK)50/MİK90 ve Geometrik Ortalama (GO) değerleri incelendiğinde; en yüksek MİK flukonazol, amfoterisin Bde, en düşük MİK anidulafungin, posakonazolde olduğu bulundu (Tablo 2, 3). Sonuç olarak hastanemizdeki izole edilen *Candida auris* suşların nöroloji YBÜ ' den izole edildiği ve diğer YBÜ (dahiliye ve hematoloji) ' lerine yayıldığı belirlendi. *Candida auris* izolasyonunda hastanın semptomuna göre alınan klinik örneği yanında diğer vücut bölgelerinden kolonizasyon için kültürlerinin yapılması önemli olduğu görülmektedir. Enfeksiyon kontrol önlemlerinin ve izolasyonların zamanında uygulanması olası bir salgını engellemede önemli olacaktır. *Candida auris* suşların en yüksek MİK flukonazolde, amfoterisin Bde, en düşük MİK anidulafunginde, posakonazolde olduğu belirlendiğinden dolayı, tedavide antifungal ajan seçiminde bu durumu göz önünde bulundurulması gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 118

Pediyatrik Yaş Grubunda Solunum Yolu Örneklerinden İzole Edilen *Aspergillus* Türlerinin ve Serum Galaktomannan Seviyelerinin Retrospektif Değerlendirilmesi

Asuman Birinci, Elif Ateş

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun

Giriş ve Amaç: Tüm dünyada yaygın olarak bulunan *Aspergillus*, immunsuprese hastalarda ciddi enfeksiyonlara neden olur. Klinikte en sık karşılaşılan *Aspergillus* türleri *A. fumigatus*, *A. flavus*, *A. niger*, *A. terreus* dur. İnsan enfeksiyonlarının yaklaşık %90' ından sorumlu olan *A. fumigatus* tur. Galaktomannan (GM) invaziv aspergillozun erken tanısında serum, bronkoalveolar lavaj (BAL), beyin omurilik sıvısı (BOS)' da saptanabilen bir antijendir. Günümüzde *Aspergillus* enfeksiyonu tanısında GM antijen testi sıklıkla kullanılmaktadır. Bu testin serum örneği için duyarlılığı %56-%89, özgüllüğü 67-99 arasındadır. BAL örneği için duyarlılık %88, özgüllük %81'dir. *A. fumigatus* dışındaki *Aspergillus* türlerinde *A. fumigatus*' a kıyasla testin duyarlılığı daha yüksektir. Ayrıca nötropenik hastalardaki duyarlılığın nötropenik olmayanlara göre daha yüksek olduğu belirtilmektedir. Serumla karşılaştırıldığında BAL' da duyarlılığın daha yüksek olduğu kabul edilir. Bu çalışmada pediyatrik yaş grubundan Mikoloji laboratuvarına gönderilen solunum yolu örneklerinden izole edilen *Aspergillus* türlerinin ve GM antijen pozitifliğinin retrospektif olarak değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: OMÜ Tıp Fakültesi Mikoloji Laboratuvarına Ocak 2017-Nisan 2024 yılları arasında gönderilmiş olan pediyatrik yaş grubuna ait solunum yolu örneklerinde üreyen *Aspergillus* türleri ve GM antijeni pozitiflik açısından retrospektif olarak incelenmiştir. Mikoloji laboratuvarına gönderilen örneklerden *Aspergillus* tür tayini kültür ve mikroskopi yardımıyla gerçekleştirilmiştir. GM antijeni EIA (Platelia Aspergillus, BioRad, Fransa) ile çalışılmış ve optik dansite indeksinin 0,5 üzerinde olması pozitif olarak kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen altı hastaya ait altı klinik örnek incelenmiştir. Gönderilen örneklerden üç tanesi trakeal aspirat, üç tanesi balgamdır. Altı klinik örnekte de *A. fumigatus* üremiş ve klinisyen tarafından dikkate alınarak tedavi başlanmıştır. Altı hastanın ikisinde malignite, üçünde kistik fibrozis birinde de yaygın immün yetmezlik tanısı vardır. Altı hastanın dördünden GM antijen testi istenmiş olup sadece birinde pozitif saptanmıştır. İnvaziv aspergilloz genellikle immunsuprese hastalarda yüksek mortalite ve morbidite nedeni olan ve tanısı klinik bulgular, radyolojik ve laboratuvar verilerinin birlikte değerlendirilmesine dayanan bir mantar hastalığıdır. Özellikle pediyatrik yaş grubunda örneklerin zor elde edilmesi, bazı klinik örneklerin (serum gibi) tanıda duyarlılık ve özgüllük açısından yetersiz kalması nedeniyle hastalığın tanısı gecikmektedir. Bizim incelememizde GM antijen testinin sadece bir hastada pozitif saptanması türlerin *A. fumigatus* olması ve BAL dışındaki klinik örneklerde testin duyarlılığın düşük olması ile açıklanabilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Duyarlılığı ve özgüllüğü yüksek yeni erken tanı tekniklerin geliştirilmesi mortalite ve morbiditeyi azaltacaktır.

Anahtar Kelimeler: *Aspergillus*, Pediatrik Hasta, Galaktomannan

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 119

Bir Yıllık Süreçte Onkoloji Hastanesinde Klinik Örneklerden İzole Edilen *Candida* Türlerinin Epidemiyolojisi

Esra Tavukcu, İpek Mumcuoğlu, Serap Süzük Yıldız, Tuba Dal

Sağlık Bilimleri Üniversitesi Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, Ankara, Türkiye

Giriş ve Amaç: *Candida* enfeksiyonları, kanserli hastalarda önemli bir mortalite ve morbidite nedenidir. Bu hasta grubunda yoğun immünsupresif tedavi, uzun süren nötropeni ve geniş spektrumlu antibiyotik kullanımı fungal kolonizasyon ve enfeksiyon oranını artırmaktadır. Son yıllarda, bu hastalarda izole edilen *Candida* türlerinde ve antifungal duyarlılıklarında değişiklikler olmuştur. Buna bazı *Candida* türlerinin doğal direnç genleri taşıması da eklendiğinde kandidaların tür düzeyinde tayini daha önemli hale gelmiştir. Laboratuvarlarda kandidaların tanımlanmasındaki gelişmeler, sadece invaziv örneklerden değil kolonizasyon olarak değerlendirilen örneklerden de tür düzeyinde tanımlama yapılmasını kolaylaştırmıştır. Bu durum hasta takip, izolasyon ve hızlı tedavi başlanması gibi konularda iyileşme sağlamıştır. Bu çalışmada, laboratuvarımızda MALDI-TOF/MS sistemiyle tanımlaması yapılan *Candida* türleri değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Hastanemizde 01.07.2023-31.08.2024 tarihleri arasında yatarak takip edilen hastalardan izole edilen *Candida* izolatları retrospektif olarak değerlendirilmiştir. İzolatları tür düzeyinde tanımlanması MALDI-TOF/MS yöntemiyle yapılmıştır (01.07.2023-31.12.2023 tarihlerinde Bruker Daltonics/Almanya sistemiyle, 01.01.2024-31.08.2024 tarihlerinde Biomerieux/Fransa sistemiyle tanımlanmıştır).

Bulgular ve Sonuç: Toplamda 549 hastadan 1146 *Candida* spp. izole edilmiş, her hastanın ilk izolatu çalışmaya alınarak 682 *Candida* izolatu tür düzeyinde isimlendirilmiştir. Örneklerin 42'sinde (%6.2) (24 idrar, 14 alt solunum yolu örneği, 4 kan) birden fazla *Candida* üremesi olmuştur. *C.albicans* (%74.3) tüm örneklerde en sık izole edilen tür iken, onu *C.glabrata* (%6.6), *C.parapsilosis* (%5.7), *C.krusei* (%3.6), *C.tropicalis* (%3.5) ve *C.kefyr* (%2.3) takip etmiştir (Tablo 1). İdrar ve alt solunum yolu örnekleri sadece tür düzeyinde raporlanırken; steril sıvı, apse, yara ve BAL örneklerinden izole edilen 235 (%34,5) *Candida* izolatının duyarlılık testleri yapılmıştır. Hastaların 29'unda hem kateter hem de kan kültürlerinde aynı *Candida* türünün olduğu tanımlanmış ve kateterle ilişkili kan dolaşımı enfeksiyonu (KİKDE) tanısı konulmuştur. Dış merkezden gelen bir hastanın giriş kültüründe *C.auris* üretilmiş ve hasta izolasyona alınmış, başka olgu izlenmemiştir. Sonuç olarak, hastanemizde *C.albicans* izolatlarının daha sık görüldüğü ve daha dirençli olma potansiyeli bulunan *albicans*-dışı izolatların daha az olduğu izlenmiştir. *Candida* izolatlarının tür düzeyinde hızlı tanımlanması antifungal duyarlılık testlerinin doğru şekilde yorumlanmasını sağlayarak etkili tedaviye en kısa sürede ulaşılmasını sağlamıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Kateter ve kan kültürlerinden aynı türün izole edildiğinin kısa sürede gösterilmesi KİKDE tanısı konulmasını hızlandırmıştır. Hastanemize dış merkezden gelen bir hastanın giriş kültüründe 24 saat içinde *C.auris* tanımlanması, hastanın en kısa sürede izolasyona alınarak bu dirençli izolatın yayılımını engellemiştir. *Candida* izolatlarının tür düzeyinde güvenilir ve hızlı şekilde tanımlanması, tedavi süreçlerini iyileştirecektir.

Tablo 1. Klinik örneklerle göre izole edilen kandidaların tür düzeyinde dağılımları

	APSE	ALT SOLUNUM YOLU ÖRNEKLERİ	BAL	İDRAR	STERİL SIVI	YARA	KAN	TOPLAM
<i>Candida albicans</i>	12	188	6	259	4	10	28	507 (%74.3)
<i>Candida glabrata</i>	4	4		15	1	2	19	45 (%6.6)
<i>Candida parapsilosis</i>		5		9			25	39 (%5.7)
<i>Candida krusei</i>	2	11	2	5			5	25 (%3.6)
<i>Candida tropicalis</i>		7		10			7	24 (%3.5)
<i>Candida kefyr</i>		4	1	10			1	16 (%2.3)
<i>Candida guilliermondii</i>				2			6	8 (%1.2)
<i>Candida dubliniensis</i>		4		1			2	7 (%1)
<i>Candida lusitanea</i>		2		1			3	6 (%0.9)
<i>Candida ciferonii</i>		2						2 (%0.3)
<i>Candida famata</i>		1						1 (%0.2)
<i>Candida pelliculosa</i>		1						1 (%0.2)
<i>Candida auris</i>							1	1 (%0.2)
TOPLAM	18	229	9	312	5	12	97	682 (%100)

Anahtar Kelimeler: kandida enfeksiyonları, immunsupresif hasta, onkoloji hastanesi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 120

AIDS Hastasında Kriptokok Menenjit Olgusu

Gülsüm Cengiz Erişen¹, Nezahat Akpolat¹, Delal Polat Demir¹

¹Dicle Üniversitesi Tıp Fakültesi

²Dicle Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Edinilmiş Bağışıklık Yetmezliği Sendromu (AIDS) tanılı hastada *Cryptococcus neoformans*'ın neden olduğu menenjit ve fungemi olgusu sunulmuştur. OLGU: Otuz yaşında erkek hasta yaklaşık on gün devam eden baş ağrısı ve oral alımda azalma nedeniyle acil servise başvurmuş. Bulantı ve kusma yakınmaları olan hastanın fizik muayenesinde ense sertliği ve Grade II - III papil ödemi saptanmış. Anamnezinde bir yıl önce HIV enfeksiyonu tanısı aldığı ve 8 aydır tedavi olmadığı öğrenilen hasta meningoensefalit tanısıyla enfeksiyon hastalıkları kliniğine yatırılmış.

Gereç ve Yöntem: Hastadan alınan sağ ve sol kan kültürleri Render BC128 cihazında inkübasyona bırakıldı, 32. saatte pozitifleşen şişeden hazırlanan preparatın Gram boyamasında kapsüllü maya mantarı görüldü (resim1), kapsül görüntüsünden dolayı Çini mürekkebi ile boyama yapıldı (resim 2). Ampirik vankomisin tedavisi altındaki hastaya kan kültür mikroskopi sonucuna dayanarak Amfoterisin B tedavisi eklendi. Kan kültür izolatlarından Eozin Metilen Blue Agar, %5 Koyun Kanlı Agar ve Sabouraud Dekstrozu Agar (SDA) (resim 3) besiyerlerine ekim yapılarak 35±2°C 'de normal atmosfer basınç şartlarında inkübe edildi, 16-24 saatlik inkübasyon sonrası üreyen koloniler BD Phoenix 100 M (Becton Dickinson, Sparks, MD, ABD) cihazında YEAST ID paneli ile *Cryptococcus neoformans* olarak tanımlandı. Hastanın önemli laboratuvar bulguları Tablo 1'de özetlendi. Beyin Omurilik Sıvısı (BOS) hücre sayımında 2X10/mm³ lökosit ile her alanda yaklaşık 10 tane yuvarlak, düzgün şekilli, maya benzeri mikroorganizmalar görüldü, kültüründe *Cryptococcus neoformans* üredi. Eş zamanlı çalışılan menenjit /ensefalit RT – Qpcr MX-17 S panel Bio Speedy (Bioeksan, Türkiye) çoklu PCR testinde de *Cryptococcus neoformans* DNA'sı saptandı.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

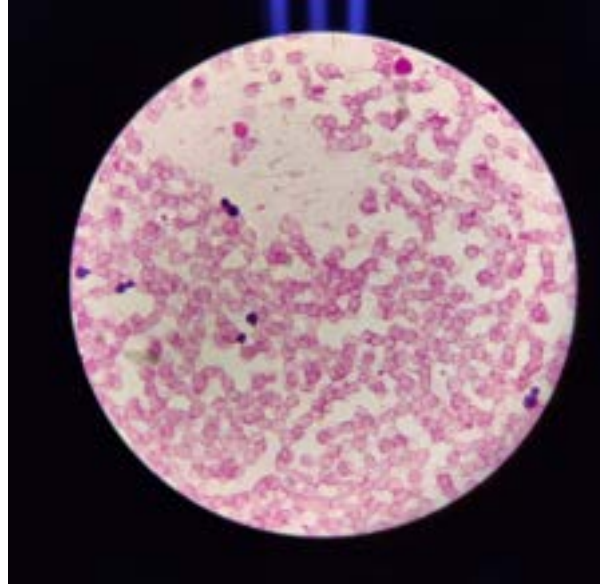
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

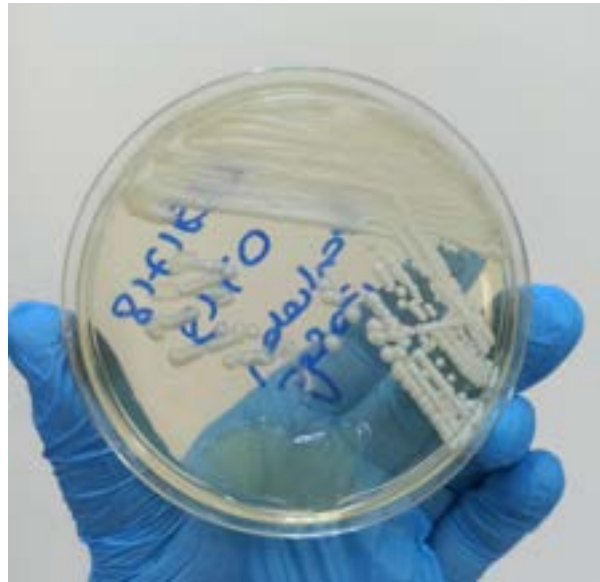
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Gram Boyama



SDA'da Koloni Görünümü



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

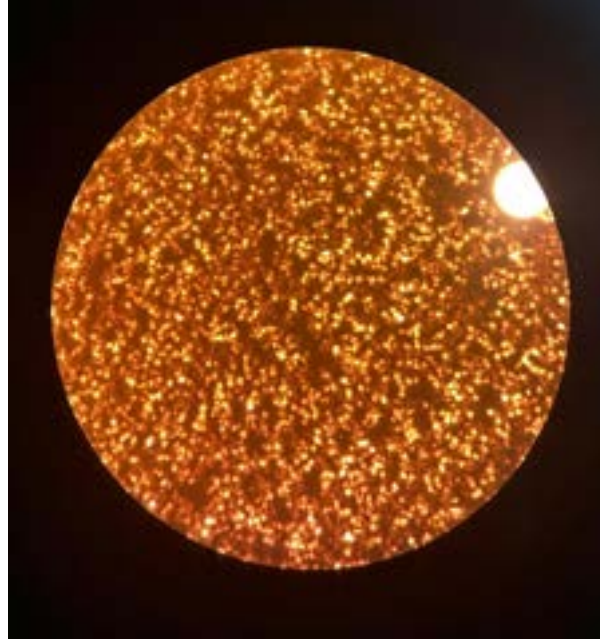
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Çini Mürekkebi



Laboratuvar Bulguları

Test Adı	Sonuç
Beyaz Kan Hücresi	3,3810 e3/uL
Lenfosit	1,2710 e3/uL
Anti-HIV	831,8 COI
HIV-RNA	21,366 C/mL
CD4 LENFOSİT	%3,9
CD8 LENFOSİT	%66,9
CD4/CD8 ORANI	0,058

Bulgular ve Sonuç: Özellikle immün yetmezliği olan hastaların kan ve BOS örnekleri değerlendirilirken fırsatçı mikozlardan olan *Cryptococcus neoformans* akla gelmelidir.

Anahtar Kelimeler: AIDS, *Cryptococcus neoformans*, Menenjit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 121

Candida auris İzolatlarının Klinik Dağılımı ve Antifungal Duyarlılıkları

Özlem Aydemir, Hale Koç, Tayfur Demiray, Şeyma Arabacıgil Hıdır, Mehmet Köroğlu

Sakarya Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Sakarya

Giriş ve Amaç: *Candida auris*, son yıllarda küresel olarak hızlı yayılan ve yüksek mortalite riskine sahip bir mayadır. İlk kez 2009 yılında kulak sürüntüsünden ve 2011 yılında kan kültürlerinden tanımlanmıştır. Özellikle birden fazla komorbiditesi olan yoğun bakım hastalarında yüksek mortalite oranlarına sahiptir. İnvaziv enfeksiyonlara ve salgınlara neden olmasının yanında antifungal ilaçlara karşı yüksek oranda direnç göstermesi sebebiyle önemli bir tehdit oluşturmaktadır. Bu çalışmada, hastanemizdeki ilk *C. auris* tespitinden günümüze kadar olan durumu saptamak, *C. auris* için yapılan taramaları değerlendirmek ve antifungal duyarlılık sonuçlarını belirlemek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 01 Ağustos 2023 ve 31 Ağustos 2024 arasında mikrobiyoloji laboratuvarına gelen örnekler ile tarama amaçlı gönderilen numunelerden izole edilen 39 *C. auris* izolatı değerlendirilmiştir. ABD’de Hastalık Kontrol ve Önleme Merkezi’nin (CDC) belirlemiş olduğu standartlar doğrultusunda *C. auris*’in taşıyıcılığını göstermek amacıyla sağ koltuk altı, sol koltuk altı, sağ femoral bölge, sol femoral bölge ve burundan tarama amaçlı örnekler alınmıştır. İzolatların tür düzeyinde tanımlaması VITEK MS cihazı (bioMérieux, Fransa) ve antifungal duyarlılık testleri sıvı mikrodilüsyon yöntemiyle yapıldı. Antifungal duyarlılık testlerinin sonuçları CDC tarafından *C. auris* için hazırlanan rehber kullanılarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 39 *C. auris* izolatının 25’i (%66.6) klinik örneklerden, 14’ü (%35.8) tarama amaçlı gönderilen örneklerden izole edilmiştir. Hastaların 34’ü yoğun bakım ünitelerinde (YBÜ) 5’i diğer yataklı kliniklerde tedavi görmekte idi. Hastaların 17’si (%68) kadın, 8’i (%32) erkekti. İzolatların 16’sı kan (%41.02), 14’ü deri (%35.89), 7’si idrar (17.94), biri balgam (%2.56) ve biri apse (%2.56) örneklerinden izole edilmiştir. Tarama amaçlı gönderilen 37 hastanın 14’ünde (%37.83) bir veya birden fazla vücut bölgesinde üreme saptandı. En fazla üreme sağ koltuk altında (%64.28) saptanırken en az üreme burun bölgesinde (%28) saptandı (Tablo 1). Üreme olan hastaların 7’si (%50) kadın 7’si de (%50) erkekti. İzolatların antifungal duyarlılıkları değerlendirildiğinde; Amfoterisin B’ye karşı %100 oranında direnç saptanırken izolatların 20’si (%51.2) flukanazole, 5’i (%12.8) kaspofungine ve 3’ü (%7.69) mikafungine dirençli saptandı (Tablo 2). *C. auris* hızlı yayılması ve yüksek antifungal direnç oranlarına sahip olması sebebiyle küresel çapta büyük bir halk sağlığı tehdidi oluşturmaktadır. Flukonazol ve Amfoterisin B’ye yüksek direnç oranları ve ekinokandinlere karşı artan direnç oranları enfeksiyonların yönetimini zorlaştırmaktadır. Bu enfeksiyonların önüne geçilebilmesi için acil önlemler alınması gereklidir. Bu amaçla bu izolatların tarama yöntemleriyle zamanında tespit edilerek enfeksiyon kontrol önlemlerinin alınması, *C. auris*’in yayılmasının ve salgınlara önlenmesinde büyük önem arz etmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. *C.auris* taramasında saptanan izolatların anatomik bölgelere göre dağılımı

Anatomik bölge	n	%
Sağ koltrik altı	7	50
Sol koltrik altı	7	50
Sağ femoral	5	35,7
Sol femoral bölge	5	35,7
Burun	2	5,1

Tablo 2. *C.auris* izolatlarının antifungal duyarlılıkları

Antifungal	S (%)	R (%)
Anidoterisin B	0	39 (100)
Flukanazol	19 (48,7)	20 (51,2)
Kasopofungin	34 (87,1)	5 (12,8)
Mikafungin	36 (92,3)	3 (7,69)

Anahtar Kelimeler: *C.auris*, Antifungal duyarlılık, Sıvı mikrodilüsyon.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 122

Kandidemi Olgularının Epidemiyoloji Özellikleri ve {*Candida*} Türlerinin Dağılımı: Altı Yıllık Laboratuvar Verisi

Aziz Ahmad HAMİDİ², Hanife AYDIN YAZICILAR¹, Rahime İSPİR², Ercan YENİLMEZ²

¹Fatih Sultan Mehmet Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

²Fatih Sultan Mehmet Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: Kandidemi önemli bir mortalite nedeni olmanın yanı sıra hastanede kalış süresinin uzamasına da neden olmaktadır. Bu sebepten kandidemde epidemiyolojinin anlaşılması ve lokal etken dağılımının belirlenmesi önem taşımaktadır. Bu çalışmada, son altı yılda tespit edilen kandidemi vakalarının epidemiyolojik özellikleri ve üreyen {*Candida*} türlerinin dağılımının tespit edilmesi amaçlandı.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2019-Temmuz 2024 tarihleri arasında hastanemizde kandidemi olan ≥ 18 yaş hastalar çalışmaya alındı. Kan kültür şişeleri BACTEC FX-40 (Becton Dickinson, MD, ABD) tam otomatize kan kültür sisteminde 5 gün süreyle inkübe edildi. Pozitif sinyal veren şişelerden koyun kanlı agar, EMB agar ve çikolata agara ekim yapılarak 37°C'de 24 saat inkübe edildi. Gram boyamasında maya hücreleri görülen örnekler için Germ-tüp testi yapıldı. *Candida* izolatlarının ileri identifikasyonu İstanbul İl Sağlık Müdürlüğü Merkez Laboratuvarında MALDI-TOF MS (Matriks Assisted Lazer Desorption İonization Time of Flight Massspectrometry) yöntemi ile yapıldı. Antifungal duyarlılık testleri hastanemiz laboratuvarında Vitek-2 (bioMérieux, Fransa) sistemi kullanılarak yapıldı. Hastalara ait yaş, cinsiyet, yattığı birim ve mikrobiyoloji sonuçları hastane bilgi sisteminden geriye dönük olarak taranarak kaydedildi. Bir veya daha fazla kan kültürü şişesinde {*Candida*} spp. üreyen vakalar kandidemi olarak tanımlandı.

Bulgular ve Sonuç: Kandidemisi olan 135 vakanın %53,3'ü kadın, 46,7'si erkek idi. Vakaların %56,3'ü 49-79 yaş aralığında saptanırken %65,9'unun YBB'de olduğu görüldü. Vakaların epidemiyolojik özellikleri Tablo 1'de gösterildi. En çok (%80) 2024 yılında Non-albicans {*Candida*} (NAC) saptandığı görüldü (Tablo 2.). En sık üreyen etken {*Candida albicans*} (%41,5) olurken {*Candida parapsilosis*} (%22,2), {*Candida glabrata*} (%15,6), {*Candida tropicalis*} (%12,6), {*Candida auris*} (%5,9), {*Candida kefyr*} (%2,22) sıklıkta saptandı. Etkenlerin %67,4'ünün flukanazole duyarlı olduğu görüldü (Tür dağılımında; {*Candida tropicalis*} %100, {*Candida albicans*} %96, {*Candida parapsilosis*} %70 flukanazole duyarlı ve {*Candida kefyr*} %100, {*Candida glabrata*} %100, {*Candida auris*} %100 flukanazole dirençliydi). Çalışmanın verilerine göre NAC'lerin giderek daha sık kandidemi etkeni olarak karşımıza çıktığı görülmektedir. Ayrıca 49-79 yaş aralığında olanlarda ve YBB'de yatanlarda kandideminin daha sık saptandığı ortaya çıkmıştır. NAC'lerin flukonazole direnç oranının yüksek olması nedeniyle laboratuvarında *Candida albicans* ve *albicans* dışı türlerin ayırımı ampirik tedavi açısından önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu nedenle *Candida* ürettiği saptanan kan örneklerinin mümkün olan en kısa sürede identifikasyonun yapılması hastanın erken tedavisi için hayati önem taşımaktadır. Daha kolay olması ve hızlı sonuç vermesi bakımından Germ tüp testinin yapılarak bu ayırımın sağlanmasının gerektiğini vurgulamaktayız.

Tablo 1. Kandidemi vakalarının epidemiyoloji özellikleri

	<i>Candida albicans</i>		Non- <i>albicans Candida</i>		Toplam	
	n	%	n	%	n	%
Etiler						
18-49	8	14,3	6	7,6	14	10,4
50-79	30	53,6	46	58,2	76	56,3
>80	18	32,1	27	34,2	45	33,3
Cinsiyet						
Kadın	28	50	43	54,8	71	53,3
Erkek	28	50	36	45,6	64	46,7
Yakınla Birim						
Yoğun bakım birimi	39	69,6	50	63,3	89	65,9
Yoğun bakım birimi dışı	17	30,4	29	36,7	46	34,1

Tablo 2. Yıllara göre kandidemi etkenlerin dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yıl	Candida albicans		Non-albicans Candida		Toplam	
	n	%	n	%	n	%
2019	13	46,4	15	53,6	28	28,7
2020	8	47	9	53	17	32,6
2021	9	33,3	18	66,7	27	20
2022	10	55,6	8	44,4	18	33,3
2023	13	48,1	17	51,9	30	22,2
2024	3	20	12	80	15	11,1
Toplam	56	41,5	79	58,5	135	

Anahtar Kelimeler: {Candida}, {albicans}, {non-albicans}

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 123

Yumuşak Doku Örneklerinde Üreyen Küf Mantarlarının Retrospektif Olarak Değerlendirilmesi

İrem Nur Şahin¹, Muhammed Alper Özarslan⁶, Gamze Şanlıdağ İşbilen², Melike Yaşar Duman¹, Ayda Acar³, Anıl Murat Öztürk⁵, Meltem Işıkgöz Taşbakan², Banu Yaman⁴, Süleyha Hilmioğlu Polat¹, Dilek Yeşim Metin¹

¹Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Dermatoloji Anabilim Dalı

⁴Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Patoloji Anabilim Dalı

⁵Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Ortopedi Anabilim Dalı

⁶Tepecik Eğitim Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Mantar enfeksiyonları bağışıklık sistemi baskılanmış kişilerde invazif hastalığa neden olurken, bağışıklık sistemi normal olan kişilerde daha çok yüzeysel enfeksiyonlar şeklinde seyretmektedir. Ancak travma sonrası yumuşak dokularda gelişen enfeksiyonlar, bağışıklık durumundan bağımsız tüm bireylerde görülebilmekte ve ciddi morbiditeye neden olmaktadır. Bu çalışmada Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı – Mikoloji Laboratuvarına, Ocak 2016 – Temmuz 2024 tarihleri arasında çeşitli kliniklerden gönderilen yumuşak doku örneklerinde üreyen küf mantarlarının retrospektif olarak değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Küf mantarı üreyen 97 örnek değerlendirilmeye alınmış, bu örnekler ait hasta bilgileri klinik özellikleri yönünden taranmış, patoloji sonuçları ile birlikte değerlendirilmiştir. Doku örneklerinin direkt bakışı ve kültürleri yapıldıktan sonra üreyen küf mantarları makroskopik ve laktofenol pamuk mavisi ile yapılan preparatın mikromorfolojik değerlendirmesi ile tanımlanmıştır. 2020 yılından itibaren üreyen küf mantarlarında ek olarak Malditof MS (Biomerux, Fransa) ile de tanımlama yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: İncelenen 97 küf üremesinin 35 tanesinde üreyen küf mantarları etken olarak değerlendirilmiştir. Bu hastalara antifungal tedavi başlandığı gözlenmiştir. Bu örneklerin 21'i Dermatoloji, dördü Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji, ikisi İç Hastalıkları kliniğinden, birer örnek olacak şekilde de Ortopedi, Genel Cerrahi, Kulak Burun Boğaz ve Plastik Cerrahi kliniğinden gönderilmiştir. Enfeksiyon etkeni düşünülen örneklerin 17'sinde *Fusarium* türleri, sekizinde *Alternaria* türleri, yedisinde *Aspergillus* türleri, üçünde *Cladosporium* türleri, ikisinde *Rhizopus arrhizus* complex tanımlanmıştır. Küf mantarı üreyen 97 doku örneğinin 38'i eş zamanlı olarak patoloji laboratuvarına da gönderilmiş, sadece 10 tanesinde mantar yapıları görülmüştür. Sonuç: Yumuşak doku mantar enfeksiyonlarının erken tanısı tedaviye erken başlanması ve morbiditenin azaltılması açısından önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Travma sonrası gelişen ve antibakteriyel tedaviye yanıt vermeyen enfeksiyonlarda mantar enfeksiyonları akılda tutulmalıdır.

Anahtar Kelimeler: mantar enfeksiyonları, yumuşak doku enfeksiyonları

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 124

Risk Faktörü Olmayan Toplum Kaynaklı Sağ Kalp Endokarditi Olgusunda Tanımlanan *Candida auris* Enfeksiyonu

İrem Simge Sezer², Pınar Şamlıoğlu¹, Nilüfer Saygılı¹, Sabri Atalay²

¹Sağlık Bilimleri Üniversitesi Tepecik Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Mikrobiyoloji Laboratuvarı

²Sağlık Bilimleri Üniversitesi Tepecik Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji.

Giriş ve Amaç: *Candida auris*, hastane enfeksiyonlarına ve salgınlara yol açabilmesi nedeniyle son yıllarda önem kazanmış, antifungallere ve dezenfeksiyon işlemlerine dirençli bir mantar türüdür. Bu çalışmada risk faktörü olmayan toplum kaynaklı sağ kalp endokarditi olgusu sunulmaktadır.

Gereç ve Yöntem: OLGU: Diyabetes mellitus ve hipertansiyon tanıları olan 42 yaşında erkek hasta ani başlayan nefes darlığı, ateş şikayetleriyle başvurdu. Ekokardiyografide görülen şüpheli vejetasyonlar sebebiyle infektif endokardit ön tanısıyla hastanemiz Enfeksiyon Hastalıkları servisine yatırıldı. Hastamızın pnömoni ve akut böbrek yetmezliği nedeniyle üç ay önce yoğun bakımda yatış öyküsü mevcuttu. Hastamızın gelişinde fizik muayenesinde vücut sıcaklığı 38,2°C, nabız 97 atım/dakika, oksijen saturasyonu 2 lt/dk nazal kanül ile oksijen desteğinde % 92, kan basıncı 116/73 mmHg saptandı. Genel durum orta, akciğer oskültasyonunda solunum sesleri azalmıştı, bilateral ince raller mevcuttu. Kalp oskültasyonu olağandı, ek ses üfürüm yoktu. Laboratuvar testlerinde beyaz küre 20910 hücre/mm³, CRP 232 mg/l, prokalsitonin 0.45 µg/L, hemoglobin 8,5 gr/dL, sedimentasyon 83, laktat dehidrogenaz 340 olarak saptandı. Ampirik olarak meropenem ve vankomisin başlandı. Kan kültürlerinde metisiline dirençli *Staphylococcus aureus* (MRSA) üremesi görülmesi üzerine meropenem 26. günde kesildi. Toraks bilgisayarlı tomografisinde (BT) görülen her iki akciğer parankiminde çok sayıda kaviter lezyon, septik pulmoner emboli lehine yorumlandı. Hastamıza kalp damar cerrahisi tarafından triküspit biyoprotez kapak operasyonu yapıldı. Santral venöz kateterle takip edilen hastadan çoklu antibiyoterapisi 40. günündeyken 2 gün üst üste ateş yüksekliği olması üzerine kan ve kateter kültürleri alındı. Alınan iki kan kültürü şişesinde üreme saptanmazken, diğer ikisinde *Candida* cinsi maya mantarı üremesi olduğu saptandı. Üreyen koloniler matriks aracları lazer desorpsiyon iyonizasyon uçuş zamanlı kütle spektrometresi (MALDI TOF MS)] (bioMérieux, Fransa) ile *C. auris* olarak tanımlandı (%99.9). Yapılan antifungal duyarlılık testinde amfoterisin B MIC: 0.75, flukonazol MIC: >256, posakonazol MIC: 0.38, vorikonazol: 3, itrakonazol: 2, anidulofungin: 0.75 bulunmuştur. Hastamızın daha sonra alınan kontrol kan kültürlerinde üreme saptanmamıştır. Tedavi ile genel durumu düzelen vital bulguları stabil duruma gelen hastamız sağlıklı taburcu edilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Sonuç: *C.auris* çoklu ilaç direnci olan bir fungal patojendir. *C.auris*'in yayılımını kontrol etmek için epidemiyolojisinin anlaşılması ve enfeksiyon kontrol yöntemlerine dikkat edilmesi gereklidir.

Anahtar Kelimeler: *C.auris*, infektif endokardit, MALDITOF

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 125

İstanbul Göztepe Süleyman Yalçın Şehir Hastanesi'nde 2017-2023 Yılları Arasında Gönderilen Tüm Örneklerden İzole Edilen *Candida* Türlerinin Dağılımı ve Antibiyotik Duyarlılık Profillerinin Belirlenmesi

Zafer Habip¹, M. Esra Koçoğlu¹, Tuncer Özekinci¹, Deniz Turan²

¹İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²SBÜ Haydarpaşa Numune SUAM, Tıbbi Mikoloji

Giriş ve Amaç: Mayalar içerisinde enfeksiyonlara en sık neden olan *Candida* türleridir. *Candida* içerisinde albicans türü en sık soyutlanan tür olmakla beraber diğer türlerin de sıklığı artmakta ayrıca *Candida* türleri içerisinde rutinde kullanılan antifungallere karşı direnç oranları arasında farklılıklar olduğu bilinmektedir. Bu nedenle hastane bazlı izole edilen *Candida* tür dağılımlarının ve antibiyotik duyarlılık profillerinin belirlenmesi, ampirik antifungal seçiminde önem arz etmektedir. Bu retrospektif çalışmada hastanemizdeki örneklerden soyutlanan *Candida* türlerinin dağılımını ve antibiyotik duyarlılık profillerini belirlemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: 2017-2023 yılları arasında 2546 farklı hastadan gönderilen çeşitli numunelerden 8122 adet *Candida* izole edilmiştir. Klinik olarak anlamlı kabul edilen üremelere antifungal duyarlılık testi çalışılmıştır. Tekrarlı üremeler çıkarıldıktan sonra kalan 3078 tane *Candida* izolatının türlerine göre sayı dağılımı tablo 1'de gösterilmiştir. Hastalardan gönderilen her çeşit örnek, %5 Koyun Kanlı, Çikolatamsı, Sabouraud Dextrose ve Kromojenik besiyerlerinden prosedürüne uygun olanlarına ekilmiş ve 24-48 saat 37°C de inkübe edilmiştir. Üreyen koloniler Maldi-TOF Vitek-MS (BioMerieux, Fransa) ile tanımlanmış, antifungal duyarlılıkları VITEK-2 (BioMerieux, Fransa) sistemi ile belirlenmiş ve gereklilik halinde gradient test yöntemi (Etest, BioMerieux, Fransa) veya kolorimetrik sıvı mikrodilüsyon yöntemi Sensititre YeastOne (Thermo Scientific, ABD) kullanılmıştır. Elde edilen MİK değerleri Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI) M60 kılavuzuna göre yorumlanmış, klinik sınır değeri olanlar duyarlı, orta-duyarlı veya dirençli olarak raporlanırken, klinik sınır değeri belirlenmemiş olanlar epidemiyolojik cut-off değerine göre vahşi tip (WT) veya vahşi olmayan tip (Non-WT) olarak raporlanmıştır.

Candida izolatının türlerine göre sayı dağılımı

Numune Türü	Solunum Numune Sayıları ve Oran	Antifungal Çıkarılan Numune Sayıları
İzolat	4029 (%49.3)	1431 (%17.6)
Solunum sistemi izolatları	1516 (%18.7)	507 (%6.2)
Kan	1158 (%14.3)	487 (%6.0)
Sıvı kültür	480 (%5.9)	290 (%3.6)
Doku-Ağız izolatları	248 (%3.1)	188 (%2.3)
Yara kültürleri	191 (%2.3)	108 (%1.3)
Deri kültürleri	88 (%1.1)	48 (%0.6)
Diğer	77 (%0.9)	10 (%0.1)
Koloniler	31 (%0.4)	37 (%0.5)
Genel Toplam	8122 (%100)	3078 (%38.0)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

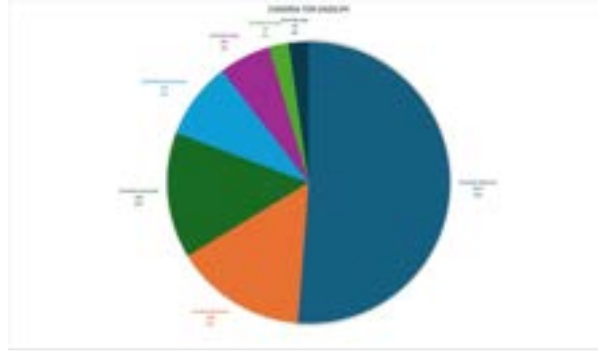
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Antifungal duyarlılık testi çalışılan *Candida* türleri içerisinde %51 oranında *C. albicans* üremesi saptanırken onu sırasıyla *C. glabrata* (%15), *C. tropicalis* (%15), *C. parapsilosis* (%9), *C. kefyr* (%6), *C. krusei* (%2) ve *Candida* spp (%2) takip etmektedir (Şekil-1). En sık izole edilen 6 *Candida* türü için elde edilen antifungal duyarlılık test sonuçları tablo 2’de paylaşılmıştır. *Candida* üremesi saptanan örneklerin yaklaşık yarısında albicans-dışı türlerin etken olduğu görülmektedir. *Candida* türlerindeki antifungal direnç oranların literatür ile uyumlu olduğu gözlenmiştir. *Candida albicans* izolatlarında flukonazol dirençli 47 örnekten 44 tanesi vajinal sürüntü örneği olması özellikle vajinal yolla kullanılan antifungallerin flukonazol direnç gelişiminde katkısı olabileceğini düşündürmüştür. *Candida kefyr* türünde vorikonazol ve kaspofungin antibiyotiklerini WT olarak sınıflandırabilmek için VITEK-2 dışında alternatif yöntemlerin kullanılması gerekmektedir

İzole edilen *Candida* izolatlarının türlere göre dağılımı



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Candida türlerinin antifungal duyarlılık sonuçları

	Amfoterisin B	Antibülfungin	Flukonazol	Kaspofungin	Mikafungin	Vorikonazol
Candida albicans	n=421	n=18	n=114	n=143	n=496	n=111
Ölencü			47 (41.9)	2 (1.4)	2 (0.4)	15 (13.5)
Duyarlı		18 (100)	112 (98.6)	141 (99.0)	148 (29.9)	143 (99.0)
Orta duyarlı			2 (1.6)			45 (40.5)
Yahşı Tip	141 (100)					
Yahşı Olmayan Tip						
Candida glabrata	n=44	n=11	n=42	n=	n=43	n=30
Ölencü						
Duyarlı		11 (100)			43 (100)	
Orta duyarlı			42 (100)			
Yahşı Tip	43 (99.5)					24 (80.0)
Yahşı Olmayan Tip	2 (4.5)					7 (23.3)
Candida tropicalis	n=40	n=14	n=42	n=42	n=40	n=42
Ölencü			2 (4.8)	2 (4.8)	2 (5.0)	1 (2.4)
Duyarlı		14 (100)	41 (97.6)	41 (97.6)	41 (97.5)	41 (97.6)
Orta duyarlı			1 (2.4)			1 (2.4)
Yahşı Tip	40 (100)					
Yahşı Olmayan Tip						
Candida parapsilosis	n=44	n=14	n=19	n=17	n=16	n=16
Ölencü			1 (5.3)			
Duyarlı		14 (100)	18 (94.7)	17 (100)	16 (100)	16 (99.4)
Orta duyarlı			2 (10.5)			1 (6.3)
Yahşı Tip	14 (100)					
Yahşı Olmayan Tip						
Candida kefyr	n=126	n=1	n=18	n=18	n=174	n=11
Ölencü						
Duyarlı						
Orta duyarlı						
Yahşı Tip	126 (100)	1 (100)	17 (94.4)		169 (97.2)	2 (18.2)
Yahşı Olmayan Tip			4 (22.2)	4 (22.2)	5 (2.8)	2 (18.2)
Candida lusitana	n=43	n=1	n=10	n=11	n=10	n=10
Ölencü			10 (100)	1 (9.1)	1 (10.0)	
Duyarlı		1 (100)		10 (90.9)	9 (90.0)	
Orta duyarlı						
Yahşı Tip	43 (100)					
Yahşı Olmayan Tip						

* VİTEK-2 ile kaspofungin ve vorikonazol antibiyotikleri için elde edilen minimum MIK değerleri *Candida kefyr*'i WT olarak sınıflandırmak için yeterli olmadığından ayrı bir kategoride sınıflandırılmıştır. ** VİTEK-2 ile kaspofungin için elde edilen MIK sonuçları *Candida glabrata* antibiyotik duyarlılığını değerlendirmede sıklıkla yanlış sonuçlar verebildiğinden değerlendirme dışı bırakılmıştır

Anahtar Kelimeler: *Candida*, Antifungal duyarlılık, Epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 126

Olgu Sunumu, Fusaryoz

Asuman Birinci¹, Sedanur Okumuş¹, Emine Hafize Erdeniz²

¹Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Fusarium* türleri doğada yaygın bulunan fırsatçı küf mantarlarıdır. İnsanlarda yüzeysel ya da invazif seyreden enfeksiyonlara yol açmaktadırlar. Lokal invazyon immunkompetan bireylerde de görülebilen; disemine fusariyoz immunsupresif bireylerde, özellikle de akut lösemi ve allojenik hematopoetik kök hücre alıcısı hastalarda meydana gelen bir klinik tablodur.

Gereç ve Yöntem: Beş yaşında, 17 kg, erkek hasta AML ve nötropenik ateş ile Ondokuz Mayıs Üniversitesi Çocuk Hematoloji ve Onkoloji bölümünde takipli iken sağ kol, sırt, kasık, kafasında kırmızı siyah eritemli yaygın papüler döküntüler gelişmesi üzerine dermatoloji ve çocuk enfeksiyon hastalıklarına konsülte edilmiştir(fotoğraf 1,2). Döküntülerin veziküler olması ve yakın tarihli VZV IgG pozitifliği bulunması sebebiyle ilk planda Varicella düşünülmüş olmasına rağmen; derin nötropenik olan hastanın lezyonlarının atipik olması sebebiyle fırsatçı invaziv fungal enfeksiyon açısından değerlendirilmesi gerektiğine karar verilmiştir. Lezyonlardan yapılan biyopsi örneği bakteriyel ve mikolojik inceleme yapılması için Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiştir. Hastanın invaziv mantar/aspergillozis ön tanısı ile patoloji laboratuvarına gönderilen deri biyopsi materyalinden yapılan incelemesi 'Dermiste subkutan yağ dokusuna kadar ilerleyen kronik aktif enflamasyon ve bir kısmı damar lümeninde emboli oluşturacak şekilde gelişmiş, septalı, geniş açılanan fungal mikroorganizmaya ait hif ve spor yapıları izlenmiştir. Alt tip için klinik korelasyon ve mikrobiyolojik inceleme önerilir. Tanı: invaziv fungal enfeksiyon' şeklinde raporlanmıştır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Fotoğraf 1



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Fotoğraf 2



Bulgular ve Sonuç: Bakteriyolojik incelemede herhangi bir etken saptanmamıştır. Mikoloji laboratuvarında numuneden SDA ve PDA besiyerlerine ekim yapıp üreyen küf kolonilerinden yapılan laktofenol pamuk mavisi ile mikroskopik incelemede muz şekilli sporlar ve septalı hifler görülmüştür (fotoğraf 3). *Fusarium* spp. olarak tanımlama yapılması üzerine hastaya üçlü antifungal tedavi (amfoterisin B, posakonazol, vorikonazol) başlanmıştır. Yapılan antifungal duyarlılık testi (MICRONAUT-AM, BRUKER, GERMANY) tablo 1’de görülmektedir. Tedavi takibinde hastanın hiperemik papüler deri lezyonları sebat etmiştir. 3 aylık tedavi takibi sonunda lezyonların hem küratif hem histolojik hem de mikrobiyolojik açıdan değerlendirilmesi için plastik cerrahi tarafından lezyonlar eksize edilip biyopsi örneği gönderilmiştir. Patolojik incelemede kronik non-spesifik iltihabi olay olarak değerlendirilmiştir. Mantar kültüründe üreme olmamıştır. Hasta AML açısından tedavi ve takibine devam edilmek üzere taburcu edilmiştir. *Fusarium* direkt inokülasyon ile deri tutulumu yapmakla birlikte immunsuprese konakta lenfanjit ve invaziv fungemi geliştirebilir. Hematolojik kanserler, steroid kullanımı, nötropeni, HIV, diyabet, diğer kanserler fusarioz gelişimi açısından önemli risk faktörleridir. Hemen her zaman immün yetmezlik varlığında görülen *Fusarium* fungemisinde hızlı tanı ve tedavi önemlidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Fotoğraf 3



Tablo 1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



ANTİFUNGAL	MİK DEĞERİ
AND (anidulafungin)	0,06
MF (micafungin)	0,03
CAS (caspofungin)	0,125
FC (5-flucytosine)	< 0,06
PZ (posaconazole)	< 0,008
VOR (voriconazole)	< 0,008
IZ (itraconazole)	< 0,003
FZ (fluconazole)	0,5
AB (amphotericin)	0,5

Anahtar Kelimeler: *Fusarium*, immunsupresif, invaziv fusaryoz

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 127

Klinik Örneklerden İzole Edilen *Fusarium* Suşlarının Tanımlanması, Klinik Önemi ve Antifungal Duyarlılıklarının Belirlenmesi

Cem Artan, Sıtkı Özgür Altop, Ayşe Nedret Koç

Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Ana Bilim Dalı

Giriş ve Amaç: *Fusarium* türleri insanda mikroorganizmanın giriş yeri ve konağın bağışıklık durumuna bağlı olarak değişen çeşitli enfeksiyonlara neden olan fırsatçı küf mantarlarıdır. Bu çalışmada çeşitli klinik örneklerden izole edilen *Fusarium* suşlarının tanımlanması, klinik önemi ve antifungal duyarlılıkların belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Erciyes Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanelerinde tedavi gören 16 hastadan alınan klinik örnek çalışmaya dahil edildi. Klinik örneklerden izole edilen suşlar fenotipik yöntemler (Mikroskopik ve makroskopik koloni morfolojisi) ve MALDI-TOF MS [Matriks Assisted Lazer Desorption Ionization Time of Flight Mass Spectrometry (Vitek MS Prime bioMérieux, France)] ile tanımlanması yapıldı. Klinik örneklerden izole edilen suşların antifungal ajanlara duyarlılıkları Sensititre™ YeastOne™ AST Plate (Thermo Fisher Scientific™) yöntemiyle üreticinin önerileri doğrultusunda MİK (Minimum inhibitör konsantrasyonu) değerleri belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Klinik örneklerden izole edilen suşlar fenotipik olarak ve MALDI-TOF MS ile 7(%43,8)'si *Fusarium solanii* 6 (%37,5)'si *Fusarium proliferatum* ve 3(%18,8)'ü *Fusarium oxysporum* olarak tanımlandı. *Fusarium* spp. izole edilen klinik örneklerin sıklıkları yara (%44,6), tırnak (%18,8), korneal sürüntü (%12,5) olarak belirlendi. *Fusarium* spp. izole edilen klinik örnekler en sıklıkla Dermatoloji, Plastik cerrahisi ve Yoğun Bakım (Anestezi, Beyin Cerrahisi, ve Göğüs hastalıkları) servisinde gelmekte idi. Örneklerin geldiği tarih ve servisler incelendiğinde hastane enfeksiyonlarını düşündürecek bir bulguya rastlanmadı. *Fusarium* spp. izole edilen hastaların yaş ortalamaları erişkinlerde 51 ve çocuklarda 12 olarak belirlendi. Hastaların %44,6'sında travma öyküsü vardı. Hastaların %56,3'ünün en az bir alt hastalığı, %35'inin kemoterapi ve % 68'inin en az bir antibiyotik almakta olduğu görüldü. Bu hastaların %56,3'üne antifungal tedavi başlanıldığı belirlenmiştir (Tablo 1). Suşların antifungal MİK50/MİK90 ve GO (geometrik ortalama) değerleri incelendiğinde; en yüksek MİK flukonazol, itrakonazol ve 5-florositozinde en düşük MİK amfoterisin B, posakonazol ve vorikonazolde olduğu belirlendi (Tablo 2). Suşlarda ekinokandiler içinde en yüksek MİK kasfofunginde, en düşük MİK mikofunginde bulundu. Amfoterisin B için en yüksek MİK türler arasında *Fusarium oxysporum*'da belirlendi. Bu çalışmada, özellikle travma öyküsü olan yaralanmalarda, antibiyotik tedavisi alan ve altta yatan hastalığı olanlarda küf mantarlarının, özellikle *Fusarium* türlerinin etken olabileceği düşünülmelidir. Bu suşların türlere göre değişebilen azol, ekinokandin ve 5-florositozin direnci olabilmektedir. Bundan dolayı klinik örnekte *Fusarium* türleri izole edildiğinde tür düzeyinde tanımlanması ve antifungal duyarlılık testlerinin yapılması gerekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 128

Solunum Yolu Örneklerinde Moleküler Testler ile Tespit Edilen Virüsler ve Grup A Streptokokların Epidemiyolojik Analizi

Fulya Bayındır Bilman, Gülfem Terek Ece, Nisel Yılmaz

İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği, Türkiye

Giriş ve Amaç: Solunum yolu enfeksiyonları (SYE) tüm dünyada en önemli halk sağlığı sorunlarından biridir. SYE'lerinin tek bir patojenden kaynaklandığına dair önceki inanın aksine, çalışmalar çoğunun bakteriyel ve/veya viral enfeksiyonların kombinasyonundan kaynaklandığını göstermiştir. İleri yaş ve çocukluk dönemi ile immün supresyon durumlarında birden fazla patojenin konakçıyı koenfekte etmesi, hastalık şiddetinin de artmasına neden olur. Bu çalışmanın amacı, solunum yollarında enfeksiyona neden olan etkenlerin moleküler yöntemlerle araştırılması için Mikrobiyoloji Laboratuvarımıza gönderilen örneklerde etken dağılımını belirleyerek verilerin epidemiyolojik analizini yapmaktır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda Ekim 2023-Ağustos 2024 tarihleri arasında hastanemizin çeşitli bölümlerinden Mikrobiyoloji Laboratuvarına gönderilen solunum yolu numuneleri için moleküler test olarak RT-PCR (Real-time-polymerase chain reaction) yöntemi kullanıldı. Bu amaçla Bio-Speedy vNAT viral nükleik asit tamponu (Bioeksen, Türkiye) ile klinik örneklerden nükleik asit izolasyonu yapıldıktan sonra, PCR karışımı üretici firmanın önerileri doğrultusunda hazırlandı ve MIC PCR (Bioeksen, Türkiye) gerçek zamanlı PCR cihazında test gerçekleştirildi. Bu kit ile Adenovirus, Influenza A, Influenza B, Rhinovirus, RSV A/B, SARS-CoV-2 ve Grup A *Streptococcus* varlığı tespit edilebilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışma kapsamında 2415 solunum yolu numunesinde RT-PCR test sonucu değerlendirilmiştir. Örneklerin 1100 (%45.5)'ü kadınlardan, 1315 (%54.5)'i erkeklerden alınmıştır. Örneklerin 1231 (%51)'inin 0-18 yaş grubu çocukluk çağı hastalarına, 1184 (%49)'ünün ise 18 yaş üzeri erişkin hastalara ait olduğu belirlenmiştir (Tablo 1). Ortalama yaş 32.10 olarak saptanmıştır. Numunelerin 719 (%29.7)'u çocuk ve erişkin yoğun bakımlardan, 226 (%9.3)'sı acil servisten gönderilmiştir. Tüm numuneler değerlendirildiğinde 654 (%27) PCR pozitifliği tespit edilmiştir. Tüm yaş gruplarında en sık (169, %6.9) saptanan Rhinovirus olmuştur. Birden fazla virüsün saptandığı örnekler birlikte değerlendirildiğinde, 0-18 yaş grubunda 32 (%2.6) örnekte iki, 4 (%0.3) örnekte üç farklı etkenin eş zamanlı olarak birlikte saptandığı görülmüştür. Koenfeksiyon 18 yaş üzeri hastalarda ise 5 (%0.4) numunede tespit edilmiştir. Tüm koenfeksiyonlarda en sık saptanan ilk üç virüsün sırasıyla Rhinovirus (11, %27), Respiratuvar Sinsityal virus (RSV) (10, %24) ve Influenza A virusu (8, %20) olduğu gözlenmiştir (Tablo 2). Solunum yolu virüslerinin bölgesel dağılımına ilişkin bilgi, yalnızca bu virüslerin neden olduğu enfeksiyonların yerel olarak önlenmesi ve kontrolü için değil, aynı zamanda bu enfeksiyonların küresel çapta kontrolü için alınacak sağlık kararlarının şekillenmesi için de gereklidir. Etken viral patojenlerin doğru ve hızlı teşhisi, salgınları durdurmak ve gereksiz antibiyotik kullanımını azaltmak için önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1.

	0-18 yaş grubu		18 üzeri yaş grubu	
	n	%	n	%
Adenovirus	24	1.9	8	0.6
Influenza A	37	3	44	3.7
Influenza B	67	5.4	19	1.6
RSV	147	11.9	8	0.7
Rhinovirus	129	10.4	40	3.3
SARS-CoV-2	29	2.3	74	6.25
Grup	15	1.2	13	1
A <i>Streptococcus</i>				
TOPLAM	448	36.4	206	17.4
RSV: Solunum sinsityal virüsü				

Tablo 1. Solunum yolu numunelerinde etkenlerin yaş gruplarına göre dağılımı

Tablo 2.

	Sayı	Koenfeksiyonlar içindeki %
Rhinovirus	11	26.8
RSV	10	24.4
Influenza A	8	19.5

Tablo 2. Solunum yolu koenfeksiyonlarında en sık saptanan ilk üç virus

Anahtar Kelimeler: Solunum yolu enfeksiyonları, PCR, koenfeksiyonlar

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 129

Solunum Yolu Enfeksiyonu Etkenlerinin Dağılımı: Tek Merkezli Üç Yıllık Multipleks PCR Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Hatice Kübra Özhan¹, Serpil Genç², Özlem Genç², Aynur Gülcan², Duygu Perçin Renders²

¹Kütahya Evliya Çelebi Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Viroloji, Kütahya, Türkiye

²Kütahya Sağlık Bilimleri Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji ABD, Kütahya, Türkiye

Giriş ve Amaç: Bu çalışmada, hastanemize solunum yolu enfeksiyonu nedeniyle başvuran hastalarda etken sıklığını ve bu etkenlerin mevsimsel dağılımını değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Kütahya Sağlık Bilimleri Üniversitesi Evliya Çelebi Eğitim ve Araştırma Hastanesi'ne Şubat 2021-Mart 2024 tarihleri arasında başvuran ve solunum yolu enfeksiyonu etkenlerinin multipleks PCR yöntemiyle araştırıldığı 1511 hasta çalışmaya dahil edilmiştir. Örnekler Bio-Speedy Solunum Yolu paneli (Bioeksen, İstanbul, Türkiye) kitleriyle çalışılmıştır. Şubat 2021-Şubat 2022 tarihleri arasında 18 etken, Temmuz 2022-Mart 2024 tarihleri arasında kit içeriğinin değişmesiyle içinde SARS-CoV-2'nin de olduğu 24 etken araştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda Şubat 2021-Şubat 2022 ve Temmuz 2022-Mart 2024 tarihleri arasında saptanan etkenler ayrı olarak değerlendirilmiştir. İlk tarih aralığı olan Şubat 2021-Şubat 2022 arasında çalışılan 184 hasta örneği içinde en sık saptanan etkenler sırasıyla respiratuvar sinsityal virüs (RSV), insan bokavirüs (HBoV), insan rinovirüs (HRV) ve influenza A (IAV) olarak bulunmuştur. Pozitiflik tespit edilen hastaların %99'u 18 yaş altıdır. İkinci tarih aralığı olan Temmuz 2022-Mart 2024 arasında çalışılan 1327 hasta örneği içerisinde ise en sık saptanan etkenler sırasıyla RSV, IAV, insan enterovirüs/insan rinovirüs (EV/HRV) ve insan adenovirüs (HADV) olarak bulunmuştur (Grafik1). Pozitif bulunan sonuçların %82'sinde tek etken, %16'sında iki etken, %2'sinde üç veya dört etken aynı anda tespit edilmiştir. Birden çok etken tespit edilen örnekler bakıldığında sık saptanan etkenlerin birbirleriyle ya da mevsimsel koronavirüsler ve parainfluenzavirüslerle olan birlikteliği göze çarpmaktadır. Üç yıllık sonuçlar birlikte değerlendirildiğinde en sık saptanan etkenlerden RSV ve IAV'nin 2021, 2022 ve 2023 yıllarının kış aylarında zirve yaptığı gözlenmektedir (Grafik2). Gönderilen örnekte pozitif sonuç saptanma oranı, 18 yaş altı hastalarda %60 iken 18 yaş üstü hastalarda %34 bulunmuştur. Çalışmamızda bulduğumuz en sık etkenler ve bu etkenlerin mevsimsel dağılımı literatürde bulunan diğer çalışmalarla uyumludur. Pozitiflik oranları göz önüne alındığında bu testin özellikle pediatrik hasta grubunda solunum yolu enfeksiyonu tanısı ve takibinde önemi anlaşılmaktadır. Çalışmamız Kütahya ili için solunum yolu enfeksiyonu etkenleri açısından önemli bir veri oluşturmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

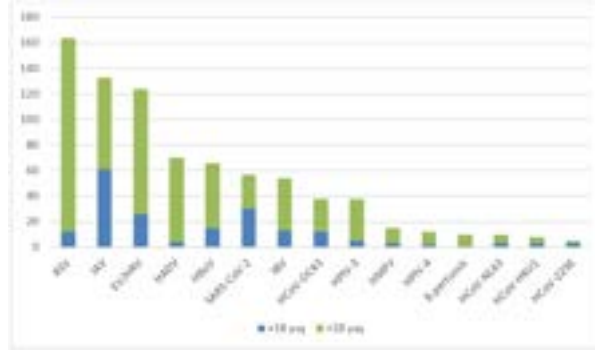
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

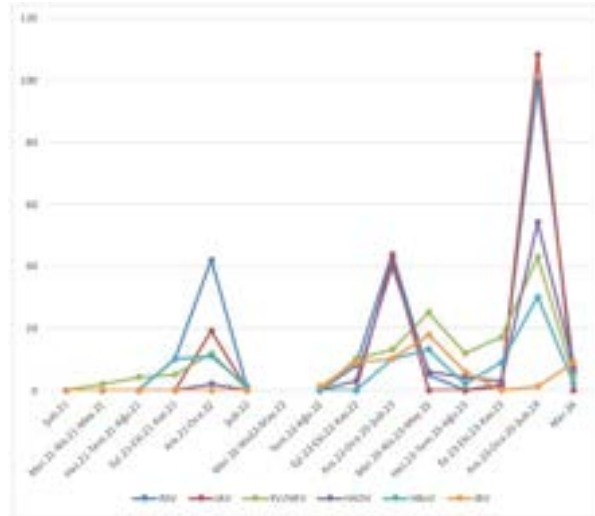
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Grafik1: Temmuz 2022-Mart 2024 tarihleri arasında saptanan etkenlerin hastaların yaş aralığına göre dağılımı



Grafik2: Şubat 2021-Şubat 2022 ve Temmuz 2022-Mart 2024 tarihleri arasında saptanan etkenlerin mevsimlere göre dağılımı



Anahtar Kelimeler: PCR, solunum, virüs

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 130

Bir Üniversite Hastanesine Solunum Yolu Enfeksiyonu Şikayetleriyle Başvuran Hastalarda Respiratuvar Sinsityal Virüs Sıklığı

Hilal Sena Çiftci, Hüma Çamdere, Burak Ezer, Mehmet Özdemir

Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji AD.

Giriş ve Amaç: Solunum yolu enfeksiyonları, tüm yaş gruplarında en sık karşılaşılan hastalıklardan biri olup, etkenlerin görülme sıklığı ve mevsimsel dağılımı, coğrafi bölgeler arasında farklılıklar göstermektedir. Akut solunum yolu enfeksiyonlarının % 60-80'i viral etken kaynaklıdır. Tüm yaş gruplarında hastalık yapabilen Respiratuvar sinsityal virüs (RSV), çocukluk çağıının en sık enfeksiyon etkenleri arasındadır. Hemen hemen tüm çocuklar yaşamlarının ilk iki yılında RSV ile enfekte olurlar. Bu çalışmanın amacı hastanemize son iki yılda solunum yolu enfeksiyonu semptomları ile başvuran hastalarda RSV sıklığını belirlemek, mevsimsel özelliklerini incelemektir.

Gereç ve Yöntem: Necmettin Erbakan Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesine 01.08.2022 ve 31.07.2024 tarihleri arasında solunum yolu enfeksiyonu ön tanısı ile başvuran 5972 hastanın solunum yolu viral moleküler test sonuçları hastane bilgi yönetim sisteminden retrospektif olarak incelendi. Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen nazofarengeal sürüntü örnekleri viral etkenlerin tespit edilmesi için; gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (PZR) yöntemi ile ticari bir kit (Neoplex RB8 Detection, Kore) kullanılarak çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 5972 numunenin 967 (%16,1)i RSV pozitif bulundu. Bu örneklerin 438 (%7,2)'i RSV A, 529 (%8,9)'u RSV B'dir. RSV pozitif sürüntü örneklerinin 803 (%83) adedi 18 yaş altı gruba ait iken 164 (%17) adedi 18 yaş üstüne aittir. RSV pozitifliğinin mevsimsel dağılımına bakıldığında; en yüksek pozitiflik 763 (%78,9) adet ile kış aylarında, ardından 96 (%10) adet ile bahar aylarında ve 12 (%1,1) adet ile yaz aylarında tespit edildi. RSV'nin özellikle çocuk yaş grubunda ve kış mevsiminde insidansının arttığı tespit edilmiştir. Solunum yolu patojen virüslerinin hepsini tek bir örnekte ve tek bir test ile aynı anda tespit edebilen nükleik asit saptama prensibine dayanan multipleks PZR yöntemi ile RSV tanısı günümüzde hızlı bir şekilde konmaktadır. Uygunsuz antibiyotik kullanımını önlemek, gerekli antiviral ilacı kullanabilmek, nozokomiyal bulaş riskini en aza indirmek, hastalığın yayılımı ve engellenmesi açısından erken bilgi vermek için solunum yolu enfeksiyonlarının tanısında PZR yöntemini kullanmak oldukça faydalıdır.

Anahtar Kelimeler: Respiratuvar sinsityal virüs, Solunum yolu enfeksiyonu, Polimeraz zincir reaksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 131

Nazofaringeal sürüntü örneklerinde mevsimsel Coronavirüs, Parainfluenzae virüs, Respiratuar sinsityal virüs ve İnfluenza A/B virüslerinin saptanmasında iki ticari sendromik solunum paneli testinin karşılaştırılması

Selda DOĞAN¹, Salim YAKUT¹, Sümeyye ÖZEL¹, Fadile YILDIZ ZEYREK¹

¹Harran Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi

Giriş ve Amaç: Akut solunum yolu enfeksiyonlarının %30-70'inden virüsler sorumlu olmakta ve bunların çoğunluğunu Respiratuar sinsityal virüsü (RSV), İnfluenza virüsü, Parainfluenza virüsleri, Bokavirüs, Human Metapnömovirüs, Adenovirüs, Rinovirüs, Enterovirüs ve mevsimsel koronavirüsler oluşturmaktadır. Bu patojenlere özgül semptomlar yetersiz olduğundan, bu enfeksiyonların tanısı laboratuvar sonuçlarına dayanmaktadır. Bu nedenle etkenlerin erken ve doğru tespiti önem taşımaktadır. Erken tanı, gereksiz antibiyotik kullanımını önlemekte, antiviral tedavinin zamanında başlamasını sağlamak ve enfeksiyonun yayılmasını engellemektedir. Bu çalışmada laboratuvarımıza gönderilen nazofaringeal örnekleri Biofire Film Array solunum paneli (bioMerieux, Fransa) ve Bosphore solunum paneli (Anatolia Geneworks, Türkiye) ile çalışılmış ve sonuçların karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Ocak 2024-Haziran 2024 tarihleri arasında Harran Üniversitesi Hastanesi'nde kliniklerden Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gelen ve Biofire Film Array solunum panelinde mevsimsel Coronavirüsler (CoV-HKU1, CoV-OC43, CoV-229E, CoV-NL63), Parainfluenza virüs, Respiratuar Sinsityal virüs (RSV) veya İnfluenza A/B virüslerinden herhangi birinin pozitif saptandığı 108 ve bu dört etkenden herhangi birinin saptanmadığı 68 olmak üzere toplam 175 örnek dahil edilmiştir. Biofire Film Array ile çalışılan örnekler -80°C'de saklanmış ve Bosphore Solunum paneli ile çalışılacağı zaman çıkartılıp çözüldükten sonra Bosphore solunum paneli ile çalışılmıştır. Sonuçların karşılaştırılmasında duyarlılık, özgüllük, pozitif prediktif değer, negatif prediktif değer ve doğruluk oranları kullanılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Mevsimsel Coronavirüs, Parainfluenza virüs, Respiratuar Sinsityal virüs ve İnfluenza A/B virüslerinin her iki yöntemle saptanma sayıları Tablo 1'de gösterilmiştir. Biofire Film Array solunum paneli referans test olarak alındığında; Bosphore solunum panelinde bu dört etken için duyarlılığın oldukça düşük olduğu bulunmuştur. İnfluenza A/B için doğruluk oranının düşük, diğer üç etken için ise kabul edilebilir oranda olduğu görülmüştür. Her dört etken için yanlış pozitiflik oranlarının çok düşük olduğu bulunmuştur. Sonuçlar Tablo 2'de gösterilmiştir. Bosphore solunum paneli referans test olarak alındığında; Biofire Film Array solunum panelinde İnfluenza A/B, RSV ve mevsimsel Coronavirüsler için duyarlılığın %95'ten yüksek, Parainfluenza virüsleri için ise %95'ten düşük olduğu bulunmuştur. İnfluenza A/B için doğruluk oranının düşük, diğer üç etken için ise kabul edilebilir oranda olduğu görülmüştür. Tüm etkenler için özgüllüğün %95'ten düşük olduğu bulunmuştur. Sonuçlar Tablo 3'te gösterilmiştir. Sonuç olarak bu çalışmada her iki testin performanslarının tam olarak değerlendirilebilmesi için altın standart bir yöntemle birlikte kullanılması gerektiği sonucuna varılmıştır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. İnfluenza A/B, RSV, Mevsimsel Coronavirüsler ve Parainfluenza virüslerinin her iki yöntemle saptanma sayıları

		Biofire Film Array Solunum Paneli			Toplam
		Pozitif	Negatif		
Bosphore Solunum Paneli	İnfluenza A/B	Pozitif	32	1	33
		Negatif	36	106	142
		Toplam	68	107	175
	RSV	Pozitif	41	0	41
		Negatif	9	125	134
		Toplam	50	125	175
	Mevsimsel Coronavirüsler	Pozitif	26	1	27
		Negatif	12	136	148
		Toplam	38	137	175
	Parainfluenza virüsleri	Pozitif	9	1	10
		Negatif	13	152	165
		Toplam	22	153	175

Tablo 2. Biofire Film Array solunum paneli referans yöntem alındığında Bosphore solunum panelinin performansı

	İnfluenza A/B	RSV	Mevsimsel Coronavirüsler	Parainfluenza virüsleri
Duyarlılık (%)	47	82	68,4	40,9
Özgüllük (%)	99	100	99,2	99,3
Yanlış pozitiflik oranı (%)	0,9	0	0,7	0,6
Pozitif Prediktif Değer (%)	96,9	100	96,2	90
Negatif Prediktif	74,6	93,2	91,8	92,1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Değer (%)				
Doğruluk oranı (%)	78,8	94,8	92,5	92

Tablo 3: Bosphore solunum paneli referans yöntem alındığında Biofire Film Array solunum panelinin performansı

	İnfluenza A/B	RSV	Mevsimsel Coronavirüsler	Parainfluenza virüsleri
Duyarlılık (%)	96,9	100	96,2	90
Özgüllük (%)	74,6	93,2	91,8	92,1
Yanlış pozitiflik oranı (%)	25,3	6,7	8,1	7,8
Pozitif Prediktif Değer (%)	47	82	68,4	40,9
Negatif Prediktif Değer (%)	99	100	99,2	99,3
Doğruluk oranı (%)	78,8	94,8	92,5	92

Anahtar Kelimeler: Biofire Film Array solunum paneli, Bosphore solunum paneli, İnfluenza

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 132

Hepatit C Virüs Epidemiyolojisi Genotip Dağılımı ve HCV/HIV Koenfeksiyonunun Araştırılması

Fatih Mehmet AKILLI

Sincan Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Dünya Sağlık Örgütü'ne göre 58 milyon kişinin kronik hepatit C virüsü (HCV) ile enfekte olduğu, her yıl yaklaşık 1,5 milyon yeni vaka meydana geldiği belirtilmektedir. Hem insan immün yetmezlik virüsü(HIV) hem de HCV enfeksiyonu, ortak bulaşma yolları nedeniyle koenfeksiyona sebep olabilen önemli küresel halk sağlığı sorunudur. Çalışmamızda epidemiyolojik verilere katkıda bulunmak amacıyla anti-HCV prevalansı, HCV viremi oranları, HCV/HIV koenfeksiyonu ve HCV genotiplerinin(GT) dağılımının incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda 1 Ocak 2021 ile 31 Aralık 2023 tarihleri arasında Sincan Eğitim ve Araştırma Hastanesine başvuran hastalara ait sonuçlar retrospektif olarak analiz edildi. Toplam 63226 hastanın sonuçları demografik özellikleri, anti-HCV, HCV-RNA düzeyi ve HCV genotiplerine(GT1,1a,1b,2,3,4) göre irdelendi. Anti-HIV ve anti-HCV düzeyleri(Abbott,ABD) ve MAGLUMI(Snibe,Çin) ile test edilmiştir. Genotiplendirme dizi analizi yöntemi ile HCV-RNA analizi, plazmadan HCV-RNA ekstraksiyonu(Qiagen, Almanya) ile yapıldı. Nükleik asit ekstraksiyonu QIASymphony-DSP-virüs/patojen midi kiti kullanılarak QIASymphony-SP/AS(Qiagen,Almanya), polimeraz zincir reaksiyonu(PZR) Artus-HCV-QS-RGQ kiti kullanılarak Rotor-Gene-Q(Qiagen,Almanya) ile çalışılmıştır. Anti-HCV pozitif hastalardan istenen ve anti-HIV reaktif bulunan örneklerin HIV doğrulamaları(Geenius HIV-1/2 Supplemental Assay(Bio-Rad,ABD)) ulusal halk sağlığı tarafından yapılmış olup, pozitif saptanan olgularda HCV/HIV koenfeksiyon oranı hesaplanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Anti-HCV pozitif saptanan 522 hastanın 267'si cezaevinden başvuran hastalar idi. Yaş gruplarına göre genotip dağılımı (GT3(18-30 yaş, %68.6, n=46, 31-40 yaş, %23.8, n=16) ve GT3(41-50 yaş, %7.4, n=5)) resim 1'de verilmiştir. Çalışmada anti-HCV prevalansı %0.8, viremi prevalansı ise %0.4 olarak hesaplanmıştır. HCV viremi oranı %45.7 olarak saptandı. Viremik 239 hastada genotipi belirlenenler arasında en sık görülen genotip GT3(%27.9) olarak saptanırken, bunu GT1(%26.2), GT2(%7) ve GT4(%4.1) izledi. HCV genotiplerinin yıllara ve hastaların demografik özelliklerine göre dağılımı tablo 1'de verilmiştir. Test edilen genotipler arasında GT1 hastalarının %36.5'inde alt tip 1b, %33.3'ünde alt tip 1a saptanmıştır. HCV antikorları, prevalansı, viremi oranlarının dağılımı tablo 2'de sunulmuştur. Viral yük bakımından GT4(medyan:17.73x105), GT3'ten(medyan:5.1x104) yüksek bulunurken, alt tip1a ve 1b arasında anlamlı farklılık saptanmamıştır. HCV/HIV koenfeksiyon oranı ise %4.1 olarak saptanmıştır. Ülkemizde HCV prevalansı düşük olmakla birlikte bölgeler arası prevalans ve genotipik dağılım farklılık gösterebilmektedir. Takip edilen mahkumların sıklıkla yurtdışı kaynaklı olma ihtimali nedeniyle GT3'ün en yaygın genotip olarak saptanması önceki bölgesel verilerle örtüşmektedir. HCV tarama programlarını genişletmek, mikroeliminasyona katkı sunmak amacıyla hastanemizde seminerler düzenlenmiş olup, yeni çalışmalar

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

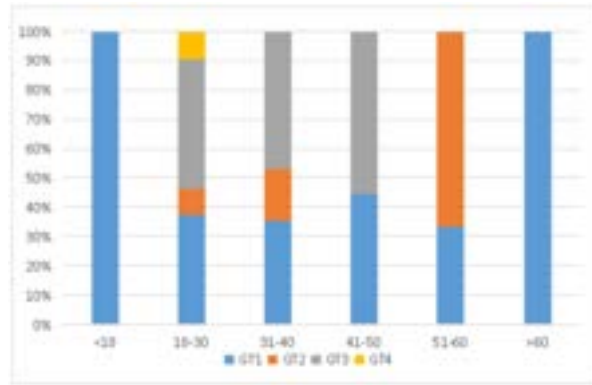
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



yapmayı hedefliyoruz. Çalışmamızın HCV eliminasyon programlarına ve epidemiyolojik verilere katkı sunacağına inanıyoruz.

Resim 1. HCV genotiplerinin(GT) yaş gruplarına göre dağılımı



Tablo 1. HCV genotiplerinin dağılımı

GT dağılımı	Genotip						
	GT1	Subtip 1a	Subtip 1b	Tipindekine uygun	GT2	GT3	GT4
N (%)	190(3)	210(7)	230(5)	42(4.1)	15(7.1)	45(28)	10(4.1)
Cinsiyet (%)							
Kadın	2(15.3)	-	2(15.3)	5(38.4)	0(0.0)	0(0.0)	2(15.3)
Erkek	17(7.5)	21(9.2)	21(9.2)	7(3.4)	15(6.7)	45(28.2)	8(3.5)
Medyan yaşı	28	28	32	28	30	28	28
Yaş aralığı	21-40	22-55	21-70	18-78	26-55	18-44	23-38
Türk kökenli (n=214)	60(27.7)	200(92)	200(92)	17(7.8)	13(6)	50(28.8)	9(4.1)
Yabancı uyruklu (n=21)	3(13)	1(8.3)	3(15)	2(9.4)	4(17.3)	9(39)	1(4.3)
2021ya=53)	5(9.4)	3(5.6)	4(7.5)	2(3.7)	5(9.4)	15(28)	1(1.8)
2022ya=44)	3(3.5)	13(15.4)	3(3.5)	17(20.2)	10(11.9)	33(39.2)	3(3.6)
2023ya=102)	14(13.3)	4(5.8)	17(16.6)	54(52.9)	2(1.9)	6(5.8)	3(2.9)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. HCV antikorları ve viremi prevalansı ile HCV viremi oranlarının yaş grupları ve yıllara göre dağılımı

Yaş		Anti-HCV		HCV Viremi			HCV Viremi oranı		
	Reaktif (n)	Toplam (n)	Prevalans (%)	HCV-RNA(+) (n)	Toplam (n)	Prevalans (%)	HCV-RNA(+) (n)	Toplam (n)	Oran (%)
<18	1	3481	0.02	1	3481	0.02	1	1	100
18-30	215	25870	0.8	155	25870	0.6	155	215	72
31-40	104	12733	0.8	54	12733	0.4	54	104	51.9
41-50	51	8755	0.5	13	8755	0.1	13	51	25.4
51-60	56	7007	0.7	6	7007	0.09	6	56	10.7
>60	95	5380	1.1	10	5380	0.1	10	95	10.5
Toplam	522	63226	0.8	239	63226	0.4	239	522	45.7
YILLAR									
2021	138	14062	0.9	53	14062	0.4	53	138	38.4
2022	176	17986	0.9	85	17986	0.7	85	176	48.2
2023	208	31178	0.6	101	31178	0.3	101	208	48.5
Toplam	522	63226	0.8	239	63226	0.4	239	522	45.7

Anahtar Kelimeler: Epidemiyoloji, Hepatit C virüs, HCV/HIV koenfeksiyonu

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 133

Bir Üniversite Hastanesine Başvuran Hastalarda Hepatit A Seropozitifliğinin Değerlendirilmesi

Mustafa Behçet, Hakan Burak Çelik, Fatma Avcioğlu, Elif Soysal, Ayça Çisem Harre, Yusuf Afşar,
Muhammet Güzel Kurtoglu

Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bolu, TÜRKİYE

Giriş ve Amaç: Hepatit A virüsü (HAV) tek sarmallı bir RNA virüsüdür. Picornaviridae ailesinin Hepatovirüs cinsinin bir üyesi olup bulaşma fekal-oral yol ile ya da kişiden kişiye doğrudan temas ile olmaktadır. Bu virüs ile enfekte olan 100 milyon kişiden yaklaşık 1,5 milyonunun semptomatik olduğu düşünülmekte ve virüsün her yıl 15.000 - 30.000 kişinin ölümünden sorumlu olduğu bildirilmektedir. 2012 yılının sonunda ülkemizde HAV aşısının rutin aşı programına eklenmesi ve sanitasyon şartlarındaki gelişmeler sayesinde virüsle karşılaşma yaşı ilerlemiştir. Ülkemizde HAV enfeksiyonu endemik olarak görülmekle birlikte, görülme sıklığı bölgeler arası farklılıklar göstermektedir. Bu çalışmada hastanemize başvurup Anti-HAV IgG ve Anti-HAV IgM test istemi yapılan hastalarda seropozitifliğin saptanması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada, Ocak 2020 – Eylül 2024 tarihleri arasında Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi'ne başvurup Anti-HAV IgG ve Anti-HAV IgM test istemi yapılan hastaların serum örnekleri laboratuvarımızda Architect i2000SR (Architect, Abbott, Almanya) analizörü ile kemilüminesan mikropartikül immünoassay yöntemi kullanılarak üretici firmanın önerilerine göre çalışılmış ve elde edilen Anti-HAV IgG ve Anti-HAV IgM test sonuçları retrospektif olarak değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Anti-HAV IgG testi çalışılan toplam 11014 hastanın %48.1 (5300)' i erkek %51.9 (5714)' u kadın hastalardan oluşmakta olup hastaların yaş ortalaması 44.9 ve Anti HAV-IgG seropozitiflik oranı %72.5 olarak saptanmıştır. 12-29 yaş aralığında diğer yaş gruplarına göre daha düşük düzeyde IgG seropozitifliği saptanmıştır ($p<0.05$). Cinsiyet ve yaş gruplarına göre seropozitiflik oranları Tablo 1'de verilmiştir. Anti-HAV IgM testi çalışılan 6581 hastanın ise %47.6 (3132)' si erkek, %52.4 (3449)' ü kadın hasta ve yaş ortalaması 48.1 olmakla birlikte, hastaların Anti-HAV IgM seropozitifliği %0.73 olarak saptanmıştır. Sonuç olarak, 2012 yılında Hepatit A aşısının rutin aşılama programına girmesiyle birlikte çocuk yaş gruplarında Anti-HAV IgG seropozitifliğin arttığı görülmüştür. Çalışmamızda da aşının rutin programa dahil edildiği 2012 yılından sonra doğanlarda Anti-HAV IgG seropozitifliğinin 12-29 yaş grubundakilere kıyasla yüksek olduğu saptanmıştır. Bu çalışmaya göre aşının rutin programa dahil edilmesinden önce doğan ve bağışıklığı olmayanların aşılmasının uygun olacağı kanaatindeyiz.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Yaş ve cinsiyet gruplarına göre hastaların Anti-HAV IgM ve Anti-HAV IgG seropozitiflik oranları

Yaş Grupları	Cinsiyet	Anti-HAV IgM Pozitif n/N (%)	Anti-HAV IgG Pozitif n/N (%)
0-2 Yaş	Erkek	1/33 (%3.03)	25/39 (%64.10)
	Kadın	0/32 (%0)	19/33 (%57.57)
	Toplam	1/65 (%1.54)	44/72 (%61.11)
3-5 Yaş	Erkek	0/24 (%0)	31/32 (%96.88)
	Kadın	0/19 (%0)	24/24 (%100)
	Toplam	0/43 (%0)	55/56 (%98.21)
6-11 Yaş	Erkek	0/33 (%0)	39/47 (%82.98)
	Kadın	0/27 (%0)	29/32 (%90.62)
	Toplam	0/60 (%0)	68/79 (%86.07)
12-17 Yaş	Erkek	0/47 (%0)	14/81 (%17.28)
	Kadın	0/41 (%0)	27/76 (%35.52)
	Toplam	0/88 (%0)	41/157 (%26.11)
18-29 Yaş	Erkek	5/563 (%0.89)	374/1226 (%30.5)
	Kadın	4/725 (%0.55)	515/1681 (%30.63)
	Toplam	9/1288 (%0.7)	889/2907 (%30.58)
30-39 Yaş	Erkek	0/369 (%0)	461/750 (%61.46)
	Kadın	10/485 (%2.06)	454/750 (%60.54)
	Toplam	10/854 (%1.17)	915/1500 (%61)
40-64 Yaş	Erkek	11/1232 (%0.89)	1851/1985 (%93.25)
	Kadın	8/1334 (%0.6)	1948/2078 (%93.74)
	Toplam	19/2566 (%0.74)	3799/4063 (%93.5)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



65 Yaş ve üstü	Erkek	7/831 (%0.84)	1139/1140 (%99.91)
	Kadın	2/786 (%0.26)	1038/1040 (%99.81)
	Toplam	9/1617 (%0.55)	2177/2180 (%99.86)

Anahtar Kelimeler: Anti-HAV IgG, Anti-HAV IgM, Seropozitiflik

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 134

Bolu İlinde Hepatit C Virüsünün Genotip Dağılımı

Mustafa Behçet, Ayça Çisem Harre, Fatma Avcioğlu, Hakan Burak Çelik, Elif Soysal, Yusuf Afşar, Muhammet Güzel Kurtuluş

Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bolu, TÜRKİYE

Giriş ve Amaç: Hepatit C virüsü (HCV), Hepacivirus cinsi içinde Flaviviridae familyasına ait zarflı, pozitif polariteli tek sarmallı bir RNA virüsü olup 8 genotip ve 86 alt tipte sınıflandırılmaktadır. İntravenöz uyuşturucu kullanımı, enfekte anneden bebeğe perinatal yol, cinsel yol, enfekte kişilerin kan ve vücut sıvıları ile bulaşabilmektedir. Akut/kronik hepatite, siroz ve hepatosellüler karsinoma yol açabilmektedir. Genotiplerin dağılımı, coğrafi köken ve bulaş yollarına göre farklılık göstermektedir. HCV genotip 1, Dünya’da en yaygın görülen genotip iken ikinci sıklıkta genotip 3 gözlenmektedir. Ülkemizde ise en sık genotip 1b görülmektedir. Genotiplere göre tedavi rejimi ve tedaviye yanıt da farklılıklar göstermektedir. Dolayısıyla antiviral tedavi seçimi, tedavi süresinin belirlenmesi ve tedaviye yanıtın izlenmesinde viral yük tayini ile birlikte genotipin belirlenmesi de önemlidir. Bu çalışmada 2017- 2024 yılları arasında Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı’na HCV genotiplendirme istemiyle gönderilen numunelerin sonuçları retrospektif olarak değerlendirilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Örnekler HCV genotip tayini 1 (1a, 1b ve 1a-1b dışı), 2, 3, 4, 5, 6 genotiplerini saptayan “Bosphore HCV Genotyping Kit V3” (Anatolia Tanı ve Biyoteknoloji Ürünleri, Türkiye) kullanılarak gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (RT-PCR) yöntemi ile Montania 4896 (Anatolia Tanı ve Biyoteknoloji Ürünleri, Türkiye) cihazında çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Toplam 65 hastanın %55.4 (36)’ü kadın, %44.6 (29)’sı erkek ve yaş ortalaması 61.1 olarak saptandı. Çalışmamızdaki baskın olan HCV genotip tip 1b (%69.2) olarak tespit edilirken bunu sırasıyla tip 3 (%13.8) ve tip 1a (%13.8) izledi (Tablo 1). Çalışmamızda en sık genotip 1b saptanmış olup ülkemiz verileriyle uyumlu görünmektedir. Örnek sayısı az olmakla birlikte HCV genotip 1b kadınlarda daha yüksek oranda saptandı. HCV enfeksiyonunun tedavisi, prognozu, tedavi süresi ve riskli grubun belirlenmesi açısından genotip dağılımının belirlenmesi önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. HCV genotiplerinin cinsiyete göre dağılımı

	Genotip1a	Genotip 1b	Genotip 2	Genotip 3	Genotip 4	
Kadın	3 (4.6)	30 (46.2)	0 (0)	1 (1.5)	2 (3.1)	36 (55.4)
Erkek	6 (9.2)	15 (23.1)	0 (0)	8 (12.3)	0 (0)	29 (44.6)
Toplam n(%)	9 (13.8)	45 (69.2)	0 (0)	9 (13.8)	2 (3.1)	65 (100)

Anahtar Kelimeler: Genotip, hepatit C virüsü, Polimeraz Zincir Reaksiyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 135

Üçüncü Basamak Bir Hastaneye Başvuran Hastalarda HIV Pozitifliğinin Retrospektif İncelenmesi

Sibel Gümüş, Musa Öz, Hale Bozkurt Çobanoğlu, Elçin Kal Çakmaklıoğulları

Alanya Alaaddin Keykubat Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: İnsan Bağışıklık Yetmezliği Virüsü (HIV) enfeksiyonu, özellikle cinsel yol ile bulaşan, ciddi morbidite ve mortalite ile seyreden, tüm toplumu ilgilendiren küresel bir halk sağlığı sorunudur. Kesin bir tedavisi olmayan ancak yönetilebilir bir hastalık olması; erken tanı, uygun tedavi ve korunma stratejilerinin önemini artırmaktadır. Bu çalışmada turizmle ön planda olan Alanya ilçesindeki hastanemize başvuran kişilerde son yıllardaki HIV pozitiflik oranını ve HIV epidemiyolojik verilerini incelemeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamızda, Ocak 2020- Temmuz 2024 tarihleri arasındaki 4,5 yıllık süreçte, Alanya Alaaddin Keykubat Üniversitesi Eğitim ve Araştırma Hastanesi mikrobiyoloji laboratuvarında çalışılan Anti-HIV ELISA sonuçları retrospektif olarak değerlendirildi. Test (4. kuşak antijen/antikor ELISA) Cobas e601 Analyser (Roche Diagnostics, Mannheim, Germany) cihazıyla çalışıldı. Reaktif saptanan örnekler Ulusal AIDS Doğrulama Merkezi ve Viral Hepatitler Laboratuvarına gönderildi. Doğrulama sonucunda HIV pozitif saptanan vakaların tekrarlayan testleri çalışma dışı bırakıldı. Vakaların cinsiyet, yaş ve yerli/yabancı uyruk bilgileri test sonuçlarıyla birlikte değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Ocak 2020- Temmuz 2024 tarihleri arasında hastanemizde toplam 108257 Anti-HIV ELISA testi çalışılmış olup reaktiflik oranı %0,42'dir. Tekrarsız 205 kişinin doğrulama sonucu pozitif bulunmuştur. Anti HIV ELISA çalışılan kişiler arasında HIV pozitiflik oranı %0,19'dur. ELISA test sayısı ve HIV pozitif vaka sayısının, 2023 yılı dahil olmak üzere her yıl arttığı saptanmıştır (şekil-1). Vakaların %83'ü erkek, %17'si kadındır. Enfeksiyonun en fazla saptandığı yaş grubu erkeklerde ve kadınlarda sırasıyla 30-34 ve 35-39 yaş grubudur (şekil-2). Çocuk (0-18) yaş grubunda vaka bulunmamaktadır. Yabancı uyruklu kişiler tüm vakaların %12'sini oluşturmaktadır (şekil-3). Bulgularımız HIV pozitif vaka oranının son yıllarda arttığını göstermektedir. Vakaların cinsiyet ve yaş dağılımı Türkiye verileriyle uyumludur. Çocuk yaş grubunda hasta olmaması, anneden bebeğe HIV bulaşının önlenmesiyle ilgili bölgedeki sağlık uygulamalarının iyi olduğunu düşündürmektedir. Ülkemizde 1985-2023 yılları arasında bildirilen vakaların %16,2'si yabancı uyrukludur. İlçemiz turizm bölgesi olmasının yanında çok sayıda yabancı uyruklu kişinin ikamet ettiği bir bölge olmasına rağmen, saptadığımız yabancı uyruklu vaka oranı (%12) ülke geneli verisinin altındadır. Bulgularımız HIV enfeksiyonu ile mücadele stratejilerini yönlendirmeye katkı sağlayacak epidemiyolojik veriler ortaya koymaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

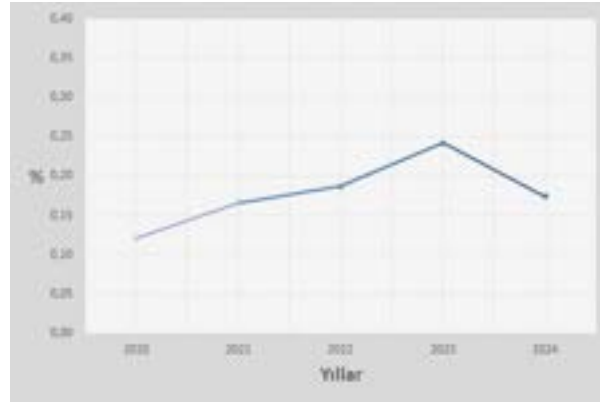
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

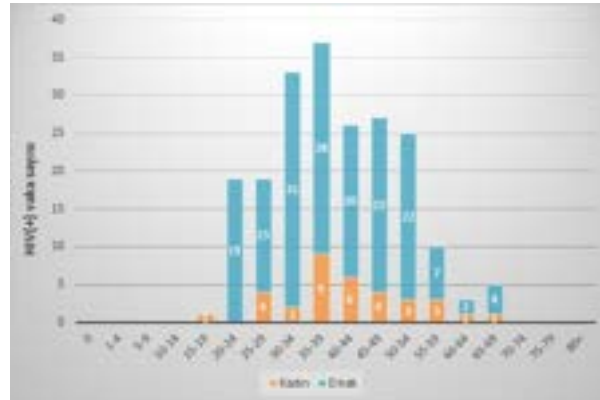
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil-1. Yıllara göre HIV(+) vaka oranı



Şekil-2. HIV(+) vakaların yaş grubu ve cinsiyete göre dağılımı



Şekil-3. HIV(+) vakaların yerli-yabancı uyruğa göre dağılımı

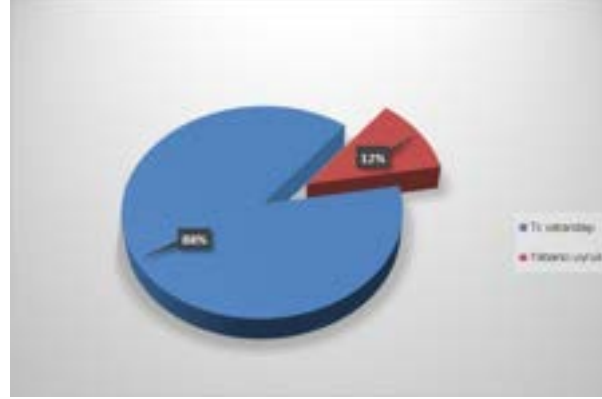
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Anahtar Kelimeler: HIV, ELISA, Epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 136

Yüksek Riskli Human Papilloma Virus Genotiplerinin Saptanmasında Diard-Hpv RT-PCR Kiti ile Qiascreen HPV PCR Kitinin Karşılaştırılması

Bengül Durmaz¹, Hande Toptan², Mehmet Köroğlu², Rıza Durmaz³, Ülker Çuhacı⁴

¹Lokman Hekim Üniversitesi Tıp Fakültesi

²Sakarya Üniversitesi, Tıp Fakültesi

³Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi, Tıp Fakültesi

⁴Yüksek İhtisas Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Human papillomavirus (HPV), dünyada kadınlar arasında en sık görülen dördüncü kanser olan rahim ağzı kanserine yol açmaktadır. Tanımlanmış 200'den fazla HPV genotipi içerisinde rahim ağzı kanseri ile güçlü ilişkili olan HPV genotipleri 16, 18, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58 ve 59' dur. Bunlar arasında genotip 16 ve 18 rahim ağzı kanseri vakalarının yaklaşık %70'inden sorumludur. DiaRD-HPV Rt-PCR kiti, genotip 16 ve 18'i tanımlama ve diğer yaygın 18 farklı genotipi (6, 11, 26, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66, 67, 68, 73 ve 82) taramak amacıyla geliştirilmiştir. Bu çalışmada servikal örneklerde HPV taramak ve yüksek riskli genotipleri belirlemede yeni geliştirilmiş olan DiaRD-HPV Rt-PCR kiti ile QIAScreen HPV PCR kitinin performanslarının karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: DiaRD-HPV Rt-PCR kitinin klinik örnekler üzerindeki etkinlik çalışmaları QIAScreen HPV PCR test kiti (Qiagen) ile çalışılmış HPV pozitif 65 (Genotip 16=23, genotip 18=2, genotip diğer=40) ve negatif 178 olmak üzere toplam 243 örnek üzerinde test edilmiştir. PreservCyt transport veya SurePath transport ortamına alınmış servikal örneklerden Diarex Viral DNA/RNA ekstraksiyon kit protokolü kullanılarak (www.diagen.com.tr) DNA izolasyonu yapılmıştır. Kit protokolü takip edilerek PCR çalışılmıştır. Multipleks olarak kurulan amplifikasyon miksi içerisinde genotip 16 ve 18 için spesifik primerler ve TaqMan probolar ile diğer genotiplerin her birinin DNA'sının amplifikasyonu için gerekli genotip spesifik primerler ve ortak floresan boya ile işaretli TaqMan proboları konulmuştur. Ayrıca olası inhibitörleri belirlemek amacıyla beta aktin geni için spesifik primer/prob eklenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: QIAScreen kit ile pozitif olan 65 örneğin 62 (%95)'sinden DiaRD-HPV tarama kiti ile de pozitif sonuç alınmıştır. Negatif olan 178 örneğin tamamı DiaRD HPV Rt-PCR kitiyle de negatif sonuç vermiştir. Klinik örneklerde kitin duyarlılığı %95, özgüllüğü en az %99,9 ve doğruluğu %98,8 olarak belirlenmiştir. Çalışmanın sonuçları DiaRD HPV Rt-PCR kitinin klinik örneklerde kullanılabileceğini göstermiştir.

Anahtar Kelimeler: Human Papillomavirus, Rt PCR, DiaRD HPV kit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 137

Cytomegalovirus Dna Kantitasyonunda Diard-Cmv RT-PCR Kiti ile Artus CMV PCR Kitinin Karşılaştırılması

Bengül Durmaz¹, Rıza Durmaz², Tuba Dal³, Hande Toptan⁴, Mehmet Köroğlu⁴

¹Lokman Hekim Üniversitesi Tıp Fakültesi

²Ankara Yıldırım Beyazıt Üniversitesi Tıp Fakültesi

³Dr Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Ankara

⁴Sakarya Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Sakarya

Giriş ve Amaç: Cytomegalovirus (CMV) organ transplantasyonu yapılanlar ve hematolojik malignitesi olan hastalardaki komplikasyonların yaygın nedenlerinden biridir. Solid organ ve hematopoetik kök hücre transplantları arasında CMV enfeksiyonunun doğrulanması ve viral yükün izlenmesi etkin hasta bakımı için önemlidir. Nükleik asit amplifikasyon testleri virüsün saptanması ve kantitasyonu için kullanılan en yaygın yöntemlerdir. DiaRD CMV Rt-PCR kiti klinik örneklerde CMV DNA kantitasyonunu yapabilmek için gerekli tüm bileşenleri bulunduran kantitatif bir qPCR testidir. Bu çalışmada DiaRD CMV Rt-PCR kitinin özgüllük, duyarlılık ve doğruluk değerlerinin referans olarak alınan Artus CMV PCR kitiyle karşılaştırılarak, yeni kitin tanındaki performansının belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: DiaRD CMV Rt-PCR kitinin klinik örnekler üzerindeki etkinlik çalışmaları Artus CMV PCR kiti ile test edilmiş ve hasta bilgileri anonim hale getirilmiş olan 184 plazma üzerinde değerlendirilmiştir. Klinik örneklerden DNA izolasyonu DiaRex DNA kiti ile yapılmıştır. Multipleks olarak kurulan Rt PCR amplifikasyon miksi içerisinde CMV-UL83 geni içerisindeki 79 baz çiftlik bölgenin amplifikasyonunu sağlayacak primerler ve çoğalmayı saptayacak TaqMan prob ile internal kontrol primer/probu bulunmaktadır. CMV DNA yükünün belirlenmesi için dört adet kantitasyon standardı (1.0x10⁴ IU/mL-1.0x10⁷ IU/mL) kullanılmaktadır. Artus CMV kitinden elde edilen sonuçlar referans alınarak DiaRD CMV Rt-PCR kitinin klinik etkinliği belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Artus kitiyle pozitif saptanan 47 örneğin 45 (%96)'inden DiaRD CMV Rt-PCR kitiyle de pozitif sonuç alınmıştır. Pozitif örneklerin 43'ünde iki kitle elde edilen kantitasyon değerleri arasındaki fark <0,5 log₁₀, altısında ise 0,526-0,645 log₁₀ olarak belirlenmiştir (Tablo 1). İki kitin kantitatif sonuçları arasındaki korelasyon, lineer regresyon analiziyle gösterilmiştir (Şekil). Negatif olan 137 örneğin 5 (%3,6)'inden DiaRD CMV Rt-PCR kitiyle hatalı pozitif sonuç alınmıştır. Yeni kitin duyarlılığı %96, özgüllüğü %96, doğruluğu %96,4, pozitif prediktif değeri %90 ve negatif prediktif değeri %98 olarak belirlenmiştir (Tablo 2). Çalışmanın sonuçları DiaRD CMV Rt-PCR kitinin klinik örneklerde kullanılabileceğini desteklemiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. İki kitin kantitatif sonuçları arasında 0,5 log10 üzerinde fark oluşan örnekler.

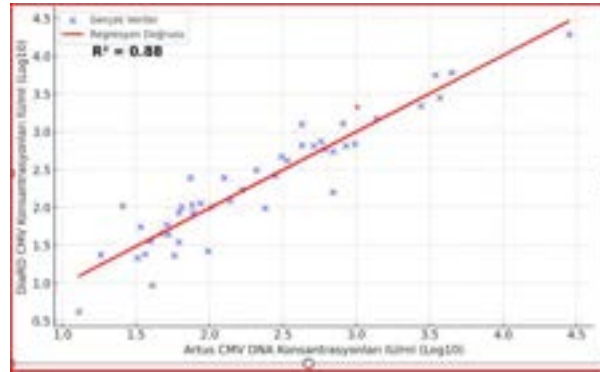
Örnek No:	Artus CMV PCR kit		DiaRD CMV kit		Log10 farkı
	U/ml	Log10	U/ml	Log10	
1	6,93E+02	2,84E+00	1,17E+02	2,1859	-6,45E-01
2	7,40E+01	1,869132	2,48E+02	2,394977	5,26E-01
3	2,60E+01	1,41E+00	1,65E+02	2,222428	6,07E-01
4	4,10E+01	1,61E+00	9,40E+00	0,971128	-6,40E-01
5	9,70E+01	1,98E+00	2,62E+01	1,418101	-1,68E-01
6	5,10E+01	1,71E+00	5,91E+00	0,771187	-6,40E-02

Tablo 2. Kitlerin klinik örnekler üzerindeki performansları.

	Quanta CMV Kit		Toplam
	Positif	Negatif	
DiaRD CMV Kit			
Positif	45	5	50
Negatif	2	132	134
Toplam	47	137	184

Özellikler: %100, Doğruluk: %100, Pozitif prediktif değer: %100, Negatif prediktif değer: %100

Şekil. İki kitle saptanmış olan kantitasyon değerlerinin lineer regresyon analizi.



Anahtar Kelimeler: Cytomegalovirus, RT PCR, DiaRD CMV kit

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 138

Pediatric ve Erişkin Popülasyonda RSV: Klinik Ve Risk Faktörlerinin Değerlendirilmesi

Berfu Tufan, Özgür Appak, Ayça Arzu Sayiner

Dokuz Eylül Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

Giriş ve Amaç: Respiratuvar sinsityal virüs (RSV), pediatrik ve yaşlı popülasyonda ciddi solunum yolu enfeksiyonlarına yol açan önemli bir patojendir. Son yıllarda geliştirilen erişkin RSV aşılı, enfeksiyonun kontrol altına alınmasında umut verici olmuştur. Çalışmamızda, hastanemizde yapılan solunum yolu viral panel (SVP) sonuçlarının RSV pozitifliği açısından yaş gruplarına göre dağılımını, klinik sonuçlarını ve altta yatan hastalıkların etkisini değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu retrospektif çalışmada, 31.01.2023-04.03.2024 tarihleri arasında hastanemizde yapılan SVP sonuçları incelendi. Çalışma döneminde; Respiratory Multiplex Real-Time PCR Kit 7'li Panel (Bioeksen, Türkiye), RT-qPCR MX-24L Respiratory Panel (Bioeksen, Türkiye) ve QIAstat-Dx Respiratory Panel (Qiagen, Hilden, Germany) kitleri kullanıldı. RSV pozitifliği saptanan hastalar pediatrik (<18 yaş) ve erişkin (≥18 yaş) olmak üzere iki gruba ayrıldı. Gruplar mortalite, yoğun bakım ve hastaneye yatış oranları yönünden karşılaştırıldı. Pozitif hasta gruplarında altta yatan hastalıklar incelendi. Gruplar değerlendirilirken Fisher ki-kare testi kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda, toplam 1628 SVP sonucu incelendi. Olguların %72'si (1169/1628) pediatrik grupta, %28,1'i (459/1628) erişkin grupta idi. Pediatrik grupta RSV pozitifliği oranı %9,1 (106/1169) bulunurken, erişkin grupta %2,4 (11/459) olarak saptandı. Pediatrik grupta RSV pozitifliği anlamlı olarak daha yüksekti ($p < 0,05$). Cinsiyetler arasında RSV pozitifliği açısından anlamlı fark bulunmadı ($p > 0,05$). Pediatrik grupta ≤2 yaş olmanın RSV pozitifliği ve hastaneye yatış ile ilişkisi istatistiksel olarak anlamlı bulundu ($p < 0,05$). Erişkin grupta ≥60 yaş olmanın RSV pozitifliği ile ilişkisi anlamlı değildi ($p > 0,05$). Pediatrik grupta RSV pozitifliği olan hastalarda mortalite %0 iken, erişkin grupta %18,2 (2/11) olarak tespit edildi ($p < 0,05$). Yoğun bakım ve hastaneye yatış oranları açısından anlamlı fark yoktu ($p > 0,05$). Erişkin grupta yoğun bakım gereksinimi olan hastaların hepsi >60 yaş idi. Pediatrik grubun %14,2'inde (15/106), erişkin grubun ise %91'inde (10/11) altta yatan hastalık saptandı. Erişkin grupta altta yatan hastalık varlığı anlamlı olarak daha yüksek ($p < 0,05$) bulundu. (Tablo 1) Çalışmamız RSV enfeksiyonunun, farklı yaş grupları arasında klinik seyir ve eşlik eden hastalıklar bakımından farkları bulunduğunu göstermiştir. RSV enfeksiyonu, pediatrik grupta, erişkinlere göre yaklaşık 3 kat fazla saptanmıştır. Pediatrik grupta ≤2 yaşta RSV riski ve hastaneye yatış anlamlı derecede yüksek iken, erişkin grupta RSV enfeksiyonlarında altta yatan hastalık varlığı ve yüksek mortalite oranı dikkat çekmektedir. Bu bulgular, erişkinlerde RSV aşısının yüksek risk gruplarında kullanımının önemine dikkat çekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



PEDİATRİK HASTA GRUBUNDA YAŞA GÖRE RSV POZİTİFLİĞİ DAĞILIMI



Tablo 1. RSV pozitif olgularda saptanan altta yatan hastalıklar

ALTTA YATAN HASTALIK	RSV(+) Grup	
	PEDİATRİK YAŞ GRUBU (n=106)	ERİŞKİN YAŞ GRUBU (n=11)
Solunum Sistemi	5	1
Kardiyovasküler Sistem	1	5
Nöromusküler Sistem	2	0
Bağ Doku Hastalığı	2	1
Metabolik Hastalık	2	2
İmmün Yetersizlik	6	5
Prematürite	3	-
Gelişim Geriliği	3	-
Yak	91	1

Anahtar Kelimeler: RSV, PCR, epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 139

Servikal Örneklerde HPV Tanısında İki Farklı HPV DNA Tanı Ve Genotipleme Testinin Karşılaştırılması

Aysel Karataş, Gülten Aydın Tutak, Çiğdem Arabacı

Sağlık Bilimleri Üniversitesi Prof. Dr. Cemil Taşcıoğlu Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: Cinsel yolla bulaşan insan papilloma virus (HPV) kadınlarda serviks kanserinin etiyolojisinde kritik önemi vardır. 14 HPV genotipi (16,18,31,33,35,39,45,51,52,56, 58, 59, 66, 68) yüksek riskli (YR) / kanserojen olarak sınıflandırılmıştır. HPV genotiplerinin tanısında FDA tarafından onay almış ikinci kuşak hibridizasyon testi bulunmasına rağmen PCR temelli yöntemler kolay çalışılması, sonuç süresinin kısalığı, düşük miktarlardaki örneklerde yüksek duyarlılıkta sonuç verebilmesi ve 40'tan fazla HPV tipini tespit edebilmesi gibi nedenlerle sık kullanılmaktadır. HPV genotiplerinin saptanmasında PCR kitlerinin arasında hassasiyet ve duyarlılıkları bakımından farklılıklar olabilir. Bu çalışmada servikal örneklerde HPV'nin tespiti ve tiplendirilmesi amacıyla kullanılan PCR temelli 2 farklı HPV DNA tespit yönteminin karşılaştırılarak, Roche Cobas HPV (yukarıda sayılan 14 HPV genotipi saptar) ve geneMap HPV (yukarıda sayılan 14 HPV genotipi+ HPV 6,11 genotiplerini saptar) testlerinin performansının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Kadın doğum polikliniğine başvuran, rutin smear testiyle HPV tanı-genotipleme testi istenen cinsel aktif 44 kadın hastadan endoservikal fırçayla (ThinPrep Pap Test;PreservCyt solusyonu, ABD) alınan örnekler çalışmaya dahil edildi. Servikal örneklerden eş zamanlı olarak Cobas 4800 sisteminde Cobas Z 480 HPV (Roche Moleküler Diagnostik-ABD) testiyle ve Biorad CFX96/384 sisteminde geneMAP™ HPV HR & 6 /11 testiyle (GenMark Sağlık Ürünleri-İstanbul Türkiye) HPV DNA-genotip çalışıldı. Üretici firmaların önerileri doğrultusunda örneklerden DNA ekstraksiyonu yapıldı ve PCR testleri çalışıldı

Bulgular ve Sonuç: Cobas Z 480 HPV testiyle 38 örnekte HPV DNA negatif, 6 örnekte HPV DNA pozitif saptanırken, geneMAP™ HPV 23 örnekte HPV DNA negatif 21 örnekteyse HPV DNA pozitif saptamıştır. Her iki ticari kitle elde edilen karşılaştırmalı HPV DNA-genotip sonuçları Tablo I, II ve III' te gösterilmiştir.İki yöntemle 27 örnek uyumlu, 2 örnek kısmen uyumlu, 10 örnek uyumsuz olarak değerlendirilirken, 5 örnek de COBAS HPV nin panelinde HPV 6&11 olmadığından değerlendirilemedi. GeneMAP™ HPV kitiyle 3 örnekte YR-HPV genotip 16-18, 6 örnekte DR-HPV genotip, 10 örnekte DR-HPV 6/11 saptanırken, Cobas HPV ile bu örneklerin tamamında HPV DNA negatif saptanmıştır. Daha ileri sonuçlar için daha büyük bir örneklem boyutunda çalışılması, her iki yöntemle elde edilen sonuçların Yeni nesil dizileme (Next Generation Sequencing, NGS) gibi altın standart bir yöntemle karşılaştırılması gereklidir.

Şekil I. Farklı HPV Genotipleme PCR Testlerine göre örneklerin karşılaştırmalı sonuçlarının yüzdelikleri

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Seq	City	State	Lat	Long	Alt	Seq	City	State	Lat	Long	Alt
1	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	13	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
2	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	14	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
3	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	15	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
4	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	16	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
5	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	17	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
6	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	18	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
7	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	19	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
8	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	20	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
9	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	21	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
10	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	22	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
11	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	23	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
12	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	24	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
25	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	25	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
26	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	26	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
27	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	27	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
28	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	28	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
29	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	29	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
30	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	30	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
31	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	31	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
32	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	32	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
33	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	33	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
34	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	34	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
35	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	35	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
36	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	36	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
37	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	37	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
38	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	38	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
39	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	39	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
40	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	40	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
41	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	41	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
42	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	42	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
43	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	43	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
44	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	44	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
45	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	45	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
46	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	46	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
47	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	47	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
48	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	48	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
49	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	49	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150
50	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150	50	Albany	Alaska	59.12	-152.27	150

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo I: Farklı HPV Genotipleme PCR Testlerinin negatif ve pozitiflik oranları

	Cobas HPV/n	%	geneMAP™ HPV / n	%
Negatif	38	86	23	52
Pozitif	6	14	21	48

Tablo III: Pozitif saptanan örneklerde yöntemlere göre tespit edilen HPV genotipleri ve sayıları

Genotip	Cobas HPV Sonuç	geneMAP™ HPV sonuç	Her iki yöntemle pozitif saptanan örnek sayısı
16	3	4	3
18	2	4	2
31	0	1	0
33	0	2	0
35	0	1	0
52	0	7	0
YR	2	-	1
6&11	Değerlendirilemedi	10	Değerlendirilemedi

Anahtar Kelimeler: HPV PCR, Servikal kanser, HPV genotip

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 140

Türkiye'deki HPV Genotiplerinin Dağılımı

Caner Yürüyen¹, Yeşim Tuyji Tok², Serra Kavukçu Kuş³, Dalal Sheikhah⁴, Hajar Nasir Tukur⁴, Ismet Atilla Kayaş⁴, Shokhsanam Erkinova⁴, Rabia Can⁵, Gül den Çelik⁵

¹Dr.Siyami Ersek Göğüs Kalp ve Damar Cerrahisi Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Bölümü, İstanbul

²İzmir Katip Çelebi Üniversitesi Tıp Fakültesi Atatürk EAH Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

³Etlik Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Bölümü, Ankara

⁴Bahçeşehir Üniversitesi Tıp Fakültesi, İstanbul

⁵Bahçeşehir Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul

Giriş ve Amaç: Rahim ağzı kanserinden ülkemizde de mevcut 4 veya 9 valanlı HPV aşilar ile korunulabilir. Klinik olarak daha agresif seyreden yüksek-riskli genotiplerin çok spesifik ve hassas moleküler yöntemlerle tespit edilmesiyle de en erken (in situ) aşamada müdahale edilerek kanser gelişiminin önüne geçilebilir. Bu çalışmanın amacı, rahim ağzı kanseri etiyolojisinde ilk sırada yer alan HPV'nin Türkiye'de tespit edilen genotip dağılımlarını ortaya koyarak, Dünya Sağlık Örgütü'nün 2030 yılı için koyduğu cinsel yolla bulaşan hastalıkların eliminasyonu hedeflerine ulaşabilme ve bu sessiz salgını sona erdirmede katkı sağlayabilecek stratejilere dikkat çekmektir.

Gereç ve Yöntem: Türkiye'deki HPV genotip dağılımına ilişkin verileri içeren çalışmaların derlenmesinde Prisma 2020 kılavuzundan yararlanıldı. Ülkemizde HPV tanısı ve epidemiyolojisi ile ilgili yayınlanmış mevcut tüm çalışmalar, önceden seçilmiş anahtar kelimeler kullanılarak ilgili dokuz arama motorundan tarandı, ilk olarak 380 tam metin ve 27 özetle ulaşıldı. Daha sonra, 2 farklı araştırmacı tarafından bu yayınlar uygunluk kriterlerine göre yeniden detaylı incelenerek Prisma 2020 sistematik derleme kriterlerine uygun olmayanları eledi. Nihai olarak, farklı ticari moleküler tanı platformlarında tanımlanan HPV genotipleri üzerine yapılan toplamda 24 çalışmaya dahil edilmiş 15273 hasta verisi sabit-etki (fixed-effect) modeli kullanılarak sentezlendi. Ayrıca, istatistiksel heterojenliğin olası nedenlerini araştırmak için alt grup analizi yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: Tüm çalışmalar birlikte değerlendirildiğinde en sık saptanan yüksek-riskli genotiplerden; genotip 16 (%23), genotip 51 (%19), genotip 31 (%8) ve genotip 52 (%6)'nin ilk dört sırada yer aldığı görüldü. Sosyal etkileşimlerin giderek kolaylaştığı, cinsel davranışların hızla evrildiği günümüzde bu faktörler, dünya üzerinde diğer ülkelerde olduğu kadar ülkemizde de HPV genotip dağılımı üzerinde değişimlere neden olmaktadır. Bu sebeple genotip surveyansının ve bu subtipleri kapsayacak şekilde aşiların güncellenmesinin devamlılığı vazgeçilmezdir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo-1

TÜRKİYE'DE SAPTANAN HPV GENOTİPLERİNİN DAĞILIMI

■ HPV genotip 16 ■ HPV genotip 31 ■ HPV genotip 33
■ HPV genotip 52 ■ Diğer HPV genotipleri



Anahtar Kelimeler: HPV, genotip, sistematik derleme

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 141

Jinekoloji Hastalarında HPV DNA Sonuçları ile Serum HPV Antikor Düzeylerinin Karşılaştırılması

Gülsüm EKİM¹, Kenan DEĞERLİ¹, Sinem AKÇALI¹, Aslı GÖKER², Seda MAVİLİ³

¹Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD

²Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Kadın Hastalıkları ve Doğum AD

³Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Patoloji AD

Giriş ve Amaç: Servikal kanser ve genital bölgenin prekanseröz lezyonları kadın sağlığını tehdit eden önemli sorunlardandır. Küresel prevalansı %11.7 olmakla birlikte gelişmekte olan ülkelerde hastalık prevalansı çok daha yüksektir. Epidemiyolojik çalışmalar serviks kanserinde primer etyolojik ajanın HPV olduğunu, özellikle tip16 ve 18'in vakaların yaklaşık %70'inden sorumlu olduğunu göstermektedir. HPV'nin sıklıkla anogenital bölgede yerleşmesi, latent enfeksiyonlar şeklinde seyretmesi enfeksiyonun hızla yayılmasına neden olmaktadır. Çalışmanın amacı HPV'nin bölgesel olarak, cinsel aktif, aşısız kadınlar arasındaki prevalansının ve eş zamanlı serum immunizasyon oranlarının belirlenmesidir. Herhangi bir şikayetle jinekoloji polikliniğine başvuran kadınlardaki klinik ve olası latent enfeksiyonların saptanması ve tedavilerinin düzenlenmesi de diğer hedefler arasındadır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 2024 Ocak-Temmuz ayları arasında MCBÜ Tıp Fakültesi Hastanesi Jinekoloji Polikliniği'ne başvuran, smear örneklerinde HPV DNA çalışılan, 18-65 yaş arası 265 kadın hasta alındı. HPV DNA varlığı ve alt tip tayini QIAscreen HPV PCR Test kiti (QIAGEN, Hollanda) kullanılarak real time PCR yöntemiyle araştırıldı. Hastalardan alınan serum örneklerinde HPV EIA-4907 (DIA.PRO, İtalya) kiti kullanılarak ELISA yöntemiyle HPV IgG antikor araştırıldı. Sonuçların istatistiksel analizinde SPSS 21.0 programı ile student T testi, kıkare testi kullanıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan hastaların demografik verilerinde yaş ortalaması 44,1 olup, 23'ü bekar (%8.3) 243'ü evli (%91.7) bulundu. Doğurganlık durumuna bakıldığında 31'inin hiç doğum yapmadığı, 99'unun (%37.4) 3 ve üzeri doğum yaptığı görüldü. Hastaların %9.8'inin onkojenik tipler olan HPV16, 18 ve yüksek riskli diğer tiplerden biri ile enfekte olduğu saptandı. Çalışmamızda 265 hastanın 8'inde (%3) serumda HPV 6,11,16,18 alt tiplerinden birine karşı IgG tipi antikor pozitifliği tespit edildi. Bu hastaların 4'ünde (%50) smear sonucu negatif olup, 3'ünde (%37.5) yüksek tipli HPV DNA pozitif, 1'inde (%12.5) HPV18 pozitif bulundu (Tablo 1). İstatistiksel analizlerde prekanseröz sitolojik bulguları olan hastalarda HPV DNA ile HPV IGG antikor varlığı arasında istatistiksel olarak pozitif yönlü, düşük düzeyde ($r=0.240$), anlamlı korelasyon tespit edildi. HPV ilişkili lezyonları olan kadınların %20-50'sinde serumda antikor yanıtının gözlenmediğini bildiren çalışmalar olmakla birlikte çalışmamızda serumda HPV 6,11,16,18 alt tiplerinden birine karşı IgG antikor pozitifliği %3 tespit edilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Literatürde smearda HPV DNA saptanan hastaların serumlarında HPV IGG antikor düzeylerinin araştırılmasının hastalığın tekrarlama riski ve prekanseröz lezyonların gelişimi konusunda yol gösterici olabileceğine dair çalışmalar bulunmaktadır ancak sistemik immun yanıt oranlarının düşük olması nedeniyle bu konuda daha ileri çalışmalara ihtiyaç vardır.

Tablo 1. Çalışmaya katılan hastaların HPV DNA dağılımları ve serum HPV IgG düzeyleri.

HPV DNA	HPV IgG			
	Pozitif		Negatif	
	n	%	n	%
Tip 16 (n=3)	0	0	3	100
Tip 18 (n=4)	1	25	3	75
Yüksek tipli (n=19)	3	15.8	16	84.2
Negatif (n=239)	4	1.7	235	98.3
Toplam (n=265)	8	3	257	97

Anahtar Kelimeler: Serviks kanseri, HPV DNA, HPV IgG

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 142

Kadınlarda Human Papillomavirüs Genotiplerinin Prevelansı ve Yaşlara Göre Dağılımı; Sakarya

Hatice Erdal, Hande Toptan, Özlem Aydemir, Mehmet Köroğlu

Sakarya Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji AD, Sakarya

Giriş ve Amaç: Human papillomavirus (HPV) çift sarmallı ve sirküler DNA'ya sahip bir virüstür. Human papillomavirus (HPV) servikal kanser ile ilişkisi gösterilmiş majör etyolojik ajandır. Farklı HPV genotipleri kanser oluşturma riski açısından düşük riskli HPV (LR-HPV) ve yüksek riskli HPV (HR-HPV) olarak ikiye ayrılır. Bu çalışmada; hastanemiz kadın doğum polikliniklerine çeşitli şikayetlerle başvuran kadınlarda yüksek riskli HPV tiplerinin prevalansının araştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 01 Ocak 2022-27 Ağustos 2024 tarihleri arasında hastanemiz kadın doğum polikliniklerine başvuran 11-85 yaş arası hastalardan alınan 13082 servikal sitoloji örneği çalışmaya dahil edilmiştir. 01 Ocak 2022-30 Ağustos 2023 tarihleri arasında Qiasymphony cihazında DSP Virus/Pathogen Midi Kit (Qiagen, Almanya) ile nükleik asit izolasyonu yapılan örneklerden HPV PCR (QiaScreen, Qiagen, Almanya) kiti ile çalışması gerçekleştirilmiştir. 2023 yılı Eylül ayından sonra Neumodeux (Qiagen, Almanya) otomatize izolasyon, PCR ve analiz yapan cihaz ile çalışılmıştır. Çalışılan HPV tipleri tip 16, 18 ve diğer yüksek onkojenik tipler (tip 31,33,35,39,45,51,52,56,58,59,66,67,68) dir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya alınan 13082 hastanın 1740'ı (%13.3) HPV DNA pozitif olarak saptandı. HPV DNA pozitif bulunan örneklerin içinde 428 (%24.5) hastada HPV tip 16 saptanırken, 133 (%7.6) hastada HPV tip 18, 1179 (%67.7) hastada diğer onkojenik tipler pozitif olarak saptandı. Saptanan HPV tiplerinin yaşlara göre dağılımı tabloda belirtilmiştir (Tablo). HPV DNA pozitiflik oranını yaşlara göre incelediğimizde en yüksek oran %37.1 ile 25 yaşından küçük hastalarda saptandı. Literatürde servikal kanserlerin en sık nedeni (%70'e kadar) HPV tip 16 ve HPV tip 18 olmakla birlikte, HPV 16 en sık gözlenen genotiptir. Çalışmamızda, en yüksek pozitifliğin (%67.7), yüksek onkojenik özelliğe sahip olan 13 farklı tipin bulunduğu diğer grupta olduğu saptanmıştır. Tek genotip göz önüne alındığında; HPV Tip 16, literatürle uyumlu olarak oldukça yüksek bir oranda (% 24.5) saptanmıştır. Bu çalışmada, en yüksek HPV DNA pozitiflik oranının 25 yaşından küçük olan hasta grubunda (% 37.1) olduğu saptanmıştır. Servikal kanserin kontrolü için HPV'nin genotip dağılımının ve popülasyona göre yaygınlığının bilinmesi önem arz etmektedir. Çalışmamız ülkemizdeki genital HPV enfeksiyon prevalansı ve epidemiyolojik verilerin belirlenmesine katkı sağlayacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



HPV tiplerinin yaşlara göre dağılımı

YAŞ ARALIĞI	YIL	TYPE 16	TYPE 18	DÖĞER	TOPLAM POZİTİF SAYISI	TOPLAM HASTA SAYISI	POZİTİFLİK ORANI
<25	2022	13	8	32	51	178	%28.97
	2023	20	9	67	96	270	%35.55
	2024	30	9	67	106	235	%45.1
	TOPLAM	63	24	166	253	681	%37.1
25-34	2022	35	7	76	118	918	%12.88
	2023	45	11	148	204	1210	%16.85
	2024	35	16	111	162	985	%16.44
	TOPLAM	115	34	335	484	3111	%15.5
35-44	2022	33	14	91	138	1457	%9.47
	2023	45	13	143	201	1720	%11.6
	2024	31	18	122	191	1430	%13.3
	TOPLAM	129	45	356	530	4607	%11.5
45-54	2022	22	7	57	86	938	%9.18
	2023	33	10	90	133	1243	%10.6
	2024	30	5	90	125	1055	%11.8
	TOPLAM	85	22	237	344	3236	%10.6
55<	2022	8	1	28	37	432	%8.58
	2023	8	3	27	38	524	%7.25
	2024	20	4	30	54	491	%10.99
	TOPLAM	36	8	85	129	1447	%8.9
GENEL TOPLAM		428	133	1179	1740	13082	%13.3

Anahtar Kelimeler: human papillomavirüs, prevelans, servikal kanser

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 143

Servikal Örneklerde İnsan Papillomavirüs (HPV) Sıklığı Ve Genotip Dağılımı: 18 Aylık Değerlendirme

Lale Kazımoğlu¹, Ramin Bayramlı¹, Yaver Hacısoy¹, Muslim Hanelibeyli²

¹Azərbaycan Tıp Universiteti, Tibbi Mikrobiyoloji şöbəsi

²İnci Laboratuvarları

Giriş ve Amaç: Human papillomavirus (HPV), deri ve mukozal epitel hücrelerinde çoğalabilen, ikozahedral simetrik ve çift iplikli DNA virüsüdür. Genellikle cinsel yolla bulaşan bu virüs, serviks kanseri ile birlikte diğer anogenital kanserlere ve deri, baş ve boyun kanserlerine neden olabilir. Şu anda bildirilmiş 200'den fazla HPV genotipi bulunmaktadır ve bunların yaklaşık 40'ı özellikle genital mukozada enfeksiyona yol açmaktadır. Genital enfeksiyonlara neden olan HPV tipleri, onkojenik potansiyellerine göre yüksek riskli HR-HPV (High Risk) ve düşük riskli LR-HPV (Low Risk) olarak sınıflandırılmaktadır. Çalışmamızda Azerbaycanın farklı bölgelerinden, 18 yaş üstü hastalardan alınan örnekler üzerinde HPV genotip analizi yaparak HPV sıklığını, özellikle HPV16, HPV18 ve diğer HPV genotiplerinin varlığını belirlemeyi, bölgemize ait moleküler epidemiyolojik veriler sunmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: 1 Ocak 2023 - 1 Haziran 2024 tarihleri arasında Azerbaycanın Bakü, Gence, Sumgayit şehirleri ve Abşeron bölgesindeki çeşitli tıbbi kurumlardan toplam 669 kadın katılımcının servikal fırça ile alınmış örnekleri, özel İnci laboratuvarının merkezi şubesinde (Bakü) Moleküler Mikrobiyoloji bölümünde Anotolia geneworks Bosphore HPV HR-LR Genotyping Kit v1 kullanılarak Real Time PCR yöntemiyle incelenmiştir. Kullanılan kitler HR-HPV 16, 18, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66, 68 ve LR-HPV 6, 11, 42, 61, 70 genotipleri saptayabilmektedir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamıza dahil edilen 669 kadın hastanın 251'inde (%37,5) HPV-DNA pozitifliği saptanmıştır. Pozitif sonuç alınan hastaların 14'ü (%5,5) 18-20 yaş aralığında, 90'ı (%35,9) 21-30, 114'ü (%45,4) 31-40, 25'i (%9,9) 41-50 yaş aralığında, 8'i (%3,1) 50 yaş ve üzerinde olmuştur. HPV-DNA pozitif olanların yaş ortalaması 32.4 iken, negatif olanların yaş ortalaması 33.9 olarak bulunmuştur. 146 kadında çoklu HR-HPV genotipleri (%58.2), 38 hastadaysa LR-HPV genotipleri bir arada tespit edilmiştir (%15.1). Yüksek riskli genotipler bulunan hastaların 65'inde (%25,9) genotipler tek başına bulunmuştur: 26 hastada (%10,4) HPV 16 genotipi, 5 (%2) hastada HPV18 genotipi. 67 kadında HR-HPV ve LR-HPV genotipleri birlikte saptanmıştır (%26.6). Çalışmamızda analiz edilen hasta grubunda, HR-HPV DNA pozitiflik oranı %58.2 olarak belirlenmiştir. Genç ve yaşlı gruplarda HPV-DNA pozitiflik oranları artış göstermektedir. HPV DNA pozitifliği en yüksek oranda (%45,4) 31-40 yaş arası hastalarda bulunmuştur. Çalışmamızda elde edilen verilere göre yüksek riskli HPV (HR-HPV) pozitifliği dünya genelinde bazı verilere paralel olarak saptanmış, ancak genel olarak daha yüksek düzeyde olduğu tespit edilmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

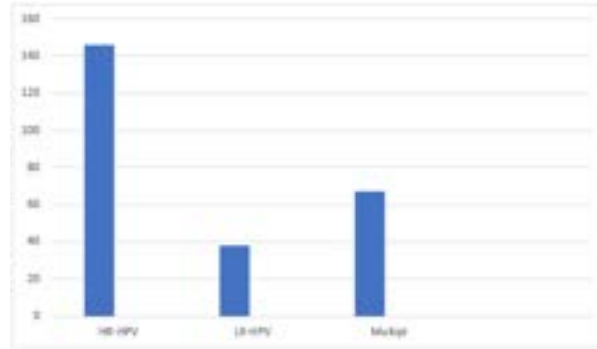
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

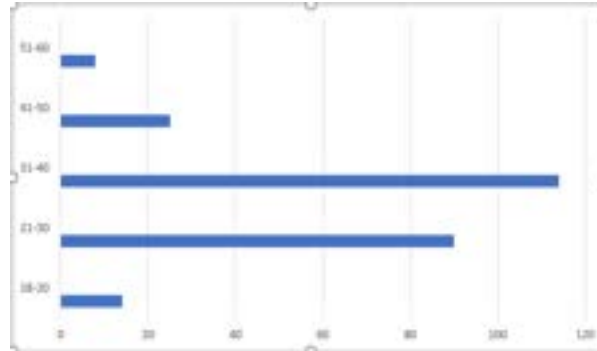
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



HPV genotip dağılımı



Pozitif sonuç alınan hastaların yaş aralığı



Anahtar Kelimeler: HPV-DNA PCR, HR-HPV, servikal kanser

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 144

Pedriatrik Yaş Grubu Gastroenteritlerinde Rotavirus ve Adenovirusun Retrospektif İncelenmesi

Özlem Erkoç, Kutay Demirel, Ali Fazıl Anıl, Tuğba Kula Atik, Aslı Gamze Şener

Balıkesir Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Enfeksiyöz gastroenteritler, gastrointestinal sistemin bakteri, virüs veya parazitlerle oluşan enfeksiyonudur. Akut enfeksiyöz gastroenteritler özellikle gelişmekte olan ülkelerde yenidoğan ve süt çocuklarında mortalite ve morbiditenin en önemli nedenleri arasındadır. Hastaneye yatırılan beş yaş altı vakaların büyük çoğunluğu viral patojen kaynaklı olup; bu viral patojenlerin önemli kısmını rotavirüs ve adenovirüs oluşturmaktadır.

Gereç ve Yöntem: 2013-2023 yılları arasında Balıkesir Üniversitesi Araştırma ve Uygulama Hastanesi'ne başvurup akut gastroenterit ön tanısı alan 1115 pediatrik hastaya (0-18 yaş) ait laboratuvar kayıtları retrospektif olarak incelendi. Dışkı örneklerinde rotavirus ve adenovirus antijenlerini aynı anda immünokromatografik olarak belirleyen TEST-IT® Rota-Adeno (Türklab, İzmir, Türkiye) testi, üretici firma önerileri doğrultusunda kullanıldı. Veriler SPSS 22.0(SPSS INC, Chicago, IL, USA) programına kaydedildi. Kategorik değişkenler yüzde olarak ve ortalama±standart sapma şeklinde verildi. Bağımsız grupların kategorik değişkenlerin karşılaştırılmasında ki-kare testi kullanıldı. p değerinin 0.05'in altında olduğu durumlar istatistiksel olarak anlamlı kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Bu çalışmada antijen pozitifliği araştırılan 1115 hastanın 603(%54)'ünün erkek, 512(%46)'sinin kadın olduğu saptandı. Hastaların 164(%14,7)'ü kış, 252(%22,6)'si ilkbahar, 408(%36,5)'i yaz,291(%26,2)'i ise sonbahar mevsiminde hastanemize başvurmuş olup; 304(%27,3)'ü 0-2 yaş,412(%37,0)'si 3-5 yaş, 272(%24,3)'si 6-10 yaş,127(%11,4)'si 11-18 yaş aralığında olduğu saptandı. 1115 hastanın 137(%12,2)'sinde rotavirus pozitifliği, 55(%4,9)'inde adenovirus pozitifliği, 27(%2,4)'sinde ise hem rotavirus hem de adenovirus pozitifliği saptandı. Antijen pozitifliği saptanan hastaların yaş ortalamaları Tablo 1'de verildi. Hastaların cinsiyete, mevsimlere ve yaşa göre antijen pozitiflikleri sırasıyla Grafik 1, Grafik 2 ve Grafik 3'te verildi. Viral gastroenterit sıklığında cinsiyet açısından anlamlı bir fark olmadığı çeşitli çalışmalarda bildirilmekle birlikte, bu çalışmada da benzer şekilde rotavirus ve adenovirus antijen pozitifliği yönünden cinsiyetler arasında anlamlı bir fark saptanmadı(rotavirus pozitif: p 0.531, adenovirus pozitif: p 0.703, rotavirus pozitif-adenovirus pozitif: p 0.499). Mevsimlere göre dağılım incelendiğinde, rotavirus pozitifliği ılıman ülkelerde kış ve ilkbahar aylarında artış göstermektedir. Bu çalışmada da rotavirus gastroenteriti olan olguların ilkbahar mevsiminde artış gösterdiği saptandı(p ≤0.001). Adenovirus yönünden pozitif olguların ise literatürle uyumlu olarak tüm yıl boyunca benzer oranlarda görüldüğü ve istatistiksel olarak anlamlı fark olmadığı saptandı(p 0.412). Yaşlara göre rotavirus pozitifliği dağılımı incelendiğinde ise diğer çalışmalardan farklı olarak istatistiksel anlamlı bir fark saptanmadı(p 0.558). Adenovirus pozitifliği ise en fazla 3-5 yaş arasındaki hastalarda görüldü(p 0.020).

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sonuç olarak pediatrik gastroenteritlerde rotavirus ve adenovirusların önemli birer etken olduğu unutulmamalıdır.

Grafik 1



Grafik 2



Grafik 3



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

Antijen Sonucu	Ortalama Yaş ± Standart Sapma
Rotavirus(+) Adenovirus(-)	5,1 ± 3,7
Rotavirus(-) Adenovirus(+)	4,1 ± 2,4
Rotavirus(+) Adenovirus(+)	4,1 ± 3,9

Anahtar Kelimeler: Gastroenterit, Adenovirus, Rotavirus

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 145

Cytomegalovirus (CMV) Enfeksiyonu Tanısı için Gönderilen ELISA ve Real Time PCR Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Selahattin Ünlü, Melahat Gürbüz, Cengiz Demir, Yeliz Çetinkol

Afyonkarahisar Sağlık Bilimleri Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı,
Afyonkarahisar, Türkiye

Giriş ve Amaç: Cytomegalovirus (CMV), beta-herpesvirüs alt ailesine ait çift sarmallı bir DNA virüsüdür. Sağlıklı konaklarda asemptomatik enfeksiyondan, transplant alıcıları gibi immün sistemi baskılanmış bireylerde ciddi ve hatta ölümcül hastalığa kadar çok çeşitli klinik sendromlara neden olabilmektedir. Bu enfeksiyonun tanı ve ayırıcı tanısında kullanılan testlerin seçimi ve yorumlanması önem arz etmekte ve bazı zorluklar görülebilmektedir, örneğin bazı CMV IgM pozitif hastaların sadece %50'sinde primer enfeksiyon görülmektedir. Çalışmamızda CMV antikorlarının ve CMV DNA sonuçlarının değerlendirilmesini amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya, Ocak 2022-Haziran 2024 tarihleri arasında Mikrobiyoloji Laboratuvarına, CMV Realtime polimeraz zincir reaksiyonu (PCR) ve CMV antikor testlerinin çalışılması için eş zamanlı gönderilen 367 numune dahil edilmiştir. PCR aşamasında DNA eldesi için yapılan ekstraksiyon işlemi Magnesia Viral Nucleic Acid Extraction Kit EP (Anatolia Geneworks, Türkiye) kullanılmıştır. Viral yükünün kanda tespiti için kantitatif PCR (Anatolia Geneworks, Türkiye) testleri kullanılmıştır. CMV IgM ve CMV IgG antikor düzeyleri ELISA yöntemiyle (Cobas E 411/Roche) çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Bu çalışmaya dâhil edilen 367 örneğin 194'ü erkek 173'ü kadındı. Bu örneklerin arasında PCR pozitifliği 40 örnekte tespit edilmiştir. Pozitif tespit edilen PCR sonuçlarının 23'ü erkeklere 17'si kadınlara ait bulunmuştur. PCR pozitifliği en sık % 6,2 ile 0-9 yaş aralığındaki grupta saptanmıştır (Tablo 1). Çalışmaya alınan örnek sayısı 2022 yılında 188 (23 pozitif), 2023 yılında 142 (13 pozitif), 2024 yılının ilk 6 ayında ise 37 (4 pozitif)' dir. Örnekler servislere göre dağılımı Şekil 1'de verilmiştir buna göre Çocuk Hematoloji Servisinden gönderilen örnek sayısının en fazla olduğu görülmektedir. Eş zamanlı bakılan CMV IgM ve IgG testlerinde ise 65 (%17,7) hastada CMV IgM pozitifliği, 353 (%96,2) hastada CMV IgG pozitifliği tespit edilmiştir. CMV-DNA PCR ve CMV IgM testleri karşılaştırılarak elde edilen sonuçlar Tablo 2'de gösterilmiştir, buna göre %81 (298/367)'inde sonuçlar uyumludur; her iki test sonucu 280 (%76.2) örnekte negatif, 18 (%4,9) örnekte pozitif saptanmıştır. Sonuç: CMV enfeksiyonları özellikle immün yetmezlikli hastalarda hayatı tehdit edici komplikasyonlara neden olabilmektedir bu sebeple CMV enfeksiyonlarının erken tanısı çok önemlidir. Çalışmamızda CMV IgM pozitif 47 hastanın CMV PCR negatif çıktığı tespit edilmiştir, bu durum CMV IgM antikorlarının uzun süre pozitif kalabildiğinden kaynaklandığı bu sebeple hasta takiplerinde ELISA testlerine çok güvenilmemesi gerektiğini ortaya koymaktadır. Bu gibi durumlarda CMV PCR çalışılmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



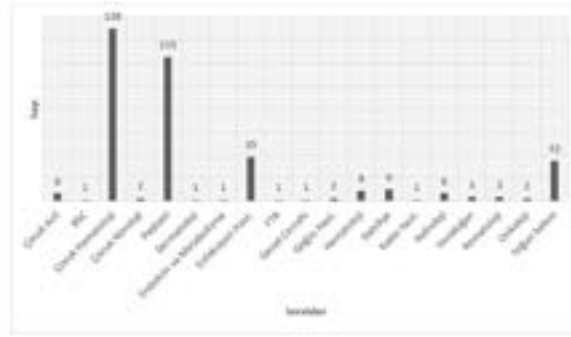
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. CMV PCR ve CMV IgM yaş gruplarına göre dağılım.

Yaş	CMV PCR	CMV IgM	Toplam
	n (%)	n (%)	
0-9	23 (6,2)	37 (10)	211
10-19	6 (1,6)	11 (2,9)	83
20-29	4 (1)	7 (1,8)	18
30-39	1 (0,2)	4 (1)	12
40-49	0 (0)	2 (0,5)	9
50-59	3 (0,8)	3 (0,8)	10
60-69	2 (0,5)	1 (0,2)	19
70+yaş	1 (0,2)	0 (0)	9
Toplam	40 (10,8)	49 (17,7)	367

Şekil 1. Çalışmaya alınan örneklerin servislere göre dağılımı.



Tablo 2. Örneklerin CMV PCR ve CMV IgM sonuçlarının dağılımı.

	CMV PCR	
	Positif n (%)	Negatif n (%)
CMV IgM Positif	18 (4,9)	47 (12,8)
CMV IgM Negatif	22 (6,7)	280 (76,1)
Toplam	40	327

Anahtar Kelimeler: CMV PCR, CMV IgM, CMV ELISA

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 146

Dışkı Örneklerinde Gastroenterit Yapan Virüslerin Saptanması için İki Ticari Moleküler Testin Karşılaştırmalı Analizi

Şeyda Vural, Ayşe Noyan Satır, Candan Çiçek

Ege Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim dalı

Giriş ve Amaç: Viral gastroenterit, dünya çapında önemli morbidite ve mortalite sebebidir. Rotavirus(RoV), Norovirus(NoV), İnsan adenovirusu(AdV), İnsan astrovirusu(AsV) ve Sapovirus(SaV) gibi viral patojenler akut gastroenteritin(AGE) önde gelen nedenlerindendir. Bu çalışmada, AGE etkenlerinin tanısında iki multiplex PCR panelinin karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmaya 01.05.2024-01.08.2024 tarihleri arasında Ege Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen 132 dışkı örneği dahil edilmiştir. Nükleik asit ekstraksiyonu ve PCR işlemleri Ege Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji, Viroloji laboratuvarında gerçekleştirildi. Çalışmada Gastroenterit 5T Viral Panel(Bioeksen,Türkiye) ve FTD Viral Gastroenterit paneli(Fast Track Diagnostics,Luxembourg) kullanıldı. Sapovirus, AdV, AsV, NoV (GI/GII), RoV etkenlerini saptayan panellerin karşılaştırmalı analizlerde tanısal testlerin performansı değerlendirildi ve uyum analizleri(Kappa) yapıldı. Beş farklı yaş grubu ile viral etken pozitifliği arasındaki ilişkinin istatistiksel olarak anlamlı olup olmadığını değerlendirmek için Ki-kare testi uygulandı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada 132 hastanın 72'si erkek(%54.5), 60'ı kadındı(%45.45). Medyan yaş 6 olarak hesaplandı. Bioeksen ve FTD panelleriyle sırasıyla 79(%59.84) ve 74(%56.06) örnekte pozitiflik saptandı. 56 örnekte her iki panelle de aynı etkenler saptandı (9 örnekte Bioeksen paneliyle ikinci bir etken saptandı), 48 örnekte her iki testle de etken saptanmadı. AGE etkenlerinin yaş gruplarına göre dağılımı analiz edildi(Şekil 1). Uygulanan Ki-kare testi(χ^2) 24.52 olarak sonuçlandı($p < 0.001$). Altın standart olarak FTD paneli alındı. Cohen'in Kappa testiyle paneller arasında orta düzeyde uyum olduğunu gösteren 0,605 katsayısı bulundu($p < 0,001$). Ayrıca duyarlılık, seçicilik(özgüllük), pozitif prediktif değer, negatif prediktif değer sırasıyla %83.82, %76.56, %79.17, %81.67 olarak saptandı(Tablo 2). Bu çalışmada çoklu etken saptama oranı Bioeksen ile %8.3(11/132); FTD ile %1.5(2/132) olarak bulundu. Adenovirüs uyum analizi sonuçları, iki panelin istatistiksel olarak anlamlı($p = 0.00595$), düşük düzeyde uyumlu (Cohen'in Kappa katsayısı 0.25) olduğunu gösterdi. Çalışmada paneller arasında istatistiksel anlamlı olarak orta düzeyde bir uyum tespit edilmiştir. Yaş gruplarıyla etken pozitiflikleri arasında anlamlı bir ilişki saptanmıştır. Özellikle 0-5 yaş grubu çocukların viral gastroenterit açısından daha yüksek risk taşıdığı görülmüştür. İki örnekte çoklu enfeksiyonu düşündürecek şekilde her iki paneldeki sonuçlar uyumlu bulunmuştur. Adenovirüs'e yönelik yapılan uyum analizi iki test arasında zayıf bir uyum olduğunu göstermektedir. Bu bulgular, viral gastroenterit etkenlerini tespit etmek için kullanılan Bioeksen ve FTD panellerinin bazı sınırlamaları olduğunu göstermektedir. İki panelin uyumsuz sonuçları, özellikle Adenovirüs saptanması için daha güvenilir yöntemlerin geliştirilmesi gerektiğini düşündürmektedir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**

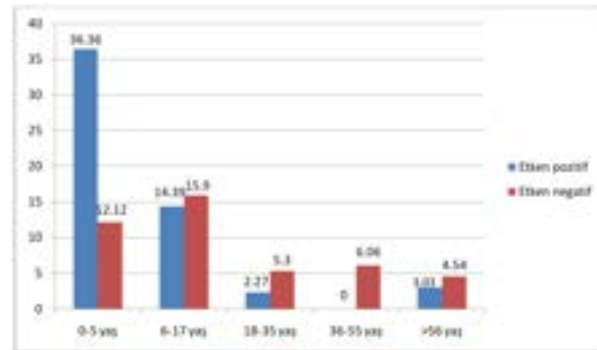


Şekil 1:



İki panel ile saptanan pozitif örneklerin dağılımı(%)

Şekil 2:



Yaş gruplarına göre etken pozitif/etken negatif hasta yüzdeleri (%)

Tablo 1

ST Viral Panel (Bioeksen)	FTD 5'li viral panel
Adli (14 örnek)	Saptanmadı
Saptanmadı (10 örnek)	Adli
RoV + Adli (3 örnek)	RoV
SeV + RoV	SeV
Saptanmadı	AcV
NoV	Saptanmadı
NoV + Adli (3 örnek)	NoV 2
AcV + NoV + Adli	AcV
SeV + Adli	Adli

ST Viral Panel (Bioeksen) ve FTD 5'li viral panel ile uyumsuz saptanan örnekler

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2 :

	FTD Pozitif	FTD Negatif	TOPLAM
Bioeksen Pozitif	57	15	72
Bioeksen Negatif	11	49	60
TOPLAM	68	64	132

Dört gözlü tablo

Tablo 3:

	FTD AdV Pozitif	FTD AdV Negatif	TOPLAM
Bioeksen AdV Pozitif	10	21	31
Bioeksen AdV Negatif	10	91	101
TOPLAM	20	112	132

Dört gözlü tablo (Adenovirüs)

Anahtar Kelimeler: viral gastroenterit, akut gastroenterit, panel karşılaştırması

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 147

Google Trends'deki Arama Hacimleri İle İnfluenza Vakaları Arasındaki İlişkinin İncelenmesi

Pınar Zehra DAVARCI¹, İsmail DAVARCI², Gamze DEMİRAY³, Galip EKUKLU¹

¹Trakya Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Halk Sağlığı Anabilim Dalı

²Trakya Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Aydın İl Sağlık Müdürlüğü

Giriş ve Amaç: İnfluenza, genellikle kış aylarında olmak üzere mevsimsel salgınlar halinde görülen bulaşıcı bir viral enfeksiyondur. İklimsel ve coğrafi duruma bağlı olarak kış veya diğer mevsimlerde de mevsimsel salgınlar ve sporadik olgular görülebilir. Grip belirtileri arasında ateş, titreme, baş ağrısı, halsizlik, gözlerde kızarıklık, boğaz ağrısı, kuru öksürük ve burun akıntısı yer alır. Bu çalışmada Google Trends'de yapılan arama hacimleri ile influenza surveyans raporlarından elde edilen influenza vaka sayıları arasındaki ilişkinin incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışma için Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Bulaşıcı Hastalıklar ve Erken Uyarı Dairesi Başkanlığı tarafından yayınlanan 2023-2024 haftalık influenza surveyans raporlarına erişilmiştir. Ayrıca influenza ile ilişkisini ortaya koymak için bu konuda yapılan diğer çalışmalar incelenmiş ve “salgın, influenza, grip, enfluvir, ateş, öksürük, halsizlik, kas ağrısı, COVID, yorgunluk, boğaz ağrısı” terimleri belirlenmiştir. Google Trends uygulamasında coğrafi konum (Türkiye), terim, dil kategorilerinde filtreleme yapılarak arama hacimleri belirlenmiştir. İstatistiksel Analiz: Veriler IBM SPSS (Statistical Package for Social Sciences) Statistics 21.0 programı ile analiz edilmiştir. Tanımlayıcı istatistikler sayı ve yüzde değerleri ile sunulmuştur. Sürekli değişkenler için basıklık ve çarpıklık düzeyleri ± 2 arasında kalan değerlerin normal dağılım gösterdiği varsayılmıştır. Veriler tanımlayıcı istatistikler, Pearson ve Spearman korelasyon analizi ile analiz edilmiştir. Sonuçlarda $p < 0,05$ düzeyi istatistiksel açıdan anlamlı kabul edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada 2 Ekim 2023- 19 Mayıs 2024 tarihleri arasında yayınlanan haftalık influenza çalışma raporları incelenmiştir. İncelenen 33 hafta boyunca, belirlenmiş aile hekimlerince ayaktan başvuran hastalardan toplam 4848 numune alınmış, 803 influenza virüsü, 1081 Diğer Solunum Yolu Virüsleri (DSYV) ve 70 influenza ve DSYV koenfeksiyonu tespit edilmiştir. Google Trends üzerinde yapılan incelemede, terimlerin en yüksek arama hacimlerine ulaştıkları haftalar tespit edilmiş ve influenza vaka sayılarının toplam vakalar içindeki oranı hesaplanarak şekil 1'de gösterilmiştir. Sonuç olarak ‘Grip’, ‘Enfluvir’, ‘Öksürük’, ‘Halsizlik’, ‘Kas Ağrısı’ terimlerinin Google Trends üzerinde arama hacimleri ile surveyans raporlarında kaydedilen influenza vaka sayıları arasında pozitif korelasyon saptanmıştır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

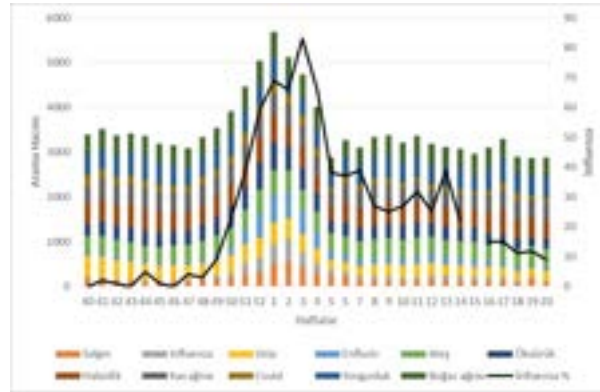
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Şekil 1. Haftalara göre arama hacimlerinin influenza pozitiflik oranı ile karşılaştırılması



Anahtar Kelimeler: Google Trends, influenza, sürveyans

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 148

Multisistem Enflamatuvar Sendromu (MIS-C) Ve COVID-19'da Farklı Hümmoral İmmün Yanıt Regölasyonu

Abdurrahman Şimşek¹, Muhammed Ali Kızmaz¹, Tuğçe Bozkurt¹, Ali Eren Işkın¹, Eren Çağan², Ferah Budak¹

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı, Bursa

²Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Bursa

Giriş ve Amaç: MIS-C (Multisystem inflammatory syndrome in children), SARS-CoV-2 enfeksiyonu geçiren çocuklarda bir süre sonra özellikle ateş bulgusuyla ortaya çıkan, karın ağrısı, baş ağrısı, kusma, ishal gibi belirtiler gösterebilen bir durumdur. Düzenleyici (Regölator) B (Breg) hücreleri, immün toleransı destekleyen, patolojik immün cevapları baskılayan immünsüpresif hücrelerdir. B hücre bitkinliği (exhaustion), patojenlere karşı daha zayıf bir antikor yanıtıyla ilişkilidir. Bu çalışmada, B hücre alt gruplarının MIS-C patogenezindeki rolünün değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: 17 MIS-C vakası, 17 pediatrik COVID-19 ve 17 sağlıklı kontrol çalışmaya alındı. Periferik kan örneklerinden 10 renkli monoklonal antikor paneliyle Akan Hücre Ölçer değerlendirilmesi yapıldı.

Bulgular ve Sonuç: CD19+ B hücreleri MIS-C'de COVID-19 ve sağlıklı kontrol grubuna göre anlamlı derecede yüksek bulundu. IgM ve IgD ekspresyonu MIS-C hastalarında hem COVID-19 hastalarına hem de sağlıklı kontrol grubuna göre artmış bulundu. Naif B hücreleri (CD27-IgD+), izotip değişimi yapan bellek hücreleri (switched memory) ve IgM bellek (CD27+IgD- ve CD27+IgD+) hücreleri MIS-C hastalarında COVID-19 vakalarına göre anlamlı derecede arttı. Düzenleyici (regulator) B hücrelerinde, COVID-19 ve MIS-C farklı profiller izledi. Olgunlaşmamış/geçişken (immature/transient) B hücreleri (CD24highCD38high) ve öncelikli bellek B (memory B primarily) hücrelerinde (CD24highCD38-) COVID-19 ve sağlıklı kontrol grubu ile karşılaştırıldığında, MIS-C vakalarında anlamlı bir düşüş izlendi. Düzenleyici B10 hücreleri (CD24highCD27-) de, COVID-19 ve MIS-C'de benzer şekilde, sağlıklı kontrole göre azalmış bulundu. Geç/bitkin bellek (late/exhausted memory) B (CD27-IgD-IgM-) hücreleri, CD21- bitkin (exhausted) B hücreleri ve PD-1+ B COVID-19'a göre MIS-C'de azalmış bulundu. Elde edilen verilere göre; MIS-C vakalarında B hücre profili enflamasyon lehine COVID-19'dan farklılık göstermektedir. Enflamasyonu sınırlayıcı regölator B hücrelerinin MIS-C'de etkisi COVID-19'a göre düşük görünmektedir. Bu durum, MIS-C'de agresif ve iyi düzenlenmemiş hümmoral immün yanıtı düşündürmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

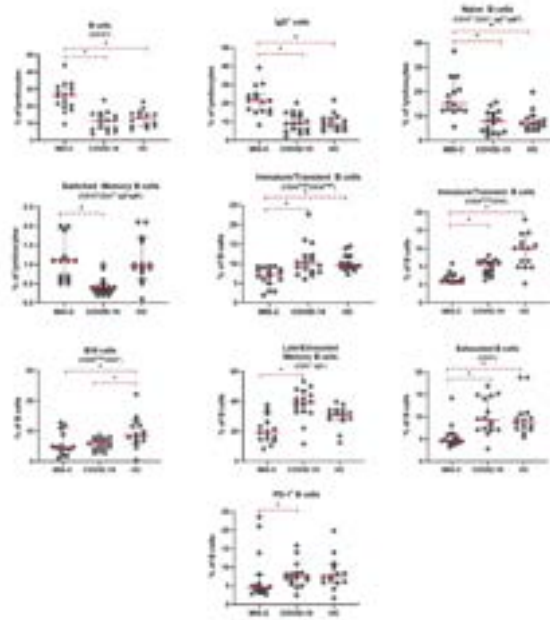
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



B hücre alt grupları, COVID-19 ve MIS-C arasında anlamlı şekilde farklıydı



Anahtar Kelimeler: exhaustion, Breg, MIS-C

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 149

İzmir Şehir Hastanesi Laboratuvarında Hbsag ve Anti- HCV Pozitif Hastalarda Antinükleer Antikorların Değerlendirilmesi

Ayşe Arslan, Selin Gamze Kılıç Sinci, Gülfem Ece Terek

İzmir Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı, İzmir

Giriş ve Amaç: Bu çalışmanın amacı, HbsAg ve Anti-HCV pozitifliği saptanan hastalarda, Anti-nükleer antikor (ANA), Anti-düz kas antikor (ASMA), Anti-mitokondriyal antikor (AMA) ve Karaciğer böbrek mikrozomal antikor (LKM) otoimmün antikorlarının varlığını retrospektif olarak değerlendirmektir. Ayrıca, HbsAg ve Anti-HCV pozitifliği olan hastaların tıbbi kayıtlarında bulunan ve immunoblot yöntemi ile çalışılan ekstrakte edilebilir nükleer antijen (ENA) testi sonuçları ile bu hastaların viral yükleri de analiz edilmiştir.

Gereç ve Yöntem: Kasım 2023 ile Ağustos 2024 tarihleri arasında, eş zamanlı olarak HbsAg, Anti-HCV, ANA, AMA, ASMA ve LKM istemi yapılmış olan numuneler retrospektif olarak değerlendirilmiştir. Çalışmaya, HbsAg pozitifliği saptanan 86 örnek ve Anti-HCV pozitifliği saptanan 22 örnek dahil edilmiştir. ANA testi, üretici firmanın (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) önerileri doğrultusunda Hep 20-10 kullanılarak 1/100 dilüsyonla gerçekleştirilmiş ve sonuçlar immunofloresan mikroskop ile boyanma paterni ve floresans şiddeti değerlendirilerek incelenmiştir. HbsAg ve Anti-HCV testleri, ECLIA (Electrochemiluminescence Immunoassay, Cobas e) yöntemi ile çalışılmıştır. HBV DNA ve HCV RNA moleküler testleri üretici firmanın (cobas® 6800/8800 Systems, Roche, İsviçre) önerileri doğrultusunda çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Hasta grubunun yaş aralığı 27-88 arasında değişmektedir. HbsAg pozitifliği bulunan 86 örneğin 49'u kadın, 37'si erkektir. Anti-HCV pozitifliği saptanan 22 örneğin ise 17'si kadın, 5'i erkektir. HbsAg pozitif 86 örneğin 17'sinde (%19.8) ANA pozitifliği saptanmıştır (9 kadın, 8 erkek). Bu pozitiflikler; altı benekli, beş homojen, üç yoğun-ince benekli (DFS), iki nükleolar ve bir sentromer paterninde dağılım göstermiştir. Anti-HCV pozitif 22 örneğin 7'sinde (%31.8) ANA pozitifliği tespit edilmiştir (6 kadın, 1 erkek). Bu pozitiflikler üç homojen, iki DFS ve iki nükleolar paterninde izlenmiştir. HbsAg ve HCV pozitif örneklerin ANA paternleri, varsa IB antikorları ve viral yükleri ayrıntılı olarak tablo 1 ve 2'de özetlenmiştir. HbsAg ve Anti-HCV'nin birlikte pozitifliği hiçbir örnekte saptanmamıştır. HbsAg pozitif iki örnekte immunoblot (IB) yöntemi ile AMA-M2 pozitifliği saptanmış olup, incelenen örneklerin hiç birinde ASMA ve LKM pozitifliği saptanmamıştır. Kronik HBV ve HCV enfeksiyonu olan hastalarda çeşitli otoimmün antikor pozitiflikleri görülebilmektedir. Ancak, düşük dilüsyonlarda saptanan ANA, AMA, ASMA veya LKM antikor pozitifliklerinin her zaman otoimmün hastalık kaynaklı olmayabileceği dikkate alınmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. HbsAg pozitif ve ANA pozitif hastaların diğer otoimmün antikorlar ve viral yük sonuçları

Serum no	Yaş	Cinsiyet	ANA	AMA	ASMA	LKM	ENA	HBV DNA (IU/mL)
1	49	Erkek	BENEKLİ	-	-	-	Ro-52 ++	789
2	58	Kadın	HOMOJEN	-	-	-		0
3	34	Erkek	BENEKLİ	-				8210
4	64	Erkek	HOMOJEN	-	-	-		
5	48	Erkek	NÜKLEOLAR	-	-	-	Ku +	0
6	74	Kadın	BENEKLİ	-			RNP/Sm ++	
7	66	Kadın	DFS					2080
8	54	Kadın	DFS	+			Ro-52 +++, AMA-M2 +++, DFS70 +	<10
9	76	Erkek	BENEKLİ	-	-	-	dsDNA ++	180
10	53	Kadın	HOMOJEN	-			-	20100
11	50	Erkek	HOMOJEN	-			-	284
12	45	Erkek	BENEKLİ	-	-	-		890
13	79	Kadın	SENTROMER	-			Sent +++	
14	61	Kadın	BENEKLİ	-			ScL70 ++	39.2
15	65	Erkek	NÜKLEOLAR	-	-	-		<10
16	44	Kadın	HOMOJEN	-	-	-		<10
17	62	Kadın	DFS	-	-	-		13600000

‘-: Negatif, boşluk: sonucu olmayanlar’

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. Anti-HCV pozitif ve ANA pozitif hastaların diğer otoimmün antikorlar ve viral yük sonuçları

Serum no	Yaş	Cinsiyet	ANA	AMA	ASMA	LKM	ENA	HCV RNA (IU/mL)	
1	44	Kadın	BENEKLİ	-			DFS70 +++		
2	64	Erkek	HOMOJEN						0
3	43	Kadın	BENEKLİ						
4	74	Kadın	HOMOJEN	-	-	-	dsDNA +		0
5	34	Kadın	NÜKLEOLAR	-	-	-	-		0
6	88	Kadın	BENEKLİ	-			-		
7	76	Kadın	DFS	-	-	-	-		

‘-’: Negatif, boşluk: sonucu olmayanlar’

Anahtar Kelimeler: Antinükleer antikor, HbsAg pozitifliği, Anti-HCV pozitifliği

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 150

DFS70: Var Mısın Yok Musun? Seni Nasıl Bulabiliriz?

Rukiye Berkem, Büşra Kılıçalp, Merve Özkan Ahmetoğlu

Ankara Eğitim Ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Yoğun ince benekli (DFS70-LEDGF) boyanmaya neden olan antikorlar, lens epitelyum kaynaklı büyüme faktörüne (LEDGF) ve/veya DNA binding transcription coactivator p75 olarak isimlendirilen 70-kDa'luk proteine karşı gelişmiş olup, mitotik hücrelerin kromozomunun ve interfazdaki nükleusun yoğun ince benekli boyanması ile karakterizedir. Anti-DFS70 antikorları, kronik enflamatuvar hastalıklarda, kanserde, HIV pozitiflerde, alopesi areatalı ve atopik dermatitli hastalarda ve genellikle ANA-ilişkili sistemik romatizmal hastalığı olmayan sağlıklı bireylerde bulunabilir. Anti-DFS70 otoantikorlarının patojenik ve/veya koruyucu özellikleri tam olarak bilinmemektedir. DFS70 antikorlarının varlığını ya da yokluğunu gösterebilmek için, İndirekt İmmün Floresan (IIF), İmmunblot (IB) ve Enzim Immunoassay (EIA) yöntemleriyle anti-DFS70 IgG antikorunu tespit etmeyi ve yöntemler arası uyumu araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya 01.01.2024-31.08.2024 tarihleri arasında IIF ANA ve IB istemi yapılan hasta örneklerinden bir veya her ikisinde AC-2/DFS70 pozitifliği saptanan 93 hasta serumu dahil edildi. Testler Basic Profile EUROPatternİndirektİmmün Floresan Antikor Assay (IIF) kiti ile çalışıldı, EUROStar III Plus (Euroimmun, Germany) floresan mikroskobu ile değerlendirildi. IB testleri Euroline ANA profili kiti ile, EIA testleri ise Euroimmün anti-DFS70 IgG kiti ile mikroelisa yöntemiyle üretici firmanın önerilerine göre çalışıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 93 hastanın;79'unda IIF ile değişen titrelerde (+) %13, + %39, ++ %29, +++ %10 ,++++ %7 pozitif) AC-2 pozitifliği saptanırken, 14 hastada pozitiflik saptanmadı. Bu 14 hastanın IB testlerinde DFS70 antikor pozitifliği mevcuttu. Bu 14 hastanın 6'sında (%42) EIA yöntemiyle DFS70 pozitifliği saptanırken 8'inde saptanmadı. IIF yöntemiyle AC-2 pozitifliği saptanan 79 hastanın 62 (%78) sinde IB yöntemiyle DFS70 pozitifliği saptanırken; 17 (%21)'si negatifti. Bu 62 hastanın 60(%96)'ının EIA IgG testi pozitif, 2(%4)'si negatif bulundu. Yöntemler arası uyumu değerlendirdiğimizde ANA IIF ve IB sonuçları arasındaki uyumun istatistiksel olarak anlamlı olmadığı ($p>0.05$), ANA IIF ve EIA testleri arasındaki uyumun ise anlamlı olduğu ($p<0.05$) bulundu (Tablo1). Son yıllarda yapılan çalışmalarda IIF yöntemiyle tanımlanan AC-2 DFS benzeri model pozitifliklerinin takip testlerinde negatif olduğu gösterilmiş ve pseudo-DFS tanımlaması yapılmıştır. DFS70 antikorlarının varlığının gösterilebilmesi için tek bir yöntemin kullanılması yetersiz kalabilmektedir, doğru tanımlama için birden fazla yöntemin kullanılmasına ihtiyaç vardır.

HASTALARIN İİF(İNDİREKT İMMÜN FLORESAN), İB(İMMÜNBLLOT), EİA TEST SONUÇLARI

**Royal Seginus Hotel,
Antalya**
www.tmc2024.org

12. Ulusal Moleküler ve Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-151

Renal transplant alıcılarında operasyon sonrası ANA pattern değişikliklerinin araştırılması

Hatice Birgin¹, Mustafa Sağlam¹, Hamide Dilara Tüter¹, Deniz Gazel¹

¹Gaziantep Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji A.D.

Giriş ve Amaç: Antinükleer antikorlar (ANA), kendi hücrel antijenlerine karşı bağışıklık dengesizliğinden kaynaklanan bağışıklık sistemi bozukluklarını değerlendirmek için etkili göstergelerden biridir. Ekzojen bir antijen olarak nakledilen böbrek, nakil sonrası hastaların bağışıklık tepkilerini aktive edebilir. Hastaların bağışıklık dengesi yabancı organ ve takrolimus gibi immunsupresif ilaç kullanımı nedeniyle yeniden düzenlenebilir. Çalışmamızda, immün reorganizasyon aşamasındaki böbrek nakilli hastalarda, nakil öncesi ve sonrası ANA paternlerini karşılaştırmayı amaçladık

Gereç ve Yöntem: Gaziantep Üniversitesi Şahinbey Araştırma ve Uygulama Hastanesinde 2019-2024 yılları arasında allogreft böbrek nakli yapılan hastaların indirek immünfloresans antikor (IFA) tarama yöntemi ile çalışılan ANA test sonuçları geriye dönük tarandı. Çalışmaya 29 hasta dahil edildi. IFA testi olarak Hep-20-10/Liver (Monkey) kiti (Euroimmun, Germany) kullanıldı ve 1/100 oranında dilüe edilmiş hasta serumu ile işlemler gerçekleştirildi. Örnekler 40-60x büyütme ile floresan boyanma paterni ve şiddeti açısından üç gözlemci tarafından incelendi. Aynı hastalarda nakil operasyonu öncesi ve sonrası tespit edilen ANA paternleri karşılaştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 29 böbrek transplantasyonu yapılan hastaların 19'u erkek ve 10'u kadındı. Hastaların yaş ortalaması 39,9'du. Operasyon öncesi hastaların 16'sı ANA negatif, 10'u nükleer patern ve 3'ü sitoplazmik patern ANA pozitif olduğu görüldü. Operasyon sonrası ise 14 hasta ANA negatif, 12'si nükleer patern ve 3'ü sitoplazmik patern ANA pozitif izlendi. Aynı alıcının nakil öncesi ve sonrası sonuçları analiz edildiğinde, iki hastada operasyon sonrası ANA'da negatifleşme ve altı hastada ANA floresan şiddetinde azalma tespit edildi. Bir hastada operasyon öncesi mix patern izlenirken operasyon sonrası sadece kaba benekli ANA paterni olduğu görüldü. İki hastada operasyon öncesi ANA negatif iken operasyon sonrası pozitifleşme izlenmiş olup bir hastada operasyon sonrası ANA floresan şiddetinde artış gözlemlendi. Hastalara ait operasyon öncesi ve sonrası ANA paternleri Tablo-1' de gösterilmiştir. Wu ve ark. karaciğer nakli sonrası uygulanan takrolimus tedavisinin ANA nükleolar patern oluşumunu indükleyebileceğini raporlamışlardır. Patriarca ve ark. ise stem cell alıcılarında nakil sonrası gelişen ANA ve ANA nükleolar patern pozitifliğinin kronik GVHD ile ilişkili olabileceğini göstermişlerdir. Çalışmamızda sadece bir hastada nakil sonrası nükleolar patern oluşumu gözlemlenmiştir. Ancak, nakil öncesi nükleolar patern pozitif olan dört hastada nakil sonrası floresans şiddetinde azalma tespit edilmiştir. Nakil sonrası tedavi alan hastalarda, immün-reorganizasyon nedeniyle otoantikor titrelerinde azalma/değişiklik gözlemlenebilir. Bu nedenle alıcı hastalar IFA ile değerlendirilirken bu husus akılda tutulmalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hastaların renal transplantasyon öncesi ve sonrası ANA profilleri

No	Yaş	Cinsiyet	Operasyon öncesi ANA	Operasyon sonrası ANA	Post-op süre
1	23	E	Negatif	+nükleolar	15 ay
2	33	E	+ granüler patern	Negatif	23 ay
3	47	E	Negatif	Negatif	19 ay
4	41	E	Negatif	Negatif	2 ay
5	35	K	+ nükleolar	Sınırdan nükleolar	1 ay
6	59	E	+ nükleolar	Sınırdan nükleolar	10 ay
7	31	K	++ granüler	sınırdan granüler	11 ay
8	63	K	Negatif	Negatif	19 ay
9	53	K	Negatif	Negatif	15 gün
10	55	K	Negatif	++homojen,+granüler,+sitoplazmik	10 ay
11	20	K	Negatif	Negatif	5 ay
12	49	E	Negatif	Negatif	6 ay
13	59	K	Sınırdan nükleer membran, Sınırdan granüler	Negatif	13 ay
14	40	E	Negatif	Negatif	38 ay
15	58	E	Negatif	Negatif	8 ay
16	20	E	++granüler patern	Negatif	11 ay
17	24	K	++nükleolar	+nükleolar	5 ay
18	37	E	Sınırdan nükleer patern	Sınırdan nükleer patern	1 ay
19	41	E	+++homojen,++nükleolar,+granüler+sitoplazmik patern	+kaba benekli	2 ay
20	54	E	Negatif	Negatif	6 ay
21	52	E	++ golgi	+golgi	11 gün
22	24	E	Negatif	Negatif	19 ay
23	60	E	+granüler	Sınırdan granüler	1 ay
24	26	E	sınırdan fibriller sitoplazma(vimentin)	sınırdan fibriller sitoplazma(vimentin)	4 ay
25	39	K	Negatif	Negatif	6 ay
26	31	E	Negatif	Negatif	14 ay
27	32	E	Negatif	Negatif	3 ay
28	28	K	Negatif	Negatif	12 ay
29	24	E	+retiküler	++retiküler	6 ay

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Mavi renk ile işaretli satırlar post-op floresan azalmasını, yeşil renk floresan artışını, mor renk patern değişikliğini göstermektedir

Anahtar Kelimeler: Böbrek nakli, ANA, patern

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 152

Otomatize İmmüno Floresan Analiz Sistemlerinde Cihaz Bakımının Performansa Etkisi

Mehmet Akif Durmuş

Çam ve Sakura Şehir Hastanesi , Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Otomatize indirekt immüno floresan (IFA) görüntü analizatörleri dijitalleştirilmiş floresan görüntülerini otomatik olarak işlemek ve tanımak için bilgisayar destekli sistemlerdir. Bu sistemlerde, hassas kameralar ve entegre otomatik mikroskoplara kullanılarak yakalanan yüksek çözünürlüklü dijital görüntüler, bilgisayar destekli sistemler tarafından analiz edilir. Otomatize görüntü analizatörlerinin performansı hazırlanan örneğin kalitesine de bağlıdır. Bu çalışmada cihaz bakımının otomatize sistem sonuçlarına etkisi araştırılmıştır. Ayrıca test değerlendirmede karşılaşılan olası sorunların tespiti ve çözümü de ele alınmıştır.

Gereç ve Yöntem: Rutin numuneler IF Sprinter (Euroimmun, Lübeck, Almanya) cihazı kullanılarak 1:100 dilüsyonda hazırlanmıştır. Hazırlanan numuneler EUOPattern mikroskobu (Euroimmun, Almanya) ve bağlantılı EUROLabOffice (Euroimmun, Lübeck, Almanya) kullanılarak değerlendirilmiştir. Cihaz bakımından önceki ve sonraki 2 aylık dönemde çalışılan testlerin sonuçları incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Cihaz bakımından önceki ve sonraki 2 aylık dönemde çalışılan test sonuçları incelendiğinde bakımdan önce çalışılan 5070 testin 3511'i (%69) negatif bulunurken, bakımdan sonra çalışılan 5074 testin 4334'ü (%85) negatif bulunmuştur. Aynı şekilde bakım öncesi ve sonrası dönemde bakımdan önce 757 (%14) numune 1:100 titrede pozitif bulunurken, bakımdan sonra 320 (%6) numune pozitif bulunmuştur (Tablo 1). Her çalışma ile birlikte kullanılan iç kalite kontrollerinde bakım öncesi ve sonrası dönemde sorun yaşanmamıştır. Laboratuvarımız 2 farklı dış kalite güvence programına katılmaktadır. Toplam ANA pozitif numune sayısındaki ve özellikle 1:100 titredeki pozitif numune sayısındaki artış üzerine servis desteği istenmiştir. Servis bakımı sonrası yıkama işlemi sırasında bir prob sorunu tespit edilmiştir. Bu durum cihaz kontrollerini ve yüksek titre sonuçlarını etkilemese de, düşük titredeki pozitifliklere ve arka planın temiz olmamasına neden olmuştur. Sorun prob bakımı ile çözülmüştür. Cihaz bakımı sonrası otomatize sistemin negatif sonuç sayısı artarken, 1:100 titrede pozitif sonuçlanan numune sayısı da azalmıştır. Westgard kurallarının otomatik indirekt immüno floresan mikroskoplara uygulandığı bir çalışmada, ANA pozitifliğinin arttığı ve Westgard kurallarını ihlal eden iki dönem bulunmuştur. Bu dönemlerden birinde, otomatik pipetleme sisteminde sorun olduğu saptanmıştır. Pipetleme iğnesinin değiştirilmesi ile sorun çözülmüştür. Pozitif numunelerin toplam ANA testine oranındaki artış ve özellikle 1:100 titrede pozitif numune sayısının artması bir uyarı olarak kabul edilmelidir. Dikkat edilmezse, hem iç hem de dış kalite numunelerinde bu durum fark edilmeyebilir. Otomatize sistemlerin performansı örnek hazırlama kalitesi ile yakından ilişkilidir. Testlerin sonuçlarının doğruluğunda, kit kalitesi kadar karşılaşılan teknik sorunlarda hızlı servis desteği de önemlidir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1: Bakım Öncesi ve Sonrası Test Sonuçları Karşılaştırması

	Toplam test sayısı	1:100 pozitif numune sayısı (%)	Negatif numune sayısı
Bakım öncesi	5078	757 (14%)	3113 (60%)
Bakım sonrası	5074	328 (6%)	4104 (80%)

Anahtar Kelimeler: Anti Nükleer Antikor, Cihaz bakım, Otomatize IFA görüntü analizatörü

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 153

İmmünomodülatör Moleküllerinin Bruselloz Patogenezindeki Potansiyel Roller

Muhammed Ali Kızmaz¹, Abdurrahman Şimşek¹, Pınar Hız Ellergezen¹, Nesrin Demir², Eren Çağan³, Emin Halis Akalın⁴, Haluk Barbaros Oral¹, Ferah Budak¹

¹Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı, Bursa.

²Antalya Bilim Üniversitesi, Diş Hekimliği Fakültesi, Temel Bilimler Anabilim Dalı, Antalya

³Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Bursa

⁴Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa

Giriş ve Amaç: Bruselloz; Brucella adı verilen bakteriler tarafından oluşturulan zoonotik bir hastalıktır. Brusellozda farklı klinik tabloların ortaya çıkmasında rol oynayan mekanizmalar yeterince aydınlatılmış değildir. Aktivin-A ve aktivin-B, hem pro-enflamatuvar hem de anti-enflamatuvar süreçlerde katılırken, follistatin aktivinlerin fonksiyonlarını nötralize edebilir ve bu yolla enflamatuvar süreci düzenleyebilmektedir. sCD40L, CD36 ve IL-23 genellikle proenflamatuvar yanıtlara katılır. ARG1 ise NO sentezinin aşağı regülasyonu ve T hücre immün yanıtlarının baskılanmasına aracılık eder. Hem inflamatuvar süreçlerin düzenlenmesinde hem de bağışıklık yanıtlarının modülasyonunda kritik rolleri olan bu immünomodülatör moleküllerin, brusellozun farklı klinik tablolarındaki (akut ve kronik) etkileri bilinmemektedir. Çalışmamızda immünomodülatör özellikteki moleküllerin potansiyel rollerinin ortaya konulması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı polikliniğine başvuran 40 akut, 36 kronik bruselloz hastası ile 40 sağlıklı ve 8 bruselloz geçirip iyileşmiş donör dahil edilmiştir. Ayrıca hastalar ve iyileşen grup, kemik eklem tutulumu (osteoartiküler) olan (akut:13; kronik:15; iyileşen:3) ve olmayanlar (akut:27; kronik:21; iyileşen:5) şeklinde gruplandırılarak da incelenmiştir. Hastalardan ve sağlıklı gönüllülerden alınan serumlar çalışılacağı tarihe kadar -80°C'de muhafaza edilmiştir. Tüm immünomodülatör moleküller sandwich ELISA ile çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Araştırılan tüm immünomodülatör moleküllerin seviyelerinin sağlıklı kontrol grubuna kıyasla hem akut hem de kronik hasta gruplarında azaldığı görülmüştür. Bu azalmalar aktivin A, aktivin B sCD40L, CD36 ve IL-23 molekülleri için istatistiksel olarak anlamlı bulunmuştur. Aktivin A, aktivin B ve follistatin molekülleri ayrıca iyileşen bruselloz hastalarında da araştırılmıştır. Yapılan analizler sonucunda sağlıklı kontrol grubuna benzer şekilde aktivin A ve aktivin B düzeyleri iyileşen grupta anlamlı derecede yüksek bulunmuştur. Akut ve kronik hasta grupları arasında ve sağlıklı kontrol ile iyileşen gruplar arasında anlamlı fark saptanmamıştır. Çalışmada kullandığımız aktivin A, aktivin B, follistatin, sCD40L, CD36, IL-23 ve ARG1 serum düzeylerinin sağlıklı kontrole kıyasla hasta gruplarında azaldığı görülmüştür. Aynı zamanda hasta gruplarında iyileşmiş gruba oranla da düşüş bulunmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

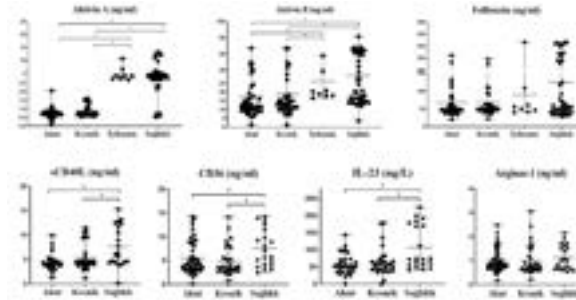
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sağlıklı kontroller ile iyileşmiş grup arasında istatistiksel olarak anlamlı fark yoktur ancak sağlıklı kontrollerdeki düzeyleri daha yüksektir. Bu durum, *Brucella* bakterisinin konak immün yanıtlarından kaçmak amacıyla bu yedi molekülün ekspresyonunu baskıladığını, iyileşme durumunda ise baskılanmanın ortadan kalkarak tekrar yükseldiğini göstermektedir. Yapılacak ileri çalışmalar ile baskılama mekanizmalarının araştırılması ve bu durumu düzenleyebilecek tedavi stratejilerinin geliştirilmesi, hastalık patogenezini iyileştirme çabaları için umut verici olacaktır.

Brusellozda immünomodülatör moleküller



Anahtar Kelimeler: Bruselloz, aktivin A, aktivin B

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 154

Tip 2 Otoimmün Hepatit Olgusu

Nadire Altınok Dabeşlim, Rukiye Berkem, Merve Özkan Ahmetoğlu

Ankara Eğitim Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Otoimmün hepatit (OIH), hepatositlerde ilerleyici inflamasyon oluşumuyla karakterize, kronik ve tüm yaş gruplarını etkileyebilen küresel bir hastalıktır. Tip 1 ve tip 2 olarak iki alt gruba ayrılır. OIH tip 2, genellikle pediatrik yaş grubunda görülür. Anti-karaciğer böbrek mikrozomal antikoru (LKM-1) ve/veya anti-karaciğer sitozolik antijen tip 1 (LC-1) antikoru ile karakterizedir. Hastalık halsizlik, bulantı gibi semptomlarla seyredebileceği gibi fulminan karaciğer yetmezliği ve ensefalopatiye kadar ilerleyebilen klinik tablolara neden olabilir. Asemptomatik hastalarda transaminaz yüksekliğinde de akılda bulundurulmalıdır. İmmünsüpresif tedavi, vakaların %80'inde remisyon sağlar. Bu nedenle erken tanı çok önemlidir. Bu olguda Anti LKM-1 ve anti LC-1 özgül antikorlarının tanısal değerinin vurgulanması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Anti nükleer antikor (ANA), anti LKM 1 otoantikorları IIFT Mosaic: Basic Profile 3A EUROPattern(Euroimmun, Almanya) kitiyle ve indirekt immunofloresan yöntemiyle İF Sprinter cihazında çalışılıp, sonuçlar EUROPattern Microscope cihazında değerlendirilmiştir. Anti LC-1, anti LKM-1 otoantikorları EUROLINE Liver Profile (Ig G) (Euroimmun, Almanya) kiti kullanılarak immunblot (IB) yöntemiyle çalışılmıştır. HBsAg, Anti HCV, Anti HAV Ig M testleri Architect (Abbott, ABD) cihazında CMIA yöntemiyle çalışılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Sekiz yaşında erkek hasta, Temmuz 2023 tarihinde aile hekimliği rutin kontrolü sırasında transaminaz yüksekliği tespit edilip, üçüncü basamak hastanemizin çocuk sağlığı ve hastalıkları kliniğine sevk edilmiştir. Hastanın diğer laboratuvar bulguları total protein 84 g/L, albumin 48 g/L, ALT 139 U/L, AST 128 U/L, GGT 44 U/L, Ig A 1.65 g/L, Ig G 23.34 g/L, seruloplazmin 0.22 g/L, HbsAg 0.15 S/CO(Negatif <1 S/CO), Anti HCV 0.09 S/CO(Negatif <1 S/CO) ve HAV IgM 0.09 S/CO(Negatif <0.8 S/CO) olarak tespit edildi. Anti nükleer antikor; AC 4 nükleer ince benekli patern ++ (1/320-1/1000) titrede pozitif, AC 16 sitoplazmik filamentöz fibriller + (1/100-1/320 titrede pozitif) saptandı. IIF yöntemi ile anti LKM-1 ++++ (>1/3200 titrede pozitif) ve IB yöntemi ile anti LKM-1 +++ pozitif, anti LC-1 +++ pozitif olarak saptandı. Hasta, çocuk sağlığı ve hastalıkları kliniği tarafından otoimmün hepatit tip 2 ön tanısı ile histolojik inceleme için dış merkeze gönderildi. Otoantikor pozitifliği otoimmün hepatit tanısında önemli rol oynar ve hastalığın tanı ve takibinde yüksek klinik değere sahiptir. Anti-LKM-1, OIH tip 2 hastalarının %90'ında bulunur ve HCV enfeksiyonu dışlandığında tanısal olarak kabul edilir. Anti-LC 1 antikorları ise hepatosellüler inflamasyonun önemli bir göstergesidir ve titresi OIH'in aktivitesi ile orantılıdır.

Anahtar Kelimeler: otoimmün hepatit tip 2, anti lkm 1, anti lc 1

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 155

ANA Subgrup Çalışılan Hastalarda ANA IFA Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Demet Gür Vural, Safa Toy, Yeliz Tanrıverdi Çaycı, Kemal Bilgin, Asuman Birinci

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Samsun

Giriş ve Amaç: Anti nükleer antikor (ANA), hücrenin çekirdeğinde bulunan farklı antijenleri hedefleyen geniş bir otoantikor grubunu içerir. ANA özellikle romatolojik bozukluklar olmak üzere otoimmün hastalıkların teşhisi için bir tarama testi olarak kullanılır. Hücre çekirdeğinde bulunan bazı proteinler ekstrakte edilebilen nükleer antijenler (ENAs) olarak adlandırılırlar ve bu antijenlere karşı gelişen antikorların belirlenmesi, otoimmün hastalıkların teşhisinde ve hastalığın şiddetinin takibinde önemlidir. Bu çalışmada, Anti-ENA pozitifliği olan hastalarda ANA test sonuçlarının retrospektif olarak değerlendirmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi İmmünoloji Laboratuvarına Aralık 2023 – Ocak Ağustos 2024 tarihleri arasında çeşitli kliniklerden gönderilen 1106 serum örneği çalışmaya dahil edilmiştir. ANA Subgrup (ENA Profil+Mi-2 +DFS70) profili immüno blot yöntemi (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) kullanılarak incelenmiş ve ANA-IFA yöntemi ile değerlendirilmiştir. HEp-2 ve maymun karaciğer hücrelerini bir araya getiren bir IFA kiti (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) kullanılmıştır ve üretici firma tavsiyelerine uygun olarak her serum örneği 1:100 olarak seyreltilmiştir. Hazırlanan preparatlar, bir floresan mikroskop (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) ile 40x objektif büyütme ile değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: ANA subgrup (ENA) çalışılan 1096 hasta örneğinin 333'ünde (%30,38) en az bir ANA subgrup (ENA) antijen pozitifliği ve toplamda 426 pozitiflik saptanmıştır. Pozitif hastaların 264'ü (%79,27) kadın ve 69'u (%20,73) erkektir. Pozitif sonucu olan hastaların yaş aralığı 10-84 arasında ve klinik dağılımı ise şu şekildedir: fiziksel tıp ve rehabilitasyon (%56,45), romatoloji (%14,11), göğüs hastalıkları (%6,90) ve diğerleri (%22,52). Anti-ENA pozitif örneklerin antikor profillerine bakıldığında, ilk dört sırayı sırasıyla DFS-70 (%20,65), Ro-52 (%11,03), PM-Scl-100 (%10,09) ve Anti-ss-A (%7,98) almıştır. Pozitif 333 örnekten 266'sına ANA-IFA çalışılmış ve 33'ü (%12,40) negatif saptanmıştır. ANA subgrup DFS-70 pozitif çıkan 75 örneğin ANA-IFA paternlerine bakıldığında: granüler (%17,33), granüler-granüler kromozomal (%52), granüler-homojen (%22,66), negatif (%5,33) ve diğerleri (%2,68). Aynı anda ANA subgrup (ENA) ve ANA-IFA çalışılan 266 hastaya ait 349 sonucun karşılaştırılması tablo 1'de verilmiştir. Sonuç olarak, ANA-IFA, şüpheli otoimmün hastalık için bir tarama testi olarak kullanılmalıdır. ANA-IFA negatif olan hastaların çeşitli türlerde otoantikora sahip pozitif ENA profiline sahip olduğu gözlemlenmiştir. Dolayısıyla ANA-IFA negatif olsa bile Anti-ENA pozitif olabileceği unutulmamalıdır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

ANA SUBGRUP (ENA)													
ANA-IFA PATTERN	Ro-52	PM- Scl- 100	Anti SS-A	Anti SS-B	Mi-2	AMA- M2	Anti Jo-1	CENP B	Ku	Anti ds- DNA	Anti SM/RNP	Anti Scl-70	Diğer
Granüler	27	19	19	7	17	16	6	2	7	4	9	12	14
Homojen	3	4	4	-	-	1	1	1	-	7	1	4	7
Nükleolar	1	5	3	1	7	-	-	-	2	1	2	3	3
Sentromer	1	-	-	-	-	-	1	11	-	-	-	-	1
Diğer	-	2	-	-	-	7	1	-	-	-	1	2	6
Negatif	6	3	2	-	1	-	3	-	1	-	1	1	6
Toplam	38	33	28	8	25	24	12	14	10	11	14	20	37

Anahtar Kelimeler: Anti-nükleer antikor, Ekstrakte edilebilen nükleer antijen, İmmünfloresan antikor

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 156

İndirekt İmmün Floresan Antikor Testi ile Anti Nükleer Antikor Araştırılan Örneklerde İmmunoblot ANA Profil Test Sonuçlarının Değerlendirilmesi

Selin Aras, Hafize Oruç, Reyhan Yiş, Orçun Zorbozan, Betil Özhak, Görkem Yaman, Mustafa Berktaş

Bakırçay Üniversitesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

Giriş ve Amaç: Otoimmün hastalıkların tanı ve tedavi takibinde otoantikorlar büyük bir öneme sahiptir. ANA (anti-nükleer antikorlar) özellikle otoimmün romatizmal hastalıklarda kullanılan bir tarama testi olup hücre çekirdeği bileşenlerine karşı oluşturulmuş antikorları saptamaktadır. Otoimmün hastalıkların insidansı kadınlarda daha yüksek olup erken tanı, hastalık ve kalıcı sekellerin önlenmesi açısından oldukça önemlidir. Bu çalışmada İFA ile ANA pozitif saptanan örneklerde immunblot profil test sonuçlarının uyumunun değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Haziran 2024- Ağustos 2024 tarihleri arasında Bakırçay Üniversitesi Çiğli EAH Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilen toplam 1106 örnek değerlendirilmiştir. 1/100 dilüsyon oranında hazırlanan serum örnekleri, Hep 2 hücreleri kullanılarak üretici firmanın önerileri (Euroimmun AG, Lübeck, Almanya) doğrultusunda çalışılmıştır. İFA ve immunblot profilleri değerlendirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: İFA ile ANA pozitiflik oranı %21,97 (243 örnek) olarak saptanmıştır. Bu örneklerin 207'si (%85,18) kadın; 36'sı (%14,81) erkek olup, %43,62'si Romatoloji polikliniğinden gönderilmiştir. İFA ile ANA pozitif saptanan örneklerin 94'ü (%38,68) immunblotta negatif bulunmuştur. İFA ile en sık saptanan ANA paterni AC-2 nükleer yoğun ince benekli olup, AC-1 nükleer homojen ve AC-4-5 nükleer benekli paternler takip etmiştir. İFA ile AC -2 nükleer yoğun ince benekli patern saptanan 129 örnekten 49'u (%37,98) (anti-DFS-70), AC-4-5 nükleer benekli patern saptanan 50 örnekten 21'i (%42) (SS-A, SS-B, anti-Ku, anti-Sm), AC-1 nükleer homojen patern saptanan 56 örnekten 16'sı (%28,57) (Anti dsDNA, Anti histon, nükleosom) immunblot sonuçları ile uyumlu sonuçlanmıştır. Çalışmada Türkiye'de yapılan çalışmalara benzer şekilde İFA ile ANA pozitifliği %21,97 oranında saptanmıştır. ANA pozitif saptanan hastaların büyük çoğunluğu eklem ağrısı şikayetiyle romatoloji polikliniğine başvuran hastalardır. Ülkemizde yapılan çalışmaların büyük kısmında AC-4,5 en sık saptanan patern iken, çalışmamızda AC-2'nin en sık saptanan patern olduğu görülmüştür. Sağlıklı erişkinlerde sıklıkla saptanan bu paternin çalışmamızda en üstte yer alması test istemi ile ilgili algoritmaların gözden geçirilmesi ve konuyla ilgili eğitimlerin planlanması gerektiğini düşündürmüştür.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1: İFA ANA paterni ve immunblot ANA profilinin değerlendirilmesi

İFA ANA PATERN	ANA PATERN n (%)	İMMUNBLOT PROFİLİ	İMMUNBLOT n	İFA ANA PATERN İMMUNBLOT- UYUMU (%)
AC-1	56 (%23,04)	Anti dsDNA, Anti histon, nükleosom	16	28,57
AC-2	129 (%53,08)	Anti DFS70	49	37,98
AC-3	9 (3,7)	Anti CENP-B	7	77,77
AC-4,5	50 (%20,57)	Anti- SSA, Anti SSB, Anti-Ku, Anti-SM	21	42
AC-6,7	1 (0,41)	Anti Jo-1	1	100
AC-8,9,10	23 (9,46)	Anti PM-Scl100	11	47,82
AC-21	14 (5,76)	Anti M2	1	7,14

Anahtar Kelimeler: Anti-nükleer antikorlar (ANA), İmmunblot, Otoimmünite

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 157

COVID-19'da İmmün Sistem Hücrelerinden Kökenlenen Eksozomlar

Tuğçe Bozkurt¹, Abdurrahman Şimşek¹, Muhammed Ali Kızmaz¹, Eren Çağan², Hülya Köse¹, Ali Eren Işkın¹, Salih Haldun Bal¹, Emin Halis Akalın³, Ferah Budak¹

¹ Bursa Uludağ Üniversitesi, Tıp Fakültesi, İmmünoloji Anabilim Dalı, Bursa

² Bursa Yüksek İhtisas Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Sağlık Bilimleri Üniversitesi, Çocuk Sağlığı ve Hastalıkları Anabilim Dalı, Çocuk Enfeksiyon Hastalıkları Bilim Dalı, Bursa

³ Bursa Uludağ Üniversitesi Tıp Fakültesi, Enfeksiyon Hastalıkları ve Klinik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, Bursa

Giriş ve Amaç: COVID-19, akut solunum yetmezliği ile karakterize küresel bir sağlık sorunudur. Eksozomlar, multiveziküler cisimciklerde türetilen ve birçok hücre tipinden salınan küçük lipid veziküllerdir. Eksozomal hücresel kargo, köken aldığı hücre tipini yansıtır. Bu çalışma ile eksozomların COVID-19 immünopatogeneziindeki olası rollerine dair bir ön çalışma ile literatüre katkı sağlamak amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza COVID-19 tanısı konan ve pnömoni durumlarına göre sınıflandırılan hastalar dahil edildi. Komplike olmamış, hafif ve ağır pnömoni COVID-19 gruplarından altı hasta ve 10 sağlıklı kontrol çalışmaya dahil edildi. Serum örneklerinden eksozomlar, ticari bir izolasyon kiti kullanılarak elde edildi. Eksozomlar, önceden tasarlanmış panelde, monoklonal antikolar (mAb'ler) ile boyandıktan sonra, akan hücre ölçer kullanılarak değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Eksozomların varlığı, eksozoma özgü mAb'ler CD9, CD63 ve CD81 ile boyanarak doğrulandı. Sonuçlarımıza göre, COVID-19 hastalarında granülositlerden ve G-MDSC'den (granülosit benzeri miyeloid baskılayıcı hücreler) kökenlenen eksozomlar (%) sağlıklı gruplara göre anlamlı olarak yüksekti. COVID-19'da gözlemlenen lenfositopeni ile uyumlu olarak, hastalık aşamasında lenfosit kökenli eksozomlar anlamlı şekilde azaldı. Ayrıca, NK kökenli eksozomların hafif hastalık şiddetinde bile anlamlı şekilde azaldığı gözlemlendi. Sonuç olarak, bu çalışmada NK hücre, granülosit ve G-MDSC kökenli eksozomların COVID-19'da rol alabileceği gözlenmiştir. Bu çalışmada, hasta sayısının az olması sınırlılığı, gelecekteki çalışmalarda hasta sayılarının artırılarak COVID-19 hastalarında eksozomların rolü aydınlatılabilir. Eksozomların hastalık şiddeti ile anlamlı bir varyasyonun olmaması, sağlıklı kontrollere kıyasla komplike olmayan vakalarda bulunan anlamlı artışı, eksozomların COVID-19'daki olası rolüne dikkat çekmektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

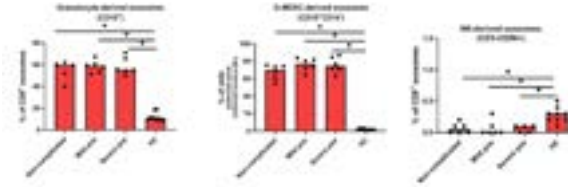
www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



COVID-19 Vaka Gruplarında Eksozomlar



Anahtar Kelimeler: COVID-19, eksozom, ekstrasellüler veziküller

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 158

Antinükleer Antikorların Tanısında Tarama ve Doğrulama Testlerinin Karşılaştırılması

Zeynep Nazlıkaya Erdem, Gökçe Sucuer Akarca, Talat Ecemiş

Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Antinükleer antikor (ANA) tanısında uygulanan algoritma, genellikle HEp-2 hücrelerinin kullanıldığı indirekt immünofloresan antikor testi (IFAT) ile taramasını ve pozitif sonuçların enzim immunoassay (EIA) veya line immunoassay (LIA) gibi yöntemlerin kullanıldığı refleks testlerle doğrulanması şeklindedir. IFAT'ın en önemli sorunu subjektivite olup, tanımlanan patern tanılarıyla ilişkili olan antikorlar refleks testlerde her zaman tespit edilememekte, klinik tanıda sorunlara yol açabilmektedir. Işıma derecesi ile verilen semikantitatif sonuçların değerlendirmelerinde de belirli bir tutarlılık olmayıp, düşük ışımada derecelerinde LIA pozitifliği azalmaktadır. Bu retrospektif çalışmada tarama ve doğrulama testleri arasındaki uyumu araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Manisa Celal Bayar Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda 2022–2024 tarihleri arasında ANA test isteği yapılan 5419 serumda, 1/100 dilüsyonda, HEp-20-10 ve maymun karaciğer dokularını içeren ticari testlerle (Euroimmun®, Almanya) IFAT çalışıldı, sonuçlar semikantitatif olarak değerlendirildi. Pozitif serumlara, spesifik antikor tanısı için 18 antikor tespit edebilen LIA testi (Euroimmun®, Almanya) uygulandı (Tablo 1). LIA'da tespit edilen antikorlarla ilişkisiz IFAT paternleri çalışmadan çıkarılarak, toplam 659 IFAT ve LIA testinin sonuçları karşılaştırıldı (Tablo 2). Paternlerle ilişkili olan en az bir antikoru LIA testinde tespit edilmesi "paternle ilişkili pozitiflik", bunun dışındaki LIA pozitiflikleri "paternle ilişkisiz pozitiflik" olarak kabul edildi.

Tablo 1. IFAT paternleriyle ilişkili LIA testinde tespit edilebilen antikorlar.

IFAT paternleri	LIA testi antikorları
Homojen (*AC-1)	Anti histon, anti nükleosom, anti DS DNA
Yoğun ince benekli (AC-2)	Anti DfS 70
Sentromer (AC-3)	Anti CENP-B
Benekli (AC-4,5)	Anti Ro52, anti Scl, anti SmRNP, anti SSA, anti SSB, anti Mi2, anti Ku
Nükleolar (AC-6,9,10)	Anti PM scl, anti Scl 70
Plazma (AC-13,14)	Anti PCNA
Stoplazmik benekli (AC-19,20)	Anti Ribosomal P Protein, Anti Jo 1
Stoplazmik retiküler (AC-21)	AMA, Mi2

*AC (anti cell) kodu: <https://www.euroimmun.org/>

Tablo 2. IFAT sonuçlarına göre tespit edilen LIA sonuçları.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım 2024		KİT			
Yıllık İstatistik (%)		Patenteleli (İstatistik pozitif) (%)	Patenteleli (İstatistik pozitif) (%)	Patenteleli (İstatistik pozitif) (%)	Patenteleli (%)
Bakteriyel	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
Fungal	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
Parazit	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)
	İstatistik pozitif	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)	100 (100.0)

Bulgular ve Sonuç: IFAT pozitif 659 serumun 373'ünde (%56.6) tekli patern, 280'inde (%42.5) ikili patern, 6'sında (%0.9) üçlü patern tespit edildi. Genel olarak, 659 pozitif IFAT'ın 410'unda LIA testi pozitif bulundu (%62.2). Patern tanılarıyla uyumlu LIA sonuçlarının oranı %38.1'di. "Sentromer" paterninin tamamı LIA tarafından doğrulanırken, "sitoplazmik benekli patern" en düşük uyumu sergiledi (%13.3). IFAT'ta floresan ışımının semikantitatif sonuçları değerlendirildiğinde; en fazla ışım derecesi 259 adet (% 39.3) ile (+) ışım düzeyindeydi. Hem toplamda hem de patern ile ilişkili LIA sonuçlarında en yüksek uyumu (+++) ışım sergiledi (sırasıyla %81.1 ve %61.1). (+++++) ışım değeri ise sadece 5 IFAT için kullanılmıştı. Doğal bir tarama testi IFAT ile sınırlı sayıda antikor tespit edebilen LIA testi arasındaki uyumsuzluk beklenen bir sonuçtur. Bu çalışmada, uyumsuzluk oranı genel olarak %37.8 oranında bulundu. IFAT patern sonuçlarının LIA testinde ilişkili bir antikor öngörebilme olasılığı %38.1 olarak tespit edildi. Floresan ışım derecesi, uyumluluğu etkileyen önemli bir faktördü. IFAT sonuçlarının bir antikor ve/veya hastalıkla ilişkilendirilmesi, büyük oranda (%61.9) yanılmaya neden olabileceği için mutlaka spesifik antikoru tespiti gereklidir.

Anahtar Kelimeler: Antinükleer antikor, İndirekt immünofloresan antikor testi, Line immunoassay

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 159

Solunum Yolu Enfeksiyonlarının Tanısında Kullanılan Multipleks PCR Tanı Testiyle Elde Edilen Verilerin Değerlendirilmesi

Ayşe Barış¹, Nur Dilara İslamoğlu¹, Gülten Aydın Tutak², Fahrunnisa Abanoz², Çiğdem Arabacı², Elif Aktaş Sepetci¹

¹SBÜ Şişli Hamidiye Etfal Eğitim ve Araştırma Hastanesi

²Prof.Dr. Cemil Taşcıoğlu Şehir Hastanesi

Giriş ve Amaç: Solunum yolu enfeksiyonlarına neden olan patojenler benzer semptomlar gösterdikleri için klinik olarak ayırt edilmeleri zordur. Bu durum tanı ve tedavinin gecikmesine ya da gereksiz antibiyotik başlanmasına neden olabilmektedir. Çalışmamızda merkezimize gönderilen nazofarengeal sürüntü örneklerinden multipleks PCR (polimeraz zincir reaksiyonu) ile saptanan solunum yolu etkenlerini epidemiyolojik olarak değerlendirmeyi amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışmada 2021-2023 yılları arasında İSLAB-3 Bölge Merkez Laboratuvarına viral transport medyum (Copan Diagnostics) ile gönderilen 2091 nazofarengeal sürüntü örneği retrospektif olarak analiz edildi. Örneklerin Zybion Nucleic Acid Extraction Kiti kullanılarak Zybion EXM 3000 (Zybion Inc, China) cihazında nükleik asit ekstraksiyonu yapıldı. Ardından Bio-Speedy Solunum Yolu RT-qPCR MX-24S Panel (Bioeksen, Türkiye) ile multipleks PCR yöntemi kullanılarak üretici firma önerilerine göre Bio-Rad CFX96 Touch (Bio-Rad) cihazında çalışıldı.

Bulgular ve Sonuç: 2091 hastadan alınan örneğin 844(%77,22)' ü çocuk hastalara aittir. Örneklerin 1093'ünde (%52,27) en az bir etken saptanmış olup, 603'ünde(%28,84) tek etken, 296'sında(%14,16) iki etken ve 194'ünde (%9,28) ikiden fazla etken belirlenmiştir. Etken saptanan örneklerin 596'sı (%54,53) erkek, 497'si (%45,47) kadınlara ait olup yaş ortalaması 14,9' dur (medyan 4). Çocuklarda ve erişkinlerde en sık bakteriyel etkenler *Haemophilus influenzae* (21,27%) ve *Streptococcus pneumoniae* (16,43%)'dır. Çocuk hastalarda *Bordetella pertussis* (1,67%) üçüncü sıklıktaki bakteriyel etken olarak belirlenmiştir. Çocuklarda en sık viral etkenler Human Rhinovirus/Enterovirus (24,05%) ve Respiratory Syncytial virus (18,96%)'dür. Erişkinde belirlenen en sık viral etkenler SARS-CoV-2 (29,81%), Human Rhinovirus/Enterovirus (22,12%) ve İnfluenza A (22,12%)'dır. İnfluenza A saptanan 109 hastanın 72'sinde alt tiplendirme yapılmış olup, en sık İnfluenza A H3 (66,67%) alt tipi tespit edilmiştir. 2021 ve 2022 yıllarında baskın olan alt tip İnfluenza A H3'tür. 2023 yılında baskın olan alt tip İnfluenza A H1'dir. Etkenlerin yıllara göre dağılımı Tablo 1'de, mevsimlere göre dağılımı ise Şekil 1'de gösterilmiştir. Sonuç olarak Multipleks PCR temelli sendromik testler, solunum yolu enfeksiyonlarına neden olan etkenlerin kısa sürede belirlenmesinde ve viral/bakteriyel etken ayrımının yapılmasında kullanılabildiğinden, gereksiz antibiyotik kullanımının önlenmesinde, uygun antiviral tedavinin zamanında başlatılmasında ve enfeksiyonların kontrol altına alınmasında faydalı olmaktadır. Çalışmamızda en sık saptanan bakteriyel etkenler olan *Haemophilus*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



influenzae ve *Streptococcus pneumoniae* nazofarengeal bölgede flora üyesi olarak bulunabildiğinden, enfeksiyon/kolonizasyon ayrımı klinik değerlendirme ile yapılmalıdır.

Şekil1 Etkenlerin Mevsimlere Göre Dağılımı



Tablo1 Etkenlerin Yıllara Göre Dağılımı

		GÜZ												YAZ											
		01	02	03	04	05	06	07	08	09	10	11	12	01	02	03	04	05	06	07	08	09	10	11	12
İnfluenza A	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76
İnfluenza B	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76
RSV	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76
S. pneumoniae	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76
H. influenzae	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76
B. pertussis	+	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24
	-	99	98	97	96	95	94	93	92	91	90	89	88	87	86	85	84	83	82	81	80	79	78	77	76

Anahtar Kelimeler: Multipleks PCR, Solunum Yolu Enfeksiyonları, Moleküler Epidemiyoloji

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 160

Ulusal Moleküler Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarında MALDI-TOF MS Yöntemi ile Tanımlanmış Klinik Numunelerin Cins ve Tür Düzeyinde Tanımlama Sonuçları: Bir Yıllık Kesitsel Bir Çalışma

Baki Can Metin¹, Süleyman Yalçın¹

¹T.C. Sağlık Bakanlığı, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü, Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Dairesi Başkanlığı, Ulusal Moleküler Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarı

Giriş ve Amaç: Bu çalışmanın amacı ulusal moleküler mikrobiyoloji referans laboratuvarında Matriks ile Desteklenmiş Lazer Desorpsiyon/İyonizasyon Uçuş Zamanı Kütle Spektrometresi (MALDI-TOF MS) yöntemi ile tanımlanmış mikroorganizmaların dağılımını ve MALDI-TOF MS yönteminin farklı mikroorganizmaların cins ve tür ayrımındaki başarısının değerlendirilmesidir.

Gereç ve Yöntem: Kesitsel tasarıma sahip bu çalışma, 01.09.2023 ve 31.08.2024 tarihleri arasında, Halk Sağlığı Genel Müdürlüğü Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarları ve Biyolojik Ürünler Dairesi Başkanlığı referans laboratuvarlarından Ulusal Moleküler Mikrobiyoloji Referans Laboratuvarına (UMMRL) tanımlama amacıyla gönderilmiş ve Genişletilmiş Direk Transfer (GDT) yöntemi ile tanımlama çalışması yapılmış numuneler ile yapılmıştır. Daire Başkanlığı referans laboratuvarları dışından gönderilmiş numuneler ve Etanol-Formik Asit Ekstraksiyonu yöntemi ile hazırlanmış küf örnekleri çalışma dışında bırakılmıştır. UMMRL'na gelen izolatlar aynı gün içerisinde GDT yöntemi kullanılarak çalışılmıştır. Tanımlama çalışması Bruker Biotyper Microflex MALDI-TOF MS cihazı ve MALDI Biotyper versiyon 3.1 ve flexControl yazılımları (Bruker Daltonik GmbH, Bremen, Almanya) kullanılarak yapılmıştır. Taksonomik ağaç olarak Bruker Taxonomy kullanılmıştır. Analiz sırasında pik bulunması durumunda sonuçlar 0,000 ile 3,000 arasında skor olarak verilmektedir. Skorların yorumlanması; ≤ 1.699 "güvenilir olmayan tanı", 1,700-1,999 "olası cins düzeyinde tanı", 2,000-2,299 "kesin cins düzeyinde tanı, olası tür düzeyinde tanı" ve 2,300-3,000 "çok yüksek olasılıkla tür düzeyinde tanı" şeklinde yapılmıştır. İstatistik analizler IBM SPSS Statistics for Windows, versiyon 27 (IBM Corp., Armonk, N.Y., USA) kullanılarak yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Analize alınan 5541 izolatın en iyi skorlarına göre; 1243'ü (%22,4) çok yüksek olasılıkla tür düzeyinde tanı, 2324'ü (%41,9) kesin cins düzeyinde tanı, olası tür düzeyinde tanı, 1243'ünde (%22,4) olası cins düzeyinde tanı, 645'inde (%11,6) güvenilir olmayan tanı sonucuna ulaşılmışken, 86 izolat (%1,6) pik bulunamamıştır. Skor hesaplaması yapılabilen 5455 izolatın en iyi skor ortalaması $2,067 \pm 0,293$ olarak bulunmuştur. Analize alınan 4810 izolatın skor 1,700 üzerinde saptanmış ve cins ve tür düzeyinde sonuç raporlanmıştır. Cins düzeyinde en sık rastlanan 8 mikroorganizma cinsi için en iyi skor ortalaması; *Salmonella* için $2,175 \pm 0,212$, *Escherichia* için $2,191 \pm 0,201$, *Klebsiella* için $2,125 \pm 0,190$, *Candida* için $2,101 \pm 0,181$, *Citrobacter* için $2,063 \pm 0,188$, *Pseudomonas* için $2,138 \pm 0,189$, *Staphylococcus* için $2,158 \pm 0,177$, *Enterococcus* için $2,236 \pm 0,217$ olarak bulunmuştur. Tür düzeyinde sık rastlanan 8 mikroorganizma için; *Salmonella* sp için $2,175 \pm 0,212$, *Escherichia coli* için $2,190 \pm 0,201$, *Klebsiella pneumoniae* için $2,124 \pm 0,188$, *Candida auris* için $2,092 \pm 0,188$, *Citrobacter freundii* için $2,005 \pm 0,186$,

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Pseudomonas aeruginosa için $2,167 \pm 0,168$, *Citrobacter braakii* için $2,074 \pm 0,187$, *Candida albicans* için $2,082 \pm 0,165$ olarak bulunmuştur.

Tablo 1. Çalışmaya alınan izolatların gönderen laboratuvarlar ve sonuçlara göre dağılımı

Özellik		Sayı	Yüzde
En iyi skora göre sonuç	Çok yüksek olasılıkla tür düzeyinde tanı	1243	22,4
	Kesin cins düzeyinde tanı, olası tür düzeyinde tanı	2324	41,9
	Olası cins düzeyinde tanı	1243	22,4
	Güvenilir olmayan tanı	645	11,6
	Pik bulunamadı	86	1,6
Toplam		5541	100,0

Tablo 2. Pik saptanan izolatlarda en iyi skor dağılımları

	n ^a	Ortalama±SS	Ortanca (ÇAD)
En iyi skor	5455	2,067±0,293	2,122 (1,903-2,286)

a5455 izolatta pik sptanmış ve skor hesaplaması yapılmıştır. SS: Standart sapma, ÇAD: Çeyreklikler arası dağılım.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3. Cins ve tür düzeyinde en sık raporlanan 10 sonucun en iyi skor dağılımları

Cins	n	%	En iyi skor	
			Ortalama±SS	Ortanca (ÇAD)
<i>Salmonella</i>	1037	18,7	2,175±0,212	2,195 (2,011-2,348)
<i>Escherichia</i>	977	17,6	2,191±0,201	2,225 (2,062-2,332)
<i>Klebsiella</i>	665	12,0	2,125±0,190	2,156 (1,986-2,280)
<i>Candida</i>	485	8,8	2,101±0,181	2,116 (1,959-2,246)
<i>Citrobacter</i>	278	5,0	2,063±0,188	2,065 (1,903-2,219)
<i>Pseudomonas</i>	142	2,6	2,138±0,189	2,179 (2,002-2,297)
<i>Staphylococcus</i>	134	2,4	2,158±0,177	2,152 (2,024-2,301)
<i>Enterococcus</i>	111	2,0	2,236±0,217	2,283 (2,108-2,399)
<i>Streptococcus</i>	111	2,0	2,161±0,202	2,166 (2,018-2,308)
<i>Enterobacter</i>	106	1,9	2,217±0,215	2,288 (2,049-2,384)
Tür				
<i>Salmonella</i> sp	1037	18,7	2,175±0,212	2,195 (2,011-2,348)
<i>Escherichia coli</i>	974	17,6	2,190±0,201	2,225 (2,062-2,332)
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	638	11,5	2,124±0,188	2,153 (1,986-2,277)
<i>Candida auris</i>	210	3,8	2,092±0,188	2,082 (1,947-2,249)
<i>Citrobacter freundii</i>	130	2,3	2,005±0,186	2,052 (1,878-2,188)
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	123	2,2	2,167±0,168	2,193 (2,065-2,307)
<i>Citrobacter braakii</i>	101	1,8	2,074±0,187	2,086 (2,024-2,231)
<i>Candida albicans</i>	86	1,6	2,082±0,165	2,283 (2,108-2,214)
<i>Morganella morganii</i>	83	1,5	2,222±0,246	2,166 (2,018-2,414)
<i>Staphylococcus aureus</i>	79	1,4	2,246±0,146	2,288 (2,049-2,359)
Toplam	4810 ^a	100,0		

a4810 izolatta skor 1,700 ve üzerinde saptanmış ve en az cins düzeyinde sonuç raporlanmıştır. SS: Standart sapma, ÇAD: Çeyreklikler arası dağılım.

Anahtar Kelimeler: MALDI-TOF MS, tanımlama, Patojen

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 161

Farklı Menenjit Paneli Test Sonuçlarının Karşılaştırılması

Canberk ÇINAR, Yeliz TANRIVERDİ ÇAYCI, İlknur BIYIK, Asuman BİRİNCİ

Ondokuz Mayıs Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Menenjit, enfeksiyöz ve enfeksiyöz olmayan ajanların neden olduğu beyin ve omurilik zarlarının iltihaplanmasıdır. Santral sinir sistemi (SSS) enfeksiyonları, tüm dünyada çeşitli morbidite ve mortaliteye neden olan ciddi enfeksiyonlardır. Menenjite neden olan etkenler arasında virüsler, bakteriler ve mantarlar bulunur. Ampirik antibiyotik tedavisinin yaygın kullanımı ve viral etkenlerin tanısındaki zorluk nedeniyle kesin tanıda güçlük yaşanmaktadır. Çalışmamızda beyin omurilik sıvısından (BOS) nükleik asit amplifikasyonu ile saptanan etkenlerin analizi ile iki farklı cihaz sonucunun karşılaştırılması amaçlanmaktadır.

Gereç ve Yöntem: Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıbbi Mikrobiyoloji Moleküler laboratuvarına gelen 22 BOS örneği çalışmaya dahil edilmiştir. BOS örnekleri seçilirken herhangi bir kriter aranmamıştır. Örnekler Menenjit-ensefalit sendromik panel (BioFire, bioMerieux, ABD) ardından Bio-Speedy® Menenjit/Ensefalit RT-qPCR MX-17S Panel (Bioeksen, Türkiye) kiti ile multipleks ters transkripsiyon ve gerçek zamanlı polimeraz zincir reaksiyonu (RT-qPCR) yöntemi ile firma önerileri doğrultusunda çalışılmıştır. Test, en sık rastlanan 16 etkene yönelik olup 60 dakikada sonuç vermektedir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 22 BOS örneği öncelikle laboratuvarımızda kullanılmakta olan Menenjit-ensefalit sendromik panel (BioFire, bioMerieux, ABD) ile çalışılmıştır. Toplamda 22 örneğin 18'inde pozitiflik saptanmıştır. (4 *Streptococcus pneumoniae*, 3 Herpes Simpleks Virüs 1, 3 Human Herpes Virus 6, 3 *Neisseria meningitidis*, 2 Varicella Zoster Virüs, 2 Enterovirüs 1 Human Parechovirus). Bio-Speedy® Menenjit/Ensefalit RT-qPCR MX-17S Panel ile yine aynı şekilde 18 örnekte etken saptanmıştır. Sonuçları incelendiğinde bir önceki testte pozitiflik saptanan 18 örneğin 17'sinde aynı etkenler saptanmıştır. Menenjit-ensefalit sendromik panel (BioFire, bioMerieux, ABD) sonucunda Human parechovirus saptanan 1 örnekte ise Bio-Speedy sendromik panelinde *Streptococcus pneumoniae* saptanmıştır. Her iki menenjit panelinde 4 örnekte ise etken saptanmamıştır. İki cihazın pozitif olarak belirlendiği örnekler karşılaştırıldığında toplamda 22 örneğin 21'inin sonucunun birbiri ile uyumlu (%95,45) olduğu gözlemlenmiştir. SSS enfeksiyonlarında uygun ve erken tedavinin başlanması morbidite ve mortalitenin azaltılması için kritik önem taşımaktadır. SSS enfeksiyonlarında bu tarz geniş kapsamlı panellerin, mümkünse birden fazla test veya yöntemin birlikte kullanılması, ayrıca sonuçların klinik ve diğer laboratuvar verileriyle birlikte yorumlanmasının tanısal doğruluğu arttıracakı düşünülmüştür.

Anahtar Kelimeler: Menenjit, BOS, Panel

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 162

Onkoloji Hastanesinde Pnömoni Tanısında Sendromik Panel Fayda Sağlar mı?

Ayşe Semra Güreser, Neşe İnan, Ayla Yenigün, Mert Emre Ölmez, Özge Nur Arıcasoy, Serap Süzük Yıldız, İpek Mumcuoğlu, Tuba Dal

Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji, Ankara

Giriş ve Amaç: Pnömoni çeşitli patojenler tarafından oluşan ve immünsupresif hastalarda morbidite ve mortaliteye yol açan bir hastalıktır. Amerikan Toraks Derneği (ATS) immünsupresif pnömoni hastalarında influenza dışındaki viral patojenler için solunum örneklerinin nükleik asit bazlı test edilmesini önermektedir. Çalışmamızda hastanemizdeki pnömoni ön tanılı immün-kompromize ve kompetan hastalarda sendromik panelin tanı amaçlı kullanımının etkilerini araştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Çalışmaya Kasım 2023-Eylül 2024 tarihleri arasında Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi Mikrobiyoloji Laboratuvarına pnömoni ön tanısı ile 105 hastadan alınan 108 alt solunum yolu örneği dahil edildi. Örnekler BioFire FilmArray Pneumonia panel plus (bioMérieux S.A., Marcy-l'Etoile, France) ile çalışıldı, bakteriyel pnömoni düşünülen hastalarda eş zamanlı kültür yöntemleri de uygulandı. Sendromik panel testinde $\geq 10^7$ kopya /mL olarak saptanan bakteriyel etkenler değerlendirmeye dahil edildi, bu değerin altında kitin saptadığı etkenler kolonizasyon olarak kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya 19-91 yaş arasında(mean=60) 105 hastanın 108 alt solunum yolu örneği dahil edildi. Panel çalışılan örnekler ve gönderen kliniklerin dağılımı Tablo 1'de gösterilmektedir. Örneklerin 34 (%31,5)'ünde sendromik panelde hiçbir etken saptanmadı. Onbir (%10,2) örnekte ise saptanan etkenler $<10^7$ kopya /mL olması nedeniyle kolonizasyon olarak kabul edildi. Panel sonuçlarının hastaların altta yatan hastalıklarına göre dağılımı Tablo 2'de gösterilmektedir. Örneklerin 81 (%75)'ine bakteriyel pnömoni şüphesi ile eşzamanlı olarak kültür de yapıldı. Kültürü yapılmayan 27 (%25) örnekte panelde bakteriyel etken saptanmadı. Panelde *H. influenzae* saptanan dokuz örnek (5'inin kültüründe yoğun *Candida* üremesi vardı), CTXM (+) *P. aeruginosa* saptanan bir örnek ve *S. aureus* saptanan bir örnek olmak üzere toplam 11 (%13,5) örnekte kültür ile bakteri saptanamadı. Bir hastada ise panel ile kültürü yapılamayan *Legionella pneumophila* saptandı. Sekiz (%9,9) örnekte panelde saptanan bakteriyel etkenler kültür ile de saptanabilirken, 71 (%87,7) örnekte hem panel hem de kültür sonuçları bakteriyel etkenler için negatif olarak saptandı. Panelde olmayan bakteriyel etkenlerden *Stenotrophomonas maltophilia* bir örnekte, *Enterococcus faecium* bir örnekte kültür ile pozitif olarak saptandı. İmmünsupresif hastalarda önceden antibiyotik kullanımı, örneklerin laboratuvara geç ulaşması veya *Candida* kolonizasyonu gibi sebeplerle kültürde saptanması zor olan *H. influenzae* gibi bakteriyel patojenlerin saptanmasında ve kültürde üretilmeyen *Legionella pneumophila* gibi patojenlerin saptanmasında Sendromik Pnömoni Paneli faydalı olabilmektedir. Fakat panelde yer almayan patojenler için kültür mutlaka yapılmalıdır. Sonuç olarak immünsupresif hasta grubunda sendromik pnömoni paneli ve kültürün birlikte kullanılması faydalı olacaktır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya
www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. Sendromik Pnömoni Paneli Çalışılan Örneklerin Kliniklere Göre Dağılımı

	Balgam N (%)	Derin Trakeal Aspirat N (%)	Bronkoalveoler Lavaj N (%)	Endotrakeal Aspirat N (%)	Toplam N (%)
Hematoloji Kliniği	28 (%26)	4 (%3,7)	7 (%6,5)	-	39(%36,1)
Anestezi Yoğun Bakım	6 (%5,6)	12 (%11,1)	2 (%1,9)	9 (%8,3)	29 (%26,9)
Cerrahi Yoğun Bakım	3 (%2,8)	8 (%7,4)	-	-	11(%10,2)
Dahiliye Yoğun Bakım	6 (%5,6)	4 (%3,7)	-	-	10 (%9,3)
Enfeksiyon Hastalıkları Kliniği	6 (%6,9)	1 (%0,9)	-	-	7 (%6,5)
Göğüs Hastalıkları Kliniği	5 (%4,6)	1 (%0,9)	1 (%0,9)	-	7 (%6,5)
Onkoloji Kliniği	1 (%0,9)	1 (%0,9)	-	-	2 (%1,9)
Dahiliye Kliniği	1 (%0,9)	-	-	-	1 (%0,9)
Kemik İliği Nakil Ünitesi	1 (%0,9)	-	-	-	1 (%0,9)
Radyoterapi Kliniği	1 (%0,9)	-	-	-	1 (%0,9)
Toplam	58 (%54)	31 (%28,7)	10 (%9,3)	9 (%8,3)	108

Tablo 2. Sendromik Panel Sonuçlarının Hastaların Altta Yatan Hastalıklarına Göre Dağılımı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sendromik Panelde Saptanan Etkenler	Hematolojik Kanserli Hasta	Solid Tümörlü Hasta	Kompetan Hasta	Toplam
Rino/Enterovirüs	6	2	1	9
Metapnömovirüs	5	1	2	8
Koronavirüs	5	1	2	8
İnfluenzae-A	3	-	1	4
<i>H. influenzae</i>	-	1	3	4
<i>P. aeruginosa</i>	1	1	1	3
Adenovirüs	3	-	-	3
Parainfluenzae virüs	2	-	-	2
<i>S. aureus</i>	-	1	-	1
<i>A. baumannii</i> kompleksi	-	-	1	1
<i>S. pneumoniae</i>	-	1	-	1
<i>Moraxella catarrhalis</i>	-	-	1	1
İnfluenzae-B	1	-	-	1
MİKS ENFEKSİYON				
<i>A. baumannii</i> k. + Rino/Enterovirüs	-	-	2	2
<i>S. aureus</i> + Koronavirüs	-	1	-	1
<i>S. aureus</i> + <i>H. influenzae</i>	1	-	-	1
<i>H. influenzae</i> + Rino/Enterovirüs	1	-	-	1
<i>H. influenzae</i> + İnfluenzae-B	-	-	1	1
<i>S. pneumoniae</i> + Rino/Enterovirüs	1	-	-	1
<i>Legionella pneumophila</i> + İnfluenzae-A	-	1	-	1
<i>H. influenzae</i> + Rino/Enterovirüs + Koronavirüs	1	-	-	1
<i>H. influenzae</i> + Koronavirüs + İnfluenzae-A	-	1	-	1
<i>E. coli</i> + <i>K. pneumoniae</i> + Koronavirüs	1	-	-	1
Adenovirüs + Koronavirüs + Rino/Enterovirüs	1	-	-	1
Adenovirüs + Rino/Enterovirüs	1	-	-	1
İnfluenzae-A + Koronavirüs	-	1	-	1

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Metapnömovirüs + Rino/Enterovirüs	1	-	-	1
İnfluenzae B + Koronavirüs	1	-	-	1
Rino/Enterovirüs +Parainfluenzae virüs	1	-	-	1
TOPLAM	56 (%51,9)	25 (%23,1)	27 (%25)	108

Anahtar Kelimeler: sendromik panel, pnömoni

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 163

Interferon Gama Salınım Test İstemi ve Endikasyonları

Aybüke Özer, Süreyya Gül Yurtsever, Tuba Müderris, Ayşegül Aksoy Gökmen, Yeşim Tok, Bilal Olcay Peker, Selçuk Kaya

İzmir katip çelebi üniversitesi atatürk eğitim ve araştırma hastanesi

Giriş ve Amaç: Tüberküloz (TB), dünya çapında yüksek morbidite ve mortaliteye neden olan, dünyanın birçok yerinde halen önemli bir sağlık tehdidi olmaya devam eden ve yeniden ortaya çıkan bir enfeksiyon hastalığıdır. Çeşitli romatolojik ve/veya otoimmün hastalıklarda kullanılan immünsupresif tedavilerin yaygınlaşmasıyla birlikte, tedaviye başlanmadan önce LTB(latent TB)'nin değerlendirilmesi büyük önem kazanmıştır. Bu çalışmanın amacı, üçüncü basamak bir hastanenin çeşitli kliniklerine başvuran hastaların interferon gama salınım testi (IGST) talep sayılarının ve bu taleplerin endikasyonlarının belirlenmesi için laboratuvar verileri üzerinden retrospektif olarak değerlendirme yapmaktır.

Gereç ve Yöntem: Son iki yıllık süre içerisinde 2158 adet yapılan IGST test istemleri geriye dönük olarak hastane laboratuvar bilgi yönetim sisteminden (Probel) analiz edildi. IGST pozitiflik oranları, talep eden bölümler ve endikasyonlar ile bağlantı kurularak kaydedilip ve analiz edildi. Bu süre zarfında laboratuvara gönderilen hasta numunelerinin değerlendirilmesi için LIOFeron-TB/LTBI kit (LIONEX Diagnostics & Therapeutics GmbH, Almanya) kullanıldı. IGST pozitiflik oranları, talep eden bölümler ve endikasyonlar ile bağlantı kurularak kaydedildi ve analiz edildi.

Bulgular ve Sonuç: Bulgular: Toplam 2158 hastadan 1039'u erkek (%48,15), 1119'u kadın (51,85) ve 2-89 yaş aralığında (ortalaması:46) olarak saptandı. IGST pozitifliği 350 olguda (%27.82) tespit edilmiştir. En sık IGST talep eden klinikler ve test istem sayıları sırasıyla; romatoloji [747 (%34.61)], genel dahiliye [448 (%20.75)], enfeksiyon hastalıkları ve klinik mikrobiyoloji [392 (%18.16)], göğüs hastalıkları [150 (%6.95)], kardiyoloji, nefroloji, genel cerrahi, dermatoloji, ortopedi, üroloji, nöroloji gibi çeşitli bölümlerden toplam 421 (%19.5) test istemi yapılmıştır. Ayrıca IGST isteminde bulunulan olguların %61.7'si "immünsupresif tedavi öncesi inceleme" grubunu oluşturmuş ve bu gruptaki pozitiflik oranı %6.91 olarak belirlenmiştir. Pozitiflik oranı en yüksek (%28) olarak tüberküloz şüphesiyle test istenen hasta grubunda belirlenmiştir. Sonuç olarak, Son yıllarda yaygın olarak kullanılmaya başlanan immünsupresif tedavilerin özellikle uzun süreli kullanımları, LTB'nin aktifleşmesinde rol oynayabilmektedir. Genel olarak tüm yaş grupları tüberküloz enfeksiyonu için risk altında olmasına rağmen, çalışmamızda en sık etkilenen yaş grubu yetişkinler olarak belirlenmiştir. IGST test istemlerinin değerlendirildiği çalışmalar gittikçe önem kazanmaktadır. Bu açıdan çalışmanın önemli olduğunu düşünüyoruz. Bu şekilde her bölgeden gelecek verilerle ülke rehberlerini oluşturmak mümkün olacaktır ve IGST istemleri için ülkemize özel endikasyonlar geliştirilebilecektir.

Anahtar Kelimeler: latent Tüberküloz, IGST

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 164

Tüberküloz Tanısında Auramine ile Ehrlich-Ziehl-Neelsen Boyama Yöntemlerinin, Löwenstein-Jensen ile TK SLC Medium Kültür Yöntemlerinin Karşılaştırılması Ve MALDI-TOF MS Performansının Değerlendirilmesi

Filiz Yarımcı¹, Zafer Habib², Meltem Ayaş³, Neval Yurttutan Uyar⁴

¹Acıbadem Labmed Klinik Laboratuvarı

²İstanbul Medeniyet Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

³Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi, Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu, Tıbbi Laboratuvar Teknikeri Programı

⁴Acıbadem Mehmet Ali Aydınlar Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Önemli bir sağlık sorunu olmaya devam eden tüberkülozun tanısında aside dirençli boyama ve kültür yöntemleri halen tüberküloz laboratuvarlarının omurgasını oluşturmaktadır. Son yıllarda izolatların tanımlanmasında Matrix Assisted Laser Desorption Ionization –Time Of Flight (MALDI-TOF) kütle spektrometri MS) yöntemi de kullanılmaya başlanmıştır. Bu çalışmanın amacı, aside dirençli basil (ARB) tespitinde kullanılan auramine ve Ehrlich-Ziehl-Neelsen (EZN) boyama yöntemlerini ile katı bazlı Löwenstein-Jensen (LJ), (GBL, Türkiye) ve sıvı bazlı otomatize TK SLC Medium (TK), (TİBO, Türkiye) kültür yöntemlerini karşılaştırmak, çalışma boyunca elde edilen Mikobakteri izolatlarının tür tayininde MALDI-TOF MS yönteminin performansını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Eylül 2023'ten başlayarak Acıbadem Labmed Tüberküloz laboratuvarına tüberküloz tanısı için ARB boyama ve kültür istenen 817 solunum ve 289 solunum dışı, toplamda 1106 örnek çalışmaya dahil edildi. Kontaminasyon tespit edilen 4 solunum, 7 solunum dışı, toplamda 11 örnek çalışmaya dahil edilmedi. Dekontaminasyon ve konsantrasyon işleminden sonra (Decomics, TİBO, Türkiye) Auramine ve EZN boyama yapıldı ve sonuçlar mikroskop altında değerlendirildi, TK ve LJ'ye ekim yapıldı, TK besiyerleri otomatize cihaza, LJ besiyerleri yatay inkübasyon imkanı sağlayan özel etüvlere 37 derecede inkübasyona bırakıldı. Üreme saptanan besiyerinden hızlı kart test ile (Bioline TB ag MPT64, Abbott Inc, Güney Kore) *M. tuberculosis* kompleks ve TDM ayırımı yapıldı ve MALDI-TOF MS (Bruker Daltonics) ile tür tayini işlemi uygulandı.

Bulgular ve Sonuç: Kültürde pozitiflik oranı % 6,2 olarak tespit edildi. Pozitif kültürlerin % 60'ının ARB sonucu negatif bulundu. Kontaminasyon oranı %0,94 olarak hesaplandı. Boyama yöntemlerinin karşılaştırılmalı sonuçları Tablo 1'de, kültür yöntemlerinin sonuçları Tablo 2'de, MALDI-TOF MS ile elde edilen sonuçlar Tablo 3'te özetlenmiştir. Boyama yöntemlerinde Auramine'nin duyarlılığı daha fazla, EZN'nin özgüllüğü daha fazla bulunmuş, Auramin ile tarama, EZN ile doğrulama yapılmasının uygun bir yöntem olduğu doğrulanmıştır. TK ve LJ yöntemlerinin performansları birbirine yakın, her iki sistemin birlikte kullanılmasının tanıya katkısı %4,3 olarak hesaplanmıştır. MALDI-TOF MS'in *M. tuberculosis* kompleks türlerini iyi, TDM türlerini düşük oranda okuduğu gözlemlenmiştir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Boyama sonuçları

		EZN		Auramine	
		Pozitif	Negatif	Pozitif	Megatif
Kültür (n=1106)	Pozitif	27	42	30	39
	Negatif	1	1036	22	1015
Duyarlılık (%)		39,1		43,5	
Özgüllük (%)		99,9		97,9	

Tablo 2. Kültür sonuçları

	LJ ve TK pozitif	TK pozitif ve LJ negatif	LJ pozitif ve TK negatif	Toplam
<i>M. tuberculosis</i> kompleks	53	2	3	58
TDM	10	1	0	11
Toplam	63	3	3	69

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3. MALDI-TOF MS sonuçları

	Sonuç var	Sonuç yok	Tanımlama yüzdesi
<i>M.tuberculosis</i> kompleks	48	10	% 83
TDM	5	6	% 45
<i>M. abscessus</i>	3		
<i>M. avium</i>	1		
<i>M. mucogenicum</i>	1		
Toplam	53	16	% 77

Anahtar Kelimeler: Auramine, TK SLC, MALDI-TOF MS

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 165

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi'nde Mycobacterium Tuberculosis Tanısı Ve İlaç Direnci Mutasyonlarının Tespitinde İki Ticari Kitin Değerlendirmesi

Tuğcan Başyığıt, Saliha Kazcı, Arzu Ertaş, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji

Giriş ve Amaç: Tüberküloz (TB), dünya genelinde önemli bir halk sağlığı sorunu olmaya devam etmektedir. Özellikle ilaç dirençli *Mycobacterium tuberculosis* (MTB) suşlarının varlığı, hastalığın yönetimini zorlaştırmaktadır. Bu çalışmada, Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tüberküloz Laboratuvarı'nda, MTB ve ilişkili ilaç direnci mutasyonlarının tespitinde kullanılan iki ticari PCR kitinin performanslarını karşılaştırmak ve kültür istemi olan örneklerde altın standart kültür yöntemi ile kıyaslayarak tanıda duyarlılık ve özgüllüklerini değerlendirmek amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Mart 2024 - Nisan 2024 tarihleri arasında, toplam 219 hasta örneği BD Max MDR-TB (BD, ABD) ve Bio-speedy MTB qPCR (Bioeksen, Türkiye) PCR kitleriyle analiz edilmiştir. Bu örneklerin 25'i arşivlenmiş örneklerden, 194'ü ise rutin hasta örneklerinden oluşmaktadır. Her iki kitin MTB tespit yüzdeleri altın standart kültür yöntemi ile kıyaslanarak değerlendirilmiş, aynı zamanda spesifik ilaç direnci mutasyonlarını saptama yetenekleri karşılaştırılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Karşılaştırma amacıyla çalışılan toplam 219 örneğin BD kiti ile 181'i (% 82,7) negatif, (25'i pozitif, 13'ü düşük pozitif olmak üzere) 38'i (%17,3) pozitif tespit edilirken, Bio-speedy kiti ile 185'i (%84,5) negatif, 34'ü (%15,5) pozitif tespit edilmiştir (Tablo 1). BD'nin düşük pozitif saptadığı 13 örneğin dördü Bio-speedy kiti ile negatif saptanmıştır. BD ile pozitif saptandığı halde Bio-speedy kiti ile negatif saptanan bu 4 örnekten ikisi balgam, biri apse, biri doku örneği olup, örneklerin ikisi arşiv örneğidir. 118 örnekten kültür istemi yapılmış olup, bunların 109'u negatif, 9'u ise pozitif sonuçlanmıştır. Kültür sonuçları ile kıyaslandığında, BD kiti %100 sensitivite ve %95,4 spesifite gösterirken, Bio-speedy kiti %88,9 sensitivite ve %95,4 spesifite'ye sahip bulunmuştur (Tablo 2). Test edilen örneklerde Bio-speedy kiti 6 katG, BD kiti 4 katG mutasyonu saptamış, ayrıca BD kiti Bio-speedy kitinde yer almayan 1 Inh APR gen mutasyonu saptamıştır. rpoB mutasyonu ise Bio-speedy ile 5, BD kiti ile 1 örnekte tespit edilmiştir. rpoB mutasyonları rifampisin direnci ile ilişkilendirilirken, katG ve Inh APR mutasyonları izoniazid direnci ile ilişkilendirilmektedir. Direnç tespit edilen örnekler için antitüberküloz duyarlılık test istemi bulunmamaktadır (Tablo 3). Çalışmanın bulguları, MTB'nin düşük bakteriyel konsantrasyonlarını ve ilaç direnci mutasyonlarını tespit etmede kit seçiminin klinik tanı açısından kritik öneme sahip olduğunu göstermektedir. Klinik tanı süreçlerini optimize etmek ve doğru tedavi kararlarını desteklemek için daha fazla klinik örneğin dahil edildiği araştırmalara ihtiyaç duyulmaktadır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

Tablo 1. BD ve Bioexen PCR kiti ile tüberküloz tanısındaki performans karşılaştırması

Sonuç	BD	Bioexen
Negatif	181	185
Pozitif	38*	34

* Bioexen ile negatif, BD kiti ile pozitif saptanan dört örnek yanlış pozitif saptanmıştır.

Tablo 2

Tablo 2. BD ve Bioexen PCR kiti ile kültür yöntemiyle karşılaştırılabilirliği, sensitivite ve spesifikite değerleri

		Kültür	
		Pozitif	Negatif
BD	Pozitif	9	5
	Negatif	-	104
Bioexen	Pozitif	8	5
	Negatif	1	104

Açıklama: Bu tablo, BD ve Bioexen PCR kiti ile *Mycobacterium tuberculosis* (MTB) tespitinde kültür yöntemiyle karşılaştırılabilirliği gösterdiği sensitivite ve spesifikite oranlarını göstermektedir. BD kiti, %100 sensitivite ile daha yüksek bir doğruluk sağlarken, her iki kiti de spesifikite değerleri birbirine eşittir.

Tablo 3

Tablo 3. BD ve Bioexen PCR kiti ile mutasyon tespitindeki performans karşılaştırması

	Bio-speedy	BD
rpoB	5	1
katG	6	4
IsH APR	-	1

Anahtar Kelimeler: MTB, PCR, ilaç Direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 166

{*Mycobacterium tuberculosis* Kompleks} Ve Rifampisin Direncinin Saptanmasında, Mikroskopi, Kültür ve GeneXpert MTB/RIF Ultra Testinin Sonuçlarının Karşılaştırılması

Zehra Bütün Yavuz¹, Süreyya Gül Yurtsever¹, Bilal Olcay Peker², Tuba Müderris¹, Ayşegül Aksoy Gökmen¹, Yeşim Tok¹, Selçuk Kaya¹

¹İzmir Katip Çelebi Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İzmir

²Atatürk Eğitim Ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji, İzmir

Giriş ve Amaç: Tüberküloz (TB), *Mycobacterium tuberculosis* (*M. tuberculosis*) bakterisinin neden olduğu havadan bulaşan bir hastalıktır. *M. tuberculosis* ve yedi yakından ilişkili mikobakteriyel tür *M. tuberculosis* kompleks (MTK) olarak bilinen kompleksi oluşturur. Tüberküloz tanısında mikroskopik inceleme ile aside dirençli basil (ARB) aranması, hızlı ve ucuz olmasına karşın, düşük duyarlılığa sahiptir. Kültür ise tanıda altın standart olup inkübasyon süresi 3-8 haftadır. Çalışmada MTK tanısında moleküler yöntemle konvensiyonel yöntemlerin karşılaştırılması amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ocak 2020 ve Temmuz 2024 tarihleri arasında, İzmir Katip Çelebi Üniversitesi, Atatürk Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarına, tüberküloz şüphesi ile gönderilen 2842 örnek retrospektif olarak incelenmiştir. Her numune için eş zamanlı ARB boyama ve kültür yapılmış, [Löwenstein Jensen besiyeri ve otomatize BACTEC MGIT 320 sistemi (Becton Dickinson, USA) ayrıca moleküler tanı için GeneXpert MTB/RIF Ultra (Cepheid, USA) (GX) kiti ile çalışılmıştır. Moleküler real-time PCR temelli GX sonuçları; eser miktarda, çok düşük, düşük, orta, yüksek düzey şeklinde semi-kantitatif olarak belirlendi.

Bulgular ve Sonuç: Araştırmaya dahil edilen, 2842 örneğin 178 tanesi [156 akciğer kökenli (AK), 22 akciğer dışı (AD)] (Tablo 1) GX testi ile pozitif saptandı. 178 numunenin 115'sinde MTK üremiş (%64,6) ve mikroskopik incelemenin 53'ünde (%29,8) ARB görülmüştür. GX testi ile pozitif saptanan 178 hastanın 122'si (%68,5) erkek, 56'sı (%31,5) kadındır. Hastalar 17-90 yaş aralığındadır (Ortalama 60 yaş). Örnekler en çok Göğüs Hastalıklarından (%61,8) sonrasında sırayla İç Hastalıkları (%9) ve Enfeksiyon Hastalıklarından (%5,6) gönderilmiştir. GX testi pozitiflik değeri arttıkça kültürde üreme ve ARB pozitifliğinin artmış olduğu görülmüştür. (Tablo 2) GX ile Rifampisin direnci saptanan 1 hasta olup fenotipik yöntemde de direnç saptanmıştır. GeneXpert MTB/Rif Ultra testi ile orta ve yüksek pozitiflik saptananlarda kültürde üreme ve ARB pozitifliğinin anlamlı derecede artmış olduğu görülmüştür. Gelen örneklerin en çok balgam örneği olduğu ve ortalama 60 yaş erkek hastalardan geldiği görülmüştür. Sonuç olarak kültür yöntemi altın standart olmasına rağmen moleküler yöntemlerin kolay uygulanabilirliği ve çok fazla deneyim gerektirmemesi, iki saat gibi kısa bir sürede doğrudan klinik örnekten MTK DNA'sı ve RIF direncini birlikte saptayabilmesi tüberküloz hızlı tanısında yardımcı olmaktadır.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1: Gönderilen örnek türleri

ÖRNEK TÜRÜ	SIKLIK (n)	YÜZDE (%)
BALGAM	112	62,9
BRONKOALVEOLAR LAVAJ	35	19,7
TRAKEAL ASPIRAT	9	5,1
BOS	1	0,6
DOKU BİYOPSİSİ	9	5,1
EKLEM	1	0,6
İDRAR	3	1,7
PERİKARD SIVISI	1	0,6
PERİTON SIVISI	2	1,1
PLEVRA SIVISI	2	1,1
ABSE	3	1,7
TOPLAM	178	100

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo2: GeneXpert MTB/RIF, kltr ve mikroskopi sonularının karşılařtırılması

	KLTR SONUCU (n)	KLTR SONUCU (n)	MİKROSKOPİ BAKISI (n/%)	MİKROSKOPİ BAKISI (n/%)
GX POZİTİFLİĞİ	MTK REDİ	MTK REMEDİ	POZİTİF	ARB GRLMEDİ
ESER MİKTARDA	3	25	1(1,88)	27(21,6)
OK DřK	7	12	0(0)	19(15,2)
DřK	58	23	17(32)	64(51,2)
ORTA	18	2	11(20,7)	9(7,2)
YKSEK	29	1	24(45,2)	6(4,8)
TOPLAM	115	63	53	125

Anahtar Kelimeler: Mycobacterium tuberculosis, Polimeraz zincir reaksiyonu, Rifampisin direnci

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 167

Comparison of the Intestinal Microbiota of the Patients With Urticaria and Healthy Controls: the Role of *Blastocystis*

Nurullah Ciftci¹, Salih Macin², Gülcan Saylam Kurtipek³, Ugur Arslan²

¹Kafkas University, Faculty of Medicine, Department of Medical Microbiology, Kars, Turkey

²Selcuk University, Faculty of Medicine, Department of Medical Microbiology, Konya, Turkey

³Selcuk University, Faculty of Medicine, Dermatology Department, Konya, Turkey

Introduction and purpose: Urticaria is a skin disease characterized by erythematous, edema, and itchy lost lesions. The size of lesions can change from 1mm to cm. The pathogen microorganisms located in the intestine starts various immunological reactions. Therefore, it is reported that *Blastocystis* itself or antigens can affect intestinal-related lymphoid tissue homeostasis and cause allergic reactions. This study aimed to investigate the effect of *Blastocystis* on the intestinal microbiota and the intestinal microbiota on urticaria.

Materials and Methods: In this study, 33 patients who were diagnosed with urticaria and 34 healthy control groups were included. All studies were carried out according to the manufacturer's recommendations. According to the manufacturer's instructions, 200 ± 20 mg of stool sample was used for DNA extraction using a ZymoBIOMICS DNA Stool Miniprep Kit (Zymo Research, ABD). The concentration of extracted DNA was determined using a photometer (Eppendorf AG, Germany). All statistical analysis was performed using R version 3.6.0 (The R Foundation for Statistical Computing, Vienna, Austria; <https://www.r-project.org>). An Independent sample t-test, Welch's t-test, or Mann-Whitney U test was run to determine whether there was a statistically significant difference between study groups in Shannon, Simpson, and Chao-1 index. A two-tailed p-value of less than 5% was considered statistically significant.

Findings and Conclusion: In our study, Proteobacteria (p=0.015), Bacteroidetes (p = 0.008), *Escherichia* (p= 0.005), *Phocaelcola* (p= 0.043), and *Provevella* (p= 0.047) bacteria were found to be statistically significant between the urticaria and healthy group. Bacteroidetes (p= 0.003) and *Phocaelcola* (p= 0.032) bacteria were statistically significantly different among the samples of *Blastocystis* detected/not detected. Whole microbiota analysis of *Blastocystis* positive/negative samples were detected as statistically significant differences (p= 0.009). In our study, Firmicutes/Bacteroides ratio was determined as 4.1 in healthy controls and 6.4 in patients with urticaria. According to the data we obtained, the F/B ratio in urticaria patients was higher than healthy individuals. However, statistically significant difference (p=0.22) was not detected between the study groups. As a result, both urticaria and *Blastocystis* significantly affect the intestinal microbiota. There are limited studies investigating the relationship between urticaria and intestinal microbiome in the literature; there is a need for more studies and studies with more samples to prove the effect of urticaria and blastocysts on microbiota.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Keywords: *Blastocystis*, Microbiota, Urticaria

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 168

Serbest Eczacıların Probiyotik Ürünler İle İlgili Farkındalıkları: Edirne İli Örneği

Özleyiş Mutluer¹, Gülcan Kuyucuklu¹, Fatma Kaynak Onurdağ²

¹Kırklareli Üniversitesi, Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Trakya Üniversitesi, Eczacılık Fakültesi, Farmasötik Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Probiyotikler, yeterli miktarda alındığında sağlığı olumlu yönde etkileyen canlı mikroorganizmalar şeklinde tanımlanmaktadır. Toplumumuzda probiyotikler ve tüketimi konusunda bilgi kirliliği bulunmaktadır. Probiyotik takviyelerinin pazarı hızla gelişmeye devam ederken, özellikle eczacıların bu konuda rehber olması ve danışanı doğru yönlendirmesi gerekmektedir. Bu çalışmada Edirne'deki serbest eczacıların probiyotik ürünler konusundaki farkındalıklarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Bu araştırma 2023 yılı Şubat-Mart aylarında Edirne ilindeki serbest eczacılarla yapılmıştır. Araştırma örneklemini 18-75 yaş aralığındaki 50 serbest eczacı (21 erkek ve 29 kadın) oluşturmaktadır. TÜTF-GOBAEK tarafından 2023/111 nolu etik kurul onayı alınmıştır. Çoktan seçmeli sorulardan oluşan anket formu araştırmacı tarafından yüz yüze görüşme ile elden, katılımcılar tarafından doldurulmuştur. Anketin ilk bölümünde katılımcıların demografik özelliklerini (mezuniyet yılı, cinsiyet) içeren, diğer bölümde ise katılımcıların probiyotik ve prebiyotiklerle ilgili bilgi düzeyini ölçen sorular sorulmuştur. Anket 15 sorudan oluşmaktadır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmada toplam 50 kişi yer almıştır. Katılımcıların %58 (n=29)'ini kadınlar, %42 (n=21)'sini erkekler oluşturmaktadır. Mezuniyet yılı 2005 yılı öncesi (lisans eğitim süresi 4 yıl) ve 2005 yılı ve sonrası (lisans eğitim süresi 5 yıl) olmak üzere iki grupta incelenmiştir. 2005 yılı öncesinde mezun olan katılımcılar %38 (n=19) ve 2005 yılı ve sonrasında mezun olan katılımcılar %62 (n=31) oranındadır. "Probiyotik ürünlerin birbirlerinden farkı olduğunu düşünmüyorum" ve "Probiyotiklerin kozmetik ürünlerde kullanılmasının yararlı olduğunu düşünüyorum" maddeleri hakkında doğru bilgi sahibi olan eczacılar mezuniyet yılına göre (2005 yılı öncesi-2005 yılı ve sonrası) değerlendirildiğinde aralarında anlamlı bir farklılık bulunmaktadır (sırasıyla; p=0.014, p=0.049). Cinsiyete göre değerlendirildiğinde anket sorularına verilen cevaplar arasında anlamlı bir farklılık bulunmamaktadır (p>0.05). Araştırmamıza katılan serbest eczacıların probiyotik ürünler hakkındaki farkındalıklarının orta düzeyde olduğu saptanmıştır. Kadın ve erkek serbest eczacıların probiyotik ürünler hakkında birbirine yakın düzeyde bilgi sahibi oldukları sonucuna varılmıştır. Mezuniyet yılına göre yapılan incelemede anket sorularına verilen doğru cevaplar karşılaştırıldığında ise 2005 yılı öncesinde mezun olan katılımcılar probiyotik ürünler hakkında genel bilgilere daha hakim iken, 2005 yılı ve sonrasında mezun olan katılımcıların probiyotiklerin kozmetik ürünlerde kullanımı gibi daha güncel bilgilere hakim oldukları söylenebilir. Eczacılarımızın gelişen sektör ile birlikte bu alandaki bilgilerini güncel tutmaları önem göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

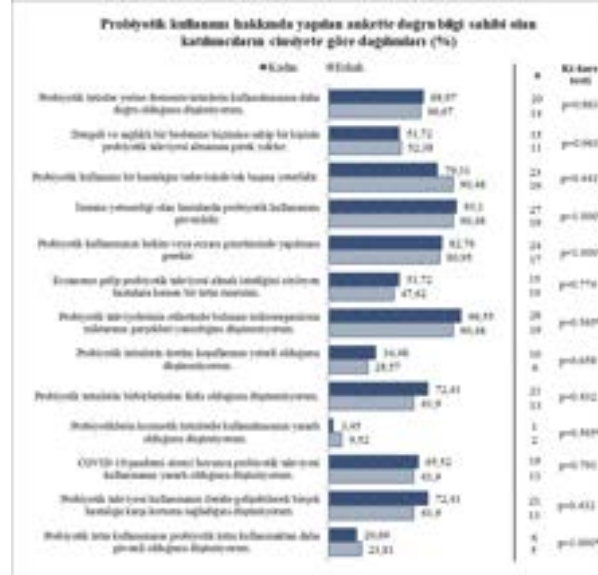
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



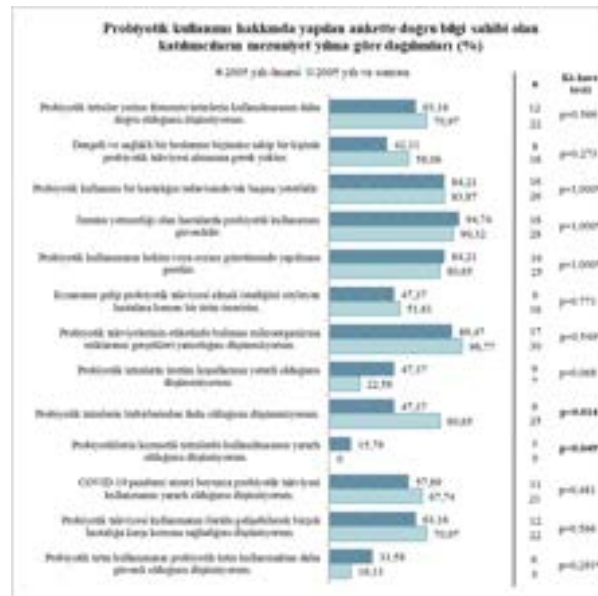
12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Probiyotik kullanımı hakkında yapılan ankette doğru bilgi sahibi olan katılımcıların cinsiyete göre dağılımları (%)



Probiyotik kullanımı hakkında yapılan ankette doğru bilgi sahibi olan katılımcıların mezuniyet yılına göre dağılımları (%)



Anahtar Kelimeler: Eczacı, fonksiyonel besin, probiyotik

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 169

Laboratuvarımıza Gönderilen Gaita Örneklerinde {*Cryptosporidium*} Spp. Tespit Edilen Hastaların Retrospektif Değerlendirilmesi

Filiz Demirel, Merve Gürler, Bedia Dinç

Ankara Bilkent Şehir Hastanesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniğı

Giriş ve Amaç: {*Cryptosporidium*} türleri tüm dünyada özellikle küçük çocuklar ve bağışıklık sistemi baskılanmış olan hastalarda önemli bir diyare etkenidir. Bugüne kadar insan ve hayvanlarda enfeksiyon yapan 20'den fazla {*Cryptosporidium*} türü tanımlanmıştır. İnsanlardaki enfeksiyonların büyük çoğunluğundan {*Cryptosporidium hominis*} ve {*Cryptosporidium parvum*} türleri sorumludur. Enfeksiyon, immün sistemi sağlam kişilerde asemptomatik olabileceğı gibi, bol sulu diyare, bulantı, kusma, ateş, karın ağrısı ve kilo kaybı gibi şikayetlere yol açabilir. İmmün sistemi baskılanmış kişilerde ise uzun süreli ve ölüme neden olabilen, kronik ve fulminan enfeksiyonlar görülebilir. Bu hastalarda aynı zamanda solunum yolu bulguları, kolesistit, hepatit, pankreatit gibi ekstraintestinal tutulumlar gelişebilir. Bu çalışmada Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'nda tespit edilen {*Cryptosporidium*} olgularının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na gönderilen gaita örneklerinde direkt mikroskopik inceleme, konsantrasyon sonrası mikroskopik inceleme, immunokromatografik hızlı antijen testi ve/veya multipleks real-time PCR yöntemleri ile *Cryptosporidium* spp. tespit edilen ve Kinyoun aside dirençli boyama yöntemi ile {*Cryptosporidium*} spp. ookistleri görlen hastalar retrospektif olarak değerlendirmeye alınmıştır. Hastalara ait demografik ve klinik veriler hastane bilgi yönetim sisteminden elde edilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Ocak 2024-Eyll 2024 tarih aralığında toplam 17 hastada {*Cryptosporidium*} spp. pozitifliğı tespit edilmiştir. Bu hastaların 10'u (%58,8) kadın, 7'si (%41,2) erkek olup yaş ortalamaları 24,5 (1-55)'tir. {*Cryptosporidium*} spp. saptanan hastaların tamamında kısa ya da uzun süreli ishal şikayeti olduğı belirlenmiştir. Hastaların sadece üçünde bağışıklık sistemi baskılanmışken, 14'ünde altta yatan herhangi bir hastalık bulunmamıştır. Hastalara ait demografik ve klinik veriler Şekil-1'de verilmiştir. {*Cryptosporidium*} türleri özellikle küçük çocuklar ve bağışıklık sistemi baskılanmış olan hastalarda hayatı tehdit eden enfeksiyonlara yol açarken bağışıklık sistemi sağlam hastalarda da diyare etkeni olarak karşımıza çıkabilmektedir. Bu nedenle özellikle uzamış ishali bulunan hastalarda akla gelmesi ve uygun tanı yöntemleri ile araştırılması önem taşımaktadır.

Şekil-1. Gaita örneklerinde {*Cryptosporidium*} spp. tespit edilen hastalara ait demografik ve klinik veriler

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Sıra no	Cinsiyet	Yaş	Klinik	Laboratuvar bulguları			İlaçlar	Yakın	İmmün yetmezlik durumu
				Poliyomavirüs reaktivitesi	Adale dirençli streptokok	Antijen test			
1	E	1	Çocuk gastroenteroloji	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
2	K	3	Genel pediyatri	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
3	K	12	Çocuk hematoloji	+	+	İmmün yok	Diare	Akut bakteriyel infeksiyon	Var
4	E	18	Çocuk onkolojik yoğun bakım	İmmün yok	+	+	İlaçlar yok	Akut apandisit	Yok
5	K	19	Enfeksiyon hastalıkları	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
6	E	22	Enfeksiyon hastalıkları	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
7	K	22	Enfeksiyon hastalıkları	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
8	E	23	İç Hastalıkları	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
9	K	24	İç Hastalıkları	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
10	K	27	Enfeksiyon hastalıkları	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
11	E	28	Aile hekimliği	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
12	K	28	İç Hastalıkları	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
13	K	30	Enfeksiyon hastalıkları	+	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
14	E	31	İç Hastalıkları	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
15	K	33	Aile Hekimliği	İmmün yok	+	+	Diare	Gastroenterit	Yok
16	K	39	Transplantasyon	+	+	+	Diare	Oral hastalık	Var
17	E	41	Enfeksiyon hastalıkları	+	+	İmmün yok	Diare	Akut immün yetmezlik	Var

Anahtar Kelimeler: *Cryptosporidium* spp, İmmün durum, Diare

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-170

Kritik Hasta Takibinin Yapıldığı Kliniklerde Verilen Kan Kültürü Eğitimlerinin Kalite İndikatörlerine Etkisi

Mehmet Dal¹, İpek Mumcuoğlu¹, Esra Tavukcu¹, Serap Süzük Yıldız¹, Tuba Dal¹

¹Dr. Abdurrahman Yurtaslan Ankara Onkoloji Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Kanserli hastalarda fırsatçı patojenler sıklıkla enfeksiyon etkeni olabildiği için bu hastalardan alınan kan kültürlerinde, etken kontaminant ayırımının yapılması oldukça zordur. Kontaminant bakterilerin etken olarak değerlendirilmesi; laboratuvar maliyetlerinin artmasına, klinisyenlerde kafa karışıklığına, ek testler istenmesine, hastanede kalış süresinin uzamasına, gereksiz antibiyotik tedavisine ve direnç artışına neden olmaktadır. Bu nedenle bu hasta grubunda kan kültürü alma süreçlerinin dikkatle uygulanması ve kalite indikatörlerinin takip edilmesi çok önemlidir. Bu çalışmada, prospektif olarak, kan kültürü alma eğitimlerinin kalite indikatörlerine etkisi incelenmiştir.

Gereç ve Yöntem: Tıbbi Mikrobiyoloji bölümü tarafından Hematoloji ve Anestezi yoğun bakım kliniklerinde kan kültürü alan tüm personele, yerinde uygulamalı eğitimler verilmiştir. Eğitimlerde doğru endikasyonla kan alınması, set kavramı, alınacak kan miktarı, iki aşamalı cilt temizliği, iğne ucunun değiştirilmemesi, şişelerin kapak temizliği ve kontrol listesinin kullanımı anlatılmış ve doğru olmayan uygulamalar sonucunda oluşan zararlar vurgulanmıştır. Eğitim öncesi 01.Temmuz-31.Aralık 2023 tarihleri ve sonrasında 01.Ocak-30.Haziran 2024 tarihleri arasında kalite indikatörleri arasındaki değişim izlenmiştir. Takip edilen kalite indikatörleri; pozitif kan kültürü oranı, set sayısı ve kontaminasyon oranıdır.

Bulgular ve Sonuç: Anestezi yoğun bakım (AYB) ve Hematoloji (HEM) kliniklerine ait, kan kültürü indikatörlerinin hesaplanmasında kullanılan parametreler Tablo 1.'de gösterilmiştir. Takip edilen indikatörlerde, eğitim öncesi ve sonrası değişim Tablo 2.'de verilmiştir. Eğitim sonrası dönemde pozitif kan kültürü oranı ve tek set alınan kan kültürü sayısı indikatörlerinde iyileşme izlenirken, bildirilen kontaminasyon oranının arttığı izlenmiştir. Eğitim sonrası, pozitif kan kültürü oranının hedef değer aralığına girmesi; doğru endikasyonla kan alımının arttığını göstermektedir. Tek set alınan kan kültürü sayısının azalması ve iki ve üzeri sayıda alınan kan kültürü set sayısının artması; etken-kontaminant ayırımı yapılmasını iyileştirmiştir. Eğitim sonrası dönemde kontaminasyon oranının yükselme sebebinin; kontaminasyonun gerçekten artması değil, eğitim öncesi dönemde set sayılarının ideal olmaması nedeniyle kontaminant ayırımının doğru yapılamaması olduğu düşünülmüştür. Eğitim sonrası izole edilen potansiyel kontaminant bakteri sayısının azalması bu düşüncemizi desteklemektedir. Sağlık personelinin sıklıkla değişmesi, iş yükünün fazlalığı nedeniyle gereken özenin gösterilememesi veya anlatılan bilgilerin unutulması gibi nedenlerle kan kültürü indikatörleri değişebilmektedir. Bu nedenle kliniklere, kan kültürlerinin sürekli iyileştirilmesine yönelik, tüm personele ulaşacak şekilde düzenli eğitim verilmeli ve sonuçlar kalite indikatörleri ile takip edilmelidir.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Tablo 1. Anestezi yoğun bakım (AYB) ve Hematoloji (HEM) kliniklerine ait, kan kültürü indikatörlerinin hesaplanmasında kullanılan parametreler

	01.07.2023-31.12.2023	01.01.2024-30.06.2024
Toplam hasta sayısı	898	972
Toplam şişe sayısı	7564	7126
Toplam Pozitif şişe sayısı	1054(264 hasta)	1156 (361 hasta)
Toplam Negatif şişe sayısı	6508 (704 hasta)	5970 (922 hasta)
Toplam kontamine şişe sayısı	132 (58 hasta)	238 (43 hasta)
Toplam tek set kan kültürü sayısı	224	176
Toplam iki ve üzeri set sayısı	674	796
Toplam kontaminasyon oranı	1.74%	3.33%
Toplam potansiyel kontaminant olan bakteri sayısı	519	416
AYB hasta sayısı	142	168
AYB toplam şişe sayısı	1216	1304
AYB Pozitif şişe sayısı	209 etken (61 hasta)	216 etken (79 hasta)
AYB Negatif şişe sayısı	972 (131 hasta)	1042 (151 hasta)
AYB kontamine şişe sayısı	35	46
AYB tek set kan kültürü sayısı	26	18
AYB iki ve üzeri set kan kültürü sayısı	116	150
AYB kontaminasyon oranı	2.3%	3.52%

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



AYB potansiyel kontaminant olan bakteri sayısı	122	94
HEM hasta sayısı	201	222
HEM toplam şişe sayısı	2267	2013
HEM Pozitif şişe sayısı	183 etken (75 hasta)	234 etken (62 hasta)
HEM Negatif şişe sayısı	1798 (180 hasta)	1720 (238 hasta)
HEM kontamine şişe sayısı	42	58
HEM tek set kan kültürü sayısı	36	20
HEM iki ve üzeri set kan kültürü sayısı	165	202
HEM kontaminasyon oranı	1,85%	2,88 %
HEM potansiyel kontaminant olan bakteri sayısı	87	62

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 2. Anestezi yoğun bakım (AYB) ve Hematoloji (HEM) kliniklerine ait, kan kültürü indikatörlerinin eğitim öncesi ve sonrasına göre değişimi

İNDİKATÖR	Eğitim Öncesi	Eğitim Sonrası	Eğitim Öncesi	Eğitim Sonrası
	AYB	AYB	HEMATOLOJİ	HEMATOLOJİ
Kan kültüründe pozitif sonuç oranı (Önerilen:%6-12)	17,2	16,6	8,1	11,6
Tek şişe alınan kan kültürü seti oranı	18,3	10,7	17,9	9,1
İki ve üzeri set kan kültürü alınma oranı	81,7	89,3	82,1	90,9
Kan kültürlerinde kontaminasyon oranı ($\leq$ %3)	2,3	3,5	1,9	2,9
Alındıktan sonra iki saat içinde laboratuvara teslim edilmeyen kan kültürü seti oranı	0	0	0	0

Anahtar Kelimeler: Kan Kültürü Eğitimleri, Kalite İndikatörleri, Etken-Kontaminasyon ayırımında numune kalitesi

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 171

Bolu İlinde Gastrointestinal Enfeksiyon Etkenlerinin Moleküler Yöntemlerle Araştırılması

Fatma Avcioğlu¹, Elif Soysal¹, Mustafa Behçet¹, Ayça Çisem Harre¹, Hakan Burak Çelik¹, Yusuf Afşar¹,
Muhammet Güzel Kurtuluş¹

Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi

Giriş ve Amaç: Enfeksiyöz gastroenteritler dünya çapında salgınlara neden olabilen bulaşıcı hastalıklar arasındadır. Tanıda genellikle mikroskopi, kültür ve antijen tespiti kullanılmaktadır. Son yıllarda, multipleks PCR paneli gibi yeni moleküler tanı testleri geliştirilmiştir. Geleneksel testlerden daha hızlı ve daha yüksek hassasiyete sahip olan bu yöntemle aynı anda birden fazla etken saptanabilir. Bu çalışmada, hastanemize başvuran hastalarda gastrointestinal enfeksiyon etkenlerinin belirlenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Mart 2023-Ağustos 2024 tarihleri arasında, Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na çeşitli kliniklerden gönderilen toplam 261 hastanın gastrointestinal sistem örnekleri çalışmaya dahil edildi. Çalışmada multipleks polimeraz zincir reaksiyonu (M-PCR) yöntemi (The BioFire FilmArray Gastrointestinal Panel (GI) (BioFire Diagnostics, Inc., Salt Lake City, UT, USA) ile etken varlığı; yaş, cinsiyet ve mevsimsel dağılım açısından retrospektif olarak incelendi. Çalışmada elde edilen verilerin istatistiksel analizinde Pearson'ın ki kare testi kullanıldı. İstatistiksel olarak anlamlılık düzeyi $p < 0.05$ olarak kabul edildi.

Bulgular ve Sonuç: Laboratuvarımıza gönderilen 9'u (%3.4) çocuk (≤ 18 yaş), 252'si (%96.6) erişkin (> 18 yaş) toplam 261 hastanın (134 kadın; %51.3, 127 erkek; %48.7) sonuçları değerlendirildi. Hasta örneklerinin 143'ünde (%54.8) bir veya birden fazla etken pozitifliği saptanırken, 118'inde (%45.2) etken saptanmadı. Etken pozitifliği bulunan hastaların %4.2'si çocuk, %95.8'i erişkin; %48.9'u kadın, %51.1'i erkek hastalar idi. Etken pozitifliği ile ($n=143$, %54.8), yaş grubu ($p=0.46$) ve cinsiyet ($p=0.39$) açısından istatistiksel olarak anlamlı ilişki bulunmadı. (Tablo 1) Etken pozitifliği bulunan hastaların mevsimlere göre dağılımı incelendiğinde, etkenlerin sıklık sırasıyla yaz ($n=52$, %36.4), sonbahar ($n=46$, %32.2), kış ($n=24$, %16.8) ve ilkbahar ($n=21$, %14.6) mevsiminde izole edildikleri tespit edildi. Etken pozitifliği ile mevsim ($p=0.09$) açısından istatistiksel olarak anlamlı ilişki bulunmadı. (Tablo 2) 143 örnekten izole edilen toplam 217 etkenin 175'ini (%80.6) bakteriyel etkenler, 37'sini (%17.1) viral etkenler, 5'ini (%2.3) paraziter etkenler oluşturdu. En sık saptanan ilk 5 etken Enteropathogenic *E.coli* (%21.2), Enteroaggregative *E.coli* (%15.2), Enterotoxigenic *E.coli* (%9.7), Shiga-like toxin-producing *E.coli* (%9.7) ve Norovirus GI/GII (%9.7) olarak belirlendi. *Vibrio*, *Yersinia enterocolitica*, *Cyclospora cayentanensis* ve *Entamoeba histolytica* hiçbir hastada saptanmadı. (Tablo 3) Sonuç olarak, çalışmamızda en sık saptanan gastrointestinal enfeksiyon etkenleri bakteriyel etkenler olarak görülmüş olup bakteriyel etkenler içerisinde ise en sık *E.coli* türleri bulunmuştur. Konvansiyonel laboratuvar yöntemleri ile gözden kaçması muhtemel olan etkenler açısından moleküler yöntemlerin önemine bu çalışma ile destek sağladığımızı düşünmekteyiz.

Tablo 1: Gastrointestinal sistem örneklerinin yaş ve cinsiyete göre dağılımı

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI. TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



	Etken saptanan (n=143)	Etken saptanmayan (n=118)	p ^a
Çocuk	6 (%4.2)	3 (%2.5)	0.46
Erişkin	137 (%95.8)	115 (%97.5)	
Kadın	70 (%48.9)	64 (%54.2)	0.39
Erkek	73 (%51.1)	54 (%45.8)	

Tablo 2: Etken pozitifliği olan hastaların mevsimlere göre dağılımı

	Etken saptanan (n=143)	Etken saptanmayan (n=118)	p ^a
İlkbahar	21 (%14.6)	31 (%26.3)	0.09
Yaz	52 (%36.4)	33 (%27.9)	
Sonbahar	46 (%32.2)	32 (%27.1)	
Kış	24 (%16.8)	22 (%18.7)	

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 3: Gastrointestinal sistem etkenlerinin hastalara göre dağılımı

	Etken	Hasta sayısı (%)
BAKTERİLER	Enteropathogenic <i>E.coli</i> (EPEC)	46 (%21.2)
	Enterotoxigenic <i>E.coli</i> (EPEC)	33 (%15.2)
	Enterotoxigenic <i>E.coli</i> (ETEC)	21 (%9.7)
	Shiga-like toxin-producing <i>E.coli</i> (STEC)	21 (%9.7)
	<i>Clostridium difficile</i> (toxin A/B)	19 (%8.8)
	<i>Salmonella</i>	13 (%5.9)
	<i>Campylobacter</i> (<i>C.jejuni</i> / <i>C.coli</i> / <i>C.upsaliensis</i>)	12 (%5.5)
	<i>Plesiomonas shigelloides</i>	7 (%3.2)
	<i>Shigella</i> /Enteroinvasive <i>E.coli</i> (EIEC)	3 (%1.4)
VİRÜSLER	Norovirus GI/GII	21 (%9.7)
	Rotavirus A	8 (%3.7)
	Adenovirus F40/41	3 (%1.4)
	Astrovirus	3 (%1.4)
	Sapovirus (I,II,IV,V)	2 (%0.9)
PARAZİTLER	<i>Cryptosporidium</i>	3 (%1.4)
	<i>Giardia lamblia</i>	2 (%0,9)
	Toplam	217 (%100)

Anahtar Kelimeler: Gastrointestinal sistem, Multipleks PCR, *E.coli*

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP-172

Cinsel Yolla Bulaşan Hastalıkların Tanısında PCR Tabanlı Yöntemlerin Değerlendirilmesi: İki Farklı PCR Kiti Üzerine Karşılaştırmalı Bir Çalışma

Özcan Sarbat¹, Mehmet Soylu¹, Candan Çiçek¹

¹Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi

Giriş ve Amaç: Cinsel yolla bulaşan hastalıklar (CYBH), bakteriyel, viral, paraziter ve mantar kaynaklı patojenlerin neden olduğu ve toplum sağlığını tehdit eden enfeksiyonlardır. Genellikle aynı anda birden fazla etkenin birliktelik gösterdiği ve genç erişkinlerde yaygın olan bu hastalıkların tanısı, doğru tedavi uygulanması ve bulaşmanın önlenmesi açısından büyük önem taşır. Son yıllarda, CYBH tanısında mikrobiyolojik testlerin kullanımı yaygınlaşmış ve moleküler biyoloji tabanlı yöntemler (PCR, real-time PCR) sayesinde daha hızlı ve duyarlı sonuçlar elde edilmiştir. Bu tanı yöntemlerinin doğruluk ve hız açısından avantajları dikkat çekmektedir.

Gereç ve Yöntem: Bu çalışma Ege Üniversitesi Tıp Fakültesi Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarında 23.07.2024-10.09.2024 tarihleri aralığında CYBH ön tanısı ile alınmış 52 genital sürüntü örneği üzerinde gerçekleştirilmiştir. Örneklerden nükleik asit izolasyonu Zybiox EXM3000 Nucleic Acid Isolation System ile yapıldıktan sonra laboratuvar rutin test sistemi olarak kullanılan QIAGEN Rotor-GeneQ ısı döngü cihazında 12 adet CYBH etkeni saptayabilen Access Bio Care-GENE STD kitiyle çalışılmıştır. Çalışmaları tamamlanmış nükleik asit izolatları alternatif sistem olarak BIO-RAD CFX96 ısı döngü cihazında 12 adet CYBH etkeni saptayabilen Bioeksan Bio-Speedy® Sexually Transmitted Infection RT-qPCR Panel kitiyle çalışılmış ve sonuçlar kaydedilmiştir. Elde edilen veriler listelenerek, etkenler karşılıklı olarak kıyaslanmış, sırasıyla benzerlik oranı hesaplaması ve Fleiss Kappa analizi yapılmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 52 hastanın 39 kadın (%75), 13 erkek(%25) cinsiyet, yaş ortalamaları 33,3 olarak saptandı. Rutinde kullanılan kit referans kabul edilmesi durumunda Bioeksan Bio-Speedy® kitinin duyarlılığı %89.58 saptandı. Her iki kit ile çalışma sonuçları Tablo-1'de paylaşıldı. Elde edilen sonuçların uyumunun değerlendirilmesinde; Fleiss Kappa katsayısı 0.892 (mükemmel uyum), ortalama benzerlik %90.3 saptandı. Rutin test sistemiyle pozitif olarak sonuçlanan olguların %59.5' inde (28/48) eşlik eden ek CYBH bulunmaktaydı (10 HIV, 3 sifiliz, 14 HPV, 1 olguda HIV ve sifiliz birlikteliği). İki ayrı kitte de saptanan etkenler tablo olarak ekte sunulmuştur(Tablo 1). Sonuç olarak, moleküler biyoloji tabanlı tanı yöntemlerinin kullanımı, CYBH' nin hızlı ve doğru bir şekilde tespit edilmesine olanak tanımakta ve böylece uygun tedavi planlaması ile bulaşmanın önlenmesine katkı sağlamaktadır. Bioeksan Bio-Speedy® kitinin yüksek duyarlılık ve uyum oranları, laboratuvar rutininde etkin bir tanı aracı olarak kullanılabileceğini göstermektedir. Gelecekte yapılacak daha geniş kapsamlı çalışmalarla bu bulguların desteklenmesi, CYBH ile mücadelede tanı yöntemlerinin geliştirilmesine önemli katkılar sağlayacaktır.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo1 - CYBH Saptanan Etkenler-1

Hasta No	Care Gene STD sonuçları	Bioeksen Bio-Speedy sonuçları	CYBH Ek
1	UP	UP	-
2	UP, GV	UP, GV	HPV
3	GV, UU, MH	GV, UU, MH	Sifiliz
4	UP, HSV-2	UP, HSV-2	HPV
5	GV, UP	GV, UP	HPV
6	UP	UP	Sifiliz
7	SAPTANMADI	SAPTANMADI	-
8	GV, UP	GV, UP	-
9	UU	UU	HIV
10	GV, UP, MH	GV, UP, MH	HPV
11	GV	GV	-
12	UP, GV	UP, GV	HPV
13	UP, GV	UP, GV	HPV
14	GV, UP	GV, UP	-
15	GV, UP	GV, UP	-
16	UP, HSV-2, MH	UP, HSV-2, MH	-
17	SAPTANMADI	SAPTANMADI	HIV
18	GV, UP, MH	GV, UP, MH	Sifiliz
19	UU	UU	HIV
20	GV, UU	GV, UU	HIV
21	UU, MH	UU, MH	HPV
22	SAPTANMADI	GV	-
23	SAPTANMADI	GV	-
24	UU	UU	-
25	CT, UU	CT, UU	-
26	UP	UP	-
27	MH, UP	MH, UP	-
28	TV	SAPTANMADI	HPV
29	SAPTANMADI	NG	HPV
30	GV	SAPTANMADI	HPV

Tablo1 - CYBH Saptanan Etkenler-2

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hasta No	Care Gene STD sonuçları	Bioeksen Bio- Speedy sonuçları	CYBH Ek
31	MH	MH	HIV
32	MH, UP	MH, UP	HIV
33	CT, UU	CT, UU	Sınırlı, 1.13.2
34	GV	GV	-
35	MH	MH	HIV
36	GV, UP	GV, UP	HIV
37	GV	GV	-
38	GV	GV	HPV
39	GV, UP	GV, UP	-
40	HSV-1, GV	HSV-1	HIV
41	MH, UP, GV	MH, UP, GV	-
42	UU, GV, HSV-2	UU, GV, HSV-2	-
43	GV	GV	HPV
44	GV, MH	GV, MH	HIV
45	GV, UP, MH	GV, UP, MH	HPV
46	GV, UP	GV, UP	HPV
47	GV	GV	-
48	UP	UP, GV	HPV
49	CT, MG, UP	CT, MG, UP	HIV
50	UP	SAPTANMADI	-
51	UP	UP	-
52	GV, UP, MH	GV, UP	-
GV: Gardnerella Vaginalis UP: Ureaplasma Parvum			
MH: Mycoplasma Hominis UU: Ureoplasma Urealyticum			
CT: Chlamydia Trachomatis TV: Trichomonas Vaginalis			
NG: Neisseria Gonorrhea MG: Mycoplasma Genitalium			
HSV-1 ve 2: Herpes Simplex Virus-1 ve 2			
HIV: Human Immunodeficiency Virus			
HPV: Human Papilloma Virus			

Anahtar Kelimeler: Cinsel Yolla Bulaşan Hastalıklar (CYBH), Kit Karşılaştırma, PCR

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Yayın No: EP - 173

**Bruselloz Laboratuvar Tanısında Rose Bengal, Coombs Jel ve ELISA Sonuçlarının Değerlendirilmesi;
Ankara Bilkent Şehir Hastanesi 5 Yıllık Verisi**

Ömer Uslu¹, Şenol Kurşun¹, Emrah Salman¹, Alparslan Toyran¹, Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²SBÜ Ankara Bilkent Şehir SUAM, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: Bruselloz; ateş, terleme, kas-eklem ağrıları ve uzun vadede sistemik tutulumlarla seyreden, sığır, domuz, keçi, koyun gibi hayvanları enfekte eden ve insanlara enfekte hayvanlarla doğrudan temas, kontamine hayvansal ürünlerin tüketimi veya havadaki etkenlerin solunmasıyla alınan, gram negatif Brucella türlerinin neden olduğu bir bakteriyel hastalıktır. Vakaların çoğu, pastörize edilmemiş süt veya peynir tüketimiyle ilişkilidir. Bruselloz, dünya genelinde yaygın bir zoonoz olup, ciddi halk sağlığı sorunlarına yol açar. Özellikle çiğ süt veya taze peynir tüketenler, çiftçiler, kasaplar, avcılar, veterinerler ve laboratuvar personeli risk altındadır. Bruselloz, her yaştan ve cinsiyetten insanı etkileyebilen ve çoğu ülkede rapor edilmesi gereken bir hastalıktır. Hastaların semptom ve bulguları her zaman karakteristik özellikte olmadığından tanı konmasında zorluklar yaşanmaktadır. Bu çalışmada klinik olarak brusellozdan şüphelenilen hastaların laboratuvara gönderilen örneklerinden çalışılan Rose Bengal, Coombs Jel ve Enzyme-Linked Immunosorbent Assay (ELISA) yöntemlerinin sonuçlarının değerlendirilmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Ankara Bilkent Şehir Hastanesi'nde 2019-2024 yılları arasında bruselloz şüphesiyle 37824 adet örnek Tıbbi Mikrobiyoloji laboratuvarına gönderilmiştir. Gönderilen örneklerden Rose Bengal (Tulip Diagnostics. Ltd. Goa, Hindistan), Coombs Jel (ODAK Brucella Coombs Gel Test, İSLAB Biyoteknoloji, İstanbul, Türkiye) ve ELISA (Euroimmun, Lubeck, Almanya) testlerinin (IgG veya IgM'den en az biri) birlikte çalışıldığı 8105 hasta verisi retrospektif olarak incelenmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya dahil edilen 8105 örnek içerisinde Rose Bengal testi ile negatif bulunan örnekler Coombs Jel testiyle %99,5, ELISA testleriyle de %97,8 oranında uyumluluk göstermiştir. Rose Bengal testi negatif olmasına rağmen Coombs Jel testiyle pozitif çıkan örnek sayısı 35 (%0,5), IgG ile 93 (%1,5), IgM ile 91 (%1,3) olarak bulunmuştur. Rose Bengal testi ile pozitif bulunan 810 örnekten Coombs testi ile 572 (%70,6) örnekte, ELISA testlerinden IgG ile 368 (%47,5) örnekte ve IgM ile de 241 (%30,2) örnekte pozitiflik saptanmıştır (Tablo-2). Coombs Jel testi ile pozitif saptanan 590 hasta örneğinden ELISA IgG ile de çalışılan 373 (%63,2) örnek pozitif, Coombs Jel testi ile pozitif saptanan 597 hasta örneğinden ELISA IgM ile de çalışılan 218 (%36,7) örnek pozitif olarak bulunmuştur (Tablo-3). Rose Bengal testi negatif örnekleri yüksek başarıyla tespit etmiştir. Coombs Jel testi ELISA testlerine oranla daha yüksek miktarda pozitiflik saptamıştır. Bu sonuçlar bize Coombs Jel testinin hem negatif hem pozitif hasta örneklerini oldukça başarılı bir şekilde tespit ettiğini göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Hastaların demografik özellikleri ve laboratuvar sonuçları

	n	%
Cinsiyet		
Erkek	4138	51,1
Kadın	3967	48,9
Yaş		
Ortalama $\pm$ SS	41,3 $\pm$ 22,9	
Medyan (Min. - Maks.)	42 (0 - 101)	
Rose Bengal (n=8105)		
Negatif	7295	90,0
Pozitif	810	10,0
Coombs (n=8105)		
Negatif	7498	92,5
Pozitif	607	7,5
Ig M ELISA (n= 8001)		
Negatif	7567	94,6
Ara değer	102	1,3
Pozitif	332	4,1
Ig G ELISA (n= 7584)		
Negatif	7035	92,8
Ara değer	88	1,2
Pozitif	461	6,1

Rose Bengal testi ile diğer testlerin karşılaştırılması

			Rose Bengal	
			Negatif	Pozitif
Coombs	Negatif	n(%)	7260 (90,5)	238 (29,4)
	Pozitif	n(%)	36 (0,5)	572 (70,6)
ELISA IgG	Negatif	n(%)	6660 (97,8)	375 (4,8)
	Ara Değer	n(%)	52 (0,7)	36 (4,5)
	Pozitif	n(%)	80 (1,1)	368 (47,5)
ELISA IgM	Negatif	n(%)	7546 (97,8)	521 (6,2)
	Ara Değer	n(%)	66 (0,8)	37 (4,6)
	Pozitif	n(%)	91 (1,3)	241 (30,2)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Coombs Jel testi ile diğer testlerin karşılaştırılması

				Coombs	
				Negatif	Pozitif
Rose Bengal	Negatif	n (%)	7260 (96,8)	35 (5,8)	
	Pozitif	n (%)	238 (3,2)	572 (94,2)	
ELISA IgG	Negatif	n (%)	6853 (96)	182 (30,8)	
	Ara Değer	n (%)	53 (0,75)	35 (6)	
	Pozitif	n (%)	88 (1,25)	373 (63,2)	
ELISA IgM	Negatif	n (%)	7214 (97,4)	353 (59)	
	Ara Değer	n (%)	76 (1)	26 (4,3)	
	Pozitif	n (%)	114 (1,6)	218 (36,7)	

Anahtar Kelimeler: Coombs Jel Test, ELISA, Bruselloz Tanı

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 174

Elektrokemilüminesans İmmünoassay (ECLIA) Ve Kemilüminesans İmmünoassay (CLIA) Yöntemleri İle Çalışılan Prokalsitonin Test Sonuçlarının Karşılaştırılması

Yaren Şekercioğlu, Fatma Çankaya, Gül Aydın Tıgılı, Aylin Erman Daloğlu, Yeşim Çekin, Hatice Nevgün Özen

Antalya Eğitim ve Araştırma Hastanesi

Giriş ve Amaç: Prokalsitonin (PCT), tiroid bezinde üretilen ve normal plazma konsantrasyonları 0.1 µg/l'nin altında olan bir prohormondur. Bakteriyel enfeksiyonların varlığında düzeyleri yükseldiği için sepsisin erken tanısında, prognoz tayininde ve tedaviye yanıtın değerlendirilmesinde sıklıkla kullanılan bir biyobelirteçtir. Serum PCT ölçümünde enzim bağlı immünofloresan, kemilüminesans immünoassay (CLIA) ve elektrokemilüminesans immünoassay (ECLIA) gibi yöntemler kullanılır. Bu çalışmada ECLIA ve CLIA olmak üzere iki farklı yöntemin PCT sonuçlarını karşılaştırmayı amaçladık.

Gereç ve Yöntem: Antalya Eğitim ve Araştırma Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Laboratuvarı'na 2024 Mart ayında çeşitli klinik birimlerden PCT çalışılması istemiyle gönderilen 83 hasta örneği çalışmaya dahil edilmiştir. Prokalsitonin düzeylerinin ölçümü, ECLIA yöntemini kullanan Cobas E601 (Roche Diagnostics, Almanya) sisteminin Elecsys BRAHMS PCT kiti ve CLIA yöntemini kullanan iFlash 1800 (YHLO, Çin) sisteminin iFlash-PCT kiti ile üretici firmaların önerileri doğrultusunda eş zamanlı olarak gerçekleştirilmiştir. Üretici firmalar tarafından sepsis için belirlenen eşik değer ECLIA yönteminde 2.00 ng/ml, CLIA yönteminde ise 0.5 ng/ml'dir. Belirlenen eşik değer üzerindeki değerler yüksek riskli, altındaki değerler düşük riskli hasta grubu olarak sınıflandırılmaktadır. Kantitatif sonuçların karşılaştırılması Spearman's rho korelasyon analizi ile gerçekleştirilmiştir.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmaya katılan 52'si (%62.7) erkek 83 hastanın yaş ortalaması 53.49 ± 22.43 (aralık: 2-87) olarak hesaplanmıştır. Elde edilen kantitatif sonuçların CLIA ve ECLIA yöntemleri için ortalaması sırasıyla 0.77 (aralık: 0.02-26.60), 0.79 (aralık: 0.02-29.16) olarak bulunmuş ve iki yöntemin karşılaştırılmasında çok kuvvetli korelasyon saptanmıştır (Spearman's rho=0.977, p<0.001). Elde edilen kantitatif sonuçların ortalamalarına karşı farklarının saçılımı Bland-Altman plot grafiği ile incelenmiştir ve ECLIA ile CLIA yönteminden minimal daha yüksek ölçümler yapılmış, ortalama fark 0.013 ng/mL olarak bulunmuştur. Prokalsitonin sonuçları değerlendirilen 83 hastanın 70'i her iki yöntemle düşük riskli, beşi her iki yöntemle yüksek riskli bulunurken sekiz hasta CLIA yöntemiyle yüksek, ECLIA yöntemiyle düşük riskli olarak saptanmıştır. Elektrokemilüminesans immünoassay yönteminde CLIA yönteminden farklı olarak düşük riskli saptanan sekiz hastanın kantitatif sonuçlarının eşik değere yakın olduğu tespit edilmiştir (Tablo 1). Bu çalışmanın sonuçlarına göre her iki yöntemin kantitatif sonuçlarının kuvvetli korelasyon gösterdiği gözlenmektedir. Ayrıca ECLIA yönteminde eşik değere yakın değerlerin de riskli olabileceğinin göz önünde bulundurulması önerilebilir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1

Tablo 1: CLIA VE ECLIA yöntemlerine göre prokalsitonin sonuçları

	CLIA		ECLIA	
	Kantitatif Sonuç	Risk Grubu (0.5 ng/ml)	Kantitatif Sonuç	Risk Grubu (3.00 ng/ml)
Hasta 1	0.51	Yüksek	0.54	Düşük
Hasta 2	0.61	Yüksek	0.71	Düşük
Hasta 3	0.90	Yüksek	0.77	Düşük
Hasta 4	0.71	Yüksek	0.78	Düşük
Hasta 5	0.67	Yüksek	1.00	Düşük
Hasta 6	0.98	Yüksek	1.09	Düşük
Hasta 7	0.93	Yüksek	1.11	Düşük
Hasta 8	1.39	Yüksek	1.54	Düşük
Hasta 9	2.51	Yüksek	2.25	Yüksek
Hasta 10	2.65	Yüksek	3.08	Yüksek
Hasta 11	4.72	Yüksek	3.74	Yüksek
Hasta 12	11.01	Yüksek	9.79	Yüksek
Hasta 13	26.60	Yüksek	29.18	Yüksek

Anahtar Kelimeler: elektrokemilüminesans immünoassay, kemilüminesans immünoassay, prokalsitonin

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 175

Pozitif Sinyal Veren Kan Kültürü Şişelerinde EUCAST Doğrudan Hızlı Antimikrobiyal Duyarlılık Testi Yönteminin Değerlendirilmesi

Yeliz Tanrıverdi Çaycı¹, Banu Sancak², Muhammet Samet Emre Daştan¹, Asuman Birinci¹

¹Ondokuz Mayıs Üniversitesi Tıp Fakültesi Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

²Hacettepe Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı

Giriş ve Amaç: Sepsise neden olan mikroorganizmaların antimikrobiyal duyarlılık profilinin mümkün olan en kısa sürede bilinmesi klinik açıdan kritik öneme sahiptir. Bu çalışmanın amacı, EUCAST hızlı antimikrobiyal duyarlılık testi yönteminin klinik mikrobiyoloji laboratuvarlarındaki performansını değerlendirmektir.

Gereç ve Yöntem: Laboratuvarımıza rutin inceleme için gönderilen çeşitli örneklerden izole edilen, her bir bakteri grubundan dörder tane olmak üzere *K. pneumoniae*, *A. baumannii*, *P. aeruginosa*, *Enterococcus* türleri, *S. aureus* ve *S. pneumoniae* izolatları test edildi, ayrıca referans ATCC suşları da kullanıldı. İzolatlar EUCAST HADT önerileri doğrultusunda hazırlanarak BC60 otomatik kan kültürü sistemi (Autobio, Çin) kan kültürü şişelerine eklenerek cihaza yüklendi ve üreme sonrasında RAST protokolüne göre çalışıldı ve sonuçlar değerlendirildi.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamızda elde ettiğimiz HADT'nin sonuçlanma süreleri; *K. pneumoniae*, *A. baumannii* ve *S. pneumoniae* izolatları için dört saatte, *E.coli*, Enterokok, *P. aeruginosa* ve *S. aureus* izolatları için altı saat olarak tespit edilmiştir. Çalışmada elde edilen sonuçların ortalama kategorik uyumları disk difüzyon yöntemiyle karşılaştırıldığında; *E. coli* izolatları için 4. saatte %77.2, 6. saatte %83.8, 8. saatte %88.75; *K. pneumoniae* izolatları için 4. saatte %77.3, 6. saatte %86.6, 8. saatte %86.6; *E. faecium* izolatları için 4. saatte %87.5, 6. saatte %90, 8. saatte %100; *E. faecalis* izolatları için 4. saatte %53.3, 6. saatte %66.6, 8. saatte %66.6; *A. baumannii* izolatları için 4. saatte %91.4, 6. saatte %92.5, 8. saatte %95; *P. aeruginosa* izolatları için 6. saatte %63.6, 8. saatte %80; *S. pneumoniae* izolatları için 4. saatte %80, 6. saatte %66.6, 8. saatte %73.3; *S. aureus* izolatları için 4. saatte %56.5, 6. saatte %88.8, 8. saatte %88.8 olarak bulunmuştur. EUCAST doğrudan hızlı antibiyotik duyarlılık testi yöntemi kullanılarak altıncı ve sekizinci saatteki okumanın kan kültürlerinde antimikrobiyal duyarlılık sonuçlarını önceden tahmin etmek için tıbbi mikrobiyoloji laboratuvarlarında uygulanabileceğini göstermektedir.

Anahtar Kelimeler: kan kültürü, EUCAST HADT, direnç

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 176

Rize Genelindeki İçme ve Kullanma Sularından İzole Edilen Antibiyotik Dirençli *Klebsiella* spp. İzolatlarında Lizojenik Bakteriyofaj İzolasyonu

Şengül Alpay Karaoğlu¹, Gülşen Uluçam Atay², Arif Bozdeveci¹, Serdar KUŞTUL³, Seçkin Karaoğlu³, M. Halit Baykal³, Mustafa Tepe⁴

¹RTEÜ Fen Edebiyat Fakültesi Biyoloji Bölümü, Moleküler Biyoloji ABD-Rize

²RTEÜ Sağlık Hizmetleri Meslek Yüksekokulu Tıbbi Hizmetler ve Teknikler Bölümü-Rize

³Rize Halk Sağlığı Hizmetleri Başkanlığı

⁴Rize İl Sağlık Müdürlüğü

Giriş ve Amaç: Sularda patojen bakterilerin varlığı sporadik ya da salgınlar şeklindeki enfeksiyonların ortaya çıkması açısından değil virulans genleri ile direnç genlerinin bakteriler arasında yayılması ve aralarında aktarılması açısından önemlidir. Bu nedenle çevre kökenli bakterilerden izole edilen litik ve lizojenik aktiviteli fajların, su kaynaklı özellikle Gram-negatif enterik bakterilerin virulans ve/veya antibiyotik direnç genlerini taşıması ve bakteriler arasında aktarmasında önemli bir aracı olduğu bilinmektedir. Virulans/direnç geni taşımayan fajların potansiyel bir alternatif mücadele yöntem olarak kullanımı gündeme getirilmiştir. Çalışmamızın amacı, Rize genelindeki içme ve kullanma sularından izole edilen antibiyotik dirençli toplam 50 *Klebsiella* spp. izolatında lizojenik fajların izole edilmesi ve yukarıda belirtilen esaslar açısından karakterizasyonunun yapılmasıdır.

Gereç ve Yöntem: RTEÜ-BAP (TSA-2024-1609) tarafından desteklenen çalışmamız, Mayıs 2019-2020 arasında Rize il genelinde 784 istasyondan alınan su örneklerinde gerçekleştirildi. Chromogenic Coliform Agar besiyerlerinde kontaminasyon sayısı belirlenen 2167 su örneği incelendi. Konvansiyonel yöntemlerle 400 *Klebsiella* spp. izolatı tek koloni ekim yöntemiyle EMB agara pasajlandı. Disk difüzyon ve mikrodilüsyon yöntemleriyle antibiyotik direnci belirlenen 50 izolat çalışma kapsamına alındı. Taze kültürden LB sıvı besiyeri içine 1/100 oranında yapılan sub-kültürler 2-4 saat (OD₆₀₀ nm=0,2) inkübasyondan sonra Mitomisin-C (0,2 µg/mL) eklenerek 24 saat 150-rpm çalkalamalı inkübatörde inkübasyona bırakıldı. Mitomisin-C ile indüklenen kültürlerin profaj indüksiyonu ve bakterilerin liz aşamaları gözlemlendi. Bakteriyofaj plaklarının ve konak aralıklarının belirlenmesi için 50 adet izolata kross enfeksiyon/spot assay yapılarak fajlar belirlendi. Lizat damlatılan alanlarda konak bakterinin üremediği şeffaf alan oluşması bakteriyofaj varlığı olarak yorumlandı. Bakteriyofajların major yapısal proteinlerini belirlenmesi için saflaştırılmış lizatlara SDS-PAGE uygulandı. Geçirimli elektron mikroskopunda (Transmission Electron Microscope) negatif boyama tekniği ile fajların morfolojik yapıları belirlenmesi için gridler hazırlandı ve analiz sürecine alındı.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

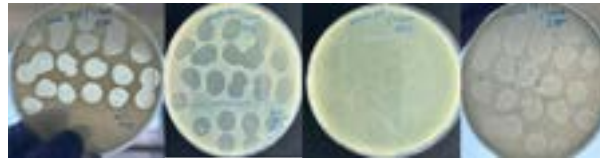
XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bulgular ve Sonuç: Çalışmada toplam 50 *Klebsiella* spp. izolatı Mitomicin-C indüksiyon, kros ve spot assay ile taranmıştır. Toplam dört adet izolatta bakteriyofaj varlığı, 0.2-0.5 mm bulanık ve şeffaf plak morfolojisinin gözlenmesiyle teyit edildi (Şekil 1). Lizojenik faj belirlenen dört izolata antibiyotik direnci profili incelendiğinde dört-altı farklı antibiyotiğe dirençli oldukları gözlemlendi (Tablo 1). SDS-PAGE analizi ile yapısal protein büyüklükleri Şekil 2’ de verilmiştir. Çalışmamızın devam eden sürecinde izole edilen fajların su kaynaklı enfeksiyon etkeni olan *Klebsiella* spp. izolatları arasında virulans/antibiyotik direnç geni taşımayan fajların varlığının belirlenmesi ya/yada potansiyel faj terapi ajanı olarak kullanılabilecek fajların belirlenmesi ve rezerve edilmesi sağlanmış olacaktır.

Şekil 1. Çift katlı LB agar besiyerinde spot assay ile lizojenik bakteriyofajların konak üzerindeki faj plak morfolojilerinin görüntüleri



Şekil 2. Faj SDS-PAGE jel görüntüsü (M; 10-200 kDa marker, B; bant)

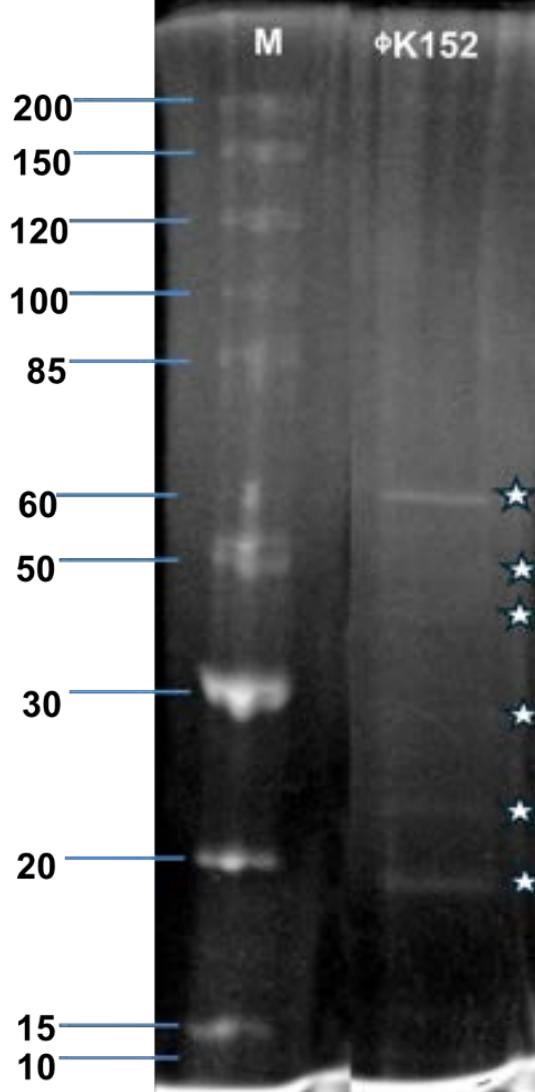
13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Tablo 1. Lizojenik faj belirlenen *Klebsiella* spp. izolatları ve antibiyotik direnç profilleri

Şuş No	Direnç Tespit Edilen Antibiyotikler
K37	Ampisilin, Sefazolin, Sefotaksim, Trimetoprim/sulfametoksazol, Nalidiksik asit, Kloramfenikol
K64	Ampisilin, Sefazolin, Sefotaksim, Trimetoprim/sulfametoksazol, Kloramfenikol
K152	Ampisilin, Sefazolini, Sefotaksim, Trimetoprim/sulfametoksazol, Nalidiksik asit
K181	Sefazolin, Trimetoprim/sulfametoksazol, Gentamisin, Aztreonam

Anahtar Kelimeler: *Klebsiella* spp., Antibiyotik direnci, Faj izolasyon ve karakterizasyonu

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 177

Fekal Kalprotektin Düzeyi ile Gastrointestinal Sistem Enfeksiyonları Arasındaki İlişkinin Araştırılması

Ezgi GÖZÜN ŞAYLAN¹, Okan AYDOĞAN², Arkut Berkin YETİM², Türkan YİĞİTBAŞI¹, Ayşegül ÇOPUR ÇİÇEK²

¹İstanbul Medipol Üniversitesi Genetik Hastalıklar Değerlendirme Merkezi, İstanbul, Türkiye

²İstanbul Medipol Üniversitesi Tıp Fakültesi, Tıbbi Mikrobiyoloji Anabilim Dalı, İstanbul, Türkiye

Giriş ve Amaç: Gastroenteritler, enfeksiyon kaynaklı tüm ölümler arasında üçüncü sırada yer almaktadır. GİS enfeksiyonu etkenlerinin dağılımının bilinmesi, doğru tanı ve etkin tedavi açısından önemlidir. Kalprotektin, immunomodülatör, antimikrobiyal ve antiproliferatif etkilere sahip sitozolik bir proteindir. Enfeksiyon, inflamasyon ve malignitelere kalprotektin seviyesi artar. Bağırsak enflamasyonunda fekal kalprotektin seviyeleri artar. Bu nedenle kronik ishalin inflamatuvar nedenlerini inflamatuvar olmayan nedenlerden ayırmada yararlı olabilir. Çalışmamızın amacı kalprotektin test istemiyle rutin olarak laboratuvarımıza gönderilen gaita örneklerinden RT-qPCR yöntemiyle GİS enfeksiyonu etkenlerinin araştırılmasıdır. Çalışmamızın kısıtlılığı diğer enflamasyon bulguları ve belirteçleriyle uyumun değerlendirilememesidir.

Gereç ve Yöntem: Çalışmamıza fekal kalprotektin test istemiyle laboratuvarımıza gönderilen 116 hastanın gaita örneği dahil edildi. Fekal kalprotektin düzeyleri ELISA tabanlı bir test olan Alegria Calprotectin ile belirlendi. GİS enfeksiyonu etkenleri ise duyarlılığı %98,93, özgüllüğü ise %99,14 olarak bildirilen Bio-Speedy® Gastroenterit RT-qPCR MX-24T Panel (Bioeksen, Türkiye) ile araştırıldı.

Bulgular ve Sonuç: Çalışmamıza dahil edilen katılımcıların demografik verileri ile ortalama kalprotektin düzeyleri Tablo 1’de verildi. 18 (%15,51) örnekte hem kalprotektin hem de GİS paneli pozitifliği saptandı. En sık saptanan bakteriyel etkenler EPEC, EHEC ve EAEC (17 hasta; %14,65) gibi *Escherichia coli* serotipleriydi. En sık saptanan viral etken Norovirüs, paraziter etken ise *Entamoeba histolytica* olarak belirlendi. 56 (%48,27) hastada hem kalprotektin hem de GİS paneli negatifliği saptandı. Kalprotektin testi pozitif olan 45 hastanın %60’ında (27) GİS panel sonucu negatif olarak belirlendi. Kalprotektin pozitifliği ile GİS paneli sonuçları arasında anlamlı bir ilişki bulunamadı ($p>0.05$). Fekal kalprotektin düzeyleri, viral, bakteriyel ve paraziter gastrointestinal enfeksiyonlar sırasında artabilir, ancak bu artışın derecesi enfeksiyonun tipine ve şiddetine bağlı olarak değişebilmektedir. Mevcut çalışmalar bakteriyel, viral ve paraziter enfeksiyonlarda kalprotektin düzeylerinin farklılığına vurgu yapsa da çalışmamızın sonuçları enfeksiyon tipi ile kalprotektin düzeyi arasında bir ilişkinin varlığına işaret etmemektedir. GİS enfeksiyon etkenleri ile kalprotektin düzeyi arasındaki ilişkinin varlığının gösterilebilmesi için klinik korelasyonla birlikte daha geniş ve ileri çalışmalarla değerlendirilmesi gerekmektedir. Bu nedenle, fekal kalprotektin düzeylerinin enfeksiyon etkenleri için belirteç olarak kullanılmasından ziyade enflamasyonun şiddetini değerlendirmede yardımcı olabileceğini düşünmekteyiz.

**13-17 Kasım
2024**

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

**XLI TRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ**

**12. Ulusal Molekler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi**



Hastaların demografik verileri ve ortalama kalprotektin dzeyleri

	N	Kalprotektin (ort)
Cinsiyet		
Erkek	62 (%53,44)	153,2 µg/g
Kadın	54 (%46,56)	174,9 µg/g
Toplam	116	163,3 µg/g
Yaş		
Pediyatrik	28 (%24,13)	213,6 µg/g
Erişkin	88 (%75,87)	147,3 µg/g
Toplam	116	163,3 µg/g

Anahtar Kelimeler: Kalprotektin, Gastroenterit Paneli, RT-qPCR

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Yayın No: EP - 178

2019-2024 Yılları Arasında Ankara Bilkent Şehir Hastanesine Başvuran Hastaların TORCH Enfeksiyonları Seroprevalansı ve Demografik Özellikleri

Sümeyye İnayet Cebeci¹, Fatma Şahin¹, Şenol Kurşun¹, Alparslan Toyran¹, Bedia Dinç²

¹Ankara Bilkent Şehir Hastanesi Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

²SBÜ Ankara Bilkent Şehir SUAM, Tıbbi Mikrobiyoloji Kliniği

Giriş ve Amaç: TORCH akronimi; gebelikte komplikasyonlara neden olabilen Toxoplasma gondii (T. gondii), Rubella virüsü ve Sitomegalovirüs (CMV) gibi etkenleri içeren bir grup patojeni temsil etmektedir. Gebelerde TORCH enfeksiyonları genellikle asemptomatik seyretmektedir. Ancak fetusa vertikal yollarla bulaş olması ağır komplikasyonlar ile sonuçlanabilmektedir. TORCH enfeksiyonlarının taranması; etkene spesifik IgG ve IgM antikorlarının tespiti ile mümkün olup toplum bağışıklığı, aşılama durumu ve risk altındaki grupların belirlenmesi açısından önemlidir. Ayrıca, tarama testleri konjenital enfeksiyonların erken tanısı ve tedavisi için imkan sağlamaktadır. Bu çalışmada, 01.01.2019-30.06.2024 tarihleri arasında Ankara Bilkent Şehir Hastanesine başvuran hastaların serum örneklerinde T. gondii, Rubella ve CMV'ye özgül IgG ve IgM seropozitifliğinin retrospektif olarak değerlendirilmesi ve hastaların demografik özelliklerinin incelenmesi amaçlanmıştır.

Gereç ve Yöntem: Hastanemize belirtilen tarihlerde başvuran hastaların anti-Toxoplasma, anti-Rubella ve anti-CMV IgM ve IgG antikor sonuçları retrospektif olarak analiz edilmiştir. Birden fazla sonucu olan hastaların ilk sonucu çalışmaya alınmıştır. Seroprevalansa ait demografik özelliklerin belirlenmesi amacıyla hastalar cinsiyetleri ve yaşlarına (0-4, 4-14, 15-29, 30-49, 50-69, 70 yaş ve üzeri) göre sınıflandırılmıştır. Anti-Toxoplasma, anti-Rubella ve anti-CMV IgM ve IgG antikorları; Atellica IM Analyzer (Siemens, Almanya) markalı cihazda, firmanın önerilerine uygun olarak kemoluminesans ELISA yöntemiyle çalışılmıştır. Referans aralıklarına göre ara değer ve pozitif olarak saptanan IgM numuneleri; VIDAS(Biomerieux, Fransa) markalı cihazda, firmanın önerileri doğrultusunda ELFA yöntemiyle tekrar çalışılmış ve ikinci çalışmanın sonuçları raporlanmıştır.

Bulgular ve Sonuç: Çalışılan toplam 510.073 test sonucunda; T. gondii, Rubella, CMV'ye özgül IgM ve IgG seropozitiflik oranları sırasıyla %0.4/%17.3, %0.3/%94.6, %0.6/%95.5 (Tablo 1-3) olarak tespit edilmiştir. Her üç etken için IgM ve IgG pozitifliğinin oransal olarak en yüksek olduğu grup 30-49 yaş arası kadınlardır. Bu yaş grubundaki kadınlarda test istem sayısının da en yüksek düzeyde olduğu dikkat çekmektedir. Rubella ve CMV seropozitifliği hem IgM hem IgG açısından 5-14 yaş arası erkeklerde pik yapmıştır. Anti-toxoplasma IgM en yüksek oranda 15-29 yaş erkeklerde, IgG ise 50-69 yaş arası erkeklerde pozitif bulunmuştur. Çalışmamızdaki TORCH enfeksiyonları seroprevalansı verileri; İstanbul'da (Demir ve ark.-2020) ve İzmir'de (Bağcı ve ark.-2022) yapılan çalışmalar ile büyük oranda uyumluluk göstermektedir.

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ

12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



Bu uyumun, üç büyükşehrin demografik özelliklerinin benzerliği ile açıklanabileceği düşünülmektedir. Hastanemizin bölgesel konumu ve laboratuvarımızın geniş test hacmi göz önüne alındığında, çalışmamızın sonuçlarının Ankara ili ve çevresindeki illerde yaşayan popülasyonun TORCH grubu seropozitifliğini olabildiğince objektif olarak yansıttığını düşünmekteyiz.

Tablo 1

Yaş	Toksoplazma IgG	İstanbul				Ankara			
		n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)
0-17	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
18-29	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
30-39	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
40-49	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
50-59	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
60-69	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
70-79	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
80-89	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
90-99	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
TOTAL	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)

Toxoplasma gondii seroprevalans oranlarının yaşa ve cinsiyete göre dağılımı

Tablo 2

Yaş	Toksoplazma IgG	İstanbul				Ankara			
		n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)	n (%)
0-17	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
18-29	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
30-39	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
40-49	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
50-59	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
60-69	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
70-79	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
80-89	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
90-99	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)
TOTAL	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)	100 (100)	10/10	100 (100)	100 (100)	100 (100)

13-17 Kasım
2024

Royal Seginus Hotel,
Antalya

www.tmc2024.org

XLI TÜRK
MİKROBİYOLOJİ
KONGRESİ



12. Ulusal Moleküler ve
Tanısal Mikrobiyoloji Kongresi



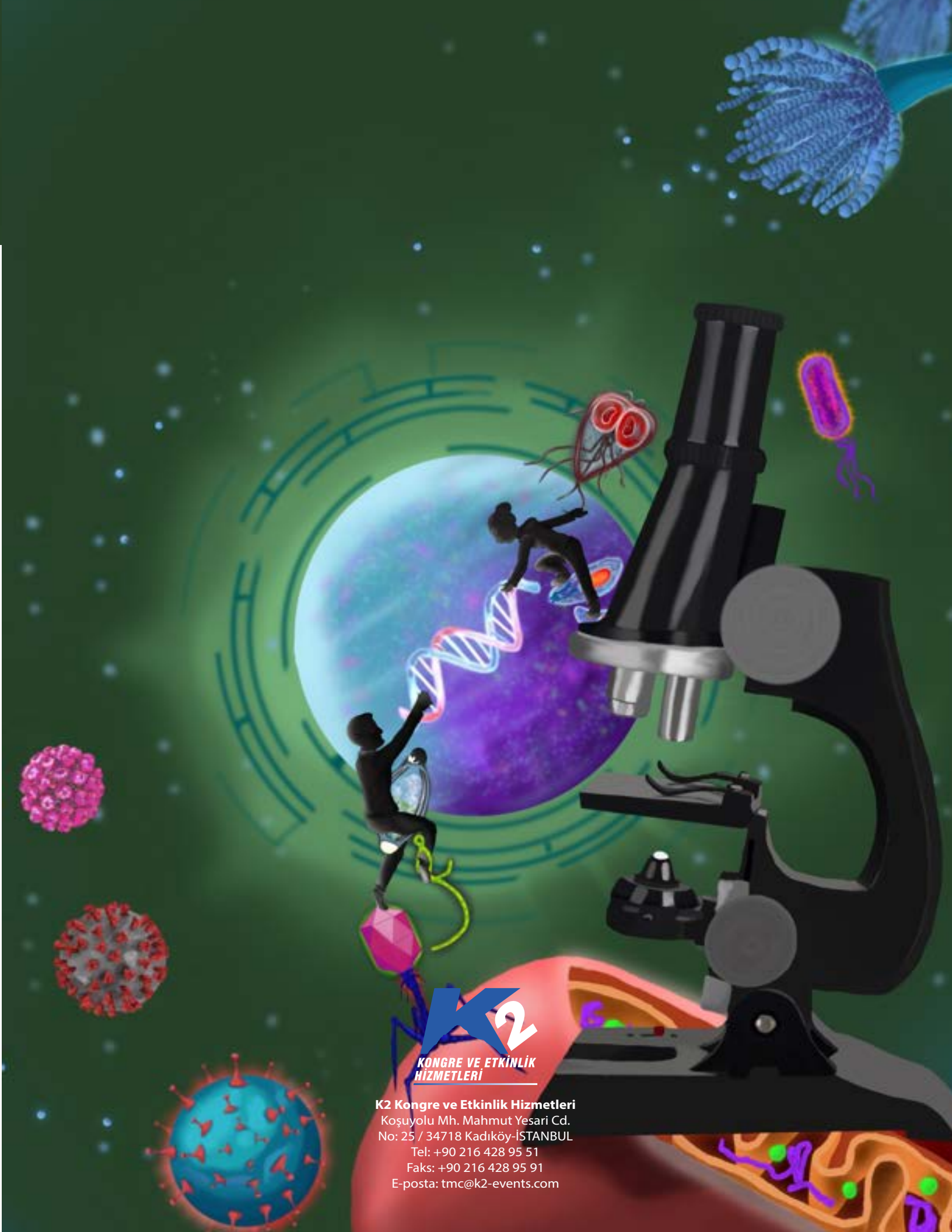
Rubella seroprevalans oranlarının yaşa ve cinsiyete göre dağılımı

Tablo 3

Yaş (Y)	Kadın (n=1000)				Erkek (n=1000)			
	0-4	5-9	10-14	15-19	0-4	5-9	10-14	15-19
0-4	950 (95.0)	900 (90.0)	850 (85.0)	800 (80.0)	950 (95.0)	900 (90.0)	850 (85.0)	800 (80.0)
5-9	900 (90.0)	850 (85.0)	800 (80.0)	750 (75.0)	900 (90.0)	850 (85.0)	800 (80.0)	750 (75.0)
10-14	850 (85.0)	800 (80.0)	750 (75.0)	700 (70.0)	850 (85.0)	800 (80.0)	750 (75.0)	700 (70.0)
15-19	800 (80.0)	750 (75.0)	700 (70.0)	650 (65.0)	800 (80.0)	750 (75.0)	700 (70.0)	650 (65.0)
20-24	750 (75.0)	700 (70.0)	650 (65.0)	600 (60.0)	750 (75.0)	700 (70.0)	650 (65.0)	600 (60.0)
25-29	700 (70.0)	650 (65.0)	600 (60.0)	550 (55.0)	700 (70.0)	650 (65.0)	600 (60.0)	550 (55.0)
30-34	650 (65.0)	600 (60.0)	550 (55.0)	500 (50.0)	650 (65.0)	600 (60.0)	550 (55.0)	500 (50.0)
35-39	600 (60.0)	550 (55.0)	500 (50.0)	450 (45.0)	600 (60.0)	550 (55.0)	500 (50.0)	450 (45.0)
40-44	550 (55.0)	500 (50.0)	450 (45.0)	400 (40.0)	550 (55.0)	500 (50.0)	450 (45.0)	400 (40.0)
45-49	500 (50.0)	450 (45.0)	400 (40.0)	350 (35.0)	500 (50.0)	450 (45.0)	400 (40.0)	350 (35.0)
50-54	450 (45.0)	400 (40.0)	350 (35.0)	300 (30.0)	450 (45.0)	400 (40.0)	350 (35.0)	300 (30.0)
55-59	400 (40.0)	350 (35.0)	300 (30.0)	250 (25.0)	400 (40.0)	350 (35.0)	300 (30.0)	250 (25.0)
60-64	350 (35.0)	300 (30.0)	250 (25.0)	200 (20.0)	350 (35.0)	300 (30.0)	250 (25.0)	200 (20.0)
65-69	300 (30.0)	250 (25.0)	200 (20.0)	150 (15.0)	300 (30.0)	250 (25.0)	200 (20.0)	150 (15.0)
70-74	250 (25.0)	200 (20.0)	150 (15.0)	100 (10.0)	250 (25.0)	200 (20.0)	150 (15.0)	100 (10.0)
75-79	200 (20.0)	150 (15.0)	100 (10.0)	50 (5.0)	200 (20.0)	150 (15.0)	100 (10.0)	50 (5.0)
80-84	150 (15.0)	100 (10.0)	50 (5.0)	0 (0.0)	150 (15.0)	100 (10.0)	50 (5.0)	0 (0.0)
85-89	100 (10.0)	50 (5.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	100 (10.0)	50 (5.0)	0 (0.0)	0 (0.0)
90-94	50 (5.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	50 (5.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)
95-99	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)	0 (0.0)
Toplam	1000 (100.0)	900 (90.0)	800 (80.0)	700 (70.0)	1000 (100.0)	900 (90.0)	800 (80.0)	700 (70.0)

CMV seroprevalans oranlarının yaşa ve cinsiyete göre dağılımı

Anahtar Kelimeler: Seroprevalans, TORCH



K2
KONGRE VE ETKİNLİK
HİZMETLERİ

K2 Kongre ve Etkinlik Hizmetleri
Koşuyolu Mh. Mahmut Yesari Cd.
No: 25 / 34718 Kadıköy-İSTANBUL
Tel: +90 216 428 95 51
Faks: +90 216 428 95 91
E-posta: tmc@k2-events.com